



## 特許協力条約に基づいて公開された国際出願

<b>(51) 国際特許分類6</b> <b>C12N 15/11, C12Q 1/68 // G01N 33/566</b>	<b>A1</b>	<b>(11) 国際公開番号</b> <b>WO 95/14772</b> <b>(43) 国際公開日</b> 1995年6月1日 (01.06.95)
<b>(21) 国際出願番号</b> PCT/JP94/01916 <b>(22) 国際出願日</b> 1994年11月11日(11.11.94)  <b>(30) 優先権データ</b> 特願平5/355504 1993年11月12日(12.11.93) JP  <b>(71) 出願人：および</b> <b>(72) 発明者</b> 松原謙一(MATSUBARA, Kenichi)[JP/JP] 〒565 大阪府吹田市山田東3-18-1-804 Osaka, (JP) 大久保公策(OKUBO, Kousaku)[JP/JP] 〒562 大阪府箕面市瀬川2-11-26 Osaka, (JP) <b>(74) 代理人</b> 弁理士 吉田研二, 外(YOSHIDA, Kenji et al.) 〒180 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 Tokyo, (JP)		<b>(81) 指定国</b> AM, AU, BB, BG, BR, BY, CA, CN, CZ, EE, FI, GE, HU, JP, KG, KR, KZ, LK, LR, LT, LV, MD, MG, MN, NO, NZ, PL, RO, RU, SI, SK, TJ, TT, UA, US, UZ, VN, 欧州特許(AT, BE, CH, DE, DK, ES, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI特許(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, ML, MR, NE, SN, TD, TG), ARIPO特許(KE, MW, SD, SZ).  添付公開書類 国際調査報告書 補正書
<b>(54) Title : GENE SIGNATURE</b>  <b>(54) 発明の名称</b> ジーン・シグナチャー  <b>(57) Abstract</b>  A 3'-directed cDNA library which accurately reflects the abundance ratio of mRNA in a cell has been prepared from various human tissues, and sequencing of the cDNAs contained in the library has been conducted to examine the incidence of each cDNA in each tissue. As each cDNA has expression information with each tissue corresponding to the mRNA concentration, these cDNAs are usable as a probe or primer for detecting cell anomaly or discriminating cells. The cloned gene can produce proteins utilizable as a medicine or the like.		

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int. Cl<sup>6</sup> C12N15/11, C12Q1/68//G01N33/566

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

## B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int. Cl<sup>6</sup> C12N15/11, C12Q1/68//G01N33/566

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

BIOSIS PREVIEWS, CAS ONLINE

## C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Nucleic Acids. Res., Vol. 15, 1987, Ou, J. H. "Cloning and characterization of a human ribosomal protein gene with enhanced expression in fetal and neoplastic cells" p. 8919-8934	1-6 (164)
X	Differntiations, Vol. 33, 1986, Oshima, R. G. et al. "Comparison of mouse and human keratin 18:A component of intermediate filaments expressed prior to implantation" p. 61-68	1-6 (226)
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, Wilkin, D. J. et al. "Isolation and sequence of the human farnesyl pyrophosphate synthetase cDNA:coordinate regulation of the mRNAs for farnesyl pyrophosphate synthetase, 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A reductase, and 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A synthetase" p. 4607-4614	1-6 (255)



Further documents are listed in the continuation of Box C.



See patent family annex.

## \* Special categories of cited documents:

"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

"E" earlier document but published on or after the international filing date

"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art

"&amp;" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search

February 6, 1995 (06. 02. 95)

Date of mailing of the international search report

March 7, 1995 (07. 03. 95)

Name and mailing address of the ISA/

Japanese Patent Office

Facsimile No.

Authorized officer

Telephone No.



## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Batra, S. K. et al. "Molecular cloning and sequence analysis of the human ribosomal protein S16" p. 6830-6833	1-6 (275)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 87, 1990, Ben-Ishai, R. et al. "A human cellular-sequence implicated in trk oncogene activation is DNA damage inducible" p. 6039-6043	1-6 (313)
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Fischer, R. et al. "Multiple divergent mRNAs code for a single human calmodulin" p. 17055-17062	1-6 (386)
X	J. Cell Biol., Vol. 108, 1989, Barnett, T. R. et al. "Carcinoembryonic antigens: Alternative splicing accounts for the multiple mRNAs that code for novel members of the carcinoembryonic antigen family" p. 267-276	1-6 (446)
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, Natsumeda, Y. et al. "Two distinct cDNAs for human IMP dehydrogenase" p. 5292-5295	1-6 (454)
X	Genes Dev., Vol. 7, 1993, Patton, J. G. et al. "Cloning and characterization of PSF a novel pre-mRNA splicing factor" p. 393-406	1-6 (706)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 16, 1988, Stanford, D. R. et al. "The complete primary structure of the human snRNP E protein" p. 10593-10605	1-6 (711)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 84, 1987, Inoue, C. et al. "Evolutionary conservation of the insulinoma gene rig and its possible function" p. 6659-6662	1-6 (723)
X	J. Immunol., Vol. 144, 1990, Jongstra-Bilen, J. et al. "Human and mouse LSP1 genes code for highly conserved phosphoproteins" p. 1104-1110	1-6 (741)
X	Biochem. J., Vol. 248, 1987, Sakai, I. et al. "The cDNA and protein sequences of human lactate dehydrogenase-B" p. 933-936	1-6 (772)

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Biochim. Biophys. Acta., Vol. 1089, 1991, Tamura, T. et al. "Molecular cloning and sequence analysis of cDNAs for five major subunits of human proteasomes (multicatalytic proteinase complexes)" p. 95-102	1-6 (775)
X	Mol. Cell. Biol., Vol. 3, 1983, Cowan, N. J. et al. "Expression of human alpha-tubulin genes: interspecies conservation of 3' untranslated regions" p. 1738-1745	1-6 (820)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 17, 1989, Taaman, J. W. et al. "Nucleotide sequence of cDNA encoding subunit VIB of human cytochrome c oxidase" p. 1766-1766	1-6 (844)
X	Gene, Vol. 93, 1990 Taanman, J. W., Schrage, C., Ponne, N., Das, A., Bolhuis, P. A., de Vries, H. and Agsteribbe, E. Isolation of cDNAs encoding Subunit VIB of human cytochrome c oxidase and steady-state levels of coxVib mRNA in different tissues p. 285-291	1-6 (844)
X	J. Biol. Chem., Vol. 264, 1989, Gray, P. W. et al. "Cloning of the cDNA of a human neutrophil bactericidal protein: Structural and functional correlations" p. 9505-9509	1-6 (861)
X	Immunogenetics, Vol. 32, 1990, Angelisova, P. et al. "The human leucocyte surface antigen CD53 is a protein structurally similar to the CD37 and MRC OX-44 antigens" p. 281-285	1-6 (1158)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 88, 1991, Koken, M. H. et al. "Structural and functional conservation of two human homologs of the yeast DNA repair gene RAD6" p. 8865-8869	1-6 (1181)
X	Oncogene, Vol. 5, 1990, Firmbach-Kraft, I. et al. "Tyk 2, prototype of a novel class of non-receptor tyrosine Kinase genes" p. 1329-1336	1-6 (1345)
X	Science, Vol. 248, 1990, Smith, C. A. et al. "A receptor for human tumor necrosis factor defines an unusual family of cellular and viral proteins" p. 1019-1023	1-6 (1431)

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Luster, A. D. et al. "Molecular and biochemical characterization of a novel gamma-interferon-inducible protein" p. 12036-12043	1-6 (1455)
X	J. Clin. Invest., Vol. 83, 1989, Look, A. T. et al. "The human myeloid plasma membrane glycoprotein CD13 (gp150) is identical to aminopeptidase N" p. 1299-1307	1-6 (1469)
X	J. Cell Biol., Vol. 105, 1987, Argraves, W. S. et al. "Amino Acid Sequence of the Human Fibronectin Receptor" p. 1183-1190	1-6 (1607)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 18, 1990, Liebhaber, S. A. et al. "Characterization of a human cDNA encoding a widely expressed and highly conserved cysteine-rich protein with an unusual zinc-finger motif" p. 3871-3879	1-6 (1642)
X	J. Biol. Chem., Vol. 264, 1989, Didsbury, J. et al. "Rac, a novel ras-related family of proteins that are bolulinum toxin substrates" p. 16378-16382	1-6 (1709)
X	EMBO J., Vol. 6, 1987, Willison, K. et al. "The human homologue of the mouse t-complex gene, TCPl, is located on chromosome 6 but is not near the HLA region" p. 1967-1974	1-6 (1749)
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Wu, Y. et al. "Activation of globin gene expression by cDNAs from induced K562 cells: Evidence for involvement of ferritin in globin gene expression" p. 17566-17572	1-6 (1785)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 83, 1986, Ikuta, T. et al. "Three human alcohol dehydrogenase subunits: cDNA structure and molecular and evolutionary divergence" p. 634-638	1-6 (1864)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 85, 1988, Fukumoto, H. et al. "Sequence, tissue distribution, and chromosomal localization of mRNA encoding a human glucose transporter-like protein" p. 5434-5438	1-6 (1878)

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Clin. Invest., Vol. 76, 1985, Cooke, N.E. et al. "Serum vitamin D-binding protein is a third member of the albumin and alpha fetoprotein gene family" p. 2420-2424	1-6 (1888)
X	J. Biol. Chem., Vol. 264, 1989, Huang, S.-H. et al. "Human deoxycytidine kinase: Sequence of cDNA clones and analysis of expression in cell lines with and without enzyme activity" p. 14762-14768	1-6 (1894)
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Huang, S.-H. et al. "Additions and corrections Human deoxytidine kinase. Sequence of cDNA clones and analysis of expression in cell lines with and without anzyme activity" p. 5353-5353	1-6 (1894)
X	Somat. Cell Mol. Genet., Vol. 11, 1985, Bell, G.I. et al. "Human alpha-2-macroglobulin gene is located on chromosome 12" p. 285-289	1-6 (1895)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 81, 1984, Yang, F. et al. "Human transferrin: cDNA characterization and chromosomal localization" p. 2752-2756	1-6 (1902)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 83, 1986, Ny, T. et al. "Cloning and sequence of a cDNA coding for the human beta-migrating endothelial-cell-type plasminogen activator inhibitor" p. 6776-6780	1-6 (1904)
X	J. Biol. Chem., Vol. 267, 1992, Bausch-Jurken, M. T. et al "Molecular cloning of AMP deaminase isoform L: Sequence and bacterial expression of human AMPD2 cDNA" p. 22407-22413	1-6 (1908)
X	Gene, Vol. 44, 1986, Board, P. G. et al. "Molecular cloning and nucleotide sequence of human alpha-1 acid glycoprotein cDNA" p. 127-131	1-6 (1921)
X	Eur. J. Biochem., Vol. 155, 1986, Wathelet, M. et al. "Molecular cloning, full-length sequence and preliminary characterization of a 56-kDa protein induced by human interferons" p. 11-17	1-6 (2101)

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Nucleic Acids Res., Vol. 11, 1983, Chebath, J. et al. "Interferon induced 56,000 mr protein and its mRNA in human cells: molecular cloning and partial sequence of the cDNA" p. 1213-1226	1-6 (2101)
X	Biochemistry, Vol. 25, 1986, Koide, T. et al. "Amino acid sequence of human histidine-rich glycoprotein derived from the nucleotide sequence of its cDNA" p. 2220-2225	1-6 (2174)
X	Biochemistry, Vol. 22, 1983, Friezner-Degen, S. J. et al. "Characterization of the complementary deoxyribonucleic acid and gene coding for human prothrombin" p. 2087-2097	1-6 (2214)
X	Biochem. J., Vol. 268, 1990, Steinkasserer, A. et al. "Heterogeneity in human serum amyloid A protein. Five different variants from one individual demonstrated by cDNA sequence analysis." p. 287-193	1-6 (2238)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 17, 1989, Fabrizi, G. M. et al. "Sequence of a cDNA specifying subunit VIIa of human cytochrome c oxidase" p. 7107-7107	1-6 (2264)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 86, 1989, Sims, J. E. et al. "Cloning of the interleukin 1 receptor from human T cells" p. 8946-8950	1-6 (2265)
X	Eur. J. Biochem., Vol. 169, 1987, Mackinnon, C. M. et al. "Molecular cloning of cDNA for human complement component C1s. The complete amino acid sequence" p. 547-553	1-6 (2266)
X	J. Virol., Vol. 65, 1990, Tsujimoto, A. et al. "Isolation of cDNA for DNA binding proteins which specifically bind to TAX-responsive enhancer element in the LTR of HTLA-1" p. 1420-1426	1-6 (2475)
X	Immunogenetics, Vol. 37, 1993, Emi, N. et al. "Isolation of a novel cDNA clone showing marked similarity to ME491/CD63 superfamily" p. 193-198	1-6 (2556)
X	Nature, Vol. 353, 1991, Kelly, A. P. et al. "A new human HLA class II-related locus, DM" p. 571-573	1-6 (2583)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Oncogene, Vol. 8, 1993, Schulz, A. S. et al. "The genomic structure of the human UFO receptor" p. 509-513	1-6 (7790)
A	Nature Genetics, Vol. 2, 1992, Okubo, K. et al. "Large scale cDNA sequencing for analysis of quantitative and qualitative aspects of gene expression" p. 173-179	1-6
A	Nature Genetics, Vol. 2, 1992, Khan, A. S. et al. "Single pass sequencing and physical and genetic mapping of human brain cDNAs" p. 180-188	1-6

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

<b>A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER</b>		
Int. Cl <sup>6</sup> C12N15/11, C12Q1/68//G01N33/566		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
<b>B. FIELDS SEARCHED</b>		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)		
Int. Cl <sup>6</sup> C12N15/11, C12Q1/68//G01N33/566		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)		
BIOSIS PREVIEWS, CAS ONLINE		
<b>C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT</b>		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Nucleic Acids. Res., Vol. 15, 1987, Ou, J. H. "Cloning and characterization of a human ribosomal protein gene with enhanced expression in fetal and neoplastic cells" p. 8919-8934	1-6 (164)
X	Differentiations, Vol. 33, 1986, Oshima, R. G. et al. "Comparison of mouse and human keratin 18:A component of intermediate filaments expressed prior to implantation" p. 61-68	1-6 (226)
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, Wilkin, D. J. et al. "Isolation and sequence of the human farnesyl pyrophosphate synthetase cDNA:coordinate regulation of the mRNAs for farnesyl pyrophosphate synthetase, 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A reductase, and 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A synthetase" p. 4607-4614	1-6 (255)
<input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input type="checkbox"/> See patent family annex.		
* Special categories of cited documents: "A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention "X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art "&" document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the international search February 6, 1995 (06. 02. 95)		Date of mailing of the international search report March 7, 1995 (07. 03. 95)
Name and mailing address of the ISA/ Japanese Patent Office Facsimile No.		Authorized officer  Telephone No.

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Batra, S. K. et al. "Molecular cloning and sequence analysis of the human ribosomal protein S16" p. 6830-6833	1-6 (275)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 87, 1990, Ben-Ishai, R. et al. "A human cellular-sequence implicated in trk oncogene activation is DNA damage inducible" p. 6039-6043	1-6 (313)
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Fischer, R. et al. "Multiple divergent mRNAs code for a single human calmodulin" p. 17055-17062	1-6 (386)
X	J. Cell Biol., Vol. 108, 1989, Barnett, T. R. et al. "Carcinoembryonic antigens: Alternative splicing accounts for the multiple mRNAs that code for novel members of the carcinoembryonic antigen family" p. 267-276	1-6 (446)
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, Natsumeda, Y. et al. "Two distinct cDNAs for human IMP dehydrogenase" p. 5292-5295	1-6 (454)
X	Genes Dev., Vol. 7, 1993, Patton, J. G. et al. "Cloning and characterization of PSF a novel pre-mRNA splicing factor" p. 393-406	1-6 (706)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 16, 1988, Stanford, D. R. et al. "The complete primary structure of the human snRNP E protein" p. 10593-10605	1-6 (711)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 84, 1987, Inoue, C. et al. "Evolutionary conservation of the insulinoma gene rig and its possible function" p. 6659-6662	1-6 (723)
X	J. Immunol., Vol. 144, 1990, Jongstra-Bilen, J. et al. "Human and mouse LSP1 genes code for highly conserved phosphoproteins" p. 1104-1110	1-6 (741)
X	Biochem. J., Vol. 248, 1987, Sakai, I. et al. "The cDNA and protein sequences of human lactate dehydrogenase-B" p. 933-936	1-6 (772)



## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Biochim. Biophys. Acta., Vol. 1089, 1991, Tamura, T. et al. "Molecular cloning and sequence analysis of cDNAs for five major subunits of human proteasomes (multicatalytic proteinase complexes)" p. 95-102	1-6 (775)
X	Mol. Cell. Biol., Vol. 3, 1983, Cowan, N. J. et al. "Expression of human alpha-tubulin genes: interspecies conservation of 3' untranslated regions" p. 1738-1745	1-6 (820)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 17, 1989, Taaman, J. W. et al. "Nucleotide sequence of cDNA encoding subunit VIB of human cytochrome c oxidase" p. 1766-1766	1-6 (844)
X	Gene, Vol. 93, 1990 Taanman, J. W., Schrage, C., Ponne, N., Das, A., Bolhuis, P. A., de Vries, H. and Agsteribbe, E. Isolation of cDNAs encoding Subunit VIB of human cytochrome c oxidase and steady-state levels of coxVIB mRNA in different tissues p. 285-291	1-6 (844)
X	J. Biol. Chem., Vol. 264, 1989, Gray, P. W. et al. "Cloning of the cDNA of a human neutrophil bactericidal protein: Structural and functional correlations" p. 9505-9509	1-6 (861)
X	Immunogenetics, Vol. 32, 1990, Angelisova, P. et al. "The human leucocyte surface antigen CD53 is a protein structurally similar to the CD37 and MRC OX-44 antigens" p. 281-285	1-6 (1158)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 88, 1991, Koken, M. H. et al. "Structural and functional conservation of two human homologs of the yeast DNA repair gene RAD6" p. 8865-8869	1-6 (1181)
X	Oncogene, Vol. 5, 1990, Firmbach-Kraft, I. et al. "Tyk 2, prototype of a novel class of non-receptor tyrosine Kinase genes" p. 1329-1336	1-6 (1345)
X	Science, Vol. 248, 1990, Smith, C. A. et al. "A receptor for human tumor necrosis factor defines an unusual family of cellular and viral proteins" p. 1019-1023	1-6 (1431)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Luster, A. D. et al. "Molecular and biochemical characterization of a novel gamma-interferon-inducible protein" p. 12036-12043	1-6 (1455)
X	J. Clin. Invest., Vol. 83, 1989, Look, A. T. et al. "The human myeloid plasma membrane glycoprotein CD13 (gp150) is identical to aminopeptidase N" p. 1299-1307	1-6 (1469)
X	J. Cell Biol., Vol. 105, 1987, Argraves, W. S. et al. "Amino Acid Sequence of the Human Fibronectin Receptor" p. 1183-1190	1-6 (1607)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 18, 1990, Liebhaber, S. A. et al. "Characterization of a human cDNA encoding a widely expressed and highly conserved cysteine-rich protein with an unusual zinc-finger motif" p. 3871-3879	1-6 (1642)
X	J. Biol. Chem., Vol. 264, 1989, Didsbury, J. et al. "Rac, a novel ras-related family of proteins that are bolulinum toxin substrates" p. 16378-16382	1-6 (1709)
X	EMBO J., Vol. 6, 1987, Willison, K. et al. "The human homologue of the mouse t-complex gene, TCP1, is located on chromosome 6 but is not near the HLA region" p. 1967-1974	1-6 (1749)
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Wu, Y. et al. "Activation of globin gene expression by cDNAs from induced K562 cells: Evidence for involvement of ferritin in globin gene expression" p. 17566-17572	1-6 (1785)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 83, 1986, Ikuta, T. et al. "Three human alcohol dehydrogenase subunits: cDNA structure and molecular and evolutionary divergence" p. 634-638	1-6 (1864)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 85, 1988, Fukumoto, H. et al. "Sequence, tissue distribution, and chromosomal localization of mRNA encoding a human glucose transporter-like protein" p. 5434-5438	1-6 (1878)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Clin. Invest., Vol. 76, 1985, Cooke, N.E. et al. "Serum vitamin D-binding protein is a third member of the albumin and alpha fetoprotein gene family" p. 2420-2424	1-6 (1888)
X	J. Biol. Chem., Vol. 264, 1989, Huang, S.-H. et al. "Human deoxycytidine kinase: Sequence of cDNA clones and analysis of expression in cell lines with and without enzyme activity" p. 14762-14768	1-6 (1894)
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Huang, S.-H. et al. "Additions and corrections Human deoxytidine kinase. Sequence of cDNA clones and analysis of expression in cell lines with and without anzyme activity" p. 5353-5353	1-6 (1894)
X	Somat. Cell Mol. Genet., Vol. 11, 1985, Bell, G.I. et al. "Human alpha-2-macroglobulin gene is located on chromosome 12" p. 285-289	1-6 (1895)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 81, 1984, Yang, F. et al. "Human transferrin: cDNA characterization and chromosomal localization" p. 2752-2756	1-6 (1902)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 83, 1986, Ny, T. et al. "Cloning and sequence of a cDNA coding for the human beta-migrating endothelial-cell-type plasminogen activator inhibitor" p. 6776-6780	1-6 (1904)
X	J. Biol. Chem., Vol. 267, 1992, Bausch-Jurken, M. T. et al "Molecular cloning of AMP deaminase isoform L: Sequence and bacterial expression of human AMPD2 cDNA" p. 22407-22413	1-6 (1908)
X	Gene, Vol. 44, 1986, Board, P. G. et al. "Molecular cloning and nucleotide sequence of human alpha-1 acid glycoprotein cDNA" p. 127-131	1-6 (1921)
X	Eur. J. Biochem., Vol. 155, 1986, Wathelet, M. et al. "Molecular cloning, full-length sequence and preliminary characterization of a 56-kDa protein induced by human interferons" p. 11-17	1-6 (2101)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Nucleic Acids Res., Vol. 11, 1983, Chebath, J. et al. "Interferon induced 56,000 mr protein and its mRNA in human cells: molecular cloning and partial sequence of the cDNA" p. 1213-1226	1-6 (2101)
X	Biochemistry, Vol. 25, 1986, Koide, T. et al. "Amino acid sequence of human histidine-rich glycoprotein derived from the nucleotide sequence of its cDNA" p. 2220-2225	1-6 (2174)
X	Biochemistry, Vol. 22, 1983, Friezner-Degen, S. J. et al. "Characterization of the complementary deoxyribonucleic acid and gene coding for human prothrombin" p. 2087-2097	1-6 (2214)
X	Biochem. J., Vol. 268, 1990, Steinkasserer, A. et al. "Heterogeneity in human serum amyloid A protein. Five different variants from one individual demonstrated by cDNA sequence analysis." p. 287-193	1-6 (2238)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 17, 1989, Fabrizi, G. M. et al. "Sequence of a cDNA specifying subunit VIIa of human cytochrome c oxidase" p. 7107-7107	1-6 (2264)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 86, 1989, Sims, J. E. et al. "Cloning of the interleukin 1 receptor from human T cells" p. 8946-8950	1-6 (2265)
X	Eur. J. Biochem., Vol. 169, 1987, Mackinnon, C. M. et al. "Molecular cloning of cDNA for human complement component C1s. The complete amino acid sequence" p. 547-553	1-6 (2266)
X	J. Virol., Vol. 65, 1990, Tsujimoto, A. et al. "Isolation of cDNA for DNA binding proteins which specifically bind to TAX-responsive enhancer element in the LTR of HTLA-1" p. 1420-1426	1-6 (2475)
X	Immunogenetics, Vol. 37, 1993, Emi, N. et al. "Isolation of a novel cDNA clone showing marked similarity to ME491/CD63 superfamily" p. 193-198	1-6 (2556)
X	Nature, Vol. 353, 1991, Kelly, A. P. et al. "A new human HLA class II-related locus, DM" p. 571-573	1-6 (2583)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, Hla, T. et al. "An abundant transcript induced in differentiating human endothelial cells encodes a polypeptide with structural similarities to G-protein-coupled receptors" p. 9308-9313	1-6 (2600)
X	J. Biol. Chem., Vol. 267, 1992, White, R. T. et al. "Human adipsin is identical to complement factor D and expressed at high levels in adipose tissue" p. 9210-9213	1-6 (2802)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 87, 1990, Rouault, T. A. et al. "Cloning of the cDNA encoding RNA regulatory protein-the human iron-responsive element-binding protein" p. 7958-7962	1-6 (2832)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 17, 1989, Sawada, R. et al. "Complementary DNA sequence and deduced peptide sequence for CD59/MEM43 antigen, the human homologue of murine lymphocyte antigen Ly-6c" p. 6728-6728	1-6 (2954)
X	DNA Cell Biol., Vol. 9, 1990, Sawada, R. et al. "Isolation and expression of the full-length cDNA encoding CD59 antigen of human lymphocytes" p. 213-220	1-6 (2954)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 87, 1990, Weller, P. A. et al. "Complete sequence of human vinculin and assignment of the gene to chromosome 10" p. 5667-5671	1-6 (2983)
X	Cell, Vol. 58, 1989, Mellentin, J. D. et al. "LYL-1, a novel gene involved by chromosomal translocation in T-cell leukemia, codes for a protein with a helix-loop-helix DNA binding motif" p. 77-83	1-6 (3023)
X	Cell, Vol. 60, 1990, Uze, G. et al. "Genetic transfer of a functional human interferon alpha receptor into mouse cells: Cloning and expression of its cDNA" p. 225-234	1-6 (3041)
X	Biochem. Biophys. Res. Commun., Vol. 179, 1991, Xiao, L. et al. "Characterization of a full length cDNA which codes for the human spermidine/spermine N-1-acetyltransferase" p. 407-415	1-6 (3053)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Casero, R. A. Jr. et al. "Isolation and characterization of a cDNA clone that codes for human spermidine/spermine N-1-acetyltransferase" p. 810-814	1-6 (3053)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 20, 1992, Wintzerith, M. et al. "Sequence of the human RNA polymerase II largest subunit" p. 910-910	1-6 (3083)
X	J. Cell Biol., Vol. 103, 1986, Lawler, J. et al. "The Structure of Human Thrombospondin, an/ adhesive Glycoprotein with Multiple Calcium binding Sites and Homologies with Several Different Proteins" p. 1635-1648	1-6 (3266)
X	Nature, Vol. 352, 1991, Maslen, C. L. et al. "Partial sequence of a candidate gene for the marfan syndrome" p. 334-337	1-6 (3334)
X	J. Cell Biol., Vol. 111, 1990, Fishman, G. I. et al. "Molecular Characterization and Functional Expression of the Human Cardiac Gap Junction Channel" p. 589-598	1-6 (3403)
X	Cell, Vol. 40, 1985, Ebina, Y. et al. "The human insulin receptor cDNA: The structural basis for hormone-activated membrane signalling" p. 747-758	1-6 (3447)
X	Oncogene, Vol. 5, 1990, Westin, E. H. et al. "Alternative splicing of the human c-myb gene" p. 1117-1124	1-6 (3529)
X	Genomics, Vol. 4, 1989, Todd, S. et al. "cDNA sequence, interspecies comparison and gene mapping analysis of argininosuccinate lyase" p. 53-59	1-6 (3575)
X	FEBS Lett., Vol. 207, 1986, Codina, J. et al. "-Subunits of the human liver Gs/Gi signal-transducing proteins and those of bovine retinal rod cell transducin are identical" p. 187-192	1-6 (3796)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 18, 1990, Roessler, B. J. et al. "Cloning of two distinct copies of human phosphoribosyl pyrophosphate synthetase cDNA" p. 193-193	1-6 (3828)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biochem., Vol. 109, 1991, Sonoda, T. et. al. "Complete nucleotide sequence of human phosphoribosyl pyrophosphate synthetase subunit I (PRS I) cDNA and a comparison with human and rat PRPS gene families" p. 361-364	1-6 (3828)
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Wermuth, B. et al. "Human carbonyl reductase: Nucleotide sequence analysis of a cDNA and amino acid sequence of the encoded protein" p. 16185-16188	1-6 (4033)
X	Biochim. Biophys. Acta. Vol. 1048, 1990, Forrest, G. L. et al. "Induction of a human carbonyl reductase gene located on chromosome 21" p. 149-155	1-6 (4033)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 88, 1991, Schuetz, T. J. et al. "Isolation of a cDNA for HSF2: Evidence for two heat shock factor genes in humans" p. 6911-6915	1-6 (4093)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 13, 1985, Hallewell, R. A. et al. "Human Cu/Zn superoxide dismutase cDNA: isolation of clones synthesising high levels of active or inactive enzyme from an expression library" p. 2017-2034	1-6 (4110)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 80, 1983, Sherman, L. et al. "Nucleotide sequence and expression of human chromosome 21 - encoded superoxide dismutase mRNA" p. 5465-5469	1-6 (4110)
X	J. Biol. Chem., Vol. 268, 1993, David, V. et al. "Interaction with newly synthesized and retained proteins in the endoplasmic reticulum suggests a chaperone function for human integral membrane protein IP90 (calnexin)" p. 9585-9592	1-6 (4373)
X	J. Exp. Med., Vol. 172, 1990, Tekamp-Olson, P. et al. "Cloning and Characterization of cDNAs for Murine Macrophage Inflammatory Protein 2 and its Human Homologues" p. 911-919	1-6 (4452)

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	Biochemistry, Vol. 30, 1991, Tomkinson, B. et al. "Characterization of cDNA for human tripeptidyl peptidase II: The N-terminal part of the enzyme is similar to subtilisin" p. 168-174	1-6 (4522)
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Verma, A. K. et al. "Complete primary structure of a human plasma membrane Ca <sup>2+</sup> pump" p. 14152-14159	1-6 (4673)
X	J. Biol. Chem., Vol. 267, 1992, Shechter, I. et al. "Solubilization, purification and characterization of a truncated form of rat hepatic squalene synthetase" p. 8628-8635	1-6 (4818)
X	J. Biol. Chem., Vol. 267, 1992, Mckenzie, T. L. et al. "Molecular cloning, expression, and characterization of the cDNA for the rat hepatic squalene synthase" p. 21368-21374	1-6 (4818)
X	Nucleic Acids Res., Vol. 13, 1985, Furutani, Y. et al. "Cloning and characterization of the cDNAs for human and rabbit interleukin-1 precursor" p. 5869-5882	1-6 (4872)
X	Proc. Natl. Acad. Sci U.S.A., Vol. 89, 1992, Katoh, M. et al. "K-sam gene encodes secreted as well as transmembrane receptor tyrosine kinase" p. 2960-2964	1-6 (4914)
X	Differentiation, Vol. 42, 1989, Kuruc, N. et al. "Synthesis of cytokeratin 13, a component characteristic of internal stratified epithelia, is not induced in human epidermal tumors" p. 111-123	1-6 (5264)
X	J. Biol. Chem., Vol. 266, 1991, Kiefer, M. C. et al. "Identification and molecular cloning of two new 30-kDa insulin-like growth factor binding proteins isolated from adult human serum" p. 9043-9049	1-6 (5374)



## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP94/01916

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, Pipari, A. W. et al. "The A20 cDNA induced by tumor necrosis factor alpha-encodes a novel type of zinc finger protein" p. 14705-14708	1-6 (5427)
X	J. Biol. Chem., Vol. 265, 1990, McLean, J. W. et al. "cDNA sequence of the human integrin beta-5 subunit" p. 17126-17131	1-6 (5715)
X	Cell, Vol. 66, 1991, Ge, H. et al. "primary structure of the human splicing factor ASF reveals similarities with drosophila regulators" p. 373-382	1-6 (5860)
X	Cancer Res., Vol. 52, 1992, Kondoh, N. et al. "Differential expression of S19 ribosomal protein, laminin binding protein and HLA class I mRNAs associated with colon carcinoma progression and differentiation" p. 791-796	1-6 (6439)
X	J. Biol. Chem., Vol. 263, 1988, Collart, F. R. et al. "Cloning and sequence analysis of the human and chinese hamster inosine-5' -monophosphate dehydrogenase cDNA" p. 15769-15772	1-6 (6471)
X	J. Biol. Chem., Vol. 261, 1986, Romeo, P. -H. et al. "Molecular cloning and nucleotide sequence of a complete human uroporphyrinogen decarboxylase cDNA" p. 9825-9831	1-6 (6569)
X	J. Cell Biol., Vol. 106, 1988, Leube, R. E. et al. "Molecular characterization and expression of the stratification-related cytokeratins 4 and 15" p. 1249-1261	1-6 (6875)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 85, 1988, Daher, K. A. et al. "Isolation and characterization of human defensin cDNA clones" p. 7327-7331	1-6 (7106)
X	J. Exp. Med., Vol. 172, 1990, Larsen, A. et al. "Expression Cloning of a Human Granulocyte Colony-stimulating Factor Receptor: a Structural Mosaic of Hematopoietin Receptor, Immunoglobulin, and Fibronectin Domains" p. 1559-1570	1-6 (7126)

種々のヒト組織から、mRNAの細胞内の存在割合を忠実に反映する3'指向cDNAライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれるcDNAを配列決定し、組織毎の各cDNAの出現頻度を調べた。各cDNAにはmRNA濃度に対応する組織毎の発現情報が付加されているので、該cDNAは、細胞の異常を検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。またクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質を産生可能である。

## 情報としての用途のみ

PCTに基づいて公開される国際出願をパンフレット第一頁にPCT加盟国を同定するために使用されるコード

AM	アルメニア	EE	エストニア	LK	スリランカ	RU	ロシア連邦
AT	オーストリア	ES	スペイン	LR	リベリア	SD	スーダン
AU	オーストラリア	FI	フィンランド	LT	リトアニア	SE	スウェーデン
BB	バルバドス	FR	フランス	LU	ルクセンブルグ	SG	シンガポール
BE	ベルギー	GA	ガボン	LV	ラトヴィア	SI	スロヴェニア
BF	ブルキナ・ファソ	GB	イギリス	MC	モナコ	SK	スロヴァキア共和国
BG	ブルガリア	GE	グルジア	MD	モルドバ	SN	セネガル
BJ	ベナン	GN	ギニア	MG	マダガスカル	SZ	スワジランド
BR	ブラジル	GR	ギリシャ	ML	マリ	TD	チャード
BY	ベラルーシ	HU	ハンガリー	MN	モンゴル	TG	トーゴ
CA	カナダ	IE	アイルランド	MR	モリタニア	TJ	タジキスタン
CF	中央アフリカ共和国	IS	アイスランド	MW	マラウイ	TM	トルクメニスタン
CG	コンゴ	IT	イタリア	MX	メキシコ	TT	トリニダード・トバゴ
CH	スイス	JP	日本	NE	ニジェール	UA	ウクライナ
CI	コート・ジボアール	KE	ケニア	NL	オランダ	UG	ウガンダ
CM	カメルーン	KG	キルギスタン	NO	ノルウェー	US	米国
CN	中国	KP	朝鮮民主主義人民共和国	NZ	ニュージーランド	UZ	ウズベキスタン共和国
CZ	チェコ共和国	KR	大韓民国	PR	ポロランド	VN	ベトナム

## 明細書

### 発明の名称

ジーン・シグナチャー

### 技術分野

本願発明は、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAもしくはヒトmRNAの特定の部位と特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖または該一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。本願発明のDNAは、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができる。本願発明はさらに医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされた遺伝子を含むものである。

### 背景技術

本願発明者らは「細胞の性質は遺伝子の発現パターンの違いによって決定される」というmRNAの最も基本的な属性に着目し、独自のアプローチである「ボディーマッピング (body mapping)」を提唱した。これはヒト体内に約200あるとされている細胞、臓器の「遺伝子の発現情報」を作成、ある遺伝子がいつ、どこで、どの程度発現しているかを明らかにし、遺伝子をそれぞれの発現臓器にマップするという全く新しい試みである。

生体の種々の細胞はその役割に応じて様々なタンパク質を発現しているが、細胞内に存在するタンパク質の濃度は、同一個体内の細胞でも、細胞の種類、発生及び分化の状態、環境等によって異なる。

ところで、遺伝子は、一般に「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺

ところが、疾病、感染等により細胞が異常な状態になると、各細胞内の遺伝子の発現の状態が正常時と比べて変化する。特にウイルスの感染時には、ウイルス固有のタンパク質をコードするRNAが細胞内で大量に合成され、該蛋白が大量に生産される。これを逆に言えば、細胞内の遺伝子の発現レベルの変化、とりわけ細胞内のmRNAの濃度の変化が、細胞を疾病等の異常な状態に導くといえる。

このように、生体内の各細胞の機能と細胞内の遺伝子の発現の状態とは表裏一体の関係にある。従って、分子レベルで各細胞の機能を解明したり疾病の原因を究明したりする際には、細胞内の遺伝子の発現の状態、特に細胞内の各 mRNA の濃度を把握することが重要である。

このための1つのアプローチとして、細胞内の全タンパク質を抽出して、その発現の状態を解析することが原理的には考えられる。しかし、特定のタンパク質については単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のタンパク質が発現しているため、これらのタンパク質を完全に分離し、その発現量を直接測定することは殆ど不可能である。

また、別のアプローチとして、細胞内のタンパク質濃度に対応する細胞内の mRNA 濃度を直接測定することが考えられる。しかし、特定の mRNA については、単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類の mRNA が合成されているうえ、mRNA は抽出の際に酵素による分解を受けやすいなど不安定なものであるため、これらの mRNA を完全に分離し、その合成量を直接測定することはほとんど不可能である。

本願発明は、細胞内の種々のタンパク質に対応する mRNA の発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためのプライマーもしくはプローブなどに用いることができる DNA を提供することを目的とする。さらには医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされた DNA を提供することを目的とする。

## 発明の開示

一般に、遺伝情報の流れはDNA→mRNA→タンパク質の順である（セントラルドグマ、1958年、F. H. C. クリックが提唱）。即ち、DNA上の「タンパク質のアミノ酸配列情報」は、mRNAに一旦転写されてからタンパク質に翻訳される。

される領域内のコード領域の上流（5' 側）および下流（3' 側）に位置する非翻訳領域があげられる。特に、3' 側の非翻訳領域（3' UTR）は、mRNA の輸送および安定性などに寄与しており発現の制御に重要である。pre-mRNA のプロセッシングの過程で、5' 側末端にはキャップ付加が行われ、3' 側の非翻訳領域は特異的な切断を受け、切断部位に通常100～200個のアデニル酸が付加し、ポリ（A）テイルが形成され、またコード領域がスプライシングによって接続されて、mRNA が合成される。合成されたmRNA にリボソームが付加し、タンパク質の合成が行われる。

本願発明者らは、一般に、細胞内の特定のmRNA の存在割合が高いときは、それに対応するタンパク質の発現量も多くなるので、細胞内の各mRNA の存在割合を検出することによって、細胞内の各タンパク質の存在割合を検出することが可能であることを明らかにしている（DNA sequence 2 p. 137-144（1991）、Nature genetics 2 p. 173-179（1992））。

本願発明においても、基本的には常法の如く、逆転写酵素（reverse transcriptase）を用いて、特定の細胞から抽出したmRNA に相補的なcDNA を合成するものであるが、本願発明においては本願発明者らが開発した方法、すなわちmRNA の存在割合が対応するcDNA の存在割合に反映するようにcDNA を合成し、cDNA ライブラリーを作成することによって、全mRNA に対応したcDNA 群をクローニングし、該ライブラリーを配列決定するという方法を用いる。

なお、本願発明者らのアプローチと一見類似するが、全く異質のアプローチとして、ベンターらのランダムプライミングによって取得したcDNA ライブラリーのクローニングが挙げられる。

ベンターらのグループは、市販の脳細胞由来のcDNA ライブラリー（米国カリフォルニア州ストラテジーン社、カタログ番号936206、936205又は935）から、ランダムにcDNA をクローニングし、塩基配列を決定してい

る (Science 252 p. 1651-1656 (1991)、Nature 355 p. 632-634 (1992))。

ベンターらの方法は、ランダムプライミングによって得られた cDNA を無作為に配列決定しているが、この方法によれば、

- ① 1本の mRNA の様々な領域をランダムにクローニングするので、1本の mRNA から重複する部分がない多くの cDNA 断片が生じ、これらの cDNA 断片が同一の mRNA に由来するのか、異なる mRNA に由来するのか区別できない。
- ② mRNA が長いほどその mRNA 由来の cDNA が合成される確率が上がる。
- ③ ランダムプライマーに含まれる各プライマーの塩基配列によってプライマーとして使用される頻度が異なり、cDNA の合成頻度にばらつきが生じる。

等の理由から、各 cDNA の出現頻度は、各 mRNA の存在割合に対応しないものになってしまう。従って、ベンターらの方法によっては、仮に無作為のクローニングの際の各 cDNA の出現頻度をとったとしても細胞内の各 mRNA の存在割合を検出することは不可能であり、細胞内のタンパク質の存在状態を知ることとは不可能である。

しかし、本願発明者らの開発した方法により DNA ライブラリーを作成すれば、上記問題点が全て解決され、mRNA の存在割合を忠実に反映した cDNA ライブラリーが作成可能である。本願発明においては、「ポリ T」のみをプライマーとして cDNA を合成している。cDNA の 3' 末端には「ポリ A テイル (poly A tail)」と呼ばれる、A が連続した構造が存在するので、「ポリ T」のみをプライマーとして cDNA を合成すれば、必ず 3' 末端から cDNA の合成が開始され、3' 末端側の cDNA が合成される。また、mRNA の 3' 末端の大半がその mRNA 独自のものであり、他の種類の mRNA には存在しないものであるので、(Birnstiel et al., Cell, 41, 349-359 (1985))、3' 末端側の cDNA はほとんどが特定の mRNA のみにハイブリダイズするものとなる。cDNA を合成後、制限酵素 MboI (4 塩基を認識し切断する) で cDNA を切断すれば、3' 側から最初の MboI 部位までの cDNA が作成される。

なお、本願明細書中においては、このようにしてクローニングした「細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリー」に含まれる各々のcDNAを「ジーンシグナチャー (gene signature) (以下GSと略称する) と称する。ただし、GSには二本鎖DNAばかりでなく、それぞれの一本鎖も含まれる。

本願発明は、配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖、または該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA、もしくはヒトmRNAの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖またはこれらの一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。また、本願発明は、該一本鎖DNAからなるプローブ、プライマーに関する。更に本願発明は、「配列番号1から7837に記載された塩基配列 (ただしTをUと読み変える) のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側に含むヒトmRNA」に相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖、または該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA、若しくはヒトmRNAの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはこれらの一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。また、本願発明は一本鎖DNAからなるプローブ、プライマーに関する。

以下、本願発明をより詳細に説明する。

本願発明のDNAは、配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖ばかりではなく、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA又はヒトmRNAとハイブリダイズすれば配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を「含む」一本鎖DNAであってもよい。

さらに、本願発明のDNAは、「配列番号1から7837に記載された塩基配列 (ただしTをUと読み替える) のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側



に含むヒトmRNA」に相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖ばかりではなく、該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒト、RNAとハイブリダイズする一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含む一本鎖DNAであってもよい。

さらに、それらのDNAは一本鎖のものばかりではなく、その相補鎖または、該一本鎖DNAとその相補鎖からなる二本鎖DNAも含まれる。

なお、ここでいう「含む」とは①「各配列番号に記載されている塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」または②「各配列番号に記載された塩基配列（ただしTをUと読み替える）のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側に含むヒトmRNAに相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」が、本願発明のDNAに「連続して含まれている」場所が一ヶ所であることのみを表わすものでないことは明白である。すなわち、「含む」とは、本願発明のDNAに存在する前記①の塩基配列または前記②の塩基配列の間に、他の塩基の挿入が存在する場合等も該当することは明らかである。

なお、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とのハイブリダイズの条件は、通常行われている条件を適用することができる（例えば、Molecular Cloning: A Laboratory Manual、Sambrookら、Cold Spring Harbor Laboratory Press、1989）。

次に、各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映するcDNAライブラリーの作成方法および全mRNAに対応したcDNA群のクローニング方法、ならびに各cDNAの塩基配列の決定方法についての一例を下記に記載する。

まず、特定の組織に由来する細胞、例えば臓器由来の細胞、例えば、ヒト肝臓由来細胞（HepG2）を培養し、常法に従って、全mRNAを単離する。次いで、得られたmRNAをcDNAライブラリー作成のためのベクターに挿入する。

例えばpUC19（クローニング部位側にM13の配列を有する）には、下記

の方法で挿入する。

すなわち、pUC19をHincIIおよびPstIで開裂し、PstI切断末端に20bpから30のbp程度のポリTを付加し、そこにmRNAの3'側のポリAをハイブリダイズさせる(図1a)。そして、常法により逆転写酵素を用いてDNA鎖を伸長させた後、例えばDNAポリメラーゼにより二本鎖DNAを合成する(図1b)。得られた二本鎖DNAを4塩基を認識する制限酵素MboIで切断する(図1c)。

MboIは4塩基認識の制限酵素であるから、挿入cDNAのポリAテールから数百塩基程度離れた位置でDNAを切断すると考えられる。そしてMboIは、本願発明者らがGenBankのデータベースから無作為に抽出した約300のヒトcDNAを例外無く切断することを確認したことから、MboIはクローニングされるcDNAのいずれかの部位を切断すると考えられる。なお、pUC19はdam<sup>+</sup>の大腸菌、例えばE. coli JM109から調製するので、MboI認識部位のアデニンがメチル化されており(G<sup>m</sup>ATCとなっており)、MboIによっては切断されない。

次に、pUC19に導入されたMboI切断部位を有する二本鎖DNAをベクター内に組み込むために、ベクター側にMboIと同じ粘着末端を生ずるBamHIを作用させる。この場合に、BamHI(GGATCC)は、MboI(GATC)の認識塩基配列を含むため(GGATCC)、伸長された二本鎖DNAが、更に当該BamHIによって切断されることはない。

その後、常法により上記二本鎖DNAをライゲーションし、組み換え体プラスミドを大腸菌例えばE. coli DH5へ導入してcDNAライブラリーを作成する。

この方法によれば、mRNAの3'側ポリA上流の配列のみを含むクローンを取得することができる。

また、得られるcDNA断片の長さが平均270bpと短いため、cDNA断片が長すぎることから生ずるcDNA合成効率の差や形質転換時の効率の差から

生ずるバイアスは回避できる。さらには、繰り返し配列等による不安定性も除かれるため、本cDNAライブラリーは各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映できることとなる。

さらに、ベクターに挿入されるcDNAが短い場合、cDNA断片に接する両端のベクター配列をプライマーとすることでcDNA断片の部分を確実に増幅することができ、しかも、PCR法により直接配列決定する際には、配列決定の精度を下げるといわれている3'側のポリAに妨げられずに、cDNAの5'側末端から配列決定することが可能となる。

ベクターに含まれるcDNA断片すなわち前に説明したGSの増幅は次のようにして行うことができる。

cDNAライブラリーを導入した上記大腸菌を常法により増殖させ、溶菌する。その後、溶菌物に含まれる夾雑物を取り除き、遠心によりベクターDNAを含む上清を回収し、得られたベクターDNAを鋳型DNAとしてPCR法による増幅反応に供することができる(図1d, PCR primer 1及びPCR primer 2による増幅)。

一方、プライマーとしては、GSに接する両端のベクター配列を適宜選択し、通常の条件下でPCR法を行う。得られたPCR産物をGSの5'側に接するベクター内の配列に対する蛍光プライマーを用いて伸長反応を行い、オートシーケンサーにかけ、塩基配列決定を行う(図1d, dye primerによるシーケンス)。

次いで、各GSの配列決定の結果に基づいて、各臓器細胞ごとのGSの種類およびそれらの出現頻度を検討した。

各臓器細胞としては、正常細胞ばかりでなく病的状態下での細胞(ガン由来細胞、ウィルス感染細胞など)を使用でき、何等制限されるものではない。例えば、肝細胞(胎児、新生児、成人由来など)、各造血球系細胞(好中球、単球など)、肺細胞、脂肪組織細胞、血管内皮細胞、骨芽細胞、結腸粘膜細胞、網膜細胞および肝細胞癌由来細胞(Hep G2など)、前骨髄性白血病由来細胞(HL60な

ど)を対象とすることができる。各細胞ごとの各GSの出現頻度について、それを表1から表219に記述した。なお表中、patient numberは各GSの対応する配列番号を、sizeは各GSの長さを、Fは各細胞における出現頻度を合計した値を表す。また、hepG2は「hepG2 (肝臓細胞癌株)」、HL60は「HL60 promyelocytic cell line (前骨髄球性白血病細胞株)」、granuloは「granulocytoid (顆粒球様細胞、HL60をDMSOで刺激したもの)」、monoは「monocytoids (単球様細胞、HL60をTPAで刺激)」、4Owliverは「4Owliver (新生児肝臓)」、19wliverは「19wliver (胎生19週胎児肝臓)」、adult liverは「adult liver (成人肝臓)」、lungは「lung (成人肺)」、adiposeは「subcutaneous adipose tissue (皮下脂肪)」、endothelは「primary cultured aortic endothel (大動脈内皮初代培養)」、osteoblastは「osteoblast (骨芽細胞初代培養)」、colon mucosaは「colon mucosa (大腸粘膜組織)」、small cell carci.は「small cell carcinoma of lung (肺小細胞癌)」、retinaは「retina (網膜)」、cerebral cortexは「cerebral cortex (大脳皮質)」、adenocarci(lung)は「adenocarcinoma of lung (肺腺癌)」、squamous cell ca(lung)は「squamous cell carcinoma of lung (肺扁平上皮癌)」、keratinocyteは「primary cultured keratinocyte (皮膚角化上皮初代培養細胞)」、fibroblastは「primary cultured fibroblast (繊維芽細胞初代培養)」、Alzheimerは「Alzheimer temporal lobe (アルツハイマー病側頭葉)」、cerebellumは「cerebellum (小脳)」、visceral fatは「visceral fat (内臓脂質)」、corneal epitheliumは「corneal epithelium (角膜の上皮腫)」、peripheral granulocyteは「peripheral granulocyte (末梢顆粒球)」、neuroblastomaは「neuroblastoma (神経芽腫)」、taste bud of tongueは「taste bud of tongue (舌の味覚芽)」を表わす。

また、「Accession number of target mRNA」は配列を含むGenBank Release 79内の各GSとホモロジーを有するエントリーのアクセッション番号を、「match%」は該ホモロジーを有する配列とGSとのホモロジー

の値を、「match size」はホモロジーを計算した領域の長さを、「match starts at (GS)」はGS内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5'側からの位置を、「match starts at (GenBank)」は、GenBankのGSに対応する配列内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5'側からの位置を、「GenBank target size」はGenBankのGSに対応する配列の全長を示す。なお、表1～表219のカラムは、表1の対応カラムと同一の項目で分類されている。

また、表1から表219より、各GSを種々分類することが可能である。すなわち、特定の細胞あるいは細胞の性質が類似している細胞群（例えば「前骨髄性白血病細胞、顆粒球細胞、単球様細胞」群）で出現頻度が高く、そして他の細胞（群）では全く出現しないか、あるいはごくわずかしかな出現しないGSは、「特定細胞に固有の機能を担うタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる（例えばGS0001553, GS0002047, GS0004895等）。また、あらゆる種類の細胞で共通して発現するGSは、「細胞の生存に必須なタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる（例えばGS0000019, GS0000155, GS0000861等）。更に、発現頻度が低いGSも見出すことができる（例えばGS0000013, GS0002399, GS0003155等）。

上記のように配列決定したGSは、特定の細胞で発現されるmRNAの存在割合に忠実に反映していると考えられることから、特定細胞のcDNAライブラリー中の各GSの出現頻度を調べれば、各細胞のmRNAの存在割合を知ることができるはずである。

そこで、cDNAライブラリー中の各GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することを確認するために、取得したGSを常法により<sup>32</sup>P標識し、以下に述べるハイブリダイゼーションのプロープとして用いた。すなわち、特定の細胞から単離したmRNAに対し、上記<sup>32</sup>P標識プロープを通常の条件下でハイブリダイズさせる。このノーザンハイブリダイゼーションの結果、cDN

Aライブラリーで出現する頻度が高いGSのプロープを用いると、特定の細胞から単離したmRNAに対し濃いバンドを形成し、GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することが確認した（実施例5参照）。

また、同様に、上記で作成した<sup>32</sup>P標識プロープを用いて通常の条件下で前述のごとく作成したcDNAライブラリーに対してコロニーハイブリダイゼーションを行うと、GSの出現頻度と該GSにハイブリダイズするコロニー数は強い相対関係が認められること（実施例6参照）から、各GSの出現頻度とcDNAライブラリー中のGSの存在割合が対応することを確認した。

以上のことから、各GSが各種細胞由来のcDNAライブラリーにおいて出現する頻度を調べることによって、各GSに対応する遺伝子（mRNA）の各細胞における発現の状態を知ることが可能となった。逆に言えば、各GSは対応する遺伝子（mRNA）の各細胞における発現状態に関する情報（以下発現情報と称する）が既に付加している特異的なプロープ、プライマーとして、産業上有用であるといえる。例えば、「あるGSは組織A由来のcDNAライブラリーのみで出現頻度が高い。即ち、該GSに対応する遺伝子は組織Aのみで特異的に発現している。」ことが判明している場合は、該GSをプロープ、プライマーとして用いて対応する全長cDNAを常法によってクローニングすることによって、組織特異的に発現している遺伝子全長をクローニングすることができる。また例えば、「あるGSは組織B由来のcDNAライブラリーでは出現頻度が低い。即ち、該GSに対応する遺伝子は組織Bでは発現頻度が低い。」ことが判明している場合において、該GSをプロープ、プライマーとして用いて患者由来の被験組織Bの該GSに対応する遺伝子の発現レベルを調べた際、該遺伝子の発現レベルが非常に高くなっていた場合、疾病の原因遺伝子は該GSが対応する遺伝子であると強く推定されることになり、疾病原因遺伝子を見いだすことができる。そして、該GSをプロープ、プライマーとして用いて対応する全長cDNAを常法によってクローニングし、疾病原因遺伝子を取得し、その全貌を解明することができる。

即ち、本願発明のDNAは、疾病を診断するためのプロープ・プライマー、疾

病の原因遺伝子・関連遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、ウイルス遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、細胞を同定・識別するためのプローブ・プライマー、種特異的なプロモーターをクローニングするためのプローブ・プライマー、遺伝子のマッピングをするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。

なお、1つのGSは1つのmRNAに対応するものであるが、各mRNAに相補的なcDNAのいずれの部分でも対応する各GSと同じ「発現情報」が付加されているものであることは明らかである。従って、本願発明のDNAは「GS自体もしくはその一部を含むDNA」に限定されるものではなく、たとえば、「各mRNAに相補的なcDNAの全長」「各mRNAに相補的なcDNAにおいてGSを含まない部分もしくはその一部」等もGSと同じ「発現情報」を有するプローブ、プライマーなどとして、GSと全く同様に利用できるものであり、本願発明に包含される。なお、GSまたはその一部をプローブ、プライマーとして用いれば、たとえば、「各mRNAに相補的なcDNAの全長」「各mRNAに相補的なcDNAにおいてGSを含まない部分もしくはその一部」を当業者が容易に取得できることは明らかである。例えば、後で述べる「5'RACE」「ネスティング」「インバースPCR」などの周知の技術が利用できる。

本願発明のGSを用いて疾病を検出する方法の一例を説明する。表1～表219に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。また、様々な組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSや、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSも識別することができる。これらのGSを変性したものを適当なフィルター、例えばナイロンフィルター又はニトロセルロースフィルターに固定する。1枚のフィルターに多数のGSを固定したフィルターを用いると簡便である。なお、1枚のフィルターに多数の変性したDNAを固定したフィルターは周知であり、例えば、大腸菌のジェノミックDNAのコスミドコンティグを1枚のナイロンフィ

ルターに固定させた「The Escherichia coli Gene Mapping Membrane 宝酒造 Code No.9035」などが知られている。特定の組織に特異的なGSを組織毎にまとめたフィルター、種々の組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSをまとめたフィルター、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルターなどを作成することができる。これらのフィルターに固定した一本鎖GSに対して、被験組織から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。) また、別に、正常組織から抽出したmRNAを鋳型に同様の方法で合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。) 予め、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較して、各パターンの強度の度合いの相違を類型化しておけば、被験組織のハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンとを比較し、前記のどの類型に属するかを解析することによって、被験組織がどのような疾病の状態にあるか判定することができる。また、ウイルスの感染も、疾病の検出と同様に検出することができる。

次に、本願発明のGSを用いて、疾病の原因遺伝子または関連遺伝子などの遺伝子をクローニングする方法の一例を述べる。前述のごとく、GSを変性したものを固定したフィルターに対する、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較する。その結果、正常組織におけるハイブリダイズシグナルの強度と疾病時の組織におけるハイブリダイズシグナルの強度とが大きく相違している場合、そのGSが病原遺伝子に対応するものであると考えられる。なお、特定の組織に特異的なGSのみをまとめたフィルターをその組織由来の被験組織に用いれば、ハイブリダイズシグナルの強度が大きく相違しているGSが見出される可能性が上昇するはずである。また、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルターを用いれば、本来



はこれらのGSに対するハイブリダイズシグナルのレベルは低いはずであるので、強いシグナルを検出することで、病原遺伝子に対応するGSを容易に見出すことができるはずである。病原遺伝子に対応するGSを見出せば、該GSをプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する病原遺伝子をクローニングすることができる。

更に、GSをプローブ・プライマーとして遺伝子全長をクローニングする方法を具体的に説明する。なお本願発明のクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質の産生に好適である。常法に従い、組織からmRNAを抽出し、cDNAライブラリーを作成する (Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, Section 8 (New York; Cold Spring Harbor Laboratory)参照)。その際、目的遺伝子が高発現している組織からmRNAを抽出することが望ましい。作成したcDNAライブラリーから目的遺伝子を選別するには、例えば、GSの全部または一部をプローブとしてハイブリダイゼーションを行い、ポジティブクローンを選択する方法がある。一般に、GSは特定のmRNAに特異的なものであるから、ハイブリダイゼーションはストリンジェントな条件で行うことができる。プローブは少なくとも25塩基以上、好ましくは50塩基以上、より好ましくは100塩基以上の長さを有していることが望ましい。

なお、目的遺伝子に対応するcDNAが濃縮されたcDNAライブラリーを作成すれば、目的遺伝子の選別に好適である。一つの方法として、目的遺伝子に対応する変性したGSを樹脂などに固定したアフィニティーカラムを作成し、組織から抽出したmRNAを該カラムに通すことによって目的遺伝子に対応するmRNAを該カラムに特異的に捕捉し、捕捉された該mRNAを溶出することによって該mRNAを濃縮し、濃縮された該mRNAを鋳型にcDNAライブラリーを作成する方法があげられる。また、別の方法として、PCR法によって目的遺伝子に対応するcDNAを特異的に増幅する方法があげられる。目的遺伝子の特異的な増幅は、例えば以下のように行う。目的遺伝子の3'側に位置するGSの一

部からなるプライマーを用いて、「逆転写酵素」「4種のヌクレオチド」などによってmRNAからcDNAを合成する。得られた一本鎖cDNAの3'側に、「ターミナルデオキシリボヌクレオチドトランスフェラーゼ(TdT)」の作用でポリTなどのホモポリマーを付加する。更に「ホモポリマーと相補的なプライマー」および「先の逆転写反応に用いたプライマー、または該プライマーと同一のGSに含まれ該プライマーよりもGSの5'側に位置するプライマー」を用いてPCRによる増幅を行い、目的遺伝子に対応するcDNAを特異的に増幅することができる(5'RACE(5' Rapid Amplification of cDNA ends):PNAS,Vol.85,pp.8998-9002(1988)、Nucleic Acids Res.,Vol.17, pp.2919-2932(1989) 参照)。なお、ホモポリマーを付加する代りに、「T4DNAライゲース」を用いて一本鎖DNAからなるアンカーDNAを一本鎖cDNAの3'末端に接続し、該アンカーDNAに相補的なプライマーを用いてPCR法によりDNAを増幅する方法もある(Nucleic Acids Res.,Vol.19,pp.5227-5232(1991))。プライマーは少なくとも13塩基以上、好ましくは15塩基以上、更に好ましくは18塩基以上の長さを有していることが望ましい。また、サイクリング反応における熱変性の効率を高めるため、好ましくは50塩基以下更に好ましくは30塩基以下の長さであることが望ましい。増幅されたDNAをベクターに接続すれば「目的遺伝子が濃縮されたcDNAライブラリー」が作成される。

なお、上記PCR産物から直接に目的遺伝子に対応するcDNAをクローニングすることも可能である。即ち、上記PCR産物をゲル電気泳動等で分離し、変性したGSをプローブとしたサザンブローディングを行い、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在するかどうか確認する。ハイブリダイズするバンドが存在すれば、該バンドを切り出しDNAを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応するcDNAがクローニングされている可能性が高い。

前述の如くPCR法によって増幅した目的遺伝子を更に特異的に増幅するために、はじめのPCR産物に対して、どちらか一方のプライマーまたは両方のプライマーを先に使用したプライマーの内側のプライマーに変えて、第2回目のPCR

R (ネスティング:nesting) を行ってもよい (Journal of Virology, Vol.64, P.864(1990))。その際、第1回目のPCR反応産物全体に対してネスティングを行ってもよいし、第1回目のPCR反応産物に対するGSをプローブとしたサザンブローディングによって、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出し、抽出したDNA断片に対しネスティングを行ってもよい。ネスティングによる産物に対する変性したGSをプローブとしたサザンブローディングを行い、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出しDNAを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応するcDNAがクローニングされている可能性が高い。

ここで、前述の如くクローニングされた目的遺伝子に対応するcDNAは、mRNAの全長に対応するcDNAであることもあるが、5'側の欠失したcDNAであることもありうる。5'側が欠失している場合は、必要に応じて常法により容易に全長cDNAをクローニングすることができる。例えば、「クローニングしたcDNAの5'側に位置する塩基配列からなるプローブ」を用いてcDNAライブラリーをスクリーニングすれば、GSをプローブとしたときよりもプローブの位置が全長cDNAの5'側にずれているので、より長いcDNAのみをポジティブクローンとして選択することができる。また、「クローニングしたcDNAの5'側に位置する塩基配列からなるプライマー」を用いてmRNAを鋳型にcDNAを合成した後に、前述の5' RACE法で説明した如く、「該プライマーまたは該プライマーの内側のプライマー」と「ホモポリマーまたはアンカーと相補的なプライマー」とを用いて「5'側にホモポリマーまたはアンカーを有する一本鎖cDNA」に対してPCR増幅を行えば、GSをプライマーとしたときよりもプライマーの位置が全長cDNAの5'側にずれているので、cDNAの5'側のみを選択的に増幅できる。もし、取得したcDNAがなお5'が欠失していた場合でも、この操作を繰り返せば長大なcDNAの全長をカバーするcDNA断片群が取得できる。なお、オーバーラップ部分を有するcDNA群を接続して全長cDNAを取得することは、当業者が容易に実施できる。

また、インバースPCR (Inverse PCR: Genetics, Vol.120, p.621(1988)、Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, 14.12-14.13(New York; Cold Spring Harbor Laboratory) )を行えば、GSの外側に延びるcDNA、ジェノミックDNAの領域をクローニングすることができる。即ち、標的DNA (ジェノミックDNAまたはcDNA)を約2~3kb以下の長さに制限酵素等で切断し、切断部位をライゲーションして環化する。該DNAに対し、「GS自体またはGSをプローブ、プライマーとしてクローニングしたcDNAに相補的で、DNA合成が相手側のプライマーが存在する方向とは反対方向に(外向きに)進行するようなプライマーのセット」を用いてPCR反応を行うことによって、GSの外側に延びるDNAの領域を増幅することができる。この方法を繰り返すことによって、目的遺伝子の全長ゲノムDNAをクローニングする方法(Nucleic Acids Res., Vol.1.16, p.8186(1988))も知られている。

なお、上記PCR反応においては通常「Taqポリメラーゼ」が使用されるが、「LA PCR (long and accurate PCR)」技術(Nature Genet., Vol.7, p350-351(1994)、Nature, Vol.369, 684-685(1994))を用いることによって、より効率よくクローニングを行うことができる。

なお、得られた全長遺伝子を適当な発現ベクターに接続して、適当な宿主中で発現させれば、対応する遺伝子産物が得られることはいうまでもない(Molecular Cloning, 2nd ed.)。

次に、本願発明のGSを用いて、細胞を同定・識別する方法の一例について述べる。表1~表219に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。これらの「組織特異的GS」をフィルターに固定する。各組織に特異的なGSをまとめてブロック化して固定すれば便利である(例えば、肝細胞特異的なGSのブロック、大脳皮質細胞特異的なGSのブロックなど)。このフィルターに対して、前述の如く、被験組織・細胞から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマ

ー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる（mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。）。組織・細胞の種類に応じて、該組織・細胞で特異的なGS群のみ強いハイブリダイズシグナルが検出されるはずである。なお、組織特異的なプロモーターは「組織特異的GS」をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する組織特異的に発現する遺伝子をクローニングし、5'上流側を構造解析することによりクローニングすることができる。

ここで得られる組織特異的なプロモーターは将来の遺伝子治療に有用なものである。

すなわち、狭義の遺伝子治療では、患者で欠損している蛋白質を外から遺伝子工学的に補充することを目的とするが、この際、外来遺伝子を希望する組織で、希望する強度で発現させてやることが肝要である。そのためには、特定の組織で、所望の強度で（大半は強い強度が要求される）発現することが判っているプロモーターは、極めて有用である。現在は、しばしばウイルスのプロモーターが用いられるが、これは体内で早期にメチル化等の修飾を受けて不活化される。GSが提供する組織特異的なプロモーターは、これらに代わる理想的な材料となる。

次に上記のごとく得たGSに基づくプローブを利用して、本願発明のGSに対応するDNAを染色体にマップする方法について説明する。

初めに、サザンブロッティングによる方法について説明する。

この方法によれば、ヒトの正常な核型を有するリンパ芽球系の細胞（例えばGM0130b）から染色体を分離し、個々のヒト染色体をヒト以外の細胞、例えば齧歯類の動物細胞に導入し、単染色体のハイブリッドセル（monochromosomal hybrid cell）を作成し、常法により大量培養する。次いで該ハイブリッドセルからDNAを抽出し、これらのDNAを各種制限酵素で切断したのち、アガロースゲル中で電気泳動にかける。次に上述のごとく作成

した<sup>32</sup>Pで標識したGSをプローブとして用いて、通常の条件下で電気泳動したDNAとハイブリダイズさせる。そして該プローブがどのハイブリッドセルのDNAにハイブリダイズするかを確認することによって、本願発明のGSに対応するDNAが存在する染色体の位置を見出すことができる。各々のGSをラベルしたプローブを用いてヒト全ゲノムDNAを対象にサザンハイブリダイゼーションを行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明らかである。

また、同様に、PCR法を用いることにより、本願発明のGSがどの染色体に存在するか確認する方法について説明する。

すなわち、GSの塩基配列の中から、通常の方法、例えばコンピューターソフトウェア OLIGO4.0 (National Biosciences 社製) により、プライマーとして最も適した塩基配列を選び、常法によりオリゴヌクレオチド (20~24mer) を合成し、プライマーとする。これらのプライマーを用いてPCR法で増幅される部分の長さは50merから100mer程度が望ましい。

次いで、上記単染色体のハイブリッドセルから染色体DNAを抽出したDNAをそのまま鋳型として、先に述べたプライマーを適用し、常法のPCR法により増幅する。PCR産物をアクリルアミド非変性ゲルで電気泳動した後、エチジウムブロマイドによって染色し、蛍光を検出することで該PCR産物の長さの確認を行う。

これらの操作で、それぞれのハイブリッドセル由来のゲノムDNAを鋳型として正しい長さを有するPCR産物が増幅されるか否かにより、プライマーが由来するGSがどの染色体に存在するかを確かめることができる。

以上の操作から、本願発明の各GSに対応するDNAが、どの染色体に存在す

るかを確認できることが判明した。各々のGSを増幅するプライマーを用いたPCR法をヒト全ゲノムDNAを対象に行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプライマーとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明白である。

#### 図面の簡単な説明

図1は、3' MboI cDNAライブラリーの作成を示す図である。

図2は、プライマーの試験を示した図である。図中、Aは試験に用いたプライマーのベクター上の位置を、Bはプライマーにより増幅したDNA断片のゲル電気泳動のパターンを示す。用いたプライマーは以下の通りである。

レーン1 ; FW (-40) /RV (-14)

レーン2 ; FW (-40) /RV (-36)

レーン3 ; FW (-40) /RV (-71)

レーン4 ; FW (-40) /RV (-29)

レーン5 ; FW (-47) /RV (-48)

アーティファクトは、矢印で示してある。

図3は、SW (-40) 及びRV (-14) を用いたPCRを示した図である。図中、最も右側のレーンはサイズマーカーを、他のレーンはSW (-40) /RV (-14) を用いたPCR産物を電気泳動したパターンを示す。

図4は、cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映を示す図である。特に、図4A～図4Dは結果を示し、図4Fはその要約である。図4Eはコロニーの写真である。

図5は、3' 領域HepG2 cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の検索頻度を示す図である。

図6は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図7は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図8は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図9は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図10は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図11は、GS001418 (gs001418) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

図12は、GS001457 (gs001457) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

図13は、GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

図14は、GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

図15は、サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリッドセルを示す図である。

図16は、GS000152 (クローンs14g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図17は、GS000041 (クローンs650) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図18は、GS000181 (クローンhm01e01) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図19は、GS000055 (クローンc13a18) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図20は、GS000180 (クローンs479) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図21は、GS000094 (クローンs173) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図22は、junk (クローンhm01g02) をプローブとしたハイブリッ



ドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図23は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

図24は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

図25は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

図26は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

#### 発明を実施するための最良の形態

以下、本願発明の好適な実施例について説明する。なお、本願発明は、この実施例に拘束されるものではない。

##### [実施例1]

##### mRNAの標品調製

標準的な手法 (Sambrook et al., Molecular Cloning, 2nd ed. (New York: Cold Spring Harbor Laboratory), vol 1, pp.7.3-7.36, 1989) により、肝臓癌細胞系 Hep G2 (Aden et al., Nature 282, 615-617, 1979) から、細胞質RNAを抽出した。すなわち、10%のFCSを添加したダルベッコの変法イーグル培地で培養したHep G2細胞を、RNA抽出緩衝液 [0.14M NaCl、1.5mM MgCl<sub>2</sub>、10mM Tris-HCl (pH8.6)、0.5% NP-40、1mM DTT、1000単位/ml RNase阻害剤 (Pharmacia)] 中で、ボルテックスミキサーを30秒間使用して溶解させ、その後5

分間氷冷した。核及びその他の細胞破壊物を、90秒間、12,000gの遠心分離により沈殿させ、上清をプロテイナーゼKで除蛋白した後、フェノール抽出を行った。次いでRNAは、イソプロパノールを使用して沈殿させ、70%のエタノールで洗浄した。最後にオリゴdTカラム分別法 (Aviv et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 69, 1408-1412, 1972) を用いてポリA<sup>+</sup>画分を収集した。

## [実施例2]

### ベクタープライマーDNAの調製とcDNAライブラリーの構築

ベクタープライマーの調製に際しては、JM109細胞 (Yanisch-Perron et al., Gene 33, 103-119, 1985) 内で増幅したpUC19DNAをPstIで完全に消化し、ターミナルトランスフェラーゼ (Pharmacia) によってポリTテールを添加して、その平均の長さを26にした。このプロセスは、<sup>3</sup>Hデオキシチミジン三リン酸 (Okayama et al., Methods in Enzymology (San Diego: Academic Press), vol. 154, pp.3-28, 1987) の取り込みにより調べられた。生成物はHincIIによって消化し、その際生じた短いフラグメントを、セファロースS-300のクロマトグラフィーによって除去した。次に、Tテールを有するプラスミドをオリゴdAカラムによって精製し、1μg/μlの濃度で、50%エタノール中に保存した。

図1は、cDNAライブラリーの作成の概要を示している。各2μgの細胞質ポリA<sup>+</sup> RNA及びベクタープライマーDNAを、0.3M酢酸ナトリウムを含有する70%エタノール中で共沈させ、沈殿物を12μlの蒸留水中で溶解した。第1鎖合成のため10分間76℃で加熱変性した後、5×反応緩衝液を4μl

[250mM Tris-HCl (pH8.3), 375mM KCl, 15mM MgCl<sub>2</sub>]、0.1MDTTを2μl、並びに、それぞれ10mMのdATP、dCTP、dGTP及びdTTPを1μlずつ、37℃に加温したサンプル中に加えた。反応は、200単位の逆転写酵素MMLV-H-RT (BRL) を添加し、37℃で30分間インキュベートした後、反応チューブを氷上に移すことで停止した。次に、第2鎖の合成では、この反応液に92μlの蒸留水、32μlの5×E. coli

i 反応緩衝液 [100mM Tris-HCl (pH7.5)、20mM  $MgCl_2$ 、50mM  $(NH_4)_2SO_4$ 、500mM KCl、250 $\mu$ g/ml BSA、750 $\mu$ M  $\beta$ NAD] に、それぞれ10mMで3 $\mu$ lのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、15単位のE. coli リガーゼ (Pharmacia)、40単位のE. coli ポリメラーゼ (Pharmacia) 並びに1.5単位のE. coli RNase H (Pharmacia) を添加し、これを16℃で2時間インキュベートした。反応混合物を、65℃で15分間加熱後、それぞれ20単位のBamHI 及びMboI を添加し、37℃で1時間インキュベートした。再度65℃で30分間加熱した後、1×E. coli 反応緩衝液で1mlに希釈し、100単位のE. coli リガーゼを添加した。得られた混合物は、16℃で一晩インキュベートし、この反応物を用いて、E. coli DH5のコンピテント細胞 (Toyobo) を形質転換した。形質転換細胞は、アンピシリン耐性に従って選択した。その結果、「3' MboI cDNAライブラリー」が作成された。

### [実施例3]

#### cDNAインサートのPCRによる増幅

プラスミドを有するE. coli コロニーを、125 $\mu$ lのLB培地 (Davis et al., Advanced Bacterial Genetics. Cold Spring Harbour (New York: Laboratory), 1980) が入った96穴のプレートに接種し、37℃のチャンバー内で24時間培養した。96穴用ピン式レプリカ培養装置 (Sigma) を使用して各プレート毎にレプリカ培養を行い、後日利用できるようマスター・プレートを作製し-80℃で保存した。一晩37℃で培養した後、これらレプリカの各ウェルから50 $\mu$ lの培養菌液を、ポリカーボネート96穴プレート (Technique) に移した。細菌は、Omni spin H4211ローター (Sorvall) により、1500rpmの回転速度で5分間遠心分離することによって回収した。次に、菌体を50 $\mu$ lの水にもう一度懸濁させ、ミネラルオイル層で覆い、金属バス中、95℃、30分間で溶解させた。細胞破壊物は、前記ローターを360

0 rpmの回転速度で30分間運転して、遠心分離をすることにより取り除いた。

5  $\mu$ lの上清を20  $\mu$ lの蒸留水に添加し、ミネラルオイル層下で10分間、95℃で保温した。次に、変性された分離物は、70℃で各プライマー5 pmol、それぞれ5 nmolのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、並びに1.25単位のTaq DNAポリメラーゼ (Cetus) を含む、25  $\mu$ lの2×反応混合物 [40 mM Tris-HCl (23℃でpH 8.9)、3 mM MgCl<sub>2</sub>、50 mM KCl、200  $\mu$ gゼラチン/ml] を70℃で加えて、PCRに供した。この反応混合物を加えた直後に、温度サイクル反応が実行された。このとき、マイクロフュージ・チューブ (PJ1000、Perkin Elmer Cetus) か96穴プレート (PHC-3、Techne) のサーモサイクラーを使用し、最後の伸張プロセスを行わずに、それぞれ96℃で30秒、55℃で1分間、72℃で2分間を35サイクル繰り返した。

なお、この方法では、PCR反応に適したプライマーを選択することが、非常に重要である。そのため、適当なプライマーを選択するために、それぞれ予測T<sub>m</sub>が60℃を超える次の組の被験プライマーを用いて予備実験を行った。

即ち、市販されている24merプライマーと同じプライマーであるFW (-47) 及びRV (-48) のプライマーの組；塩基配列決定用プライマーの中でも長いプライマー (21mer) であるFW (-40) とRV (-29) のプライマーの組；さらに3' 末端におけるトリプレットの配列がFW (-40) の配列と同じであるが、方向が異なるプライマーであるRV (-71) 及びRV (-14) プライマーが試験された (図2A)。

前記各種プライマーを組み合わせて行った試験の多くのサンプルで、期待された主要生成物の他に、短いアーティファクト生成物が出現した (図2B, アーティファクト生成物は矢印で示した)。これらのアーティファクトは、プライマー濃度もしくは基質濃度を低下させたり、アニーリング温度を上昇させると減少するが、いずれの場合も、主生成物の収率が不十分なため、濃縮を行わないと、塩基配列決定反応の鋳型として供給することはできなかった。

しかし、SW (-40) 及びRV (-14) の組からは、アーティファクトが生成されなかった (図3)。この組を用いて、更に試験を行ったところ、再現可能な結果が得られることが判明した。任意に抽出したcDNAクローンでも同様の結果が得られた。本実施例においては、プライマーとして全てSW (-40) 及びRV (-14) の組を用いた。

#### [実施例4]

#### DNA塩基配列決定

PCR反応生成物を、攪拌しながら、ミリポアフィルター (VS0. 025  $\mu$ m) により、TE (10mM Tris  $\cdot$  HCl (pH8.0)、1mMEDTA) に対して90分間滴下透析した。直径150mmのフィルター1個で、48個のサンプルを容易に処理できる。それ以上の精製をせずに、色素で標識したプライマーを使用して、サイクルシーケンスプロトコール (Applied Biosystems、1991) に従ってサンプルの塩基配列を決定した。ジデオキシチジン塩基配列決定反応では、2  $\mu$ lの透析後のPCR反応生成物 (約0.2 pmolの鋳型DNA) を、0.4 pmolのFAM M13 (-21) プライマー (Applied Biosystems) Tris-HCl (160mM, pH8.9) 溶液に、40mM (NH<sub>4</sub>)<sub>2</sub>SO<sub>4</sub>、10mMMgCl<sub>2</sub>、50  $\mu$ MdATP、12.5  $\mu$ MdCTP、75  $\mu$ M7-deaza-dGTP (Boehringer Mannheim Biochemicals)、50  $\mu$ MdTTP、25  $\mu$ MddCTP及び0.8単位のTaqポリメラーゼ (Perkin Elmer Cetus) を含む3  $\mu$ lの反応混合物に加え、サーモサイクラー (PHC-3、Techne) を使用して、15+15 (95℃30秒、60℃1秒、70℃1分及び95℃30秒、70℃1分) の反応サイクルを行った。他の3種類、即ちジデオキシグアノシン、ジデオキシアデノシン及びジデオキシチミジンに関する配列決定反応を、ジデオキシグアノシンとジデオキシチミジンの両反応については全成分を倍量使用したこと以外は、基本的に同じやり方で並行して行った (TMRA、JOEおよびROXの各プライマーは、それぞれ

Applied Biosystemsによって提供された)。4サンプルのセットを4℃まで冷却し、プールした後に、エタノールで沈澱させ、ホルムアミド／50mMEDTA (V/Vで5/1) の溶液6  $\mu$  l中に懸濁させ、シークエンスゲルにロードし、DNAオートシーケンサー (モデル373A ver 1.0.1, Applied Biosystems) で解析した。

#### [実施例5]

cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映

3' 領域cDNAライブラリーが、HepG2細胞中のmRNA集団の偏った分布をとっているのではないことを確認するため、無作為のcDNAの選別によって重複してクローニングされたクラスから4つのcDNAクローン (EP-1  $\alpha$ 、 $\alpha$ -1-アンチトリプシン、hnRNPコアタンパク質A1及びインター- $\alpha$ -トリプシンインヒビター) のインサートを放射標識し、これらをHepG2細胞からのポリA<sup>+</sup>mRNAのノザン解析におけるプローブとして使用した (結果は、図4A-Dに示され、Fに要約されている。)。4つのmRNA種のバンドの相対的強度から、それらの相対的比率が夫々52、24、1及び1.2 (Fのレーンiii) であることが判明した。次に、同一のプローブセットを用い、8,800クローンから成る同じcDNAライブラリーで各プローブとハイブリダイズするコロニーの数を測定した (図4E)。

クローンの頻度は、307、128、7及び9で、即ち、相対比率は、それぞれ、44、17、1及び1.3であった (f内のレーンiv)。これら2種類の推定値は一致し、このcDNAライブラリーがmRNA集団の分布に偏りのない標品であることが実証された。この比率は、同じ細胞から作成したmRNAの別の標品を試験したときにも、実際的には変わらなかった。

なお図4は、3' 指向cDNAライブラリー中のcDNAクローンの出現頻度とmRNAの組成の一致を示す図である。そのうち図4AはHepG2細胞から得られた2  $\mu$  gのポリA<sup>+</sup>RNAを、エチジウムブロマイド (5  $\mu$  g/ml) を含有するホルムアミドアガロースゲルのレーン1-4で電気泳動にかけたものに

UV照射し写真撮影した図である。レーン5は、サイズマーカー (Kb) として使用したRNAラダー (BRL) を示したものである。図4 Bは以下の<sup>32</sup>P 標識の3' 特異的cDNAプローブを使用して、ノザンプロットを行った結果である。各レーンにはEF-1 $\alpha$  (レーン1)、 $\alpha$ 1-アンチトリプシン (レーン2)、HnRNPコアプロテインA1 (レーン3)、インター- $\alpha$ -トリプシン・インヒビター (レーン4) がロードされている。また図4 Cは2%アガロースゲル中で、非標識のcDNA断片、即ち、延長因子-1 $\alpha$  (レーン1)、 $\alpha$ 1-アンチトリプシン (レーン2)、HnRNPコアプロテインA1 (レーン3)、インター- $\alpha$ -トリプシンインヒビター (レーン4) をそれぞれ1 pmolずつ電気泳動させ、写真撮影した図である。図4 Dは同じ放射活性プローブセットを使用した、図4 Cからプロットしたフィルターのサザン解析である。レーン5は、基準1 kbラダー (BRL) の移動パターンを表している。これらスクリーン像の普通記録を、Bに関しては8時間、Dに関しては1時間の時点で作成した。各バンドにおける放射能は、シンチスキャナー ( $\beta$ -603; Betagen) で直接測定し、Fの第1行と第2行に記載した。観察されたバンドの強度は、図4 Dのバンドの強度 (Fの第2行の値) を基準として補正し、さらにプローブ3 (HnRNPコアA1, レーン3) の値を1としてノーマライズした (Fの第3行の値)。これらの値は、mRNAの元の標品の各mRNA種の相対的含有量を表している。図4 Eは4つの放射性プローブから成る同じセットを使用し、3' 指向cDNAライブラリーの8, 800コロニーが含まれている膜を用いたコロニーハイブリダイゼーションである。正のコロニー数がFの第4行に記載され、その値はプローブ3 (HnRNPコアA1, レーン3) の値を1としてノーマライズした (Fの第5行の値)。なお図4のB、D及びE中の各数字は、(F) 内の各プローブ番号を表している。図4 Fにおいて、第3行の値と第5行の値すなわち (iii) と (v) の間に顕著な一致が見られることがわかる。

#### [実施例6]

#### cDNAライブラリーの構成比

cDNAライブラリーの組成を更に解析するため、無作為のcDNAの選別によって重複してクローニングされた配列グループ（グループI）と1回だけクローニングされた配列グループ（グループII）から、それぞれ7個と10個のクローンを選択し、これらのインサートをコロニー・ハイブリダイゼーション用の放射標識プローブとして使用した（図6）。各々のグループIプローブとハイブリダイズしたコロニーの出現頻度は、無作為にクローニングをした時に各プローブを含むcDNAがクローニングされる頻度とよい相関を示した。その頻度は約3.5%～約0.1%であった。このことから、ライブラリー集団のほぼ52%が173種からなる重複してクローニングされた配列グループで構成されていると推定された。一方、グループIIの中からの8プローブを試験した結果、スクリーニングされた26,400中に18のポジティブ・コロニーが識別され、ハイブリダイズしたコロニーの全コロニーに占める割合の平均値は0.007%であった。2つのプローブは、26,400個のコロニー中のいずれに対してもハイブリダイズせず、平均頻度は0.004%未満となった。従って、グループIIの10プローブとハイブリダイズするコロニーの平均出現頻度は、グループIの最低頻度より数桁低い結果となった。

結果を図5にまとめた。3'領域HepG2cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の出現頻度を示すものである。この図5において、7個のcDNAプローブ（a15からtb042）は重複してクローニングされたグループ（グループI）中の162のcDNAから、また、10個のcDNAプローブ（s155からs632）は一回だけクローニングされたグループ（グループII）中のcDNAから無作為に選ばれた。カラムA、BまたはCについて、各cDNAは放射標識し、982個（A）、8,800個（B）あるいは26,400個（C）のコロニーのコロニー・ハイブリダイゼーションテストのプローブとして用いた。なお、NTは検査しなかったことを示す。また、この図に挙げられている17個のクローンのDDBJエントリー名は、HUM000A15、HUM000C321、HUM00TB038、HUMHM01B02、HUMOC



13A04、HUMHM02D02、HUM00TB042、HUM000S155、HUM000S159、HUM000S639、HUM000S635、HUM000S170、HUM000S154、HUM000S167、HUM000S645、HUM000S647、HUM000S632である。

#### 〔実施例7〕

##### 塩基配列決定の確度の解析

本明細書中の配列データはすべて、プラスミドインサートをPCR法により増幅し、次いでTaqポリメラーゼを使用してサイクルシーケンス法を行うことによって得られたものである。これらの配列データのうち、データベース中に極めて類似した配列が見つかったもののうち60のクローンの配列におけるデータベース中の配列との相違を調べた。その結果、クローニング部位から1～100bpにおける確度は98.7%であり、この部分でプライマー又はプローブを設計した場合、ほとんど誤りを含まない完全に近いものが得られること、また万が一誤りを含んだとしてもプライマーやプローブとして使用する場合には機能的に問題がないものが得られることが判明した。

#### 〔実施例8〕

##### PCRを用いた各GSのマッピング

##### <cDNA配列>

cDNAライブラリーは、DMSO処理されたHL60細胞のmRNAから作製された。3'領域cDNAライブラリーの作り方や、その配列の決定の方法は実施例1～4に示した方法と同じである。

##### <PCRプライマー>

プライマーの設計は、コンピュータソフトウェアOLIGO4.0(ナショナルバイオサイエンス)で行われ、分子間もしくは分子内の2次構造の形成はできるかぎり除去されている。プライマーの設計に加えて、オリゴヌクレオチド配列のローカルデータベースや合成機への転送は、ネットワークとリンクしているマッキントッシュコンピュータを使って半ば自動化されている。DNAオリゴマー

は、40nmolスケールで自動DNA合成機（モデル394、Applied Biosystems）によって合成した。合成されたオリゴマーは、これ以上の精製をしないでPCRプライマーとして使用した。

#### <ゲノムDNAの調整>

ヒトゲノムDNAは正常な核型を有するリンバ芽球様細胞系GM0130bから採取した。

マウス及びチャイニーズハムスターのゲノムDNAは、Clontechから購入した。マッピングパネルに使用される単一染色体ハイブリッド細胞は、通常使用されている公知のものをを用いた。即ち、第3, 4, 9, 11, 12, 13, 15及び22染色体並びにY染色体はヒト・チャイニーズハムスター単一染色体ハイブリッド細胞に含まれていて、第1, 2, 5, 6, 7, 8, 10, 11, 12, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20及び21染色体並びにX染色体はヒト・マウス単一染色体ハイブリッド細胞A9シリーズの中に含まれている。ハイブリッド細胞の確認は、in situハイブリダイゼーションによって行なった。

#### <PCRによる増幅>

PCRは、標準的なプロトコール (Saiki et al., Science 230, 1350-1354, 1985) に従って行った。全量を20 $\mu$ lとし各10pmolのプライマーを用い、Perkin-Elmer 9600サーマルサイクラーにより、94℃で30秒、アニーリング温度で60秒、72℃で90秒、を35サイクル行った。アニーリング温度はプログラムOLIGOによって算出された "optional annealing temperature" によって決定した。

#### <PCR産物の分析>

PCR産物は300Vで1時間、非変性8%ポリアクリルアミドゲル（アクリルアミド：ビス-アクリルアミド=19：1，厚さ1mm）で泳動し、続いて、0.25 $\mu$ g/mlエチジウムブロマイドを含んだ90mM Tris-ホウ酸、2mM EDTA緩衝液に15分浸漬して染色した。増幅した産物の大きさは、

10bpのDNAラダー (BRL) と比較して決定した。蛍光の検出は、レーザー蛍光画像分析機 (FM-BIO, HITACHI Software Engineering) を使用して行った。この画像データは、分析のためにコンピュータに転送した。

#### <PCR産物の分析結果>

顆粒球様細胞から得られた3' 領域DNA中のGSのうち、GenBank Release 76にエントリーされている配列とマッチしなかったGS 195個を選び、次いでPCR用のプライマーを設計した。

この195セットのプライマーセットを用いてヒトの全ゲノムDNAを鋳型としてPCR増幅を行った。195個のプライマーセットの中で、191個 (98%) は、予想したサイズと5ヌクレオチド以内しか相違しない産物を生成した。結果を図6～図10にまとめた。なお、図中の記号は次の通りである。即ち、

GS ; ジーン・シグナチャー

CN ; クローン名

Chromosomal position ; 各GSがマップされた染色体番号

Sequence of primers ; プライマーの配列 (Sense ; センス鎖, Anti-sense ; アンチセンス鎖)

AT ; アニール温度

HO ; 全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の実際の塩基長

HE ; 全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の予想塩基長

MO ; マウスゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の塩基長

CO ; チャイニーズハムスター・ゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の塩基長

G ; 顆粒細胞様細胞 (DMSO処理HL60) のcDNAライブラリーにおける1000個のクローン分析後のGSのヒット数

T ; DMSOあるいはTPAによる誘導の有る無しのHL60細胞の3つの

## cDNAライブラリーから得られた全3000個のクローン分析後のGSの総ヒット数

疑問符号（“?”）は、PCR産物が明白なバンドを生じないことを表す。

“M”及び“C”は、それぞれマウス又はチャイニーズハムスターのDNAを鋳型として反応を行った場合と区別出来ないバンドが生じたことを示す。

cDNA配列から無差別にPCRの鋳型となるサンプルを選んでも、PCRの全般的成功率は191/195（98%）であったことから、この実験で使用したcDNAライブラリーは質的に信頼できるものであり、また、塩基配列分析及びプライマー設計が適切に行われていたことが判明した。一方、cDNA配列中のイントロンの存在によって生じるPCR失敗の可能性は、GSを用いて実験する場合は無視し得ると考えられる。イントロンは脊椎動物の遺伝子のpoly Aに近い3'領域にはほとんど存在しないからである（Wilcox et al., *Nucleic Acids Res.* 19, 1837-1843, 1991）。このことは、ランダムプライマーによるcDNAライブラリー（Adams et al., *Science*, 252, 1651-1656, 1991）あるいは5'領域cDNAライブラリーから得られた断片的なcDNA塩基配列の利用と比較しても、非常に有利である。

### <GSの染色体へのマッピング>

ヒトの全DNAからのPCR産物を生成した191個のプライマー対は、単一染色体ハイブリッド細胞パネルを使ってcDNAの部分配列がいずれの染色体に存在するかを知るために用いられた。少なくとも119個は1つの染色体にマップされることが判明した。一例として、図11に示されているGS001418は第3番染色体にマップされた。いくつかのクローンについては、余分な産物が得られ、それらのうち幾つかは同じ染色体に、一方、他のものは別の染色体に割り当てられた。一例としてGS001457のパターンが図12に示されている。62個（33%）のクローンが2つ以上の異なった染色体で期待通りのPCR産物を生成した。35例（18%）では、バックグラウンドの齧歯類のゲノムDNAと区別がつかない大きさのPCR産物を生成した。これらのうち21のクロー

ンは、マウスやチャイニーズハムスターのDNAと区別のつかない産物を生成した。10のGSは、ヒトの全ゲノムDNAからの予期されたPCR産物が観察されたが、単一染色体細胞パネルDNAによる期待のPCR産物は生成しなかった。この10のケースについては、ハイブリッドセル内で小さな欠失が生じていたと考えられる。HepG2 cDNAライブラリーから得られた5つのクローンについては、サザンブロット分析でも解析された。5つのクローンのうち4つはPCRの結果と一致した(GS000053, GS000120, GS000271, GS000279)。サザンブロット法で弱いシグナルによって不確実ながらY染色体に割り当てられた1つのクローン(GS000228)は、PCRによって第11染色体にマップされた。

#### [実施例9]

サザンブロッティング法を用いた各GSのマッピング

#### <細胞株>

全ヒトゲノムDNAはヒトの正常の核型のリンバ芽球状細胞株GM0130b より単離した。マッピングパネルに用いた単一染色体を持つハイブリッド細胞は図15に示した。Koi ら (Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989) により記述されたようにハイブリッドA9(neo-x)-y は鳥取大医学部のM.Oshimura博士により名付けられ、3世代継代した後凍結した。染色体の欠落や再編成が細胞の集団中のこの時期に起こる可能性がある。GMシリーズは国立医科学研究所(NIGMS) の変異体細胞貯蔵センター(Camden, NJ)より得た。液体窒素中で保存後にハイブリッド細胞中で染色体が元通り保持されているかを確かめるために分裂中期にあるハイブリッド細胞をビオチン化したヒト全DNAをプローブにしたin situ ハイブリダイゼーション (Durnam, D. M. et al., Somatic. cell Mol. Genet. 11, 571-577, 1985) により調べた。元通りの、あるいは転座したり断片化したヒト染色体はこの方法により容易に検出された。ハイブリッド細胞マッピングパネルにおいては、第11, 12, 15染色体は各細胞株A9(neo-11)-1, A9(neo-12)-4, A9(neo-15)-2のもので、それらの染色体は各々ハイブリッド細胞株GM10927A, GM1

0868, GM11418によるものもある。

#### <ゲノムDNAの単離とサザンブロッティング>

高分子量DNAは細胞よりドデシル硫酸ナトリウム(SDS)とプロテナーゼKを用いて抽出し、続いてフェノールクロロホルムより抽出し、エタノール沈澱を行った。DNAは制限酵素EcoRI, BamHI, BglII の内の2つを組み合わせで一晩切断し、そのうちの約5  $\mu$ gを0.8%アガロスゲル中で電気泳動し、ハイボンドN+メンブレン(Amersham)に0.4N水酸化ナトリウムで転写した。メンブレンは2xSSC 中で濯ぎ、4  $^{\circ}$ Cで保存した。

150塩基対以上の長さを持つ新しい配列のクローンをプローブとして選んだ。それらのクローンのcDNAの挿入部分をPCRで増幅した。PCR産物は2%低融点アガロース(ヌーシブ: シーブラーク、3:1)中の電気泳動により分離した後切り出した。アガロースはゲルを65 $^{\circ}$ Cで溶かして、ベーターアガラゼI(Bio Labs)を用い40 $^{\circ}$ C 1時間で消化して除いた。プローブは市販のキット(Amersham)を用いたランダムプライミングにより[ $\alpha$ - $^{32}$ P]dCTPで標識した。ハイブリダイゼーションは65 $^{\circ}$ Cで6xSSC, 1xデンハルト溶液、0.5%SDS, 超音波破碎をかけて変性させた0.1mg/mlのサケ精子DNAを含む高塩濃度緩衝液中で行った。メンブレンは2xSSC, 0.1%SDS 中で65 $^{\circ}$ Cで30分間洗った後、0.1xSSC, 0.1%SDS 中で65 $^{\circ}$ Cで30分間洗い、フジBAS-2000イメージアナライザーを用いて解析した。

#### <ゲノムDNAを用いた解析>

実施例1、実施例2に記載した3'末端を持つHepG2由来のcDNAライブラリーから公知でないGS160クローンを選別しサザンロットのプローブとして用いた。

ヒトの全ゲノムDNAは正常の核型を持つGM0130b細胞株より単離し、制限酵素EcoRI, BamHI, BglII 単独あるいはその組合せで切断した。プローブとして用いたGSクローンは3'末端を持つcDNAであった。これらの各cDNAはポリ(A)と最も近いMboI部位(GATC)の領域を含み(Okubo, K. et al., Nature Genetics, 2, 173-179, 1992)、BamHI, BglII 部位を持たない。加えて、平均の長さは270塩

基対なのでcDNA部分にEcoRI 部位を持つ可能性は高くない。事実、解析した160 クローンのうち 7クローンしかEcoRI 部位を持っていなかった。

切断したヒトのゲノムDNAをトランスファーしたメンブレンを、放射標識したGSプローブでハイブリダイズし、厳しい条件で洗った。タンパク質をコードする領域はモチーフを持つ傾向があるのに対し、cDNAの3' 末端領域は一般に固有の配列を持つので、無関係のcDNA配列によるクロスハイブリダイゼーションはそのような厳しい条件下では起こりにくい。ハイブリダイゼーションの結果の例は図13から図14に示してある。クローンs503とs632 (図13のa, b ; j u n k) は固有の一本のバンドを生じたものの例である。以下に示すように、67クローンがこのクラスに属していた。バンドのパターンから、GS配列の制限酵素部位に対する相対的な位置を推定した。クローンs311 (図13のc ; G S 0 0 0 0 9 2) はEcoRI 単独およびEcoRI+BamHI の切断DNAに対して単一のバンドを示したが、他の二つの制限酵素による同時切断においては2本の異なった大きさのバンドがみられた。従って、このような同時切断によって多重に存在するGSの解析が可能になった。同様の結果はクローンc13a08 (図13のd ; G S 0 0 0 0 5 5) で得られた。このクローンではEcoRI 単独およびEcoRI+BamHI の切断DNAでは2本のバンド、EcoRI+BglII, BamHI+BglII では4本のバンドがみられた。一方、クローンs479ではEcoRI 単独では4本のバンドがみられたが、EcoRI+BglII, BamHI+BglII ではバンドの数が減少した (図14のe ; G S 0 0 0 1 8 0) 。これらの結果はハイブリダイズする断片の最大の数明らかにするためには、いろいろな方法でDNAを切断すべきであることを示している。我々の解析から41, 10, 7, 19個のクローンが各々2, 3, 4, 5 本以上のバンドを含むことが示された。クローンs14f01とtw1-46 (図14のf, g ; G S 0 0 0 4 0 7 と j u n k) は各レーンに少なくとも10本以上のバンドを含んでいた。EcoRI 部位は2つのGS配列に存在していないので、バンドが何本も出ることはこれらの遺伝子が重複して存在することを表していると考えられる。クローンkmb07 は厳しい条件でよく洗った後でもスメアーのパターンを示しており (図14のh ; j u n k) 、このプロ

ープはこれまでに同定されていない反復配列を持っていることを示唆している。

#### <染色体へのマッピング>

齧歯類の染色体に加えて単一のヒト染色体を持っている単一染色体ハイブリッド細胞のセットを集めた(図15)。13の細胞株はKoi ら (Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989) によって確立されたマイクロセルハイブリッドでそのほかはNIGMS より得た。ビオチン化した全ヒトDNAを用いたin situ ハイブリダイゼーションによってこれらの細胞株でのヒト染色体を調べた結果も図15に示してある。

GSはハイブリッド細胞マッピングパネルを用いて染色体へマップした。3種類のメンブレンを調製した。各々のメンブレンはハイブリッド細胞より調製したDNAを持っており、EcoRI 単独、EcoRI+BamHI, BamHI+BglIII で切断してある。これら3種類のメンブレンの中で、全ゲノムのサザンプロットの結果にしたがって最大の数のバンドを生じたメンブレンを各GSプローブに用いた。ハイブリダイゼーションの結果の例は図16から図22に示してある。各レーン上の数字は各ハイブリッドセルが保持するヒト染色体の番号を、Hはヒト全染色体を示す。クローンs14g02 (GS000152; 図16) はEcoRI で切断した全ヒトDNAで一本のハイブリダイゼーションのバンドを示すが(lane H)、それに対応するバンドはヒトの第4染色体を含むハイブリッド細胞株についてのみ見られた。従ってこのGSは第4染色体上に位置する。

クローンs650 (GS000041; 図17) は、EcoRI+BamHI で切断したメンブレン上で特有の7.5kb のバンドを示し、12番染色体上に割り当てられた。しかしながら、EcoRI 単独で切断したDNAではヒト特異的断片とげっし類とのクロスハイブリダイズした断片が重なったために、レーン3,4,9,13,22 にみられる単一ではあるが短い断片(1.3kb) は、チャイニーズハムスター中の相同なDNA配列を表し、他のレーンの3.3kb のバンドはマウス中の相同なDNAを表す。

クローンhm01e01(GS000181; 図18) はEcoRI 単独で切断した全ヒトDNAで2本のバンドを示し、それに対応するバンドはレーン1と2で見られた。



従って、この遺伝子ファミリーの二つのメンバーがこの2本の染色体上に位置している。

図19はクローンc13a08 (GS000055) がBamHI+BglII あるいはEcoRI+BglII で切断した全DNAに対して4本のバンドを含むことを示している。一方、EcoRI 単独あるいはEcoRI+BamHI で切断したヒトDNAでは2本しかバンドはみられない。従って、BamHI とBglII とで切断したDNAのパネルをこのクローンに用いた。2本のバンド(12.3kb,7.5kb)がレーン7に見られ、5.2kbのバンドはレーン2、3.2kbのバンドはレーン17に見られた。チャイニーズハムスターDNAとクロスハイブリダイズする2本のバンド(6.0kb,3.8kb)はレーン3,4,9,13,22にみられ、マウスのDNAとクロスハイブリダイズする単一のバンド(3.5kb)は他のレーンに見られた。

クローンs479 (GS000180; 図20) はEcoRI で切断した全ヒトDNAに対し4本のバンドを示した。EcoRI で切断したDNAのパネルを用いたハイブリダイゼーションの結果、10.5kbのバンドがレーン7,19に、8.5kbのバンドがレーン8に、7.8kbのバンドがレーン11,12に、3.5kbのバンドがレーン11に見られた。従って、ヒト特異的遺伝子は第7,8,11,12,19染色体中に分散している。この中で、10.5kbと7.8kbのバンドは2つの大きさの重なったDNA断片よりなる。レーンHにみられるように、これらの重複した断片のバンドは通常のコントロールよりも濃い。レーンH中及びレーン11中の3.5kbのバンドも濃いことから、このバンドも重複した断片からなることを示唆している。

クローンs173 (GS000094) はEcoRI で切断した全DNAで5本のバンドを示す(図21)。4本のそれに対応した断片は4.5kbのバンドの一つをレーン1に含んでいた。もう一つの4.5kbのバンドはレーン4でみられ、レーンH中のバンドが重複していることを示している。さらに、濃い3.1kbのバンドがレーン17でみられた。

クローンhm01g02(junk; 図22) は全DNAと単一染色体とのハイブリッドで多数のバンドがみられた。このクローンは多重関連遺伝子ファミリーを表し

ているに違いない。また、このクローンは齧歯類の相同遺伝子と保存された配列をもち多数のバンドを生じる。大部分のヒト特異的及び齧歯類のバンドは重複するので、染色体のマッピングはできなかった。制限酵素の組合せを変えても重複した断片の解析はできなかった。

160 種類のGSについての全ゲノムDNA解析及び染色体へのマッピングの結果を図23～26に要約した。4種類の異なった切断を行ったヒトDNAを用いた全ゲノムDNA解析から、67クローンが1本のバンドのグループに、41クローンが2本のバンドのグループに、10クローンが3本のバンドのグループに、7クローンが4本のバンドのグループに、19クローンが5本以上のバンドのグループに分類された。9クローンは今回のハイブリダイゼーションの条件ではバンドがみられなかった。

2本のバンドのグループ中のクローンの割当から、そのうち15クローンにおいて2つの遺伝子が異なった染色体上に位置しており、クローンs317を含む遺伝子は同一染色体上に位置することが示された。3本のバンドのグループのクローンs308 (GS000412) とs401 (GS000224) は、2本の断片が同一染色体上に位置しており、クローンhm05g02 (GS000209) とsl7a10 (GS000294) は異なった染色体上に位置することを示した。4本以上のバンドがみられるクローンは染色体中で比較的分散した分布を示した。なお、実施例9において「junk」とは、GSと同じ方法でクローニングされたDNA断片であるが、GS番号が付与されなかったものである。

#### [実施例10：GSを用いた遺伝子のクローニング]

[実施例10A. 酵母リボソームタンパク質S28 (yeast ribosomal protein S28) のヒトにおけるホモログをコードする完全長cDNAのクローニング -GSの一部からなるプライマーを用いたPCR法による完全長cDNAのクローニング (1) -]

「HUMGS00500の相補鎖と実質的に同一なDNAの一部からなるプライマー」

(5'-TGAAAATTTATTACTACAGTGTTCACCA-3' (配列番号: 7839)) と「cDNAの5'末端側に位置するベクター (pSPORT) 配列に相補的なプライマー」 (5'-TAATACGACTCACTATAGGG-3' (配列番号: 7840)) とで、HepG2 cDNAライブラリーに対してPCR増幅を行い、酵母リボソームタンパク質S28 (yeast ribosomal protein S28) のヒトにおけるホモログをコードする完全長のcDNAをクローニングした (Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4394, 1993)。

〔実施例10B. ラットリボソームタンパク質L9 (rat ribosomal protein L9) のヒトにおけるホモログをコードする完全長cDNAのクローニング -GSの一部からなるプライマーを用いたPCR法による完全長cDNAのクローニング (2) -〕

「HUMGS00418の相補鎖と実質的に同一なDNAの一部からなるプライマー」 (5'-CTTCTTTCTGTAGCCAGGTAAGTCT-3' (配列番号: 7841)) と「cDNAの5'末端側に位置するベクター (pSPORT) 配列に相補的なプライマー」 (5'-TAATACGACTCACTATAGGG-3' (配列番号: 7840)) とで、HepG2 cDNAライブラリー (前出) に対してPCR増幅を行い、ラットリボソームタンパク質L9 (rat ribosomal protein L9) のヒトにおけるホモログをコードする完全長cDNAをクローニングした (Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4395, 1993)。

〔実施例10C. ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質 (phosphatidylethanolamine-binding protein) のヒトにおけるホモログをコードする完全長cDNAのクローニング -GSの一部からなるプローブを用いたハイブリダイゼーション法による完全長cDNAのクローニング-〕

「HUMGS00421の一部からなるプローブ」 (5'-GATCGTTCTTCATGGCGCTAAGAAAAGCTGCTCTGGAGTTGCTGAATGTTGCATTAATTGTCCTGTTTCTTGTAGTTGAATAAAAAATAGAAACCTGAATGAAGAAA-3' (配列番号: 7838)) を用い、ハイブリダイゼーション法によって、

ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質 (phosphatidylethanolamine-binding protein) のヒトにおけるホモログをコードする完全長の cDNA をクローニングした (Hori et al., Gene 140:293, 1994)。

### [実施例10D. ヒトのMplリガンド

-GSを用いたヒトMpl-リガンドcDNAのクローニング-]

本実施例は、5'RACEの改良法である5'SLIC (single ligation to single stranded cDNA) 法を用いている。5'SLIC法については「Nucleic Acids Res., 19, Vol. 19, p. 5227-5232 (1991)」に記載されている。

#### ① cDNAの逆転写とアンカーの付加

鋳型は、5'-AmpliFinder<sup>TM</sup>キット (東洋紡績株式会社) の試薬を用い、添付されているプロトコールに従って作製された。即ち、2 $\mu$ g のヒト胎児肝臓 polyA<sup>+</sup> RNA (CLONTECH Laboratories, Inc. 社より購入) に、遺伝子情報配列 (GS) HUMGS02342 の最も3'側に対応する配列 5'-TTTTCGGCGCTCCCATTATTCCTT-3' (配列番号: 7842) からなるプライマーであるPA-6プライマーを10 $\mu$ mol加えて混合し、65℃で5分間加温し変性させた。AMW 逆転写酵素、RNaseインヒビター、dNTP混合物、反応緩衝液、及び熱変性した試料を混合し、52℃で30分加温することによりcDNAの合成を行った。次いで、EDTAを混合物に加えることにより反応を停止させた。NaOHを反応混合物に加え、65℃で30分加温することにより混在するRNAを加水分解し、酢酸で反応液を中和した。この中和溶液にガラスビーズ (GENO-BIND<sup>TM</sup>) とNaIを加えて、溶液中のcDNAをガラスビーズに吸着させた。ビーズに吸着させたcDNAは、80% エタノール水溶液で洗浄した後、蒸留水50 $\mu$ l中に溶出した。精製cDNA溶液にグリコーゲンを加え、cDNAをエタノールで沈殿し、蒸留水6 $\mu$ lに再懸濁した。この懸濁液2.5 $\mu$ lをキットに添付されているAmpliFINDER アンカー (5'-CACGAATTCACCTATCGATTCTGGAACCTTCAGAGG-NH<sub>2</sub>-3' (配列番号: 7843)) 4 $\mu$ mol、T4RNAリガーゼ、及びligation緩衝液を含む

溶液に加えた。反応混合物を室温で一晩反応させることにより、反応混合物中の AmpliFINDER アンカープライマーは、cDNAの3'末端に連結された。連結された生成物は、次いで、以後のPCRの鋳型として使用された。

## ②PCR (Polymerase Chain Reaction) による増幅

一次PCRは、前記①に記載の操作により作製された鋳型、アンカープライマー (5'-CTGGTTCGGCCACCTCTGAAGGTTCCAGAATCGATAG-3' (配列番号: 7846))、及び、配列5'-CTCGCTCGCCCATCCTTATACAGGCTCAGTTTTGTCT-3' (配列番号: 7844) からなるPA-5プライマーを用いて行われた。即ち、鋳型 1  $\mu$ l を、Taq DNA ポリメラーゼ (宝酒造株式会社、Code No. R001A)、dNTP混合物、PCR緩衝液、PA-5プライマー、及びアンカープライマーを各10 pmol と混合した。その反応混合物を蒸留水で、最終容量50  $\mu$ l に希釈し、PCRはDNA Thermal Cycler 480 (Perkin Elmer Cetus Corp.) を用いて行った。反応混合物を94℃ 1分間、63℃ 1分間、72℃ 3分と連続して加温するサイクル40回のPCRにかけ、最後のPCRでは、72℃で更に8分間加温した。PCRの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行ったところ、PCRの生成物に相当する長さ約800 bp 対の幅広いバンドが検出された。検出されたバンドはアガロースゲルから切出し、そこに含まれるDNAは、Sephaglas Bandprep Kit<sup>TM</sup> (Pharmacia Corp.) を用い、キットに添付されているプロトコールに従って回収された。即ち、ゲルをNaI 溶液に溶解し、その混合物を60℃で10分間加温した。ゲル混合物にSephaglas<sup>TM</sup> BP を加え、DNAをそこに含まれるガラスビーズに吸着させた。次いで、吸着されたDNAを含むガラスビーズは、キットに添付されているWash緩衝液で3回洗浄し、TE緩衝液 (10 mM Tris-HCl pH 8.0, 1 mM EDTA) 30  $\mu$ l に溶出させた。

溶出したDNAの1  $\mu$ l を2次PCRの鋳型として用いた。2次PCRでは特異性を高めるため、5'-CTCGCTCGCCCATGTATAGGGACAGCATTTCTGAGAG-3' (配列番号: 7845) の配列からなり、鋳型配列内でPA-5プライマーの内側に位置するPA-4プライマーとアンカープライマーを用いて反応を行った。即ち、1  $\mu$ l の鋳型を、Ta

q DNA ポリメラーゼ (宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A) 2.5 ユニット、dNTP混合物、PCR緩衝液、及び、PA-4プライマー、アンカープライマーを各々 10 pmol と混合した。その反応混合物を蒸留水で希釈して最終容量50  $\mu$ l とし、94℃ 6分前加温した後、前記①に記載の一次PCRと同じ条件下で二次PCRを行った。二次PCRの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行ったところ、再び長さ約800 塩基対の幅広いバンドが検出された。検出されたバンドは、アガロースゲルから切出し、それに含まれるDNAを前記①に記載の一次PCRと同じ条件下で精製した。

### ③プラスミドベクターへのサブクローニング

二次PCRの精製DNAは、SureClone<sup>TM</sup> Ligation Kit (ファルマシア社より購入) を用い、キットに添付されているプロトコールに従い、プラスミドベクター pUC18 (ファルマシア社より購入) にサブクローニングされた。即ち、精製したDNAを、Klenow ポリメラーゼ、ポリヌクレオチドキナーゼ、及び反応緩衝液を含む溶液に加え、混合し、37℃で30分加温して、反応混合物に含まれるDNA分子の平滑末端化と5'末端のリン酸化を行った。この平滑末端化とリン酸化をされたDNAを、Ligationキットに添付されている、脱リン酸化され、Sma I で切断されたpUC 18ベクターの50 ng、T4 DNA リガーゼ、DTT 及び ligation 緩衝液を含む溶液に加え、この混合物 16℃で、3 時間保温した。反応溶液の 1/6容によって、常法により、コンピテント細胞化した大腸菌(E. coli) を形質転換した。即ち、凍結したコンピテント細胞化した大腸菌 (和光純薬工業より購入) を融解し、連結されたDNAと混合した。その混合物を氷上に20分放置し、42℃で45秒熱処理してから、氷上で2 分放置した。培養液[Hi-Competence Broth (和光純薬工業より購入)] を、形質転換された大腸菌を含む混合物に加えた。この混合物を、37℃で1 時間インキュベートし、100  $\mu$ g/mlのアンピシリン、40  $\mu$ g/mlのX-Gal (6-bromo-4-chloro-3-indolyl- $\beta$ -D-galactoside)、0.1 mMのIPTG (isopropyl- $\beta$ -D-thiogalactopyranoside) を含むアガープレートに撒き、37

℃で一晩培養した。その結果、アガープレート上に現れたコロニーの中から、白いコロニーを選び、PCRによりDNA挿入断片の有無を検定した。即ち、選択したコロニーを、1ユニットのTaq DNA ポリメラーゼ、dNTP混合物、PCR緩衝液、及び、それぞれ、200  $\mu$ Mの5'-CCAGGGTTTTCCCAGTCACGAC-3'の配列（配列番号：7847）からなるM13 P4-22 プライマーと5'-TCACACAGGAAACAGCTATGAC-3'の配列（配列番号：7848）からなるM13 P5-22 プライマーを含む反応液50  $\mu$ l に加え、PCRを行った。ここで、両プライマーは、pUC 18 ベクターに相補的な配列からなっている。この混合物を94℃で6分加温してから、試料を連続して94℃で1分、55℃で1分、及び72℃で2分インキュベートすることからなるサイクル30回のPCRにかけた。増幅された挿入断片は、アガロースゲル電気泳動により検出され、挿入断片を含むクローンpR02342-2 が選択された。

#### ④ cDNAの配列決定

プラスミドDNAは、QIAprep-Spinキット（フナコシより購入）を用い、キットに添付されている一般的なアルカリ-SDSプロトコールに従って調製された。即ち、クローンpR02342-2 のDNAで形質転換された大腸菌細胞を、100  $\mu$ g/mlのアンピシリンを含むLuria Broth 培地で、一晩培養した。次いで、培養細胞は遠心分離してペレットにし、キットに添付のP1溶液に再懸濁した。この菌懸濁液にキットのアルカリ溶液であるP2溶液を加え、室温で5分インキュベートしてキットのN3溶液で中和し、氷上でさらに5分インキュベートしてから遠心した。遠心された溶液から得られた上清をQIAprep-Spinカラムにかけた。次いで、Spinカラムを先ず、キットのPB溶液、次いPE溶液で洗浄し、DNAはTE緩衝液によりカラムから溶出された。次いで、溶出されたDNAの配列決定は、配列決定キット、PRISM<sup>TM</sup> Terminator Mix (Applied Biosystem Corp.) を用いて行った。約1  $\mu$ gの精製DNAを3.3 pmolのM13 P4-22 プライマー、或いはM13 P5-22 プライマーと9.5  $\mu$ lのPRISM<sup>TM</sup> Terminator Mix を含む溶液と混合した。M13 P4-22 及びM13 P5-22 プライマーは、クローンpR02342-2 のDNA挿入断片の両端の鎖の

配列を決定するため用いられた。この反応混合物は、蒸留水で最終容量20  $\mu$ l に稀釈し、各サイクルが、試料を96℃で30秒、50℃で15秒及び60℃で4 分の連続インキュベーションであるPCRを25回行った。反応混合物中に存在する過剰のプライマー及び蛍光色素を、MicoSpin<sup>TM</sup> S-200 HR カラム（ファルマシア社より購入）を用いたゲル濾過により除去し、DNAをEtOH沈澱により回収した。このDNAを自動シーケンサー“モデル373A”（Applied Biosystem Corp.）を用いて解析し、ヌクレオチド配列を決定した。

ヌクレオチド配列の分析により、クローンpR02342-2 の挿入断片は、PA-4を含んで 608塩基対の長さであることが判明した。この挿入断片の配列は、Gen Bank データベースでホモロジー検索を行ったところ、ヒトのmpl-リガンドをコードするcDNA（アクセッション番号 L33410、Nature 369, 533-538, 1994）の配列と、100%一致することが見いだされた。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片を、ヒトのmpl-ligandのcDNA配列と比較した結果、クローン化された挿入断片は、Open Reading Frameの3'末端の81塩基対を含むことが判明した。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片の3'末端側には、Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl-リガンドのcDNA配列には存在しない配列が見出された。このことは、GS HUMGS02342 を用いて、Gen Bank アクセッション番号L33410で登録されているヒトmpl-リガンドのcDNAとは異なり、且つ、さらに望ましい性質を持つ可能性のあるcDNA、クローンpR02342-2 のクローニングに成功したことを示唆するものである。

#### ⑤完全長のヒトmpl-リガンドをコードするcDNAのクローニング

好適なPCRプライマーを見つけるために、適切なコンピュータプログラムを用いて、クローンpR02342-2 の配列を探索し、プライマーPA-7を設計し、合成する。前記②に記載のPCRと同様のPCRを、前記①に記載の操作に基づいて作製する鋳型、アンカープライマー、及びPA-7プライマーを用いて行う。即ち、1  $\mu$ l の鋳型を、2.5 ユニットのTaq DNA ポリメラーゼ（宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A）、dNTP混合物、PCR緩衝液、及びPA-7プライマーとアンカー



プライマー各10 pmol と混合する。この反応混合物を、蒸留水で希釈して最終容量50  $\mu$ l とし、DNA Thermal Cycler 480 (Perkin Elmer Cetus Corp.) を用い、前記②に記載の条件と同様の条件下でPCRを行う。次いで、PCR生成物を、1%アガロースゲルで電気泳動し、PCRの産物に相当する長さ1300塩基対よりも大きなバンドが回収され、前記③に記載されたのと同様の方法で、適当なベクターにクローニングされる。クローン化されたDNAは、前記④に記載されたのと同様の方法で配列が決定される。次いで、この配列は、Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl-リガンドcDNAの配列と比較され、完全長のOpen Reading Frameの存在を確認する。

一方、Takara La PCR キット (宝酒造株式会社、Code No. RR011)を用いて、キットに添付のプロトコールに従い、前記②と同様のプライマーを使用した5' RACE法を行ったところ、ヒトmpl-リガンドに相当する長さ約2Kb のcDNAが単離できた。

以下、本願発明に係る発現頻度の表とGSの配列を記した配列表を示すが、この配列表において、クローン名「HUMGS. . . . .」は、GSナンバーを表わす。なお、配列表に記載された塩基配列中のNは「A又はC又はG又はT若しくはU」を表す。但し配列表に記載された核酸はDNAであるので「T若しくはU」はTを意味する。

本願発明によって、種々の細胞における「発現情報」が付加され、細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができるDNA及び医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたDNAが提供された。



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
22	00023	00021	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
23	00026	00022	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
24	00028	00023	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
25	00029	00024	5	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	90.8	534	1	520	1431
26	00030	00025	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
27	00031	00026	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
28	00033	00027	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
29	00034	00028	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
30	00036	00029	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
31	00037	00030	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
32	00038	00031	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
33	00039	00032	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
34	00040	00033	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
35	00041	00034	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
36	00042	00035	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
37	00043	00036	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
38	00044	00037	9	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
39	00045	00038	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
40	00046	00039	5	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
41	00047	00040	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
42	00048	00041	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
43	00049	00042	10	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
44	00050	00043	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
45	00051	00044	16	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
46	00053	00045	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
47	00055	00046	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
48	00056	00047	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
49	00057	00048	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
50	00060	00049	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
51	00061	00050	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
52	00062	00051	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
53	00064	00052	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
54	00065	00053	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
55	00066	00054	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
56	00067	00055	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
57	00068	00056	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
			4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
														2																			

表2

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
58	00069	00057	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1	0	M34664	92.4	344	1	1484	2202	
59	00070	00058	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
60	00071	00059	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
61	00072	00060	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
62	00073	00061	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
63	00074	00062	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
64	00075	00063	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
65	00076	00064	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
66	00077	00065	34	1	3	2	5	1	0	0	2	2	0	1	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
67	00078	00066	12	1	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
68	00079	00067	2	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
69	00080	00068	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
70	00081	00069	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
71	00082	00070	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
72	00083	00071	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
73	00084	00072	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
74	00085	00073	26	5	3	1	0	0	0	1	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
75	00086	00074	4	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
76	00087	00075	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
77	00088	00076	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
78	00089	00077	33	1	3	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
79	00090	00078	1	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
80	00091	00079	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
81	00092	00080	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
82	00093	00081	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
83	00094	00082	9	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
84	00095	00083	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
85	00096	00084	62	6	5	4	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
86	00097	00085	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
87	00098	00086	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
88	00099	00087	9	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
89	00100	00088	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
90	00101	00089	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
91	00102	00090	44	2	4	0	0	0	0	0	1	6	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
92	00103	00091	4	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
93	00104	00092	2	1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表3

51

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
130	00143	00129	5	2	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0				
131	00144	00130	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
132	00145	00131	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
133	00146	00132	8	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
134	00147	00133	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
135	00148	00134	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
136	00149	00135	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
137	00150	00136	17	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
138	00151	00137	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
139	00152	00138	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
140	00153	00139	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
141	00154	00140	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
142	00155	00141	81	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
143	00156	00142	20	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
144	00157	00143	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
145	00158	00144	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
146	00159	00145	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
147	00160	00146	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
148	00161	00147	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
149	00162	00148	47	1	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
150	00163	00149	30	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
151	00164	00150	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
152	00165	00151	3	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
153	00166	00152	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
154	00167	00153	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
155	00168	00154	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
156	00169	00155	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
157	00170	00156	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
158	00171	00157	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
159	00172	00158	14	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
160	00173	00159	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
161	00174	00160	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
162	00175	00161	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
163	00176	00162	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
164	00177	00163	18	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
165	00178	00164	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				

表5

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
166	00179	00165	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
167	00180	00166	7	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
168	00181	00167	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
169	00182	00168	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
170	00183	00169	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34671	99	97	1	1575	1671
171	00184	00170	4	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
172	00185	00171	13	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
173	00186	00172	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
174	00187	00173	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
175	00188	00174	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
176	00189	00175	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
177	00190	00176	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
178	00191	00177	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
179	00192	00178	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
180	00193	00179	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
181	00194	00180	34	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
182	00195	00181	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
183	00196	00182	67	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
184	00197	00183	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
185	00198	00184	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
186	00199	00185	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
187	00200	00186	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
188	00201	00187	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
189	00202	00188	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
190	00203	00189	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
191	00204	00190	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
192	00205	00191	5	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
193	00206	00192	7	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
194	00207	00193	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
195	00209	00194	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
196	00210	00195	14	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
197	00211	00196	128	8	24	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
198	00212	00197	16	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
199	00213	00198	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
200	00215	00199	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
201	00216	00200	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表6





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
238	00254	00237	38	1	0	0	0	2	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	20	0	0	M24096	98.1	214	1	1152	1365
239	00255	00238	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
240	00256	00239	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
241	00257	00240	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
242	00258	00241	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
243	00259	00242	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
244	00260	00243	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
245	00261	00244	17	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
246	00262	00245	50	2	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
247	00263	00246	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
248	00264	00247	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
249	00265	00248	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
250	00266	00249	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
251	00267	00250	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
252	00268	00251	5	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
253	00269	00252	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
254	00270	00253	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
255	00271	00254	24	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
256	00272	00255	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
257	00273	00256	119	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
258	00274	00257	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
259	00275	00258	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
260	00276	00259	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
261	00277	00260	36	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
262	00278	00261	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
263	00279	00262	10	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
264	00280	00263	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
265	00281	00264	8	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
266	00282	00265	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
267	00283	00266	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
268	00284	00267	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
269	00285	00268	89	6	14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
270	00286	00269	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
271	00287	00270	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
272	00288	00271	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
273	00289	00272	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表8

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK		
274	00290	00273	85	5	9	3	8	4	2	1	1	1	7	4	1	4	5	0	2	6	5	3	6	1	0	2	0	0	X66699	99.5	184	1	163	349	
275	00291	00274	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	6	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0		
276	00292	00275	49	4	12	1	0	0	0	1	4	6	4	0	0	0	0	0	5	1	0	1	0	1	0	0	0	0	M60854	100	181	1	358	538	
277	00293	00276	74	6	13	1	6	2	4	3	3	2	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	5	0	11	0	0	0	0	0	0	0	
278	00294	00277	5	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
279	00295	00278	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
280	00296	00279	8	1	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M86737	100	183	1	2641	2839		
281	00297	00280	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
282	00298	00281	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
283	00299	00282	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
284	00300	00283	24	2	1	0	2	0	1	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M37104	98.3	179	1	294	471	
285	00301	00284	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
286	00302	00285	4	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
287	00303	00286	17	2	2	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L09260	96	176	1	1141	1322	
288	00304	00287	48	2	1	2	2	1	0	1	1	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M26880	99.4	175	1	2088	2309	
289	00305	00288	46	1	6	0	2	2	3	1	2	1	4	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
290	00306	00289	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
291	00307	00290	4	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
292	00308	00291	10	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00052	96.7	183	1	542	723	
293	00309	00292	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
294	00310	00293	6	1	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
295	00311	00294	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M72709	98.8	85	1	1634	1717	
296	00312	00295	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
297	00313	00296	17	1	0	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
298	00314	00297	45	1	3	1	3	0	1	1	5	1	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00472	96.8	63	1	767	829	
299	00315	00298	21	3	4	1	0	0	1	0	1	3	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06617	96.4	168	1	378	543	
300	00316	00299	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L06498	99.4	161	1	345	505	
301	00317	00300	10	1	0	0	0	3	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
302	00320	00301	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
303	00322	00302	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
304	00323	00303	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
305	00325	00304	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
306	00327	00305	20	1	3	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
307	00328	00306	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03342	96.4	169	1	328	505	
308	00329	00307	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
309	00330	00308	8	1	0	2	3	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表9

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
310	00331	00309	6	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	98.8	165	1	554	733
311	00332	00310	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.1	157	1	1375	1532
312	00333	00311	16	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
313	00334	00312	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
314	00335	00313	86	1	16	4	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
315	00336	00314	47	1	2	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
316	00337	00315	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
317	00338	00316	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
318	00339	00317	13	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
319	00340	00318	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
320	00341	00319	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
321	00342	00320	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
322	00343	00321	12	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
323	00344	00322	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
324	00346	00323	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
325	00347	00324	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
326	00348	00325	10	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
327	00349	00326	29	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
328	00350	00327	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
329	00351	00328	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
330	00352	00329	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
331	00353	00330	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
332	00354	00331	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
333	00355	00332	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
334	00356	00333	43	1	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
335	00357	00334	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
336	00358	00335	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
337	00359	00336	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
338	00360	00337	19	2	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
339	00361	00338	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
340	00362	00339	19	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
341	00363	00340	29	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
342	00364	00341	632	17	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
343	00365	00342	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
344	00366	00343	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
345	00367	00344	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表10

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
346	00368	00345	11	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	M31627	98.6	141	1	1657	1818
347	00369	00346	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10379	98.6	142	1	1581	1725
348	00370	00347	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
349	00372	00348	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
350	00373	00349	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
351	00374	00350	10	1	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
352	00375	00351	36	2	1	3	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
353	00376	00352	21	2	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
354	00377	00353	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
355	00378	00354	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
356	00379	00355	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
357	00380	00356	47	1	12	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
358	00381	00357	22	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
359	00382	00358	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
360	00383	00359	28	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
361	00384	00360	10	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
362	00385	00361	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
363	00386	00362	6	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
364	00387	00363	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
365	00388	00364	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
366	00389	00365	4	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
367	00390	00366	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
368	00391	00367	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
369	00392	00368	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
370	00393	00369	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
371	00394	00370	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
372	00395	00371	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
373	00396	00372	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
374	00397	00373	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
375	00398	00374	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
376	00399	00375	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
377	00400	00376	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
378	00401	00377	16	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
379	00402	00378	39	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
380	00403	00379	21	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
381	00404	00380	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表11

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
382	00405	00381	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
383	00406	00382	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
384	00407	00383	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
385	00408	00384	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
386	00409	00385	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
387	00410	00386	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
388	00411	00387	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
389	00412	00388	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
390	00413	00389	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
391	00414	00390	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
392	00415	00391	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
393	00416	00392	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
394	00417	00393	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
395	00418	00394	116	5	22	1	13	1	5	1	0	10	10	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
396	00419	00395	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
397	00420	00396	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
398	00421	00397	13	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
399	00422	00398	16	1	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
400	00423	00399	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
401	00424	00400	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
402	00425	00401	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
403	00426	00402	13	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
404	00427	00403	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
405	00428	00404	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
406	00429	00405	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
407	00430	00406	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
408	00431	00407	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
409	00433	00408	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
410	00434	00409	13	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
411	00435	00410	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
412	00436	00411	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
413	00437	00412	34	5	4	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
414	00438	00413	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
415	00439	00414	9	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
416	00440	00415	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
417	00441	00416	4	2	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表12

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
418	00442	00417	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
419	00443	00418	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
420	00444	00419	71	6	10	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M81757	98.9	90	1	410	510
421	00445	00420	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
422	00446	00421	4	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
423	00447	00422	38	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
424	00448	00423	17	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X69391	96.5	86	1	841	926
425	00450	00424	30	3	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
426	00451	00425	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
427	00453	00426	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
428	00454	00427	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
429	00455	00428	10	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
430	00456	00429	18	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
431	00457	00430	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
432	00458	00431	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
433	00459	00432	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L07493	97.5	79	1	395	692
434	00460	00433	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
435	00461	00434	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
436	00462	00435	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
437	00463	00436	26	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
438	00464	00437	18	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X02152	94.7	76	1	1587	1661
439	00465	00438	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D13630	98.6	74	1	2925	2998
440	00466	00439	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X17644	96	75	1	2513	2587
441	00467	00440	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
442	00468	00441	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
443	00469	00442	6	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
444	00470	00443	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
445	00471	00444	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
446	00473	00445	10	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
447	00474	00446	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
448	00475	00447	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X16354	100	71	1	3387	3464
449	00477	00448	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
450	00478	00449	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
451	00479	00450	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
452	00480	00451	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
453	00481	00452	24	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表13

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
454	00482	00453	7	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
455	00483	00454	5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0
456	00484	00455	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
457	00485	00456	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
458	00486	00457	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
459	00487	00458	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
460	00488	00459	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
461	00489	00460	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
462	00491	00461	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
463	00493	00462	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
464	00494	00463	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
465	00495	00464	12	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
466	00496	00465	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
467	00497	00466	11	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
468	00498	00467	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
469	00500	00468	54	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
470	00503	00469	8	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
471	00504	00470	56	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
472	00505	00471	7	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
473	00506	00472	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
474	00507	00473	9	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
475	00510	00474	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
476	00511	00475	7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
477	00532	00476	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
478	00533	00477	44	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
479	00534	00478	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
480	00535	00479	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
481	00536	00480	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
482	00537	00481	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
483	00538	00482	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
484	00539	00483	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
485	00540	00484	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
486	00541	00485	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
487	00542	00486	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
488	00543	00487	65	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
489	00544	00488	5	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表14

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
490	00545	00489	36		3	0	2	0	0	2	1	2	3	0	1	3	1	1	0	2	1	0	1	1	3	0	7	1	M94314	93.4	439	1	75	556
491	00546	00490	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
492	00547	00491	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
493	00548	00492	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
494	00549	00493	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
495	00551	00494	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
496	00552	00495	4		1	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
497	00553	00496	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
498	00554	00497	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
499	00555	00498	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
500	00556	00499	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
501	00557	00500	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
502	00558	00501	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
503	00560	00502	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
504	00561	00503	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
505	00562	00504	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
506	00564	00505	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
507	00565	00506	70		4	2	5	0	1	1	1	1	1	4	5	1	1	0	4	6	2	0	2	0	0	0	0							
508	00567	00507	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
509	00568	00508	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
510	00569	00509	10		1	0	1	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
511	00571	00510	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
512	00572	00511	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
513	00573	00512	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
514	00574	00513	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
515	00575	00514	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
516	00576	00515	3		1	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
517	00577	00516	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
518	00578	00517	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
519	00579	00518	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
520	00580	00519	2		1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0							
521	00581	00520	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
522	00582	00521	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
523	00583	00522	34		2	5	3	0	0	1	3	1	1	0	2	0	0	0	0	2	1	0	1	0	0	0	0							
524	00584	00523	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
525	00585	00524	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

表15



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
526	00586	00525	6		1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	X07674	95.5	396	1	2559	2970
527	00589	00526	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
528	00590	00527	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
529	00591	00528	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
530	00592	00529	15		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M96954	97.2	351	1	1045	1401
531	00593	00530	6		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M84643	96.7	331	1	174	506
532	00594	00531	17		3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
533	00595	00532	4		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M14199	99.7	341	1	136	475
534	00596	00533	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00282	98.5	344	1	1968	2509
535	00597	00534	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
536	00598	00535	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
537	00599	00536	4		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
538	00600	00537	12		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
539	00601	00538	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
540	00602	00539	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
541	00603	00540	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
542	00604	00541	4		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
543	00606	00542	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
544	00607	00543	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
545	00608	00544	22		5	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	U02619	93.3	193	1	6800	6996
546	00609	00545	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z11566	99.1	321	1	878	1640
547	00610	00546	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
548	00611	00547	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
549	00612	00548	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
550	00614	00549	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
551	00615	00550	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X67688	96.5	318	1	1735	2106
552	00616	00551	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
553	00617	00552	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
554	00618	00553	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
555	00619	00554	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
556	00620	00555	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
557	00621	00556	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
558	00622	00557	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
559	00623	00558	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
560	00624	00559	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
561	00625	00560	4		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表16

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
562	00626	00561	4		2	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
563	00627	00562	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
564	00628	00563	4		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
565	00629	00564	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
566	00630	00565	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
567	00631	00566	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
568	00632	00567	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
569	00633	00568	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
570	00634	00569	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
571	00635	00570	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
572	00636	00571	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
573	00637	00572	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
574	00638	00573	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
575	00639	00574	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
576	00640	00575	10		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
577	00641	00576	8		2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
578	00642	00577	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
579	00643	00578	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
580	00644	00579	24		5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
581	00645	00580	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
582	00646	00581	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
583	00647	00582	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
584	00648	00583	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
585	00649	00584	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
586	00650	00585	52		14	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
587	00651	00586	9		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
588	00652	00587	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
589	00653	00588	13		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
590	00654	00589	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
591	00656	00590	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
592	00657	00591	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
593	00658	00592	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
594	00659	00593	6		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
595	00661	00594	9		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
596	00662	00595	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
597	00663	00596	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表17

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BE	BF	BG	BH	BI	BK
598	00664	00597	3		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
599	00665	00598	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
600	00666	00599	5		1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
601	00667	00600	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
602	00668	00601	8		2	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
603	00669	00602	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
604	00670	00603	12		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
605	00671	00604	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
606	00672	00605	7		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
607	00673	00606	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
608	00674	00607	5		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
609	00675	00608	31		4	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
610	00676	00609	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
611	00677	00610	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
612	00678	00611	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
613	00679	00612	15		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
614	00680	00613	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
615	00681	00614	7		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
616	00682	00615	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
617	00683	00616	20		1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
618	00684	00617	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
619	00685	00618	18		2	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
620	00686	00619	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
621	00687	00620	16		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
622	00689	00621	40		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
623	00690	00622	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
624	00691	00623	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
625	00692	00624	6		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
626	00693	00625	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
627	00694	00626	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
628	00695	00627	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
629	00696	00628	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
630	00697	00629	7		2	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
631	00698	00630	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
632	00699	00631	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0</										

表 18

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
634	00701	00633	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
635	00702	00634	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
636	00703	00635	17		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
637	00704	00636	45		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
638	00705	00637	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
639	00706	00638	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
640	00707	00639	10		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
641	00708	00640	32		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
642	00710	00641	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
643	00711	00642	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
644	00712	00643	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
645	00713	00644	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
646	00714	00645	13		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
647	00715	00646	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
648	00716	00647	48		5	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
649	00717	00648	6		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
650	00718	00649	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
651	00719	00650	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
652	00720	00651	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
653	00721	00652	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
654	00722	00653	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
655	00723	00654	11		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
656	00725	00655	10		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
657	00726	00656	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
658	00727	00657	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
659	00728	00658	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
660	00729	00659	7		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
661	00730	00660	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
662	00731	00661	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
663	00732	00662	47		6	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
664	00733	00663	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
665	00734	00664	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
666	00735	00665	11		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
667	00736	00666	2		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
668	00737	00667	3		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
669	00738	00668	6		1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表 19

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
670	00739	00669	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
671	00740	00670	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
672	00741	00671	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
673	00742	00672	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
674	00743	00673	54		7	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
675	00745	00674	4		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
676	00746	00675	13		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
677	00747	00676	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
678	00748	00677	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
679	00749	00678	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
680	00750	00679	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
681	00751	00680	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
682	00752	00681	4		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
683	00753	00682	6		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
684	00754	00683	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
685	00755	00684	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
686	00757	00685	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
687	00758	00686	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
688	00759	00687	25		4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
689	00760	00688	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
690	00761	00689	10		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
691	00762	00690	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
692	00763	00691	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
693	00764	00692	6		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
694	00765	00693	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
695	00766	00694	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
696	00768	00695	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
697	00769	00696	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
698	00770	00697	4		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
699	00771	00698	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
700	00772	00699	6		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
701	00773	00700	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
702	00774	00701	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
703	00775	00702	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
704	00777	00703	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
705	00778	00704	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0</									

表20

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
706	00779	00705	3		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X55668	92.6	149	1	824	965
707	00780	00706	3		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X70944	100	152	1	2916	3071
708	00781	00707	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
709	00782	00708	8		8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
710	00783	00709	5		5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
711	00784	00710	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
712	00785	00711	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
713	00786	00712	4		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
714	00787	00713	8		8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
715	00788	00714	4		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
716	00789	00715	3		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
717	00790	00716	5		5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
718	00791	00717	6		6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
719	00792	00718	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
720	00793	00719	3		3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
721	00794	00720	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
722	00795	00721	42		42	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
723	00796	00722	2		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
724	00797	00723	36		36	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
725	00798	00724	4		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
726	00799	00725	13		13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
727	00800	00726	6		6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
728	00801	00727	9		9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
729	00802	00728	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
730	00803	00729	7		7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
731	00804	00730	5		5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
732	00805	00731	6		6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
733	00806	00732	7		7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
734	00807	00733	23		23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
735	00808	00734	8		8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
736	00809	00735	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
737	00810	00736	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
738	00811	00737	4		4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
739	00813	00738	7		7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
740	00814	00739	8		8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
741	00815	00740	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表21

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
742	00816	00741	14		1	5	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	M33552	100	125	1	1507	1631
743	00817	00742	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
744	00818	00743	20		4	1	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
745	00819	00744	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
746	00820	00745	18		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
747	00821	00746	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
748	00822	00747	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
749	00823	00748	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
750	00824	00749	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
751	00825	00750	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
752	00826	00751	6		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
753	00827	00752	10		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
754	00828	00753	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
755	00829	00754	3		2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
756	00830	00755	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
757	00831	00756	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
758	00832	00757	6		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
759	00833	00758	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
760	00834	00759	13		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
761	00835	00760	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
762	00836	00761	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
763	00837	00762	3		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
764	00839	00763	7		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
765	00840	00764	8		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
766	00841	00765	10		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
767	00842	00766	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
768	00843	00767	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
769	00844	00768	5		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
770	00845	00769	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
771	00846	00770	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
772	00847	00771	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
773	00848	00772	12		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
774	00849	00773	2		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
775	00850	00774	12		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
776	00851	00775	14		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
777	00852	00776	1		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表22

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
778	00853	00777	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
779	00854	00778	8	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
780	00855	00779	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
781	00856	00780	4	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
782	00857	00781	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
783	00858	00782	6	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
784	00859	00783	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
785	00860	00784	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
786	00861	00785	34	6	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
787	00862	00786	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
788	00863	00787	5	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
789	00864	00788	5	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
790	00865	00789	56	9	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
791	00866	00790	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
792	00867	00791	8	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
793	00868	00792	5	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
794	00869	00793	5	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
795	00870	00794	4	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
796	00871	00795	5	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
797	00872	00796	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
798	00873	00797	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
799	00874	00798	1	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
800	00875	00799	21	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
801	00876	00800	9	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
802	00877	00801	6	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
803	00878	00802	3	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
804	00879	00803	5	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
805	00880	00804	5	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
806	00882	00805	20	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
807	00883	00806	5	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
808	00884	00807	3	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
809	00885	00808	2	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
810	00886	00809	3	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
811	00887	00810	14	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
812	00889	00811	17	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
813	00890	00812	2	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表23



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
814	00891	00813	5		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
815	00892	00814	4		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
816	00894	00815	1		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
817	00895	00816	1		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
818	00896	00817	1		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
819	00897	00818	10		2	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
820	00898	00819	3		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
821	00900	00820	27		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
822	00903	00821	3		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
823	00904	00822	8		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
824	00905	00823	3		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
825	00906	00824	2		2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
826	00908	00825	3		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
827	00910	00826	2		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
828	00911	00827	9		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
829	00912	00828	1		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
830	00913	00829	5		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
831	00914	00830	2		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
832	00915	00831	2		1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
833	00917	00832	43		3	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
834	00918	00833	1		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
835	00919	00834	7		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
836	00920	00835	4		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
837	00922	00836	9		2	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
838	00924	00837	1		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
839	00925	00838	1		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
840	00926	00839	3		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
841	00929	00840	1		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
842	00930	00841	4		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
843	00931	00842	1		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
844	00932	00843	16		1	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
845	00934	00844	34		3	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
846	00935	00845	6		1	2	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
847	00936	00846	8		2	1	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
848	00937	00847	62		1	5	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
849	00938	00848	8		1	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表24



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
886	01009	00885	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05021	96.1	438	1	2494	2930
887	01010	00886	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
888	01011	00887	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
889	01012	00888	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
890	01013	00889	5		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
891	01015	00890	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
892	01016	00891	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
893	01017	00892	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
894	01018	00893	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
895	01019	00894	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
896	01020	00895	8		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
897	01021	00896	9		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
898	01023	00897	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
899	01024	00898	6		0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
900	01025	00899	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
901	01026	00900	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
902	01027	00901	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
903	01028	00902	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
904	01029	00903	13		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
905	01030	00904	9		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
906	01032	00905	14		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
907	01033	00906	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
908	01034	00907	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
909	01035	00908	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
910	01036	00909	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
911	01037	00910	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
912	01038	00911	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
913	01039	00912	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
914	01040	00913	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
915	01041	00914	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
916	01042	00915	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
917	01043	00916	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
918	01044	00917	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
919	01045	00918	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
920	01046	00919	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
921	01047	00920	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表26

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
922	01048	00921	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	M84694	96.9	382	1	708	1089	
923	01049	00922	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
924	01051	00923	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
925	01052	00924	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
926	01053	00925	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
927	01054	00926	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M92423	90.3	380	24	3711	4221
928	01055	00927	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
929	01057	00928	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
930	01061	00929	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
931	01062	00930	8		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M74782	98.3	347	1	1115	1460
932	01063	00931	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	V00599	97.2	394	1	1011	1441
933	01064	00932	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
934	01065	00933	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
935	01066	00934	2		0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
936	01067	00935	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
937	01068	00936	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
938	01069	00937	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
939	01070	00938	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
940	01071	00939	2	</																														

表 27

75

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
994	01130	00993	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
995	01131	00994	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
996	01132	00995	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
997	01133	00996	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
998	01134	00997	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
999	01135	00998	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1000	01136	00999	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1001	01137	01000	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1002	01138	01001	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1003	01139	01002	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1004	01140	01003	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1005	01141	01004	18		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1006	01142	01005	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1007	01143	01006	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1008	01144	01007	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1009	01145	01008	7		0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1010	01147	01009	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1011	01148	01010	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1012	01149	01011	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1013	01150	01012	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1014	01151	01013	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1015	01152	01014	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1016	01153	01015	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1017	01154	01016	17		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1018	01155	01017	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1019	01156	01018	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1020	01157	01019	9		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1021	01158	01020	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1022	01159	01021	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1023	01160	01022	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1024	01161	01023	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1025	01162	01024	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1026	01163	01025	16		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1027	01164	01026	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1028	01165	01027	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1029	01167	01028	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表29

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1030	01168	01029	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X76717	98.9	275	1	21	415
1031	01169	01030	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
1032	01170	01031	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1033	01171	01032	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1034	01172	01033	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1035	01173	01034	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1036	01174	01035	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1037	01175	01036	14		0	1	2	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1038	01176	01037	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1039	01177	01038	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1040	01178	01039	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1041	01179	01040	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1042	01180	01041	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1043	01181	01042	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1044	01182	01043	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1045	01183	01044	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1046	01184	01045	7		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1047	01186	01046	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1048	01187	01047	8		0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1049	01188	01048	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1050	01189	01049	13		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1051	01191	01050	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1052	01192	01051	8		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1053	01193	01052	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1054	01194	01053	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1055	01195	01054	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1056	01196	01055	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1057	01197	01056	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1058	01198	01057	10		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1059	01199	01058	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1060	01200	01059	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1061	01201	01060	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1062	01202	01061	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1063	01203	01062	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1064	01204	01063	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1065	01205	01064	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表30

78





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1138	01283	01137	9		0	2	1	0	0	1	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	M30448	98.6	222	1	669	2527
1139	01284	01138	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1140	01285	01139	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1141	01286	01140	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1142	01287	01141	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1143	01288	01142	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1144	01289	01143	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1145	01290	01144	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1146	01291	01145	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1147	01292	01146	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1148	01293	01147	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1149	01294	01148	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1150	01295	01149	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1151	01296	01150	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1152	01297	01151	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1153	01298	01152	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1154	01299	01153	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1155	01300	01154	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1156	01301	01155	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1157	01302	01156	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1158	01303	01157	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1159	01304	01158	10		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1160	01305	01159	28		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1161	01306	01160	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1162	01307	01161	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1163	01308	01162	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1164	01309	01163	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1165	01310	01164	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1166	01311	01165	6		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1167	01312	01166	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1168	01313	01167	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1169	01314	01168	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1170	01315	01169	8		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1171	01316	01170	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1172	01317	01171	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1173	01318	01172	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表33

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
1174	01319	01173	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1175	01320	01174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1176	01321	01175	19		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1177	01322	01176	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1178	01323	01177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1179	01324	01178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1180	01325	01179	17		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1181	01326	01180	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1182	01327	01181	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1183	01328	01182	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1184	01329	01183	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1185	01330	01184	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1186	01331	01185	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1187	01332	01186	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1188	01333	01187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1189	01334	01188	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1190	01335	01189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1191	01336	01190	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1192	01337	01191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1193	01338	01192	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1194	01339	01193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1195	01340	01194	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1196	01341	01195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1197	01342	01196	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1198	01343	01197	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1199	01344	01198	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1200	01345	01199	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1201	01346	01200	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1202	01347	01201	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1203	01348	01202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1204	01349	01203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1205	01350	01204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1206	01351	01205	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1207	01352	01206	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1208	01353	01207	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1209	01354	01208	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表34

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AN	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
1210	01355	01209	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1211	01356	01210	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1212	01357	01211	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1213	01358	01212	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1214	01359	01213	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1215	01360	01214	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1216	01361	01215	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1217	01362	01216	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1218	01363	01217	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1219	01364	01218	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1220	01365	01219	4		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1221	01366	01220	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1222	01367	01221	21		0	3	1	0	0	0	3	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1223	01368	01222	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1224	01369	01223	5		0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1225	01370	01224	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1226	01371	01225	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1227	01372	01226	7		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1228	01373	01227	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1229	01374	01228	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1230	01375	01229	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1231	01377	01230	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1232	01378	01231	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1233	01379	01232	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1234	01380	01233	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1235	01381	01234	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1236	01382	01235	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1237	01383	01236	3		0	2	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1238	01384	01237	16		0	1	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1239	01385	01238	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1240	01386	01239	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1241	01387	01240	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1242	01388	01241	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1243	01389	01242	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1244	01390	01243	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1245	01391	01244	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表35

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK		
1246	01392	01245	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X03342	90.7	161	1	67	505	
1247	01393	01246	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1248	01394	01247	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1249	01395	01248	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1250	01396	01249	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Z17227	100	152	1	1724	1875
1251	01397	01250	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1252	01398	01251	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1253	01400	01252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1254	01401	01253	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1255	01402	01254	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1256	01403	01255	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1257	01404	01256	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1258	01405	01257	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1259	01406	01258	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1260	01407	01259	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1261	01408	01260	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1262	01409	01261	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1263	01410	01262	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1264	01411	01263	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1265	01412	01264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1266	01413	01265	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1267	01414	01266	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1268	01415	01267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1269	01416	01268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1270	01417	01269	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1271	01418	01270	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1272	01419	01271	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1273	01420	01272	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1274	01421	01273	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1275	01422	01274	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1276	01423	01275	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1277	01424	01276	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1278	01426	01277	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1279	01427	01278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1280	01428	01279	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1281	01429	01280	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表 36

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1282	01430	01281	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X51346	99.3	144	1	1470	1612
1283	01431	01282	6		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1284	01432	01283	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1285	01433	01284	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1286	01434	01285	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1287	01435	01286	7		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1288	01436	01287	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1289	01437	01288	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1290	01438	01289	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1291	01439	01290	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1292	01440	01291	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1293	01441	01292	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1294	01442	01293	4		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1295	01443	01294	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1296	01444	01295	3		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1297	01445	01296	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1298	01446	01297	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1299	01447	01298	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1300	01448	01299	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1301	01449	01300	10		0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1302	01450	01301	4		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1303	01451	01302	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1304	01452	01303	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1305	01453	01304	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1306	01454	01305	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1307	01455	01306	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1308	01456	01307	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1309	01457	01308	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1310	01458	01309	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1311	01459	01310	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1312	01460	01311	2		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1313	01461	01312	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1314	01462	01313	6		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1315	01463	01314	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1316	01464	01315	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1317	01466	01316	1		0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表37

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1318	01467	01317	4		0	2	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0						
1319	01468	01318	2		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1320	01469	01319	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1321	01470	01320	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1322	01471	01321	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1323	01472	01322	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1324	01473	01323	9		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1325	01474	01324	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1326	01475	01325	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1327	01476	01326	19		0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1328	01477	01327	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1329	01478	01328	5		0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1330	01479	01329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1331	01481	01330	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1332	01482	01331	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1333	01483	01332	9		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1334	01484	01333	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1335	01485	01334	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1336	01486	01335	3		0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1337	01487	01336	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1338	01488	01337	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1339	01489	01338	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1340	01490	01339	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1341	01491	01340	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1342	01492	01341	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1343	01493	01342	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1344	01494	01343	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1345	01495	01344	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1346	01496	01345	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1347	01497	01346	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1348	01498	01347	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1349	01499	01348	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1350	01500	01349	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1351	01501	01350	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1352	01502	01351	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1354	01505	01353	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1355	01506	01354	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1356	01507	01355	5		0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1357	01508	01356	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1358	01509	01357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1359	01510	01358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1360	01511	01359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1361	01512	01360	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1362	01513	01361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1363	01514	01362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1364	01515	01363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1365	01516	01364	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1366	01517	01365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1367	01518	01366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1368	01519	01367	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1369	01520	01368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1370	01521	01369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1371	01522	01370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1372	01523	01371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1373	01524	01372	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1374	01525	01373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1375	01526	01374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1376	01527	01375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1377	01528	01376	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1378	01529	01377	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1379	01530	01378	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1380	01531	01379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1381	01532	01380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1382	01533	01381	19		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1383	01534	01382	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1384	01535	01383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1385	01537	01384	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1386	01538	01385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1387	01539	01386	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1388	01540	01387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1389	01541	01388	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表39



87

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1426	01579	01425	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1427	01580	01426	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1428	01581	01427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1429	01582	01428	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1430	01583	01429	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1431	01584	01430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1432	01585	01431	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1433	01586	01432	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1434	01587	01433	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1435	01588	01434	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1436	01589	01435	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1437	01590	01436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1438	01591	01437	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1439	01592	01438	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1440	01593	01439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1441	01594	01440	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1442	01595	01441	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1443	01596	01442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1444	01597	01443	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1445	01598	01444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1446	01599	01445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1447	01600	01446	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1448	01601	01447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1449	01602	01448	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1450	01603	01449	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1451	01604	01450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1452	01605	01451	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1453	01606	01452	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1454	01607	01453	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1455	01608	01454	23		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1456	01609	01455	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1457	01610	01456	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1458	01611	01457	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1459	01612	01458	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1460	01614	01459	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1461	01615	01460	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表41

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
1462	01616	01461	32		0	1	3	1	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	5	11	0	0	1	0	0	0	3	L03558	98.2	55	1	588	642
1463	01617	01462	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1464	01618	01463	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1465	01619	01464	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1466	01620	01465	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1467	01621	01466	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1468	01622	01467	2		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1469	01623	01468	5		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1470	01624	01469	8		0	2	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M22324	100	54	1	3427	3494
1471	01625	01470	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1472	01626	01471	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1473	01627	01472	4		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1474	01628	01473	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1475	01629	01474	1		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1476	01630	01475	9		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1477	01632	01476	11		0	3	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1478	01633	01477	7		0	1	0	1	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1479	01642	01478	3		0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1480	01671	01479	35		0	2	0	0	0	5	0	7	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1481	01673	01480	6		0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1482	01686	01481	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1483	01687	01482	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1484	01688	01483	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1485	01689	01484	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X06409	93.9	408	1	1579	2602
1486	01691	01485	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04098	98.2	325	1	1093	1918
1487	01692	01486	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1488	01693	01487	5		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1489	01694	01488	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1490	01695	01489	11		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34600	96.2	524	1	118	634
1491	01696	01490	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1492	01697	01491	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X01060	95.6	317	4	4532	5010
1493	01698	01492	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1494	01699	01493	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1495	01700	01494	9		0	0	4	1	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1496	01701	01495	1		0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1497	01702	01496	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M22918	99.2	394	1	109	651

表42

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
1498	01703	01497	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1499	01704	01498	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1500	01705	01499	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1501	01706	01500	12		0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1502	01707	01501	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1503	01708	01502	5		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1504	01709	01503	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1505	01710	01504	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1506	01711	01505	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1507	01713	01506	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1508	01714	01507	3		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1509	01715	01508	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1510	01718	01509	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1511	01719	01510	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1512	01720	01511	43		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1513	01721	01512	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1514	01722	01513	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1515	01724	01514	9		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1516	01726	01515	5		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1517	01727	01516	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1518	01728	01517	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1519	01729	01518	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1520	01730	01519	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1521	01731	01520	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1522	01732	01521	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1523	01733	01522	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1524	01734	01523	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1525	01735	01524	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1526	01736	01525	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1527	01737	01526	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1528	01738	01527	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1529	01739	01528	8		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1530	01740	01529	8		0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1531	01741	01530	5		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1532	01742	01531	4		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0										

表 43



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
T570	01784	01569	2		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10320	99	301	1	1101	1401
T571	01785	01570	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T572	01786	01571	8		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T573	01787	01572	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T574	01788	01573	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T575	01789	01574	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T576	01790	01575	3		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T577	01791	01576	34		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T578	01792	01577	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T579	01793	01578	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T580	01794	01579	6		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T581	01795	01580	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T582	01796	01581	7		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T583	01797	01582	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T584	01798	01583	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T585	01799	01584	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T586	01800	01585	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T587	01801	01586	2		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
T588	01802	01587	1		0	0	1	0	0	0	0																					

表 45

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AC	AS	AL	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1606	01820	01605	9		0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0
1607	01821	01606	1		0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1608	01822	01607	7		0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1609	01823	01608	24		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1610	01824	01609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1611	01825	01610	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1612	01826	01611	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1613	01827	01612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1614	01828	01613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1615	01829	01614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1616	01830	01615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1617	01831	01616	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1618	01832	01617	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1619	01833	01618	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1620	01834	01619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1621	01835	01620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1622	01836	01621	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1623	01837	01622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1624	01838	01623	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1625	01839	01624	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1626	01840	01625	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1627	01841	01626	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1628	01842	01627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1629	01843	01628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1630	01844	01629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1631	01845	01630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1632	01846	01631	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1633	01847	01632	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1634	01848	01633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1635	01849	01634	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1636	01850	01635	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1637	01851	01636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1638	01852	01637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1639	01853	01638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1640	01854	01639	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1641	01855	01640	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表 46

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AC	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1642	01856	01641	5		0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	M33146	100	186	6	1612	1797
1643	01857	01642	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1644	01858	01643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1645	01859	01644	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1646	01860	01645	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1647	01861	01646	18		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1648	01862	01647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1649	01863	01648	18		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1650	01864	01649	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1651	01865	01650	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1652	01866	01651	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1653	01867	01652	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1654	01868	01653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1655	01869	01654	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1656	01870	01655	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1657	01871	01656	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1658	01872	01657	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1659	01873	01658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1660	01874	01659	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1661	01875	01660	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1662	01876	01661	11		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1663	01877	01662	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1664	01878	01663	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1665	01880	01664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1666	01881	01665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1667	01882	01666	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1668	01883	01667	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1669	01884	01668	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1670	01885	01669	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1671	01886	01670	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1672	01887	01671	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1673	01888	01672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1674	01889	01673	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1675	01890	01674	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1676	01891	01675	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1677	01892	01676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表47



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1678	01893	01677	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1679	01895	01678	7		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1680	01896	01679	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1681	01897	01680	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1682	01898	01681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1683	01899	01682	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1684	01900	01683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1685	01901	01684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1686	01902	01685	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1687	01903	01686	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1688	01904	01687	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1689	01905	01688	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1690	01906	01689	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1691	01907	01690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1692	01908	01691	21		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1693	01909	01692	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1694	01910	01693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1695	01911	01694	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1696	01912	01695	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1697	01913	01696	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1698	01914	01697	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1699	01915	01698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1700	01916	01699	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1701	01917	01700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1702	01918	01701	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1703	01919	01702	111		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1704	01920	01703	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1705	01921	01704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1706	01922	01705	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1707	01923	01706	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1708	01924	01707	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1709	01925	01708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1710	01926	01709	24		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1711	01927	01710	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1712	01928	01711	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1713	01929	01712	19		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表48



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
1750	01967	01749	13		0	0	1	1	0	0	1	0	0	0	1	2	1	0	0	2	1	0	0	1	0	0	0	0	X14986	100	57	36	1	57
1751	01968	01750	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1752	01969	01751	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1753	01970	01752	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1754	01972	01753	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1755	01973	01754	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1756	01974	01755	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1757	01975	01756	6		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1758	01976	01757	5		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1759	01977	01758	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1760	01978	01759	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1761	01979	01760	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1762	01981	01761	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1763	01982	01762	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1764	01983	01763	16		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1765	01984	01764	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1766	01985	01765	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1767	01986	01766	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1768	01987	01767	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1769	01988	01768	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1770	01989	01769	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1771	01990	01770	4		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1772	01991	01771	6		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1773	01992	01772	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1774	01994	01773	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1775	01995	01774	18		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1776	01996	01775	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1777	01997	01776	7		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1778	01998	01777	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1779	01999	01778	1		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1780	02000	01779	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1781	02001	01780	4		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1782	02002	01781	4		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1783	02003	01782	2		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1784	02005	01783	3		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
1785	02006	01784	4		0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表 50

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
1786	02007	01785	15		0	0	1	1	0	0	0	1	0	2	0	0	0	2	0	1	4	0	1	0	2	0	0	0	M69023	100	56	1	1064	1119
1787	02010	01786	7		0	0	1	1	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1788	02011	01787	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1789	02012	01788	16		0	0	0	2	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1790	02013	01789	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1791	02025	01790	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1792	02039	01791	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1793	02040	01792	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1794	02041	01793	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1795	02042	01794	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1796	02043	01795	8		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1797	02044	01796	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1798	02045	01797	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1799	02046	01798	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1800	02047	01799	13		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1801	02048	01800	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1802	02049	01801	20		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1803	02050	01802	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1804	02051	01803	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1805	02052	01804	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1806	02053	01805	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1807	02054	01806	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1808	02055	01807	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1809	02056	01808	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1810	02057	01809	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1811	02058	01810	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1812	02059	01811	6		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1813	02060	01812	8		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1814	02062	01813	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1815	02063	01814	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1816	02064	01815	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1817	02065	01816	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1818	02066	01817	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1819	02067	01818	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1820	02068	01819	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1821	02069	01820	7		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表 51

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1822	02070	01821	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1823	02071	01822	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1824	02072	01823	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1825	02073	01824	16		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1826	02074	01825	7		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1827	02075	01826	7		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1828	02076	01827	4		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1829	02077	01828	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1830	02078	01829	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1831	02079	01830	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1832	02080	01831	11		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1833	02081	01832	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1834	02082	01833	7		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1835	02084	01834	1		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1836	02085	01835	83		0	0	0	16	26	40	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1837	02086	01836	4		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1838	02087	01837	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1839	02088	01838	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1840	02089	01839	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1841	02090	01840	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1842	02091	01841	9		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1843	02092	01842	11		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1844	02093	01843	11		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1845	02094	01844	6		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1846	02095	01845	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1847	02096	01846	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1848	02097	01847	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1849	02098	01848	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1850	02099	01849	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1851	02100	01850	5		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1852	02101	01851	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1853	02102	01852	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1854	02103	01853	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1855	02104	01854	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1856	02105	01855	109		0	0	0	16	4	3	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1857	02106	01856	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表52

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1858	02107	01857	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1859	02108	01858	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1860	02110	01859	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1861	02111	01860	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1862	02112	01861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1863	02113	01862	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1864	02115	01863	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1865	02116	01864	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1866	02117	01865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1867	02118	01866	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1868	02119	01867	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1869	02120	01868	19		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1870	02121	01869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1871	02122	01870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1872	02123	01871	28		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1873	02124	01872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1874	02126	01873	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1875	02127	01874	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1876	02128	01875	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1877	02129	01876	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1878	02130	01877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1879	02131	01878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1880	02132	01879	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1881	02133	01880	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1882	02134	01881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1883	02135	01882	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1884	02136	01883	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1885	02137	01884	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1886	02138	01885	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1887	02139	01886	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1888	02140	01887	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1889	02141	01888	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1890	02142	01889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1891	02143	01890	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1892	02144	01891	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1893	02145	01892	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表53

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1894	02146	01893	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1895	02147	01894	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1896	02148	01895	21		0	0	0	3	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1897	02149	01896	4		0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1898	02150	01897	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1899	02151	01898	14		0	0	0	9	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1900	02152	01899	7		0	0	0	1	0	4	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1901	02153	01900	6		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1902	02154	01901	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1903	02155	01902	28		0	0	0	7	0	11	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1904	02156	01903	8		0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1905	02157	01904	35		0	0	0	1	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1906	02158	01905	3		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1907	02159	01906	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1908	02160	01907	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1909	02161	01908	9		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1910	02162	01909	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1911	02163	01910	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1912	02164	01911	5		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1913	02165	01912	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1914	02166	01913	4		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1915	02167	01914	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1916	02168	01915	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1917	02169	01916	9		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1918	02170	01917	3		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1919	02171	01918	6		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1920	02172	01919	4		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1921	02173	01920	2		0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1922	02174	01921	25		0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1923	02175	01922	4		0	0	0	4	0	20	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1924	02176	01923	13		0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1925	02177	01924	7		0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1926	02178	01925	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1927	02179	01926	2		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1928	02180	01927	1		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
1929	02181	01928	14		0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

表 54

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
1930	02182	01929	3		0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1931	02183	01930	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1932	02184	01931	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1933	02185	01932	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1934	02186	01933	68		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1935	02187	01934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1936	02188	01935	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1937	02189	01936	11		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1938	02191	01937	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1939	02192	01938	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1940	02193	01939	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1941	02194	01940	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1942	02195	01941	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1943	02196	01942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1944	02197	01943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1945	02198	01944	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1946	02199	01945	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1947	02200	01946	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1948	02202	01947	32		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1949	02203	01948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1950	02204	01949	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1951	02205	01950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1952	02206	01951	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1953	02207	01952	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1954	02208	01953	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1955	02209	01954	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1956	02210	01955	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1957	02211	01956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1958	02212	01957	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1959	02213	01958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1960	02214	01959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1961	02215	01960	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1962	02216	01961	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1963	02237	01962	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1964	02238	01963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
1965	02239	01964	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表55





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2002	02281	02001	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2003	02282	02002	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2004	02283	02003	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2005	02285	02004	10		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2006	02287	02005	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2007	02288	02006	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2008	02289	02007	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2009	02290	02008	16		0	0	0	0	16	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2010	02291	02009	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2011	02292	02010	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2012	02293	02011	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2013	02294	02012	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2014	02295	02013	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2015	02296	02014	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2016	02297	02015	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2017	02298	02016	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2018	02299	02017	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2019	02300	02018	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2020	02301	02019	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2021	02302	02020	5		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2022	02303	02021	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2023	02304	02022	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2024	02305	02023	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2025	02306	02024	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2026	02307	02025	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2027	02308	02026	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2028	02309	02027	18		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2029	02310	02028	3		0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2030	02311	02029	6		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2031	02312	02030	5		0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2032	02313	02031	6		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2033	02314	02032	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2034	02315	02033	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2035	02316	02034	12		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2036	02317	02035	5		0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2037	02318	02036	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表57

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2038	02319	02037	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99.3	137	1	1095	1231	
2039	02321	02038	7		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	96.1	129	10	1673	1801	
2040	02322	02039	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2041	02323	02040	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2042	02324	02041	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2043	02325	02042	5		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2044	02326	02043	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2045	02327	02044	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2046	02328	02045	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2047	02329	02046	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2048	02330	02047	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2049	02331	02048	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2050	02332	02049	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2051	02333	02050	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2052	02334	02051	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2053	02336	02052	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2054	02337	02053	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	93.2	132	1	657	793	
2055	02338	02054	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2056	02339	02055	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2057	02340	02056	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2058	02341	02057	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2059	02342	02058	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.3	121	1	1302	1422	
2060	02343	02059	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95.8	120	1	1017	1134	
2061	02345	02060	5		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2062	02346	02061	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	94.1	118	1	861	1882	
2063	02347	02062	6		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95.9	122	1	991	1109	
2064	02348	02063	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2065	02349	02064	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2066	02350	02065	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2067	02351	02066	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2068	02352	02067	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2069	02353	02068	2		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	90.7	108	1	452	771	
2070	02354	02069	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	92.5	107	1	1610	1995	
2071	02355	02070	4		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2072	02356	02071	1		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	96.9	385	1	3022	3406	
2073	02357	02072	3		0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表 58



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2110	02414	02109	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2111	02415	02110	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2112	02416	02111	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2113	02417	02112	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2114	02418	02113	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2115	02419	02114	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2116	02420	02115	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2117	02421	02116	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2118	02422	02117	7		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2119	02423	02118	3		0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2120	02424	02119	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2121	02425	02120	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2122	02426	02121	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2123	02427	02122	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2124	02428	02123	4		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2125	02429	02124	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2126	02430	02125	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2127	02431	02126	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2128	02432	02127	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2129	02433	02128	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2130	02434	02129	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2131	02435	02130	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2132	02436	02131	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2133	02437	02132	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2134	02438	02133	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2135	02439	02134	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2136	02441	02135	5		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2137	02442	02136	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2138	02443	02137	8		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2139	02444	02138	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2140	02445	02139	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2141	02446	02140	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2142	02447	02141	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2143	02448	02142	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2144	02449	02143	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2145	02450	02144	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表60

108

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
2182	02491	02181	4		0	0	0	0	0	2	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0				
2183	02493	02182	1		0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2184	02494	02183	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2185	02495	02184	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2186	02496	02185	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2187	02497	02186	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2188	02498	02187	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2189	02499	02188	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2190	02500	02189	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2191	02501	02190	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2192	02502	02191	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2193	02503	02192	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2194	02504	02193	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2195	02505	02194	5		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2196	02506	02195	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2197	02507	02196	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2198	02508	02197	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2199	02509	02198	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2200	02510	02199	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2201	02511	02200	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2202	02512	02201	13		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2203	02513	02202	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2204	02514	02203	8		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2205	02515	02204	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2206	02516	02205	5		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2207	02517	02206	6		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2208	02518	02207	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2209	02519	02208	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2210	02520	02209	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2211	02521	02210	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2212	02522	02211	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2213	02523	02212	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2214	02524	02213	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2215	02525	02214	5		0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2216	02526	02215	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
2217	02527	02216	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				

表62

表 63



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
2254	02573	02253	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2255	02574	02254	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2256	02575	02255	3		0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2257	02576	02256	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2258	02577	02257	3		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2259	02578	02258	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2260	02580	02259	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2261	02581	02260	4		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2262	02582	02261	5		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2263	02583	02262	2		0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2264	02585	02263	3		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2265	02586	02264	5		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2266	02588	02265	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2267	02589	02266	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2268	02590	02267	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2269	02591	02268	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2270	02592	02269	1		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2271	02593	02270	2		0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2272	02612	02271	3		0	0	0	0	0																							



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
2326	02687	02325	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2327	02688	02326	2		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2328	02689	02327	4		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2329	02690	02328	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2330	02691	02329	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2331	02692	02330	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M55542	97.6	289	1	2370	2881
2332	02693	02331	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2333	02694	02332	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03553	97.8	276	1	504	991
2334	02695	02333	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2335	02696	02334	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X72964	100	268	1	813	1087
2336	02697	02335	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2337	02698	02336	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2338	02699	02337	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2339	02700	02338	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2340	02701	02339	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2341	02702	02340	5		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2342	02703	02341	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2343	02704	02342	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2344	02705	02343	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2345	02706	02344	13		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2346	02707	02345	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2347	02708	02346	8		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2348	02709	02347	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L26165	95.2	353	1	1641	2098
2349	02710	02348	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29873	95.1	263	1	2644	2907
2350	02711	02349	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2351	02712	02350	8		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2352	02713	02351	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X53331	94.1	392	1	217	603
2353	02714	02352	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2354	02715	02353	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2355	02716	02354	18		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2356	02717	02355	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X04412	93.6	375	1	2229	2602
2357	02718	02356	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2358	02719	02357	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2359	02721	02358	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2360	02722	02359	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2361	02723	02360	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M16552	98.4	252	1	3303	3653

表66

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2362	02724	02361	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M83664	98.8	251	1	826	1501
2363	02725	02362	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2364	02727	02363	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2365	02728	02364	6		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2366	02729	02365	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2367	02730	02366	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2368	02731	02367	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2369	02732	02368	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2370	02733	02369	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2371	02734	02370	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2372	02735	02371	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2373	02736	02372	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2374	02737	02373	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2375	02738	02374	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2376	02739	02375	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2377	02740	02376	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2378	02741	02377	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2379	02742	02378	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2380	02743	02379	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2381	02744	02380	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2382	02745	02381	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2383	02746	02382	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2384	02747	02383	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2385	02749	02384	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2386	02750	02385	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2387	02751	02386	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2388	02752	02387	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2389	02753	02388	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2390	02754	02389	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2391	02755	02390	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2392	02756	02391	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2393	02758	02392	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2394	02760	02393	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2395	02761	02394	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2396	02762	02395	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2397	02764	02396	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表67

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
2398	02765	02397	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2399	02767	02398	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2400	02768	02399	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2401	02769	02400	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2402	02770	02401	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2403	02771	02402	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2404	02772	02403	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2405	02773	02404	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2406	02774	02405	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2407	02775	02406	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2408	02776	02407	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2409	02777	02408	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2410	02778	02409	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2411	02779	02410	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2412	02780	02411	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2413	02781	02412	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2414	02782	02413	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2415	02783	02414	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2416	02785	02415	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2417	02786	02416	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2418	02787	02417	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2419	02788	02418	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2420	02789	02419	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2421	02790	02420	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2422	02791	02421	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2423	02792	02422	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2424	02793	02423	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2425	02794	02424	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2426	02795	02425	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2427	02796	02426	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2428	02797	02427	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2429	02798	02428	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2430	02799	02429	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2431	02800	02430	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2432	02801	02431	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2433	02802	02432	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表68

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2434	02803	02433	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
2435	02804	02434	5		0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0					
2436	02805	02435	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
2437	02806	02436	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2438	02807	02437	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2439	02808	02438	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2440	02809	02439	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2441	02810	02440	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2442	02811	02441	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2443	02812	02442	12		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2444	02813	02443	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2445	02814	02444	15		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2446	02815	02445	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2447	02816	02446	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2448	02817	02447	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2449	02818	02448	5		0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2450	02819	02449	1		0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2451	02820	02450	29		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2452	02821	02451	22		0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2453	02822	02452	1		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2454	02823	02453	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2455	02824	02454	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2456	02825	02455	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2457	02826	02456	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2458	02827	02457	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2459	02828	02458	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2460	02829	02459	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2461	02830	02460	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2462	02831	02461	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2463	02832	02462	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2464	02833	02463	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2465	02834	02464	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2466	02835	02465	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2467	02836	02466	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2468	02837	02467	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2469	02838	02468	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表69

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
2470	02839	02469	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
2471	02840	02470	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2472	02843	02471	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2473	02844	02472	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.6	148	1	495	649
2474	02845	02473	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2475	02846	02474	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2476	02847	02475	11		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2477	02848	02476	2		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	145	1	1871	2015
2478	02849	02477	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2479	02850	02478	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2480	02851	02479	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2481	02852	02480	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2482	02853	02481	8		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2483	02854	02482	4		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.3	287	1	1158	1444
2484	02855	02483	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2485	02856	02484	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2486	02857	02485	3		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2487	02858	02486	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2488	02859	02487	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2489	02860	02488	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2490	02861	02489	10		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2491	02862	02490	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2492	02863	02491	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2493	02864	02492	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2494	02865	02493	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2495	02866	02494	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2496	02867	02495	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2497	02868	02496	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2498	02869	02497	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2499	02870	02498	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2500	02872	02499	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2501	02873	02500	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2502	02874	02501	6		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2503	02875	02502	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2504	02876	02503	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2505	02877	02504	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表70

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2506	02878	02505	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2507	02879	02506	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2508	02880	02507	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2509	02881	02508	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2510	02882	02509	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2511	02883	02510	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2512	02884	02511	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2513	02885	02512	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2514	02886	02513	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2515	02887	02514	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2516	02888	02515	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2517	02889	02516	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2518	02890	02517	6		0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		97.5	119	1	2991	3132
2519	02891	02518	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2520	02893	02519	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2521	02894	02520	89		0	0	0	0	0	0	87	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2522	02895	02521	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2523	02896	02522	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2524	02897	02523	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2525	02898	02524	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2526	02899	02525	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2527	02900	02526	4		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2528	02901	02527	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2529	02902	02528	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2530	02903	02529	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2531	02904	02530	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2532	02905	02531	8		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2533	02906	02532	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2534	02907	02533	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2535	02908	02534	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2536	02909	02535	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2537	02910	02536	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2538	02911	02537	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2539	02912	02538	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2540	02913	02539	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2541	02914	02540	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表71





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2578	02959	02577	9		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X02751	93.8	80	6	1	2436
2579	02960	02578	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2580	02962	02579	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2581	02963	02580	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2582	02964	02581	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2583	02965	02582	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2584	02966	02583	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X62744	100	72	1	1011	1100
2585	02967	02584	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X64002	98.6	71	1	1581	2343
2586	02968	02585	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2587	02969	02586	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2588	02970	02587	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2589	02971	02588	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2590	02972	02589	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2591	02973	02590	7		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2592	02974	02591	8		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2593	02975	02592	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2594	02976	02593	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2595	02978	02594	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2596	02980	02595	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2597	02981	02596	13		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2598	02982	02597	5		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2599	02983	02598	5		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2600	02984	02599	1		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2601	02985	02600	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2602	02986	02601	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2603	02987	02602	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2604	02988	02603	6		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2605	02989	02604	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2606	02990	02605	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2607	02991	02606	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2608	02992	02607	9		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2609	02993	02608	3		0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2610	02994	02609	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2611	02995	02610	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2612	02996	02611	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2613	02997	02612	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
																												J04621	98.1	52	1	2626	3414

表73

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2614	02999	02613	1		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2615	03002	02614	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2616	03005	02615	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2617	03028	02616	2		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2618	03030	02617	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2619	03031	02618	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2620	03053	02619	3		0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2621	03055	02620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2622	03056	02621	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2623	03058	02622	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2624	03059	02623	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2625	03060	02624	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2626	03061	02625	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2627	03062	02626	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2628	03063	02627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2629	03064	02628	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2630	03065	02629	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2631	03066	02630	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2632	03067	02631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2633	03068	02632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2634	03069	02633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2635	03070	02634	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2636	03071	02635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2637	03072	02636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2638	03073	02637	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2639	03074	02638	44		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2640	03075	02639	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2641	03077	02640	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2642	03078	02641	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2643	03079	02642	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2644	03080	02643	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2645	03081	02644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2646	03082	02645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2647	03083	02646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2648	03084	02647	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2649	03085	02648	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表74

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
2650	03086	02649	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1545630	99.3	298	1	394	691
2651	03087	02650	8		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2652	03088	02651	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2653	03089	02652	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2654	03090	02653	8		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2655	03091	02654	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2656	03092	02655	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2657	03094	02656	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2658	03095	02657	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2659	03096	02658	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2660	03097	02659	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2661	03098	02660	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2662	03099	02661	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2663	03100	02662	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2664	03101	02663	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2665	03102	02664	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2666	03103	02665	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2667	03104	02666	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2668	03105	02667	15		0	0	0	0	0	0	0	2	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2669	03106	02668	9		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2670	03108	02669	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2671	03109	02670	13		0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2672	03110	02671	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2673	03111	02672	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2674	03112	02673	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2675	03115	02674	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2676	03116	02675	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2677	03117	02676	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2678	03118	02677	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2679	03119	02678	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2680	03120	02679	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2681	03121	02680	6		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2682	03122	02681	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2683	03123	02682	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2684	03124	02683	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
2685	03125	02684	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

表75

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2686	03126	02685	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
2687	03127	02686	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2688	03128	02687	19		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2689	03129	02688	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2690	03131	02689	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2691	03132	02690	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2692	03133	02691	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2693	03134	02692	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2694	03135	02693	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2695	03136	02694	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2696	03138	02695	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2697	03139	02696	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2698	03140	02697	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2699	03141	02698	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2700	03142	02699	9		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2701	03145	02700	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2702	03146	02701	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2703	03147	02702	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2704	03148	02703	12		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2705	03149	02704	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2706	03150	02705	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2707	03151	02706	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2708	03152	02707	8		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2709	03153	02708	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2710	03154	02709	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2711	03155	02710	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2712	03156	02711	15		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2713	03157	02712	2		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2714	03159	02713	3		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2715	03160	02714	1		0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2716	03162	02715	4		0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2717	03163	02716	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2718	03164	02717	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2719	03166	02718	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2720	03167	02719	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
2721	03168	02720	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表76

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2722	03169	02721	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
2723	03170	02722	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2724	03171	02723	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
2725	03172	02724	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2726	03173	02725	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2727	03175	02726	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2728	03176	02727	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2729	03177	02728	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2730	03178	02729	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2731	03179	02730	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2732	03180	02731	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2733	03181	02732	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2734	03182	02733	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2735	03183	02734	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2736	03185	02735	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2737	03186	02736	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2738	03187	02737	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2739	03188	02738	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2740	03189	02739	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2741	03190	02740	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2742	03192	02741	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2743	03193	02742	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2744	03194	02743	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2745	03195	02744	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2746	03196	02745	8		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2747	03197	02746	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2748	03198	02747	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2749	03200	02748	52		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2750	03201	02749	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2751	03202	02750	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2752	03204	02751	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2753	03205	02752	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2754	03206	02753	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2755	03207	02754	9		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2756	03208	02755	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2757	03212	02756	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表77

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK		
2758	03213	02757	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
2759	03214	02758	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2760	03215	02759	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2761	03216	02760	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	94.3	406	1	3055	3634	
2762	03217	02761	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	D10040					
2763	03218	02762	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2764	03219	02763	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2765	03220	02764	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2766	03221	02765	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2767	03222	02766	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2768	03223	02767	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2769	03224	02768	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	553910	98.4	124	1	2325	2463
2770	03225	02769	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2771	03227	02770	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2772	03229	02771	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2773	03230	02772	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2774	03231	02773	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2775	03233	02774	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2776	03234	02775	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2777	03235	02776	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2778	03236	02777	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2779	03237	02778	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2780	03239	02779	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2781	03240	02780	4		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2782	03241	02781	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2783	03242	02782	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2784	03243	02783	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2785	03244	02784	3		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2786	03245	02785	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2787	03247	02786	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2788	03248	02787	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2789	03249	02788	6		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2790	03251	02789	2		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2791	03252	02790	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2792	03253	02791	1		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2793	03255	02792	5		0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表78

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
2794	03257	02793	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L19182	95.9	98	1	1010	1115
2795	03258	02794	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2796	03259	02795	10		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2797	03261	02796	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2798	03263	02797	5		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M15856	96.8	94	1	3055	3549
2799	03264	02798	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98398	96.9	96	1	1840	1942
2800	03267	02799	3		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2801	03268	02800	5		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2802	03271	02801	3		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2803	03274	02802	7		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2804	03279	02803	8		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2805	03281	02804	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2806	03282	02805	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2807	03283	02806	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2808	03284	02807	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2809	03286	02808	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2810	03289	02809	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2811	03294	02810	5		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2812	03296	02811	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2813	03297	02812	4		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2814	03299	02813	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2815	03300	02814	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2816	03304	02815	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2817	03305	02816	15		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2818	03306	02817	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2819	03307	02818	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2820	03308	02819	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2821	03310	02820	7		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2822	03311	02821	3		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2823	03312	02822	4		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2824	03313	02823	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2825	03315	02824	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2826	03318	02825	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2827	03319	02826	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2828	03324	02827	2		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2829	03325	02828	1		0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表79





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2866	03406	02865	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2867	03407	02866	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2868	03408	02867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2869	03409	02868	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2870	03410	02869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2871	03411	02870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2872	03412	02871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2873	03413	02872	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2874	03414	02873	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2875	03415	02874	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2876	03416	02875	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2877	03417	02876	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2878	03418	02877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2879	03419	02878	7		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2880	03420	02879	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2881	03421	02880	4		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2882	03422	02881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2883	03423	02882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2884	03424	02883	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2885	03426	02884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2886	03427	02885	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2887	03428	02886	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2888	03429	02887	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2889	03430	02888	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2890	03431	02889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2891	03432	02890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2892	03433	02891	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2893	03434	02892	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2894	03435	02893	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2895	03436	02894	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2896	03437	02895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2897	03438	02896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2898	03439	02897	6		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2899	03440	02898	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2900	03441	02899	4		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2901	03442	02900	2		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表81

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK		
2902	03443	02901	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	3	4	1	0	0	0	0	554769	96.2	264	1	161	429
2903	03444	02902	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2904	03445	02903	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2905	03446	02904	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2906	03447	02905	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2907	03448	02906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2908	03449	02907	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2909	03450	02908	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2910	03451	02909	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2911	03452	02910	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2912	03453	02911	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2913	03454	02912	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2914	03455	02913	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2915	03456	02914	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2916	03457	02915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2917	03458	02916	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2918	03459	02917	7		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98479	95.1	247	1	1311	1557
2919	03460	02918	8		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05481	95.5	242	1	2363	2620
2920	03461	02919	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2921	03462	02920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2922	03463	02921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2923	03464	02922	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2924	03465	02923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2925	03466	02924	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2926	03467	02925	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2927	03468	02926	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2928	03469	02927	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2929	03470	02928	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	234	1	1436	2229
2930	03471	02929	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2931	03472	02930	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2932	03473	02931	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2933	03474	02932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2934	03476	02933	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2935	03477	02934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2936	03478	02935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2937	03479	02936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表82

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
2938	03480	02937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2939	03481	02938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2940	03482	02939	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2941	03483	02940	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2942	03484	02941	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2943	03485	02942	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2944	03486	02943	7		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M29063	98.6	212	1	1175	1398
2945	03487	02944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2946	03488	02945	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2947	03489	02946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2948	03490	02947	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2949	03491	02948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2950	03492	02949	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2951	03493	02950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2952	03494	02951	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2953	03495	02952	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2954	03496	02953	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2955	03497	02954	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M34671	100	191	1	917	1671
2956	03498	02955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2957	03499	02956	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2958	03500	02957	4		0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2959	03501	02958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2960	03502	02959	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2961	03503	02960	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2962	03504	02961	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2963	03505	02962	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2964	03506	02963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2965	03507	02964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2966	03508	02965	3		0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2967	03509	02966	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2968	03510	02967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2969	03511	02968	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2970	03512	02969	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2971	03513	02970	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2972	03514	02971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
2973	03515	02972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表83

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
2974	03516	02973	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2975	03517	02974	10		0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2976	03518	02975	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2977	03519	02976	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2978	03520	02977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2979	03521	02978	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2980	03522	02979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2981	03523	02980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2982	03524	02981	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2983	03525	02982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2984	03526	02983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2985	03527	02984	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2986	03528	02985	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2987	03529	02986	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2988	03530	02987	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2989	03531	02988	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2990	03532	02989	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2991	03533	02990	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2992	03534	02991	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2993	03535	02992	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2994	03536	02993	9		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2995	03537	02994	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2996	03538	02995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2997	03539	02996	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2998	03540	02997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
2999	03541	02998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3000	03542	02999	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3001	03543	03000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3002	03544	03001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3003	03545	03002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3004	03546	03003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3005	03547	03004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3006	03548	03005	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3007	03549	03006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3008	03550	03007	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3009	03551	03008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表 84

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3010	03552	03009	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3011	03553	03010	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
3012	03554	03011	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3013	03555	03012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3014	03556	03013	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3015	03557	03014	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3016	03558	03015	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3017	03559	03016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3018	03560	03017	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3019	03561	03018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3020	03562	03019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3021	03563	03020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3022	03564	03021	11		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3023	03565	03022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3024	03566	03023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3025	03567	03024	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3026	03568	03025	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3027	03569	03026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3028	03570	03027	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3029	03571	03028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3030	03572	03029	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3031	03573	03030	9		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3032	03574	03031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3033	03575	03032	17		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3034	03576	03033	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3035	03577	03034	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3036	03578	03035	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3037	03579	03036	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3038	03580	03037	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3039	03581	03038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3040	03582	03039	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3041	03583	03040	4		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3042	03584	03041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3043	03585	03042	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3044	03586	03043	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3045	03587	03044	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表85



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AC	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
3082	03625	03081	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X63564	100	86	1	6647	6732
3083	03626	03082	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3084	03627	03083	5		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3085	03628	03084	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3086	03629	03085	9		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3087	03631	03086	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3088	03632	03087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3089	03633	03088	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3090	03634	03089	8		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3091	03635	03090	3		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3092	03636	03091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3093	03637	03092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3094	03638	03093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3095	03639	03094	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3096	03640	03095	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3097	03641	03096	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3098	03642	03097	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3099	03643	03098	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3100	03644	03099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3101	03645	03100	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3102	03646	03101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3103	03647	03102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3104	03648	03103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3105	03649	03104	8		0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3106	03650	03105	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3107	03651	03106	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3108	03652	03107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3109	03653	03108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3110	03654	03109	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3111	03655	03110	3		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3112	03659	03111	6		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3113	03661	03112	2		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3114	03679	03113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3115	03680	03114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0											

表87



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3118	03683	03117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3119	03684	03118	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3120	03685	03119	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3121	03686	03120	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3122	03688	03121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3123	03689	03122	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3124	03690	03123	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3125	03691	03124	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3126	03693	03125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3127	03694	03126	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3128	03695	03127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3129	03696	03128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3130	03697	03129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3131	03698	03130	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3132	03699	03131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3133	03701	03132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3134	03702	03133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3135	03703	03134	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3136	03704	03135	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3137	03705	03136	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3138	03707	03137	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3139	03708	03138	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3140	03709	03139	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3141	03710	03140	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3142	03711	03141	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3143	03712	03142	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3144	03713	03143	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3145	03714	03144	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3146	03715	03145	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3147	03716	03146	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3148	03717	03147	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3149	03718	03148	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3150	03719	03149	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3151	03720	03150	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3152	03721	03151	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3153	03722	03152	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表88



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3190	03760	03189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3191	03761	03190	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3192	03762	03191	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3193	03763	03192	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3194	03764	03193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	92.4	276	1	1063	1405
3195	03765	03194	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3196	03766	03195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	92.6	272	1	392	821
3197	03767	03196	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3198	03768	03197	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1					
3199	03769	03198	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	96.7	241	1	211	451
3200	03770	03199	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3201	03771	03200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3202	03772	03201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3203	03773	03202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3204	03774	03203	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3205	03775	03204	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3206	03776	03205	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	94.4	213	1	4478	4688
3207	03777	03206	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3208	03778	03207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3209	03779	03208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3210	03780	03209	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3211	03781	03210	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3212	03782	03211	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3213	03783	03212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3214	03784	03213	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3215	03785	03214	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3216	03786	03215	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3217	03787	03216	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3218	03788	03217	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3219	03789	03218	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3220	03790	03219	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3221	03791	03220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3222	03792	03221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3223	03793	03222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3224	03794	03223	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3225	03795	03224	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表90

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3226	03796	03225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3227	03797	03226	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3228	03798	03227	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3229	03799	03228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3230	03800	03229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3231	03801	03230	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3232	03802	03231	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3233	03803	03232	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3234	03804	03233	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3235	03805	03234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3236	03806	03235	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3237	03807	03236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3238	03808	03237	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3239	03809	03238	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3240	03810	03239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3241	03811	03240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3242	03812	03241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3243	03813	03242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3244	03814	03243	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3245	03815	03244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3246	03816	03245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3247	03817	03246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3248	03818	03247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3249	03819	03248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3250	03820	03249	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3251	03821	03250	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3252	03822	03251	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3253	03823	03252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3254	03824	03253	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3255	03825	03254	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3256	03826	03255	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3257	03827	03256	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3258	03828	03257	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3259	03829	03258	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3260	03830	03259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3261	03831	03260	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表91



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3298	03870	03297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3299	03871	03298	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3300	03872	03299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3301	03873	03300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3302	03874	03301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3303	03875	03302	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3304	03876	03303	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3305	03877	03304	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3306	03878	03305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3307	03879	03306	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3308	03880	03307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3309	03881	03308	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3310	03882	03309	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3311	03883	03310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3312	03884	03311	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3313	03885	03312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3314	03886	03313	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3315	03887	03314	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3316	03888	03315	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3317	03889	03316	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3318	03890	03317	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3319	03891	03318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3320	03892	03319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3321	03893	03320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3322	03894	03321	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3323	03895	03322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3324	03896	03323	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3325	03897	03324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3326	03898	03325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3327	03899	03326	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3328	03900	03327	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3329	03901	03328	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3330	03902	03329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3331	03903	03330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3332	03904	03331	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3333	03905	03332	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
																															</			

表93

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3334	03906	03333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3335	03907	03334	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3336	03908	03335	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3337	03909	03336	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3338	03910	03337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3339	03911	03338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3340	03912	03339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3341	03913	03340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3342	03914	03341	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3343	03915	03342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3344	03916	03343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3345	03917	03344	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3346	03918	03345	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3347	03919	03346	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3348	03920	03347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3349	03921	03348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3350	03922	03349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3351	03923	03350	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3352	03924	03351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3353	03925	03352	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3354	03926	03353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3355	03927	03354	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3356	03928	03355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3357	03929	03356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3358	03930	03357	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3359	03931	03358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3360	03932	03359	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3361	03933	03360	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3362	03934	03361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3363	03935	03362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3364	03936	03363	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3365	03937	03364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3366	03938	03365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3367	03939	03366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3368	03940	03367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3369	03941	03368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表94

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3370	03942	03369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3371	03943	03370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3372	03944	03371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3373	03945	03372	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3374	03946	03373	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3375	03947	03374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3376	03948	03375	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3377	03949	03376	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3378	03951	03377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3379	03952	03378	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3380	03954	03379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3381	03955	03380	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3382	03956	03381	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3383	03958	03382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3384	03959	03383	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3385	03960	03384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3386	03961	03385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3387	03962	03386	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3388	03963	03387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3389	03964	03388	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3390	03965	03389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3391	03966	03390	15		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3392	03967	03391	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3393	03968	03392	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3394	03969	03393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3395	03971	03394	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3396	03972	03395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3397	03973	03396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3398	03974	03397	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3399	03975	03398	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3400	03976	03399	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3401	03977	03400	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3402	03978	03401	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3403	03979	03402	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3404	03980	03403	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3405	03981	03404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表95



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3406	03982	03405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3407	03984	03406	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3408	03985	03407	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3409	03986	03408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3410	03987	03409	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3411	03988	03410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3412	03989	03411	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3413	03993	03412	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3414	04020	03413	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3415	04021	03414	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3416	04022	03415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3417	04023	03416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3418	04024	03417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3419	04025	03418	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3420	04026	03419	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3421	04028	03420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3422	04029	03421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3423	04030	03422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3424	04031	03423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3425	04032	03424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3426	04033	03425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3427	04034	03426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3428	04035	03427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3429	04036	03428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3430	04037	03429	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3431	04039	03430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3432	04040	03431	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3433	04041	03432	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3434	04042	03433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3435	04044	03434	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3436	04045	03435	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3437	04046	03436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3438	04047	03437	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3439	04048	03438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3440	04049	03439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3441	04050	03440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				

表 96

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3442	04051	03441	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0				
3443	04052	03442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3444	04053	03443	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3445	04054	03444	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3446	04055	03445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3447	04056	03446	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3448	04057	03447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3449	04058	03448	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3450	04059	03449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3451	04060	03450	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3452	04061	03451	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3453	04062	03452	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3454	04063	03453	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3455	04064	03454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3456	04065	03455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3457	04066	03456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3458	04067	03457	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3459	04068	03458	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3460	04069	03459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3461	04070	03460	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3462	04071	03461	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3463	04072	03462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3464	04073	03463	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3465	04074	03464	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3466	04075	03465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3467	04076	03466	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3468	04077	03467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3469	04078	03468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3470	04079	03469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3471	04080	03470	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3472	04081	03471	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3473	04082	03472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3474	04083	03473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3475	04084	03474	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3476	04086	03475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3477	04087	03476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				

表97

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3478	04088	03477	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95.6	271	1	2937	3554
3479	04089	03478	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	96.7	270	1	3174	4108
3480	04090	03479	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99.6	264	1	594	870
3481	04091	03480	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99.2	260	1	221	480
3482	04092	03481	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	99.2	260	1	221	480
3483	04093	03482	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.8	250	1	836	1104
3484	04094	03483	13		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3485	04095	03484	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3486	04096	03485	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3487	04097	03486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3488	04098	03487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3489	04099	03488	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	94.7	246	1	2377	2798
3490	04100	03489	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3491	04101	03490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3492	04102	03491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3493	04103	03492	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3494	04104	03493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3495	04105	03494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3496	04106	03495	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3497	04107	03496	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3498	04108	03497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3499	04109	03498	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3500	04110	03499	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3501	04111	03500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3502	04112	03501	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3503	04113	03502	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3504	04114	03503	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3505	04115	03504	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3506	04116	03505	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3507	04117	03506	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3508	04118	03507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3509	04119	03508	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3510	04120	03509	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3511	04121	03510	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3512	04122	03511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3513	04123	03512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表98

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3514	04125	03513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3515	04126	03514	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3516	04127	03515	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3517	04128	03516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3518	04129	03517	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3519	04130	03518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3520	04131	03519	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3521	04132	03520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3522	04133	03521	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3523	04134	03522	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3524	04135	03523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3525	04136	03524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3526	04137	03525	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3527	04139	03526	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3528	04140	03527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3529	04141	03528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3530	04142	03529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3531	04143	03530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3532	04144	03531	11		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3533	04145	03532	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3534	04146	03533	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3535	04147	03534	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3536	04148	03535	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3537	04149	03536	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3538	04150	03537	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3539	04151	03538	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3540	04152	03539	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3541	04153	03540	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3542	04154	03541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3543	04155	03542	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3544	04156	03543	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3545	04157	03544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3546	04158	03545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3547	04159	03546	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3548	04160	03547	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3549	04161	03548	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表99

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
3550	04162	03549	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
3551	04163	03550	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3552	04164	03551	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3553	04165	03552	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J03592	96.1	127	1	990	1116	
3554	04166	03553	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3555	04167	03554	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3556	04169	03555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3557	04170	03556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3558	04171	03557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3559	04172	03558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3560	04173	03559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3561	04174	03560	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3562	04175	03561	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3563	04176	03562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3564	04177	03563	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3565	04179	03564	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X69141	93.2	117	1	1659	2051
3566	04180	03565	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3567	04181	03566	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3568	04182	03567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3569	04183	03568	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3570	04184	03569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3571	04186	03570	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3572	04187	03571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3573	04188	03572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3574	04189	03573	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3575	04190	03574	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3576	04191	03575	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3577	04192	03576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3578	04193	03577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3579	04194	03578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3580	04195	03579	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3581	04196	03580	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3582	04197	03581	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3583	04198	03582	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3584	04199	03583	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
3585	04200	03584	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				

表100

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3586	04201	03585	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0
3587	04202	03586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3588	04203	03587	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3589	04204	03588	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3590	04205	03589	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3591	04206	03590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3592	04207	03591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3593	04210	03592	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3594	04211	03593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3595	04213	03594	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3596	04214	03595	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3597	04215	03596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3598	04216	03597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3599	04218	03598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3600	04219	03599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3601	04220	03600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3602	04247	03601	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3603	04248	03602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3604	04249	03603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3605	04250	03604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3606	04252	03605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3607	04253	03606	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3608	04256	03607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3609	04257	03608	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3610	04258	03609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3611	04259	03610	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3612	04261	03611	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3613	04264	03612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3614	04265	03613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3615	04266	03614	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3616	04267	03615	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3617	04268	03616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3618	04269	03617	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3619	04270	03618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3620	04271	03619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3621	04272	03620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表101

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3622	04273	03621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3623	04274	03622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3624	04275	03623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3625	04276	03624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3626	04278	03625	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3627	04279	03626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3628	04280	03627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3629	04281	03628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3630	04282	03629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3631	04284	03630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3632	04285	03631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3633	04286	03632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3634	04287	03633	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3635	04288	03634	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3636	04289	03635	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3637	04290	03636	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3638	04291	03637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3639	04292	03638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3640	04293	03639	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3641	04294	03640	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3642	04295	03641	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3643	04296	03642	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3644	04297	03643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3645	04298	03644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3646	04299	03645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3647	04300	03646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3648	04302	03647	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3649	04303	03648	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3650	04304	03649	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3651	04305	03650	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3652	04306	03651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3653	04307	03652	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3654	04308	03653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3655	04309	03654	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3656	04310	03655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3657	04311	03656	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表102

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3658	04312	03657	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3659	04313	03658	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3660	04314	03659	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3661	04315	03660	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3662	04316	03661	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3663	04317	03662	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3664	04318	03663	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3665	04319	03664	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3666	04320	03665	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3667	04321	03666	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3668	04322	03667	12												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3669	04323	03668	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3670	04324	03669	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3671	04325	03670	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3672	04326	03671	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3673	04327	03672	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3674	04328	03673	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3675	04329	03674	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3676	04330	03675	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3677	04331	03676	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3678	04332	03677	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3679	04333	03678	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3680	04334	03679	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3681	04335	03680	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3682	04336	03681	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3683	04337	03682	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3684	04339	03683	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3685	04340	03684	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3686	04341	03685	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3687	04342	03686	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3688	04343	03687	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3689	04344	03688	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3690	04345	03689	8												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3691	04346	03690	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3692	04347	03691	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3693	04348	03692	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表103



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3694	04349	03693	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3695	04351	03694	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3696	04352	03695	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3697	04353	03696	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3698	04354	03697	4												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3699	04355	03698	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3700	04356	03699	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3701	04357	03700	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3702	04358	03701	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3703	04359	03702	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3704	04360	03703	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3705	04361	03704	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3706	04362	03705	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3707	04363	03706	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3708	04364	03707	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3709	04365	03708	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3710	04366	03709	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3711	04368	03710	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3712	04369	03711	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3713	04370	03712	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3714	04371	03713	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3715	04372	03714	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3716	04373	03715	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3717	04374	03716	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3718	04375	03717	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3719	04377	03718	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3720	04378	03719	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3721	04379	03720	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3722	04380	03721	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3723	04381	03722	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3724	04382	03723	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3725	04383	03724	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3726	04384	03725	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3727	04385	03726	1												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3728	04386	03727	3												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3729	04387	03728	2												0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表104

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3730	04388	03729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3731	04389	03730	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3732	04390	03731	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3733	04391	03732	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3734	04392	03733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3735	04393	03734	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3736	04394	03735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3737	04395	03736	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3738	04396	03737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3739	04397	03738	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3740	04398	03739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3741	04399	03740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3742	04400	03741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3743	04401	03742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3744	04402	03743	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3745	04403	03744	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3746	04404	03745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3747	04405	03746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3748	04406	03747	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3749	04407	03748	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3750	04408	03749	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3751	04409	03750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3752	04410	03751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3753	04411	03752	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3754	04412	03753	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3755	04413	03754	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3756	04414	03755	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3757	04415	03756	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3758	04416	03757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3759	04417	03758	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3760	04418	03759	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3761	04419	03760	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3762	04420	03761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3763	04421	03762	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3764	04422	03763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3765	04423	03764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
	04424	03764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

97.2 177  
95 179  
98.9 175

013629  
025080  
031523

1 4282  
1 509  
1 4222

4457  
1777  
4396

表105

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3766	04425	03765	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3767	04426	03766	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3768	04427	03767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3769	04428	03768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3770	04429	03769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3771	04430	03770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3772	04431	03771	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3773	04432	03772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3774	04433	03773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3775	04434	03774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3776	04435	03775	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3777	04436	03776	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3778	04437	03777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3779	04439	03778	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3780	04440	03779	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3781	04441	03780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3782	04442	03781	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3783	04443	03782	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3784	04445	03783	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3785	04446	03784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3786	04447	03785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3787	04448	03786	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3788	04449	03787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3789	04450	03788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3790	04452	03789	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3791	04453	03790	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3792	04454	03791	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3793	04455	03792	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3794	04456	03793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3795	04457	03794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3796	04460	03795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3797	04462	03796	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3798	04463	03797	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3799	04464	03798	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3800	04465	03799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
3801	04466	03800	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表106

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3802	04467	03801	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3803	04468	03802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3804	04469	03803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3805	04470	03804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3806	04471	03805	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3807	04472	03806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3808	04473	03807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3809	04474	03808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3810	04476	03809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3811	04478	03810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3812	04482	03811	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3813	04483	03812	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3814	04484	03813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3815	04485	03814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3816	04486	03815	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3817	04487	03816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3818	04488	03817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3819	04489	03818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3820	04491	03819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3821	04492	03820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3822	04493	03821	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3823	04494	03822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3824	04495	03823	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3825	04496	03824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3826	04497	03825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3827	04498	03826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3828	04499	03827	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3829	04500	03828	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3830	04501	03829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3831	04502	03830	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3832	04503	03831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3833	04504	03832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3834	04506	03833	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3835	04507	03834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3836	04509	03835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3837	04510	03836	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表107

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
3838	04511	03837	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3839	04512	03838	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3840	04513	03839	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3841	04514	03840	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3842	04515	03841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3843	04516	03842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3844	04517	03843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3845	04518	03844	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3846	04519	03845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3847	04520	03846	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3848	04521	03847	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3849	04522	03848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3850	04523	03849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3851	04525	03850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3852	04527	03851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3853	04528	03852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3854	04529	03853	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3855	04530	03854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3856	04531	03855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3857	04532	03856	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3858	04533	03857	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3859	04534	03858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3860	04535	03859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3861	04536	03860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3862	04537	03861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3863	04538	03862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3864	04539	03863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3865	04541	03864	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3866	04542	03865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3867	04543	03866	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3868	04546	03867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3869	04547	03868	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3870	04548	03869	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3871	04552	03870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3872	04556	03871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3873	04557	03872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表108



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
3910	04634	03909	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1							
3911	04635	03910	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3912	04636	03911	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3913	04637	03912	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0		96.1	232	1	159	408	
3914	04638	03913	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0		562027					
3915	04639	03914	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3916	04640	03915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3917	04641	03916	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3918	04642	03917	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0							
3919	04643	03918	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3920	04644	03919	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3921	04645	03920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3922	04646	03921	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3923	04647	03922	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3924	04648	03923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3925	04649	03924	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3926	04650	03925	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3927	04651	03926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3928	04652	03927	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3929	04653	03928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3930	04654	03929	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3931	04655	03930	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3932	04656	03931	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0		M22349	97.9	285	1	1990	2273
3933	04657	03932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3934	04658	03933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3935	04659	03934	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3936	04660	03935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3937	04661	03936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3938	04662	03937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3939	04663	03938	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3940	04664	03939	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3941	04665	03940	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3942	04666	03941	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3943	04667	03942	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0							
3944	04668	03943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0							
3945	04669	03944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0		L13738	92.6	269	1	4278	4545

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
3946	04670	03945	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3947	04671	03946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3948	04672	03947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3949	04673	03948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3950	04674	03949	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3951	04675	03950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3952	04676	03951	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3953	04677	03952	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3954	04678	03953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3955	04679	03954	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3956	04680	03955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3957	04681	03956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3958	04682	03957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3959	04683	03958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3960	04684	03959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3961	04685	03960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3962	04686	03961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3963	04687	03962	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3964	04688	03963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3965	04689	03964	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3966	04690	03965	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3967	04691	03966	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3968	04692	03967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3969	04693	03968	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3970	04694	03969	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3971	04695	03970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3972	04696	03971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3973	04697	03972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3974	04698	03973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3975	04699	03974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3976	04700	03975	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3977	04701	03976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3978	04702	03977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3979	04703	03978	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3980	04704	03979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
3981	04705	03980	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表111



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AU	AV	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
3982	04706	03981	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	1	0	0	0	0	X15088	94.3	230	1	1045	1292
3983	04707	03982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3984	04708	03983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3985	04709	03984	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3986	04710	03985	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3987	04711	03986	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3988	04712	03987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3989	04713	03988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3990	04714	03989	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3991	04715	03990	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3992	04716	03991	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
3993	04717	03992	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3994	04718	03993	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3995	04719	03994	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3996	04720	03995	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3997	04721	03996	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3998	04722	03997	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
3999	04723	03998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4000	04724	03999	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4001	04725	04000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4002	04728	04001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4003	04729	04002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4004	04730	04003	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4005	04732	04004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4006	04733	04005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4007	04734	04006	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4008	04735	04007	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J02966	99.5	204	1	1097	1320
4009	04736	04008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4010	04737	04009	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4011	04738	04010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4012	04739	04011	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4013	04740	04012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4014	04741	04013	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4015	04742	04014	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4016	04743	04015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S42457	98	198	1	2483	2857
4017	04744	04016	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表112

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4018	04745	04017	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4019	04746	04018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4020	04747	04019	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4021	04748	04020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4022	04750	04021	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4023	04751	04022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4024	04752	04023	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4025	04753	04024	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4026	04754	04025	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4027	04755	04026	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4028	04756	04027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4029	04757	04028	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4030	04758	04029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4031	04759	04030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4032	04760	04031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4033	04761	04032	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4034	04762	04033	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4035	04763	04034	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4036	04764	04035	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4037	04765	04036	1		0																												

表 113

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4054	04782	04053	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4055	04783	04054	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4056	04784	04055	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4057	04785	04056	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4058	04786	04057	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4059	04787	04058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4060	04788	04059	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4061	04789	04060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4062	04790	04061	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4063	04791	04062	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4064	04792	04063	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4065	04793	04064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4066	04794	04065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4067	04795	04066	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4068	04796	04067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4069	04797	04068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4070	04798	04069	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4071	04799	04070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4072	04800	04071	1		0	0	0	0																										

表 114

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4090	04819	04089	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4091	04820	04090	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4092	04821	04091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4093	04822	04092	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4094	04823	04093	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4095	04824	04094	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4096	04826	04095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4097	04827	04096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4098	04828	04097	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4099	04829	04098	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4100	04830	04099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4101	04831	04100	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4102	04832	04101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4103	04833	04102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4104	04834	04103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4105	04835	04104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4106	04836	04105	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4107	04837	04106	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4108	04838	04107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4109	04839	04108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4110	04840	04109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4111	04841	04110	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4112	04842	04111	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4113	04843	04112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4114	04844	04113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4115	04845	04114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4116	04846	04115	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4117	04847	04116	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4118	04848	04117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4119	04850	04118	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4120	04851	04119	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4121	04852	04120	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4122	04853	04121	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4123	04854	04122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4124	04855	04123	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4125	04856	04124	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表115

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4126	04859	04125	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0					
4127	04860	04126	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4128	04861	04127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4129	04862	04128	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0					
4130	04863	04129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4131	04864	04130	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4132	04865	04131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4133	04866	04132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4134	04867	04133	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4135	04868	04134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4136	04869	04135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4137	04870	04136	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4138	04872	04137	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4139	04873	04138	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0					
4140	04874	04139	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0					
4141	04875	04140	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0					
4142	04877	04141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4143	04878	04142	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4144	04879	04143	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4145	04881	04144	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0					
4146	04882	04145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4147	04883	04146	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4148	04884	04147	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0					
4149	04885	04148	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4150	04886	04149	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4151	04887	04150	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4152	04888	04151	25		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	3	0	0	0	0	0	0	0					
4153	04889	04152	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	1	0	0	0	0	0					
4154	04890	04153	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4155	04891	04154	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4156	04892	04155	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0					
4157	04893	04156	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4158	04894	04157	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0					
4159	04895	04158	14		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	1	0	0	0	0	0	0	0					
4160	04897	04159	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4161	04898	04160	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0					

表116

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4162	04900	04161	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4163	04902	04162	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4164	04903	04163	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4165	04904	04164	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4166	04905	04165	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4167	04907	04166	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4168	04908	04167	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4169	04909	04168	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4170	04910	04169	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4171	04912	04170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4172	04913	04171	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4173	04914	04172	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4174	04915	04173	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4175	04916	04174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4176	04917	04175	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4177	04918	04176	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4178	04919	04177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4179	04920	04178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4180	04921	04179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4181	04922	04180	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4182	04923	04181	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4183	04924	04182	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4184	04925	04183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4185	04926	04184	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4186	04927	04185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4187	04928	04186	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4188	04929	04187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4189	04930	04188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4190	04940	04189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4191	04945	04190	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4192	04947	04191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4193	04948	04192	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4194	04950	04193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4195	04965	04194	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4196	04985	04195	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4197	04986	04196	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表117



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4234	05031	04233	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4235	05033	04234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4236	05034	04235	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4237	05035	04236	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4238	05037	04237	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4239	05039	04238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4240	05040	04239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4241	05041	04240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4242	05042	04241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4243	05043	04242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4244	05044	04243	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4245	05045	04244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4246	05046	04245	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4247	05047	04246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4248	05051	04247	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4249	05052	04248	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4250	05053	04249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4251	05054	04250	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4252	05055	04251	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4253	05056	04252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4254	05058	04253	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4255	05059	04254	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4256	05060	04255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4257	05061	04256	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4258	05062	04257	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4259	05063	04258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4260	05064	04259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4261	05065	04260	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4262	05066	04261	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4263	05068	04262	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4264	05069	04263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4265	05070	04264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4266	05071	04265	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4267	05073	04266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4268	05074	04267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4269	05075	04268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表119



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4270	05076	04269	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4271	05077	04270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4272	05079	04271	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4273	05080	04272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4274	05081	04273	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4275	05082	04274	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4276	05083	04275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4277	05085	04276	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4278	05086	04277	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4279	05087	04278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4280	05088	04279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4281	05089	04280	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4282	05090	04281	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4283	05092	04282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4284	05094	04283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4285	05095	04284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4286	05096	04285	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4287	05099	04286	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4288	05100	04287	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4289	05102	04288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4290	05103	04289	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4291	05104	04290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4292	05105	04291	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4293	05106	04292	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4294	05107	04293	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4295	05108	04294	12		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4296	05109	04295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4297	05110	04296	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4298	05111	04297	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4299	05112	04298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4300	05113	04299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4301	05114	04300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4302	05115	04301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4303	05116	04302	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4304	05117	04303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4305	05118	04304	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表120

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AC	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4306	05119	04305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4307	05120	04306	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4308	05121	04307	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4309	05122	04308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4310	05123	04309	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4311	05124	04310	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4312	05127	04311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4313	05128	04312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4314	05129	04313	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4315	05130	04314	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4316	05132	04315	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4317	05133	04316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4318	05134	04317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4319	05135	04318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4320	05136	04319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4321	05137	04320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4322	05138	04321	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4323	05139	04322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4324	05140	04323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4325	05141	04324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4326	05142	04325	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4327	05143	04326	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4328	05144	04327	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4329	05145	04328	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4330	05147	04329	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4331	05148	04330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4332	05149	04331	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4333	05150	04332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4334	05151	04333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4335	05152	04334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4336	05153	04335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4337	05155	04336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4338	05157	04337	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4339	05158	04338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4340	05159	04339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
4341	05160	04340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

表121

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AC	AS	AJ	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4342	05161	04341	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0						
4343	05162	04342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4344	05163	04343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4345	05164	04344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4346	05165	04345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4347	05166	04346	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4348	05168	04347	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4349	05169	04348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4350	05170	04349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4351	05172	04350	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4352	05173	04351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4353	05174	04352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4354	05176	04353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4355	05177	04354	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4356	05178	04355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4357	05180	04356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4358	05181	04357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4359	05182	04358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4360	05183	04359	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4361	05184	04360	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4362	05185	04361	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4363	05186	04362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4364	05187	04363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4365	05188	04364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4366	05190	04365	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4367	05191	04366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4368	05192	04367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4369	05194	04368	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4370	05195	04369	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4371	05196	04370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4372	05197	04371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4373	05198	04372	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4374	05199	04373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4375	05200	04374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4376	05201	04375	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4377	05203	04376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表122

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4378	05204	04377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4379	05205	04378	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4380	05206	04379	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4381	05207	04380	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4382	05208	04381	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4383	05209	04382	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4384	05210	04383	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4385	05211	04384	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4386	05212	04385	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4387	05213	04386	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4388	05214	04387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4389	05215	04388	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4390	05216	04389	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4391	05217	04390	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4392	05218	04391	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4393	05219	04392	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4394	05220	04393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4395	05221	04394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4396	05223	04395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4397	05224	04396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4398	05227	04397	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4399	05228	04398	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4400	05229	04399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4401	05230	04400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4402	05231	04401	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4403	05232	04402	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4404	05233	04403	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4405	05234	04404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4406	05235	04405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4407	05236	04406	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4408	05237	04407	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4409	05238	04408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4410	05239	04409	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4411	05240	04410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4412	05241	04411	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4413	05242	04412	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					

表123

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4414	05243	04413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4415	05244	04414	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4416	05245	04415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4417	05246	04416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4418	05247	04417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4419	05248	04418	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4420	05249	04419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4421	05251	04420	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4422	05252	04421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4423	05253	04422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4424	05254	04423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4425	05255	04424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4426	05259	04425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4427	05260	04426	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4428	05262	04427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4429	05263	04428	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4430	05264	04429	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4431	05266	04430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4432	05267	04431	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4433	05269	04432	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4434	05270	04433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4435	05271	04434	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4436	05272	04435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4437	05273	04436	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4438	05274	04437	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4439	05275	04438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4440	05276	04439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4441	05278	04440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4442	05279	04441	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4443	05280	04442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4444	05281	04443	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4445	05282	04444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4446	05283	04445	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4447	05284	04446	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4448	05285	04447	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4449	05286	04448	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表124

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4450	05287	04449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4451	05288	04450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4452	05289	04451	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4453	05290	04452	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4454	05291	04453	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4455	05292	04454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4456	05293	04455	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4457	05294	04456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4458	05295	04457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4459	05296	04458	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4460	05297	04459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4461	05298	04460	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4462	05300	04461	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4463	05301	04462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4464	05302	04463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4465	05303	04464	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4466	05304	04465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4467	05305	04466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4468	05306	04467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4469	05307	04468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4470	05308	04469	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4471	05309	04470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4472	05310	04471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4473	05311	04472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4474	05312	04473	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4475	05313	04474	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4476	05314	04475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4477	05315	04476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4478	05316	04477	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4479	05318	04478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4480	05319	04479	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4481	05320	04480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4482	05321	04481	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4483	05322	04482	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4484	05323	04483	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					
4485	05325	04484	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0					

表125

[illegible]

表 126

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4522	05366	04521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4523	05367	04522	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4524	05368	04523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4525	05370	04524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4526	05371	04525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4527	05372	04526	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4528	05373	04527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4529	05374	04528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4530	05375	04529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4531	05376	04530	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4532	05377	04531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4533	05378	04532	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4534	05379	04533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4535	05381	04534	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4536	05382	04535	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4537	05383	04536	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4538	05384	04537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4539	05387	04538	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4540	05388	04539	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4541	05389	04540	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4542	05390	04541	32		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4543	05391	04542	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4544	05392	04543	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4545	05393	04544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4546	05394	04545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4547	05395	04546	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4548	05396	04547	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4549	05398	04548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4550	05399	04549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4551	05400	04550	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4552	05401	04551	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4553	05402	04552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4554	05404	04553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4555	05406	04554	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4556	05407	04555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
4557	05408	04556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表127



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4558	05409	04557	1																												
4559	05410	04558	2																												
4560	05411	04559	4																												
4561	05412	04560	9																												
4562	05413	04561	1																												
4563	05414	04562	1																												
4564	05415	04563	3																												
4565	05416	04564	1																												
4566	05417	04565	5																												
4567	05418	04566	3																												
4568	05419	04567	2																												
4569	05420	04568	3																												
4570	05421	04569	1																												
4571	05422	04570	2																												
4572	05423	04571	3																												
4573	05424	04572	2																												
4574	05425	04573	2																												
4575	05427	04574	1																												
4576	05428	04575	2																												
4577	05429	04576	2																												
4578	05430	04577	1																												
4579	05431	04578	1																												
4580	05432	04579	1																												
4581	05433	04580	2																												
4582	05434	04581	2																												
4583	05435	04582	4																												
4584	05436	04583	3																												
4585	05437	04584	1																												
4586	05438	04585	3																												
4587	05439	04586	3																												
4588	05440	04587	3																												
4589	05441	04588	1																												
4590	05442	04589	1																												
4591	05443	04590	1																												
4592	05444	04591	1																												
4593	05445	04592	2																												

表128

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4594	05446	04593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4595	05447	04594	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4596	05448	04595	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4597	05451	04596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4598	05452	04597	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4599	05453	04598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4600	05454	04599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4601	05455	04600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4602	05456	04601	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4603	05458	04602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4604	05459	04603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4605	05460	04604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4606	05461	04605	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4607	05462	04606	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4608	05464	04607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4609	05465	04608	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4610	05466	04609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4611	05467	04610	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4612	05468	04611	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4613	05469	04612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4614	05470	04613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4615	05471	04614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4616	05472	04615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4617	05474	04616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4618	05475	04617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4619	05476	04618	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4620	05477	04619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4621	05478	04620	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4622	05479	04621	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4623	05480	04622	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4624	05481	04623	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4625	05482	04624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4626	05483	04625	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4627	05484	04626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4628	05485	04627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4629	05486	04628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表129



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
4666	05332	04665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4667	05333	04666	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4668	05334	04667	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4669	05335	04668	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4670	05336	04669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4671	05338	04670	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4672	05339	04671	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4673	05540	04672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4674	05541	04673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4675	05544	04674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J04027	100	116	1	4286	4401
4676	05545	04675	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4677	05547	04676	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4678	05548	04677	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Y00757	98.8	256	1	896	1152
4679	05551	04678	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4680	05552	04679	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4681	05553	04680	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4682	05555	04681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4683	05556	04682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4684	05558	04683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4685	05559	04684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4686	05560	04685	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4687	05561	04686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4688	05562	04687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4689	05563	04688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4690	05564	04689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4691	05565	04690	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4692	05566	04691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4693	05567	04692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4694	05568	04693	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4695	05570	04694	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4696	05571	04695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L06328	97.1	103	1	1302	1404
4697	05572	04696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4698	05573	04697	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4699	05574	04698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4700	05575	04699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4701	05576	04700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

[illegible]

表 132

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4738	05623	04737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4739	05624	04738	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4740	05625	04739	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4741	05627	04740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4742	05628	04741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4743	05629	04742	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4744	05630	04743	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0						
4745	05631	04744	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4746	05632	04745	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4747	05634	04746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4748	05635	04747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4749	05636	04748	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4750	05637	04749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4751	05639	04750	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4752	05640	04751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4753	05642	04752	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4754	05643	04753	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4755	05644	04754	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4756	05645	04755	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4757	05646	04756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4758	05647	04757	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4759	05648	04758	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4760	05649	04759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4761	05650	04760	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4762	05651	04761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4763	05652	04762	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4764	05653	04763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4765	05654	04764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4766	05655	04765	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4767	05656	04766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4768	05657	04767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4769	05658	04768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4770	05659	04769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4771	05660	04770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4772	05661	04771	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
4773	05662	04772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表133

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4774	05665	04773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4775	05667	04774	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4776	05668	04775	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4777	05669	04776	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4778	05671	04777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4779	05673	04778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4780	05674	04779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4781	05676	04780	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4782	05679	04781	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4783	05680	04782	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4784	05681	04783	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4785	05682	04784	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4786	05683	04785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4787	05684	04786	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4788	05685	04787	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4789	05686	04788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4790	05687	04789	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4791	05688	04790	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4792	05689	04791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4793	05690	04792	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4794	05692	04793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4795	05693	04794	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4796	05694	04795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4797	05695	04796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4798	05696	04797	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4799	05697	04798	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4800	05701	04799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4801	05704	04800	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4802	05707	04801	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4803	05708	04802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4804	05709	04803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4805	05710	04804	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4806	05711	04805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4807	05714	04806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4808	05715	04807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4809	05716	04808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表134

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AN	AO	AS	AT	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4810	05718	04809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	05392	98.2	284	1	2120	2402
4811	05719	04810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4812	05720	04811	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4813	05721	04812	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4814	05722	04813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95.4	306	1	327	632
4815	05723	04814	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.4	63	1	802	1560
4816	05724	04815	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4817	05725	04816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4818	05726	04817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4819	05727	04818	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4820	05729	04819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4821	05730	04820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4822	05731	04821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4823	05732	04822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4824	05733	04823	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4825	05734	04824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4826	05735	04825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4827	05736	04826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4828	05738	04827	17		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4829	05741	04828	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4830	05742	04829	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4831	05743	04830	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4832	05747	04831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4833	05748	04832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4834	05749	04833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4835	05751	04834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4836	05752	04835	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4837	05754	04836	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4838	05755	04837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4839	05756	04838	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4840	05757	04839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4841	05758	04840	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4842	05759	04841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4843	05763	04842	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4844	05765	04843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4845	05767	04844	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表135



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4846	05768	04845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	X62571	97.3	73	130	1430	1512
4847	05769	04846	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4848	05770	04847	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4849	05772	04848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4850	05773	04849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4851	05774	04850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	D13643	95	343	1	3150	4186
4852	05775	04851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4853	05776	04852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4854	05777	04853	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4855	05778	04854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4856	05779	04855	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4857	05780	04856	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	J00269	90.5	359	1	1268	1617
4858	05781	04857	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4859	05782	04858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4860	05783	04859	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4861	05784	04860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4862	05785	04861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4863	05787	04862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4864	05789	04863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4865	05790	04864	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4866	05792	04865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4867	05793	04866	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	M87068	98.5	67	1	361	427
4868	05794	04867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4869	05795	04868	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4870	05796	04869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4871	05797	04870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4872	05798	04871	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	L12350	99.5	204	1	5181	5784
4873	05799	04872	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4874	05801	04873	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	X02851	100	84	1	1936	2027
4875	05804	04874	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0						
4876	05807	04875	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	X05803	90.7	323	1	525	956
4877	05808	04876	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0						
4878	05810	04877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4879	05813	04878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4880	05814	04879	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
4881	05815	04880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表137

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4918	05856	04917	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0				
4919	05857	04918	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4920	05858	04919	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4921	05859	04920	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4922	05860	04921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4923	05862	04922	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4924	05863	04923	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4925	05864	04924	10		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4926	05865	04925	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4927	05866	04926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4928	05867	04927	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4929	05868	04928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4930	05869	04929	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4931	05870	04930	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4932	05871	04931	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4933	05872	04932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4934	05874	04933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4935	05875	04934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4936	05876	04935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4937	05877	04936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4938	05879	04937	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4939	05880	04938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4940	05882	04939	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4941	05885	04940	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4942	05886	04941	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4943	05887	04942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4944	05888	04943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4945	05889	04944	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4946	05890	04945	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4947	05892	04946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4948	05893	04947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4949	05894	04948	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4950	05895	04949	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4951	05896	04950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4952	05897	04951	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4953	05898	04952	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表138

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
4954	05899	04953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4955	05900	04954	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4956	05902	04955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4957	05903	04956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4958	05907	04957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4959	05908	04958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4960	05912	04959	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4961	05913	04960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4962	05914	04961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4963	05916	04962	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4964	05917	04963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4965	05918	04964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4966	05919	04965	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4967	05920	04966	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4968	05921	04967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4969	05923	04968	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4970	05925	04969	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4971	05926	04970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4972	05927	04971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4973	05928	04972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4974	05932	04973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4975	05933	04974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4976	05934	04975	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4977	05937	04976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4978	05938	04977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4979	05939	04978	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4980	05940	04979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4981	05941	04980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4982	05942	04981	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4983	05943	04982	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4984	05946	04983	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4985	05947	04984	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4986	05948	04985	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4987	05949	04986	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4988	05951	04987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
4989	05952	04988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表139

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
4990	05953	04989	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0M37712	99.3	147	1	3717	3863	
4991	05954	04990	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4992	05955	04991	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4993	05956	04992	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4994	05957	04993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4995	05959	04994	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0M27319	98.5	65	1	735	799	
4996	05960	04995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4997	05961	04996	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4998	05962	04997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
4999	05963	04998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5000	05964	04999	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5001	05966	05000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5002	05967	05001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5003	05968	05002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5004	05969	05003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5005	05970	05004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5006	05974	05005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5007	05975	05006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5008	05976	05007	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5009	05978	05008	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5010	05980	05009	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5011	05981	05010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5012	05982	05011	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5013	05983	05012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5014	05984	05013	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5015	05987	05014	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5016	05988	05015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5017	05989	05016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5018	05991	05017	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5019	05992	05018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5020	05993	05019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5021	05994	05020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5022	05996	05021	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5023	05997	05022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5024	05998	05023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5025	05999	05024	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表140

[illegible]

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
5062	06046	05061	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	22548	94.4	338	1	509	937
5063	06047	05062	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5064	06048	05063	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5065	06049	05064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5066	06050	05065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5067	06051	05066	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5068	06052	05067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5069	06053	05068	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5070	06054	05069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5071	06055	05070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5072	06056	05071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5073	06057	05072	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5074	06059	05073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5075	06060	05074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5076	06061	05075	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5077	06062	05076	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5078	06064	05077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5079	06065	05078	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5080	06066	05079	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5081	06067	05080	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5082	06068	05081	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5083	06069	05082	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5084	06070	05083	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5085	06071	05084	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5086	06072	05085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5087	06074	05086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5088	06075	05087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5089	06076	05088	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5090	06077	05089	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5091	06078	05090	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5092	06079	05091	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5093	06080	05092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5094	06081	05093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5095	06083	05094	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5096	06084	05095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5097	06085	05096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
																								</								

表142

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5098	06086	05097	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5099	06087	05098	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5100	06089	05099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5101	06090	05100	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5102	06091	05101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5103	06092	05102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5104	06093	05103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5105	06094	05104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5106	06095	05105	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5107	06097	05106	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5108	06098	05107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5109	06100	05108	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5110	06101	05109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5111	06102	05110	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5112	06103	05111	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5113	06104	05112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5114	06105	05113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5115	06107	05114	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5116	06108	05115	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0		98.8	84	1	100	3355
5117	06109	05116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5118	06110	05117	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5119	06111	05118	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5120	06112	05119	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5121	06113	05120	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5122	06114	05121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5123	06115	05122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5124	06116	05123	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5125	06117	05124	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5126	06118	05125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5127	06119	05126	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5128	06122	05127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5129	06123	05128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5130	06125	05129	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5131	06126	05130	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5132	06127	05131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5133	06128	05132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表143



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5134	06129	05133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5135	06130	05134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5136	06131	05135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5137	06133	05136	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5138	06136	05137	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5139	06137	05138	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5140	06138	05139	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5141	06139	05140	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5142	06141	05141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5143	06142	05142	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5144	06144	05143	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5145	06145	05144	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5146	06146	05145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5147	06148	05146	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5148	06150	05147	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5149	06151	05148	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5150	06152	05149	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5151	06153	05150	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5152	06154	05151	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5153	06155	05152	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5154	06156	05153	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5155	06157	05154	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5156	06158	05155	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5157	06159	05156	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5158	06160	05157	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5159	06161	05158	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5160	06163	05159	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5161	06164	05160	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5162	06165	05161	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5163	06166	05162	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5164	06167	05163	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5165	06168	05164	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5166	06169	05165	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5167	06170	05166	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5168	06171	05167	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					
5169	06172	05168	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0					

表144

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5170	06173	05169	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5171	06174	05170	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5172	06175	05171	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5173	06176	05172	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5174	06177	05173	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5175	06179	05174	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5176	06180	05175	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5177	06181	05176	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5178	06182	05177	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5179	06183	05178	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5180	06184	05179	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5181	06185	05180	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5182	06186	05181	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5183	06187	05182	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5184	06188	05183	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5185	06189	05184	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5186	06190	05185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5187	06191	05186	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5188	06192	05187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5189	06195	05188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5190	06196	05189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5191	06197	05190	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5192	06198	05191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5193	06199	05192	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5194	06200	05193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5195	06201	05194	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5196	06202	05195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5197	06203	05196	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5198	06204	05197	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5199	06205	05198	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5200	06206	05199	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5201	06207	05200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5202	06208	05201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5203	06209	05202	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5204	06210	05203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5205	06211	05204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表145

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5206	06213	05205	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5207	06215	05206	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5208	06216	05207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5209	06217	05208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5210	06218	05209	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5211	06219	05210	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5212	06220	05211	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5213	06221	05212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5214	06222	05213	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5215	06224	05214	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5216	06225	05215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5217	06226	05216	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5218	06227	05217	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5219	06228	05218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5220	06229	05219	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5221	06230	05220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5222	06232	05221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5223	06233	05222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5224	06234	05223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5225	06235	05224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5226	06236	05225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5227	06237	05226	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5228	06238	05227	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5229	06240	05228	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5230	06241	05229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5231	06243	05230	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5232	06244	05231	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5233	06246	05232	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5234	06247	05233	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5235	06248	05234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5236	06249	05235	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5237	06250	05236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5238	06251	05237	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5239	06253	05238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5240	06254	05239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5241	06255	05240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表146

[illegible]

表 147

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BAB	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5278	06299	05277	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5279	06300	05278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5280	06301	05279	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5281	06302	05280	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5282	06303	05281	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5283	06304	05282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5284	06305	05283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5285	06306	05284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5286	06307	05285	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5287	06308	05286	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5288	06309	05287	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5289	06310	05288	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5290	06311	05289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5291	06313	05290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5292	06314	05291	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5293	06315	05292	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5294	06316	05293	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5295	06317	05294	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5296	06318	05295	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5297	06319	05296	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5298	06320	05297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5299	06321	05298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5300	06322	05299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5301	06323	05300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5302	06324	05301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5303	06325	05302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5304	06326	05303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5305	06327	05304	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5306	06329	05305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5307	06330	05306	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5308	06331	05307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5309	06332	05308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5310	06333	05309	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5311	06334	05310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5312	06335	05311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5313	06337	05312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表148



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5350	06380	05349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5351	06381	05350	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5352	06382	05351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5353	06383	05352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5354	06384	05353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5355	06385	05354	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5356	06386	05355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5357	06387	05356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5358	06388	05357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5359	06389	05358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5360	06390	05359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5361	06392	05360	26		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	26	0	0	0	0	0	0	0						
5362	06393	05361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5363	06394	05362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5364	06395	05363	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5365	06396	05364	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5366	06397	05365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5367	06398	05366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5368	06399	05367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5369	06400	05368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5370	06401	05369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5371	06402	05370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5372	06403	05371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5373	06404	05372	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5374	06405	05373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5375	06407	05374	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5376	06408	05375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5377	06409	05376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5378	06410	05377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5379	06411	05378	15		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0						
5380	06412	05379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5381	06413	05380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5382	06414	05381	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5383	06415	05382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5384	06416	05383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						
5385	06417	05384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0						

表150





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5422	06454	05421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L10910	95.1	205	1	2334	2595
5423	06455	05422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5424	06456	05423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5425	06457	05424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5426	06458	05425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5427	06459	05426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5428	06460	05427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5429	06461	05428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5430	06462	05429	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5431	06463	05430	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5432	06464	05431	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5433	06465	05432	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5434	06466	05433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5435	06468	05434	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5436	06469	05435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5437	06470	05436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5438	06471	05437	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5439	06472	05438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5440	06473	05439	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5441	06474	05440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5442	06475	05441	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5443	06476	05442	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5444	06477	05443	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5445	06478	05444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5446	06481	05445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5447	06482	05446	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5448	06483	05447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5449	06484	05448	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5450	06485	05449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5451	06486	05450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5452	06487	05451	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5453	06488	05452	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5454	06489	05453	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5455	06490	05454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5456	06491	05455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5457	06492	05456	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表152

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5458	06493	05457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5459	06496	05458	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5460	06498	05459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5461	06499	05460	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5462	06500	05461	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5463	06501	05462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5464	06502	05463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5465	06503	05464	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5466	06504	05465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5467	06505	05466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5468	06506	05467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5469	06507	05468	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5470	06508	05469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5471	06509	05470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5472	06510	05471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5473	06511	05472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5474	06512	05473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5475	06513	05474	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5476	06514	05475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5477	06515	05476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5478	06516	05477	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5479	06517	05478	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5480	06518	05479	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5481	06519	05480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5482	06520	05481	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5483	06521	05482	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5484	06522	05483	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5485	06523	05484	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5486	06524	05485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5487	06525	05486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5488	06526	05487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5489	06527	05488	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5490	06528	05489	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5491	06529	05490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5492	06530	05491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5493	06531	05492	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表153

[illegible]

表154

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5530	06576	05529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5531	06577	05530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5532	06578	05531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5533	06579	05532	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	X54925	98 203	1	1410	1970	
5534	06580	05533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5535	06581	05534	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M58460	98.9 177	1	1364	1542		
5536	06582	05535	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5537	06583	05536	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5538	06584	05537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5539	06585	05538	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5540	06586	05539	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5541	06587	05540	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5542	06588	05541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5543	06590	05542	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5544	06592	05543	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M98479	92.4 250	1	1311	1557	
5545	06593	05544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5546	06594	05545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5547	06595	05546	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5548	06596	05547	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5549	06597	05548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5550	06599	05549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5551	06600	05550	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M14083	90.1 162	1	2218	2937	
5552	06601	05551	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5553	06602	05552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5554	06603	05553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5555	06604	05554	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5556	06605	05555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5557	06606	05556	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5558	06607	05557	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5559	06608	05558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5560	06609	05559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M10036	95 80	43	1483	1835	
5561	06610	05560	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5562	06611	05561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5563	06612	05562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L22569	91.5 130	1	971	2286	
5564	06613	05563	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5565	06614	05564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表155

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5566	06615	05565	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5567	06616	05566	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5568	06617	05567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5569	06618	05568	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5570	06619	05569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5571	06620	05570	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5572	06621	05571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5573	06623	05572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5574	06624	05573	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5575	06625	05574	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5576	06626	05575	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5577	06627	05576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5578	06628	05577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5579	06630	05578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5580	06631	05579	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5581	06632	05580	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5582	06633	05581	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5583	06634	05582	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5584	06635	05583	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5585	06636	05584	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5586	06637	05585	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5587	06638	05586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5588	06639	05587	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5589	06640	05588	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5590	06641	05589	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5591	06642	05590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5592	06643	05591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5593	06645	05592	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5594	06646	05593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5595	06647	05594	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5596	06649	05595	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5597	06650	05596	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5598	06651	05597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5599	06652	05598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5600	06653	05599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5601	06654	05600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表156

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5602	06656	05601	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5603	06659	05602	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5604	06660	05603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5605	06661	05604	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5606	06662	05605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5607	06664	05606	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5608	06666	05607	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5609	06667	05608	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5610	06668	05609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5611	06669	05610	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5612	06670	05611	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5613	06672	05612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5614	06673	05613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5615	06674	05614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5616	06675	05615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5617	06676	05616	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5618	06677	05617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5619	06678	05618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5620	06679	05619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5621	06680	05620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5622	06681	05621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5623	06682	05622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5624	06683	05623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5625	06684	05624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5626	06685	05625	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5627	06686	05626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5628	06687	05627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5629	06688	05628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5630	06689	05629	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5631	06690	05630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5632	06691	05631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5633	06692	05632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5634	06693	05633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5635	06694	05634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5636	06696	05635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5637	06697	05636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表157

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5638	06698	05637	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5639	06699	05638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5640	06700	05639	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5641	06701	05640	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5642	06702	05641	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5643	06703	05642	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5644	06704	05643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5645	06705	05644	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5646	06706	05645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5647	06707	05646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5648	06708	05647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5649	06710	05648	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5650	06711	05649	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5651	06712	05650	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5652	06713	05651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5653	06714	05652	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5654	06715	05653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5655	06716	05654	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5656	06717	05655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5657	06718	05656	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5658	06719	05657	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5659	06720	05658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5660	06721	05659	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5661	06724	05660	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5662	06725	05661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5663	06726	05662	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5664	06727	05663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5665	06728	05664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5666	06730	05665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5667	06731	05666	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5668	06732	05667	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5669	06733	05668	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5670	06734	05669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5671	06735	05670	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5672	06736	05671	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5673	06737	05672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表158

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5674	06739	05673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5675	06740	05674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5676	06742	05675	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5677	06743	05676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5678	06744	05677	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5679	06745	05678	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5680	06746	05679	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5681	06747	05680	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5682	06749	05681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5683	06750	05682	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5684	06751	05683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5685	06752	05684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5686	06753	05685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5687	06754	05686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5688	06755	05687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5689	06756	05688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5690	06757	05689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5691	06758	05690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5692	06759	05691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5693	06760	05692	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5694	06762	05693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5695	06763	05694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5696	06764	05695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5697	06765	05696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5698	06766	05697	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5699	06767	05698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5700	06768	05699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5701	06769	05700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5702	06770	05701	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5703	06771	05702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5704	06772	05703	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5705	06773	05704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5706	06774	05705	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5707	06775	05706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5708	06776	05707	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5709	06777	05708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表159



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK			
5710	06778	05709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05633	100	214	1	2887	3117		
5711	06780	05710	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5712	06781	05711	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5713	06783	05712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5714	06784	05713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5715	06785	05714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5716	06786	05715	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2887	3117		
5717	06787	05716	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5718	06788	05717	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5719	06789	05718	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5720	06790	05719	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5721	06791	05720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5722	06792	05721	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5723	06794	05722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5724	06795	05723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.3	363	1	2923	3784
5725	06796	05724	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5726	06797	05725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5727	06798	05726	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5728	06800	05727	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5729	06801	05728	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5730	06802	05729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5731	06803	05730	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5732	06804	05731	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5733	06805	05732	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5734	06806	05733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5735	06807	05734	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5736	06808	05735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5737	06809	05736	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5738	06810	05737	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5739	06811	05738	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5740	06812	05739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5741	06813	05740	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	98.4	127	1	2780	2955
5742	06815	05741	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5743	06816	05742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	93.3	195	1	1175	1550
5744	06817	05743	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5745	06818	05744	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表160

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5746	06819	05745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5747	06820	05746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5748	06821	05747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5749	06823	05748	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5750	06824	05749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5751	06825	05750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5752	06826	05751	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5753	06827	05752	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5754	06828	05753	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5755	06829	05754	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5756	06830	05755	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5757	06831	05756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5758	06832	05757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5759	06833	05758	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5760	06834	05759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5761	06835	05760	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5762	06836	05761	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5763	06837	05762	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5764	06838	05763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5765	06839	05764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5766	06840	05765	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5767	06841	05766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5768	06842	05767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5769	06843	05768	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5770	06844	05769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5771	06845	05770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5772	06846	05771	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5773	06848	05772	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5774	06850	05773	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5775	06851	05774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5776	06852	05775	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5777	06854	05776	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5778	06855	05777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5779	06856	05778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5780	06857	05779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5781	06858	05780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表161

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5782	06859	05781	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5783	06863	05782	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5784	06864	05783	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5785	06865	05784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5786	06866	05785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5787	06869	05786	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5788	06870	05787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5789	06871	05788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5790	06872	05789	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5791	06873	05790	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5792	06874	05791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5793	06875	05792	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5794	06876	05793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5795	06878	05794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5796	06879	05795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5797	06880	05796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5798	06882	05797	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5799	06883	05798	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5800	06884	05799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5801	06885	05800	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5802	06886	05801	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5803	06888	05802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5804	06889	05803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5805	06890	05804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5806	06891	05805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5807	06893	05806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5808	06894	05807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5809	06895	05808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5810	06896	05809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5811	06897	05810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5812	06898	05811	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5813	06899	05812	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5814	06900	05813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5815	06901	05814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5816	06902	05815	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5817	06903	05816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表162

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5818	06904	05817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5819	06906	05818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5820	06909	05819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5821	06910	05820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5822	06911	05821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5823	06912	05822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5824	06913	05823	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5825	06915	05824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5826	06916	05825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5827	06917	05826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5828	06919	05827	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5829	06920	05828	27		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5830	06922	05829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5831	06923	05830	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5832	06927	05831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5833	06928	05832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5834	06929	05833	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5835	06930	05834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5836	06931	05835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5837	06932	05836	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5838	06933	05837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5839	06934	05838	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5840	06935	05839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5841	06936	05840	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5842	06937	05841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5843	06938	05842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5844	06939	05843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5845	06941	05844	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5846	06942	05845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5847	06943	05846	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5848	06945	05847	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5849	06946	05848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5850	06947	05849	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5851	06948	05850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5852	06949	05851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5853	06951	05852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表163

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5854	06952	05853	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5855	06953	05854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5856	06954	05855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5857	06955	05856	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5858	06956	05857	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5859	06957	05858	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5860	06959	05859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5861	06960	05860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5862	06961	05861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5863	06963	05862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5864	06964	05863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5865	06965	05864	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5866	06966	05865	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5867	06967	05866	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5868	06969	05867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5869	06971	05868	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5870	06972	05869	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5871	06973	05870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5872	06975	05871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5873	06977	05872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5874	06978	05873	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5875	06979	05874	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5876	06981	05875	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5877	06982	05876	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5878	06983	05877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5879	06984	05878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5880	06985	05879	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5881	06986	05880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5882	06987	05881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5883	06988	05882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5884	06989	05883	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5885	06990	05884	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5886	06991	05885	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5887	06992	05886	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5888	06993	05887	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5889	06994	05888	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表164

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5890	06995	05889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5891	06996	05890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5892	06997	05891	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5893	06998	05892	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5894	06999	05893	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5895	07000	05894	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5896	07001	05895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5897	07002	05896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5898	07003	05897	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5899	07004	05898	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5900	07005	05899	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5901	07006	05900	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5902	07007	05901	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5903	07008	05902	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5904	07009	05903	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5905	07011	05904	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5906	07012	05905	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5907	07013	05906	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5908	07014	05907	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5909	07015	05908	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5910	07016	05909	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5911	07017	05910	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5912	07018	05911	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5913	07020	05912	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5914	07021	05913	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5915	07022	05914	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5916	07023	05915	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5917	07025	05916	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5918	07026	05917	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5919	07027	05918	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5920	07028	05919	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5921	07029	05920	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5922	07030	05921	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5923	07031	05922	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5924	07032	05923	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
5925	07033	05924	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表165

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
5926	07034	05925	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5927	07035	05926	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5928	07036	05927	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5929	07037	05928	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5930	07038	05929	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5931	07039	05930	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5932	07040	05931	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5933	07041	05932	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5934	07043	05933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5935	07044	05934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5936	07046	05935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5937	07047	05936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5938	07048	05937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5939	07049	05938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5940	07050	05939	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5941	07053	05940	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5942	07054	05941	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5943	07055	05942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5944	07056	05943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5945	07057	05944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5946	07058	05945	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5947	07059	05946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5948	07060	05947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5949	07061	05948	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5950	07062	05949	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5951	07063	05950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5952	07065	05951	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5953	07066	05952	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5954	07067	05953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5955	07068	05954	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5956	07069	05955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5957	07071	05956	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5958	07072	05957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5959	07074	05958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5960	07075	05959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
5961	07076	05960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

94248113321671

93.31341147410

M34671D25269

表166

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5962	07079	05961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5963	07080	05962	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5964	07081	05963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5965	07082	05964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5966	07083	05965	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5967	07084	05966	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5968	07085	05967	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5969	07086	05968	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5970	07087	05969	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5971	07088	05970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5972	07089	05971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5973	07091	05972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5974	07093	05973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5975	07094	05974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5976	07095	05975	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5977	07096	05976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5978	07097	05977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5979	07098	05978	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5980	07099	05979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5981	07100	05980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5982	07101	05981	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5983	07102	05982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5984	07103	05983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5985	07104	05984	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5986	07105	05985	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5987	07106	05986	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5988	07108	05987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5989	07110	05988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5990	07111	05989	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5991	07112	05990	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5992	07113	05991	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5993	07114	05992	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5994	07115	05993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5995	07116	05994	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5996	07117	05995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5997	07118	05996	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表167



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
5998	07119	05997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
5999	07120	05998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6000	07121	05999	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6001	07122	06000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6002	07123	06001	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6003	07124	06002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6004	07125	06003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6005	07126	06004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6006	07127	06005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6007	07128	06006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6008	07129	06007	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6009	07130	06008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6010	07131	06009	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6011	07132	06010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6012	07133	06011	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6013	07134	06012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6014	07135	06013	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6015	07136	06014	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6016	07137	06015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6017	07138	06016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6018	07139	06017	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6019	07140	06018	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6020	07141	06019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6021	07142	06020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6022	07143	06021	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6023	07144	06022	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6024	07145	06023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6025	07146	06024	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6026	07147	06025	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6027	07150	06026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6028	07151	06027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6029	07152	06028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6030	07153	06029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6031	07154	06030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6032	07156	06031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6033	07157	06032	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表168

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6034	07158	06033	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6035	07160	06034	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6036	07161	06035	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6037	07162	06036	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6038	07163	06037	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6039	07164	06038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6040	07165	06039	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6041	07166	06040	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6042	07167	06041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6043	07169	06042	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6044	07170	06043	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6045	07171	06044	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6046	07173	06045	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6047	07174	06046	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6048	07175	06047	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6049	07178	06048	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6050	07179	06049	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6051	07180	06050	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		M32219	95.7	326	1	312	765
6052	07181	06051	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6053	07182	06052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6054	07183	06053	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6055	07185	06054	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6056	07186	06055	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		L20860	96.8	94	1	639	2793
6057	07187	06056	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6058	07188	06057	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6059	07192	06058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6060	07193	06059	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6061	07194	06060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6062	07195	06061	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6063	07196	06062	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6064	07199	06063	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6065	07200	06064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6066	07201	06065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6067	07202	06066	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6068	07204	06067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
6069	07206	06068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

表 169

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6070	07209	06069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6071	07210	06070	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6072	07211	06071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6073	07212	06072	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6074	07213	06073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6075	07214	06074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6076	07215	06075	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6077	07216	06076	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6078	07217	06077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6079	07218	06078	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6080	07219	06079	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6081	07220	06080	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6082	07221	06081	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6083	07222	06082	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6084	07223	06083	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6085	07224	06084	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6086	07225	06085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6087	07226	06086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6088	07227	06087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6089	07228	06088	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6090	07229	06089	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6091	07230	06090	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6092	07231	06091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6093	07232	06092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6094	07233	06093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6095	07238	06094	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6096	07241	06095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6097	07243	06096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6098	07244	06097	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6099	07245	06098	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6100	07246	06099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6101	07249	06100	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6102	07250	06101	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6103	07251	06102	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6104	07253	06103	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
6105	07257	06104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	

表170

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6106	07259	06105	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6107	07261	06106	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	1	0						
6108	07263	06107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6109	07264	06108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6110	07265	06109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6111	07266	06110	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6112	07267	06111	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6113	07268	06112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6114	07269	06113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6115	07270	06114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6116	07272	06115	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6117	07274	06116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6118	07275	06117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6119	07276	06118	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6120	07277	06119	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6121	07278	06120	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	1						
6122	07279	06121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6123	07280	06122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6124	07281	06123	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6125	07282	06124	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6126	07283	06125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6127	07284	06126	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6128	07285	06127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6129	07286	06128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6130	07287	06129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6131	07288	06130	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6132	07289	06131	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6133	07290	06132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6134	07291	06133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6135	07292	06134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6136	07293	06135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6137	07294	06136	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6138	07295	06137	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6139	07296	06138	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6140	07297	06139	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						
6141	07298	06140	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0						

表171





	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6214	07374	06213	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6215	07375	06214	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6216	07376	06215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6217	07377	06216	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6218	07378	06217	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6219	07379	06218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6220	07380	06219	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6221	07381	06220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6222	07382	06221	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6223	07383	06222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6224	07384	06223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6225	07385	06224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6226	07386	06225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6227	07387	06226	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6228	07388	06227	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6229	07389	06228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6230	07390	06229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6231	07391	06230	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6232	07392	06231	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6233	07393	06232	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6234	07394	06233	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6235	07395	06234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6236	07396	06235	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6237	07397	06236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6238	07398	06237	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6239	07399	06238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6240	07400	06239	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6241	07401	06240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6242	07402	06241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6243	07403	06242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6244	07404	06243	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6245	07405	06244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6246	07406	06245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6247	07407	06246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6248	07408	06247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6249	07409	06248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表174

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
6250	07410	06249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6251	07411	06250	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6252	07412	06251	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0					
6253	07413	06252	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0					
6254	07414	06253	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6255	07415	06254	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6256	07416	06255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6257	07417	06256	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0					
6258	07418	06257	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6259	07419	06258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6260	07420	06259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6261	07421	06260	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6262	07422	06261	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6263	07423	06262	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6264	07424	06263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6265	07425	06264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6266	07426	06265	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6267	07427	06266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6268	07429	06267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6269	07430	06268	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0					
6270	07431	06269	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6271	07432	06270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6272	07433	06271	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6273	07434	06272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6274	07435	06273	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6275	07436	06274	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6276	07437	06275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6277	07438	06276	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6278	07439	06277	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6279	07440	06278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6280	07441	06279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6281	07442	06280	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6282	07443	06281	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6283	07444	06282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6284	07445	06283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
6285	07446	06284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0					
														</																			

92.1 280 1 1990 2271

93.7 191 1 5299 5487

499436

225535

表175



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6286	07447	06285	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6287	07448	06286	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
6288	07449	06287	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6289	07450	06288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6290	07451	06289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6291	07452	06290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6292	07453	06291	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6293	07454	06292	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6294	07455	06293	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6295	07456	06294	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6296	07457	06295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6297	07458	06296	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6298	07459	06297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6299	07460	06298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6300	07461	06299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6301	07462	06300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6302	07463	06301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6303	07464	06302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6304	07465	06303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6305	07466	06304	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6306	07467	06305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6307	07468	06306	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6308	07469	06307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6309	07470	06308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6310	07471	06309	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6311	07472	06310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6312	07473	06311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6313	07474	06312	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6314	07475	06313	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6315	07476	06314	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6316	07477	06315	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6317	07478	06316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6318	07479	06317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6319	07480	06318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6320	07481	06319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6321	07483	06320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表176

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
6322	07484	06321	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	M75126	94.2	330	1	3032	3580	
6323	07485	06322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6324	07486	06323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6325	07487	06324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6326	07488	06325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6327	07489	06326	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6328	07490	06327	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6329	07491	06328	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6330	07492	06329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6331	07493	06330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6332	07494	06331	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6333	07495	06332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6334	07496	06333	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6335	07497	06334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6336	07498	06335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6337	07499	06336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6338	07500	06337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6339	07501	06338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6340	07502	06339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6341	07503	06340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6342	07504	06341	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6343	07505	06342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6344	07506	06343	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6345	07507	06344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6346	07508	06345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6347	07509	06346	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6348	07510	06347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6349	07511	06348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6350	07512	06349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6351	07513	06350	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6352	07514	06351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6353	07515	06352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6354	07516	06353	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6355	07517	06354	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6356	07518	06355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6357	07520	06356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表177

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6358	07521	06357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6359	07522	06358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6360	07523	06359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6361	07524	06360	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6362	07525	06361	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6363	07526	06362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6364	07527	06363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6365	07528	06364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6366	07529	06365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6367	07530	06366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6368	07531	06367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6369	07532	06368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6370	07533	06369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6371	07534	06370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6372	07535	06371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6373	07536	06372	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6374	07537	06373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6375	07538	06374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6376	07539	06375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6377	07540	06376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6378	07541	06377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6379	07543	06378	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6380	07544	06379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6381	07545	06380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6382	07546	06381	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6383	07547	06382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6384	07548	06383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6385	07549	06384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6386	07550	06385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6387	07551	06386	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6388	07552	06387	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6389	07553	06388	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6390	07554	06389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6391	07555	06390	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6392	07556	06391	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						
6393	07557	06392	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0						

表178

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6394	07558	06393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	MI8172	97.5	161	1	674	834
6395	07559	06394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6396	07560	06395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6397	07561	06396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6398	07562	06397	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6399	07563	06398	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6400	07564	06399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6401	07565	06400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6402	07567	06401	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6403	07568	06402	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6404	07569	06403	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6405	07570	06404	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6406	07571	06405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6407	07572	06406	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6408	07573	06407	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6409	07574	06408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6410	07575	06409	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6411	07576	06410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6412	07577	06411	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6413	07578	06412	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6414	07579	06413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6415	07580	06414	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6416	07581	06415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6417	07582	06416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6418	07583	06417	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6419	07584	06418	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6420	07585	06419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6421	07586	06420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6422	07587	06421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6423	07588	06422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6424	07589	06423	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6425	07590	06424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6426	07591	06425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6427	07592	06426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6428	07593	06427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6429	07594	06428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表179

[illegible]

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
6466	07632	06465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	004208	100	48	1	1598	1654
6467	07633	06466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6468	07634	06467	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6469	07635	06468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6470	07636	06469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6471	07637	06470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6472	07638	06471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6473	07639	06472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6474	07640	06473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6475	07641	06474	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6476	07642	06475	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6477	07643	06476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6478	07644	06477	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6479	07645	06478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6480	07646	06479	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6481	07647	06480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6482	07648	06481	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	95.5	157	1	4575	5109
6483	07649	06482	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91.3	69	19	858	926
6484	07650	06483	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6485	07651	06484	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6486	07652	06485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6487	07653	06486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6488	07655	06487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6489	07656	06488	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6490	07657	06489	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6491	07658	06490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6492	07659	06491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6493	07660	06492	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6494	07661	06493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6495	07663	06494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6496	07664	06495	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6497	07665	06496	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6498	07666	06497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6499	07667	06498	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6500	07668	06499	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6501	07669	06500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表181

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6502	07670	06501	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6503	07671	06502	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6504	07672	06503	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6505	07673	06504	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6506	07674	06505	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6507	07675	06506	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6508	07676	06507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6509	07677	06508	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6510	07678	06509	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6511	07679	06510	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6512	07680	06511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6513	07681	06512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6514	07682	06513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6515	07683	06514	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6516	07684	06515	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6517	07686	06516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6518	07687	06517	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6519	07688	06518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6520	07689	06519	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6521	07690	06520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6522	07691	06521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6523	07692	06522	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6524	07693	06523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6525	07694	06524	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6526	07695	06525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6527	07696	06526	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6528	07697	06527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6529	07698	06528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6530	07699	06529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6531	07700	06530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6532	07701	06531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6533	07702	06532	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6534	07703	06533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6535	07704	06534	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6536	07705	06535	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6537	07708	06536	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表182

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6538	07709	06537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6539	07710	06538	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6540	07711	06539	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6541	07712	06540	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6542	07713	06541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6543	07714	06542	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6544	07715	06543	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6545	07716	06544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6546	07717	06545	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6547	07718	06546	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6548	07719	06547	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6549	07720	06548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6550	07721	06549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6551	07722	06550	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6552	07723	06551	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6553	07724	06552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6554	07725	06553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6555	07726	06554	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6556	07727	06555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6557	07729	06556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6558	07731	06557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6559	07734	06558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6560	07735	06559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6561	07736	06560	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6562	07738	06561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6563	07739	06562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6564	07740	06563	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6565	07741	06564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6566	07742	06565	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6567	07743	06566	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6568	07744	06567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6569	07745	06568	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6570	07746	06569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6571	07748	06570	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6572	07749	06571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6573	07750	06572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表183



231

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK	
6610	07790	06609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6611	07792	06610	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6612	07793	06611	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6613	07794	06612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6614	07795	06613	6		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M31732	98.5	66	1	1748	1813
6615	07796	06614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6616	07797	06615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6617	07798	06616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6618	07800	06617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6619	07801	06618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6620	07802	06619	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6621	07804	06620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6622	07805	06621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6623	07807	06622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6624	07808	06623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6625	07810	06624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6626	07811	06625	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6627	07812	06626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6628	07813	06627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6629	07814	06628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6630	07815	06629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6631	07816	06630	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	J05448	97.8	91	1	1669	1766
6632	07817	06631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6633	07818	06632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6634	07819	06633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6635	07820	06634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6636	07821	06635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6637	07822	06636	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6638	07823	06637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6639	07824	06638	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6640	07826	06639	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6641	07827	06640	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6642	07828	06641	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L07395	95.3	127	1	1265	2226
6643	07829	06642	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6644	07831	06643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6645	07834	06644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表185



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6682	07880	06681	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6683	07881	06682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6684	07882	06683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6685	07883	06684	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6686	07884	06685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6687	07885	06686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6688	07886	06687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6689	07887	06688	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6690	07889	06689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6691	07890	06690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6692	07891	06691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6693	07892	06692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6694	07893	06693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6695	07894	06694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6696	07895	06695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6697	07896	06696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6698	07897	06697	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6699	07898	06698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6700	07900	06699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6701	07901	06700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6702	07902	06701	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6703	07903	06702	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6704	07904	06703	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6705	07905	06704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6706	07909	06705	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6707	07911	06706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6708	07912	06707	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6709	07913	06708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6710	07915	06709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6711	07916	06710	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6712	07917	06711	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6713	07918	06712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6714	07919	06713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6715	07920	06714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6716	07921	06715	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6717	07922	06716	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表187



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
6754	07971	06753	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6755	07973	06754	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6756	07974	06755	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6757	07975	06756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6758	07976	06757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6759	07977	06758	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6760	07981	06759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6761	07986	06760	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6762	07987	06761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6763	07988	06762	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6764	07989	06763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6765	07990	06764	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6766	07991	06765	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6767	07992	06766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6768	07994	06767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6769	07995	06768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6770	07997	06769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6771	07998	06770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6772	07999	06771	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6773	08000	06772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6774	08001	06773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6775	08002	06774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6776	08003	06775	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6777	08004	06776	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6778	08005	06777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6779	08006	06778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6780	08007	06779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6781	08008	06780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6782	08009	06781	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6783	08010	06782	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6784	08011	06783	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6785	08012	06784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6786	08013	06785	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6787	08014	06786	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6788	08015	06787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					
6789	08016	06788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					

表189

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
6790	08017	06789	3																						0	0228407	92.7	300	1	236	852
6791	08018	06790	1																						0						
6792	08019	06791	1																						0						
6793	08020	06792	1																						0						
6794	08021	06793	1																						0						
6795	08022	06794	1																						0						
6796	08023	06795	1																						0						
6797	08024	06796	1																						0						
6798	08025	06797	27																						0						
6799	08026	06798	1																						0						
6800	08027	06799	2																						0	0X65024	98.2	112	1	3344	3455
6801	08028	06800	1																						0						
6802	08029	06801	1																						0						
6803	08030	06802	2																						0						
6804	08031	06803	1																						0						
6805	08032	06804	1																						0						
6806	08033	06805	1																						0						
6807	08034	06806	1																						0						
6808	08036	06807	1																						0	0M14199	98.8	240	32	236	475
6809	08037	06808	1																						0						
6810	08038	06809	1																						0						
6811	08039	06810	1																						0						
6812	08040	06811	2																						0	0M16453	94.4	143	1	172	369
6813	08041	06812	1																						0						
6814	08042	06813	1																						0						
6815	08043	06814	1																						0						
6816	08044	06815	3																						0	0M63625	91	433	1	1019	1684
6817	08045	06816	1																						0	0M92439	96.5	229	1	3739	4782
6818	08046	06817	2																						0						
6819	08047	06818	1																						0						
6820	08048	06819	1																						0						
6821	08049	06820	1																						0						
6822	08050	06821	1																						0						
6823	08051	06822	2																						0	0M85849	98.1	157	1	2087	2312
6824	08052	06823	1																						0						
6825	08053	06824	1																						0						

表190

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BE	BF	BGBH	BI	BK	
6826	08054	06825	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	L13463	99.5	207	1	1139	1345
6827	08055	06826	7		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6828	08056	06827	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6829	08057	06828	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6830	08058	06829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6831	08059	06830	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6832	08060	06831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6833	08061	06832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6834	08062	06833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6835	08063	06834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6836	08064	06835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6837	08065	06836	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6838	08066	06837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6839	08067	06838	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6840	08068	06839	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6841	08069	06840	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6842	08070	06841	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6843	08071	06842	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6844	08073	06843	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6845	08074	06844	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6846	08075	06845	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6847	08076	06846	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6848	08077	06847	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6849	08078	06848	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6850	08079	06849	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6851	08080	06850	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6852	08081	06851	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6853	08082	06852	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6854	08083	06853	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6855	08084	06854	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6856	08085	06855	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6857	08086	06856	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6858	08087	06857	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6859	08088	06858	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6860	08089	06859	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			
6861	08090	06860	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0													

表191



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BAB	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6862	08091	06861	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	013627	97.8	225	1	1597	1821
6863	08092	06862	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6864	08093	06863	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6865	08094	06864	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6866	08095	06865	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6867	08096	06866	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6868	08097	06867	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6869	08098	06868	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6870	08099	06869	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6871	08100	06870	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6872	08101	06871	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6873	08102	06872	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6874	08103	06873	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6875	08104	06874	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6876	08105	06875	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6877	08107	06876	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	X07695	100	165	1	1582	1746
6878	08108	06877	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6879	08109	06878	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6880	08110	06879	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6881	08111	06880	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6882	08112	06881	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6883	08113	06882	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6884	08114	06883	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6885	08115	06884	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6886	08116	06885	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6887	08117	06886	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6888	08118	06887	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6889	08119	06888	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6890	08120	06889	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6891	08121	06890	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6892	08122	06891	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6893	08123	06892	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6894	08124	06893	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6895	08125	06894	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6896	08126	06895	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0
6897	08127	06896	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表 192



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AU	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
6934	08165	06933	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M77349	94.2	103	7	2589	2691	
6935	08166	06934	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6936	08167	06935	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6937	08168	06936	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6938	08169	06937	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6939	08170	06938	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6940	08172	06939	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6941	08173	06940	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6942	08174	06941	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6943	08175	06942	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6944	08176	06943	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6945	08177	06944	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6946	08178	06945	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6947	08179	06946	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6948	08180	06947	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6949	08181	06948	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6950	08182	06949	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6951	08184	06950	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6952	08185	06951	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6953	08186	06952	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6954	08188	06953	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6955	08189	06954	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6956	08190	06955	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6957	08191	06956	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6958	08192	06957	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6959	08193	06958	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6960	08194	06959	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6961	08195	06960	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6962	08196	06961	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6963	08197	06962	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6964	08198	06963	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6965	08199	06964	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6966	08200	06965	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6967	08201	06966	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6968	08202	06967	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
6969	08203	06968	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表194

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
6970	08204	06969	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6971	08205	06970	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6972	08206	06971	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6973	08207	06972	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6974	08208	06973	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6975	08209	06974	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6976	08210	06975	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6977	08211	06976	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6978	08212	06977	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6979	08213	06978	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6980	08214	06979	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6981	08215	06980	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6982	08216	06981	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6983	08217	06982	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6984	08218	06983	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6985	08219	06984	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6986	08220	06985	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6987	08221	06986	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6988	08222	06987	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6989	08223	06988	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6990	08224	06989	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6991	08225	06990	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6992	08226	06991	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6993	08227	06992	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6994	08228	06993	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6995	08229	06994	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6996	08230	06995	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6997	08232	06996	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6998	08233	06997	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
6999	08234	06998	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7000	08235	06999	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	2	0					
7001	08236	07000	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7002	08237	07001	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7003	08238	07002	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7004	08239	07003	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7005	08240	07004	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					

表195

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AU	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7006	08241	07005	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	06133	98.2	57	1	8422	8478
7007	08242	07006	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7008	08243	07007	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7009	08244	07008	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7010	08245	07009	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7011	08246	07010	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7012	08247	07011	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	555700	94.2	275	1	1297	1589
7013	08248	07012	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7014	08249	07013	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7015	08250	07014	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	120298	94.9	214	1	2615	2851
7016	08251	07015	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7017	08252	07016	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7018	08253	07017	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7019	08254	07018	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7020	08255	07019	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7021	08256	07020	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7022	08257	07021	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7023	08258	07022	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7024	08259	07023	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7025	08260	07024	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7026	08261	07025	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7027	08262	07026	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7028	08263	07027	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7029	08264	07028	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7030	08265	07029	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7031	08266	07030	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7032	08267	07031	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7033	08268	07032	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7034	08269	07033	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7035	08270	07034	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	D00860	96	101	1	1974	2075
7036	08271	07035	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7037	08272	07036	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7038	08273	07037	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7039	08274	07038	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7040	08275	07039	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7041	08276	07040	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表196

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BGBH	BI	BK
7042	08277	07041	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7043	08278	07042	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7044	08279	07043	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7045	08280	07044	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7046	08281	07045	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7047	08282	07046	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7048	08283	07047	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7049	08284	07048	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7050	08285	07049	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7051	08286	07050	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7052	08287	07051	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7053	08288	07052	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7054	08289	07053	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7055	08290	07054	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7056	08291	07055	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7057	08292	07056	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7058	08293	07057	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7059	08294	07058	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7060	08295	07059	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7061	08296	07060	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7062	08297	07061	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7063	08298	07062	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7064	08299	07063	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7065	08300	07064	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7066	08301	07065	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7067	08302	07066	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7068	08303	07067	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7069	08304	07068	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7070	08305	07069	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7071	08306	07070	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7072	08307	07071	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7073	08308	07072	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7074	08309	07073	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7075	08310	07074	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7076	08311	07075	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7077	08312	07076	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0

表197

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK	
7078	08313	07077	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	M96067	94.8	328	1	2147	2472
7079	08314	07078	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7080	08315	07079	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7081	08316	07080	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7082	08317	07081	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7083	08318	07082	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7084	08319	07083	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7085	08320	07084	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7086	08321	07085	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7087	08322	07086	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7088	08323	07087	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7089	08324	07088	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7090	08325	07089	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7091	08326	07090	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7092	08327	07091	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7093	08328	07092	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7094	08329	07093	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7095	08330	07094	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7096	08331	07095	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7097	08332	07096	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7098	08333	07097	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7099	08334	07098	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7100	08335	07099	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7101	08336	07100	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7102	08337	07101	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7103	08338	07102	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7104	08339	07103	9		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7105	08340	07104	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7106	08341	07105	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7107	08342	07106	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7108	08343	07107	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7109	08344	07108	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7110	08345	07109	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7111	08346	07110	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7112	08347	07111	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7113	08348	07112	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
																			</														

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AN	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7114	08349	07113	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	X17519	98.4	306	1	1624	2323
7115	08350	07114	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7116	08351	07115	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0					
7117	08352	07116	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7118	08353	07117	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7119	08354	07118	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7120	08355	07119	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	M62505	97.1	204	1	2110	2328
7121	08356	07120	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7122	08357	07121	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7123	08358	07122	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7124	08359	07123	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7125	08360	07124	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7126	08361	07125	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7127	08362	07126	16		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	0	X55720	100	85	1	2450	2546
7128	08363	07127	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7129	08364	07128	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7130	08365	07129	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7131	08366	07130	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	L14076	95.8	337	1	1507	2076
7132	08367	07131	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7133	08368	07132	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7134	08369	07133	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7135	08371	07134	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7136	08372	07135	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7137	08373	07136	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7138	08374	07137	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7139	08375	07138	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	M69043	99.3	301	1	1250	1550
7140	08376	07139	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7141	08377	07140	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7142	08378	07141	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7143	08379	07142	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7144	08380	07143	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0					
7145	08381	07144	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7146	08382	07145	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7147	08383	07146	5		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	0	0	0					
7148	08384	07147	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0	0					
7149	08385	07148	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					

表199



[illegible]

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
7186	08423	07185	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7187	08424	07186	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0						
7188	08425	07187	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7189	08426	07188	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7190	08427	07189	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7191	08428	07190	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7192	08429	07191	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7193	08430	07192	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7194	08431	07193	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7195	08432	07194	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7196	08434	07195	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7197	08435	07196	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7198	08436	07197	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7199	08437	07198	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7200	08438	07199	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
7201	08439	07200	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7202	08440	07201	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7203	08441	07202	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7204	08442	07203	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7205	08443	07204	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7206	08444	07205	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7207	08445	07206	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7208	08446	07207	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7209	08447	07208	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7210	08448	07209	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7211	08449	07210	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7212	08450	07211	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7213	08451	07212	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7214	08452	07213	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7215	08453	07214	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7216	08454	07215	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7217	08455	07216	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7218	08456	07217	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7219	08457	07218	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
7220	08458	07219	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0						
7221	08459	07220	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0						
																										L24122	99.4 161	1	1342		1502		

表201

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
7222	08460	07221	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
7223	08461	07222	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7224	08462	07223	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7225	08463	07224	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7226	08464	07225	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7227	08465	07226	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7228	08466	07227	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7229	08467	07228	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7230	08468	07229	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7231	08469	07230	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7232	08470	07231	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
7233	08471	07232	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7234	08472	07233	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7235	08473	07234	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7236	08474	07235	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7237	08475	07236	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7238	08476	07237	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7239	08477	07238	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7240	08478	07239	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
7241	08479	07240	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7242	08480	07241	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7243	08481	07242	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7244	08482	07243	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7245	08483	07244	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7246	08484	07245	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7247	08485	07246	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7248	08486	07247	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7249	08487	07248	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7250	08488	07249	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7251	08489	07250	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7252	08490	07251	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7253	08491	07252	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7254	08492	07253	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7255	08493	07254	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7256	08494	07255	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7257	08495	07256	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					

表202

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
7258	08496	07257	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7259	08497	07258	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7260	08498	07259	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7261	08499	07260	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
7262	08500	07261	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7263	08501	07262	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7264	08502	07263	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7265	08503	07264	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7266	08504	07265	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7267	08505	07266	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7268	08506	07267	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7269	08507	07268	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7270	08508	07269	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7271	08509	07270	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7272	08510	07271	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7273	08511	07272	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7274	08512	07273	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
7275	08513	07274	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0					
7276	08514	07275	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7277	08515	07276	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7278	08516	07277	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7279	08517	07278	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7280	08518	07279	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7281	08519	07280	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7282	08520	07281	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7283	08521	07282	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7284	08522	07283	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7285	08523	07284	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7286	08524	07285	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7287	08525	07286	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7288	08526	07287	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7289	08527	07288	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7290	08528	07289	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7291	08529	07290	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7292	08530	07291	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					
7293	08531	07292	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0					

表203

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7294	08532	07293	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7295	08533	07294	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7296	08534	07295	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7297	08535	07296	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7298	08536	07297	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7299	08537	07298	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7300	08538	07299	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7301	08539	07300	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7302	08540	07301	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7303	08541	07302	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7304	08542	07303	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7305	08543	07304	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7306	08544	07305	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7307	08545	07306	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7308	08546	07307	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7309	08547	07308	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7310	08548	07309	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7311	08549	07310	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7312	08550	07311	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7313	08551	07312	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7314	08552	07313	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7315	08553	07314	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7316	08554	07315	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7317	08555	07316	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7318	08556	07317	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7319	08557	07318	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7320	08558	07319	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7321	08559	07320	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7322	08560	07321	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7323	08561	07322	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7324	08563	07323	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7325	08564	07324	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7326	08565	07325	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7327	08566	07326	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7328	08567	07327	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7329	08568	07328	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表204

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7330	08569	07329	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7331	08570	07330	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7332	08571	07331	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7333	08572	07332	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7334	08573	07333	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7335	08574	07334	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7336	08575	07335	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7337	08576	07336	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7338	08577	07337	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7339	08578	07338	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7340	08579	07339	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7341	08580	07340	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7342	08581	07341	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7343	08582	07342	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7344	08583	07343	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7345	08584	07344	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7346	08585	07345	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7347	08586	07346	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7348	08587	07347	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7349	08588	07348	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7350	08589	07349	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7351	08591	07350	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7352	08592	07351	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7353	08593	07352	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7354	08594	07353	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7355	08595	07354	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7356	08596	07355	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7357	08597	07356	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7358	08598	07357	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7359	08599	07358	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7360	08600	07359	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7361	08601	07360	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7362	08602	07361	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7363	08603	07362	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7364	08604	07363	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7365	08605	07364	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表205

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7366	08606	07365	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7367	08607	07366	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7368	08608	07367	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7369	08609	07368	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7370	08610	07369	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7371	08611	07370	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7372	08612	07371	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7373	08613	07372	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7374	08614	07373	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7375	08615	07374	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7376	08616	07375	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7377	08617	07376	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7378	08618	07377	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7379	08619	07378	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7380	08620	07379	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7381	08621	07380	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7382	08622	07381	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7383	08623	07382	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7384	08624	07383	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7385	08625	07384	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7386	08626	07385	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7387	08627	07386	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7388	08628	07387	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7389	08629	07388	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7390	08630	07389	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7391	08631	07390	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7392	08632	07391	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7393	08633	07392	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7394	08634	07393	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7395	08635	07394	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7396	08636	07395	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7397	08637	07396	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7398	08638	07397	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7399	08639	07398	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7400	08640	07399	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							
7401	08641	07400	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0							

表206

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7402	08642	07401	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	99.7	321	1	2765	3085
7403	08643	07402	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7404	08644	07403	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7405	08645	07404	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7406	08646	07405	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7407	08647	07406	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7408	08648	07407	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7409	08649	07408	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7410	08650	07409	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7411	08651	07410	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7412	08652	07411	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7413	08653	07412	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7414	08654	07413	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7415	08655	07414	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7416	08656	07415	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7417	08657	07416	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7418	08658	07417	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7419	08659	07418	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7420	08660	07419	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7421	08661	07420	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7422	08662	07421	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7423	08663	07422	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7424	08664	07423	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7425	08665	07424	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7426	08666	07425	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7427	08667	07426	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7428	08668	07427	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7429	08669	07428	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7430	08670	07429	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7431	08671	07430	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7432	08673	07431	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7433	08674	07432	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7434	08675	07433	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7435	08676	07434	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7436	08677	07435	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					
7437	08678	07436	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0					

表207



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AC	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7438	08679	07437	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	02426	98.6	360	1	1209	1599
7439	08680	07438	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	03571	94.7	266	1	2220	2484
7440	08681	07439	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7441	08682	07440	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7442	08683	07441	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7443	08684	07442	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7444	08685	07443	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7445	08686	07444	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7446	08687	07445	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7447	08688	07446	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7448	08689	07447	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7449	08690	07448	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7450	08691	07449	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7451	08692	07450	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7452	08693	07451	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7453	08694	07452	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7454	08695	07453	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7455	08696	07454	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7456	08697	07455	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7457	08698	07456	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7458	08699	07457	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7459	08700	07458	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7460	08701	07459	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7461	08702	07460	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7462	08703	07461	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7463	08704	07462	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7464	08705	07463	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7465	08706	07464	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7466	08707	07465	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7467	08708	07466	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7468	08709	07467	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7469	08710	07468	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7470	08711	07469	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7471	08712	07470	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7472	08713	07471	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						
7473	08714	07472	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0						

表208

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK
7474	08715	07473	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7475	08716	07474	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0				
7476	08717	07475	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0				
7477	08718	07476	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7478	08719	07477	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7479	08720	07478	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7480	08721	07479	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7481	08722	07480	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7482	08723	07481	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7483	08724	07482	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7484	08725	07483	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7485	08726	07484	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7486	08727	07485	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7487	08728	07486	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7488	08729	07487	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7489	08730	07488	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0				
7490	08731	07489	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0				
7491	08732	07490	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7492	08733	07491	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7493	08734	07492	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7494	08735	07493	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7495	08736	07494	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7496	08737	07495	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7497	08738	07496	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7498	08739	07497	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7499	08740	07498	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0				
7500	08741	07499	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7501	08742	07500	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7502	08743	07501	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7503	08744	07502	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7504	08745	07503	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7505	08746	07504	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7506	08747	07505	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0				
7507	08748	07506	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0	0				
7508	08749	07507	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0															

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AJ	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7510	08751	07509	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	000760	97.5	326	1	541	866
7511	08752	07510	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7512	08753	07511	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7513	08754	07512	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7514	08755	07513	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7515	08756	07514	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7516	08757	07515	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7517	08758	07516	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7518	08759	07517	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7519	08760	07518	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7520	08761	07519	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7521	08762	07520	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7522	08763	07521	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7523	08764	07522	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7524	08765	07523	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7525	08766	07524	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7526	08768	07525	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7527	08769	07526	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7528	08770	07527	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M77836	99	303	1	1491	1792
7529	08771	07528	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7530	08772	07529	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7531	08773	07530	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7532	08774	07531	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7533	08775	07532	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7534	08777	07533	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7535	08778	07534	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7536	08779	07535	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7537	08780	07536	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7538	08781	07537	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7539	08782	07538	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7540	08783	07539	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7541	08785	07540	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7542	08786	07541	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7543	08787	07542	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					
7544	08788	07543	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M87339	90.3	298	1	1051	1446
7545	08789	07544	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0					

表210

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7546	08790	07545	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7547	08791	07546	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7548	08792	07547	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7549	08793	07548	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7550	08794	07549	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7551	08795	07550	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0						
7552	08796	07551	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7553	08797	07552	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7554	08798	07553	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7555	08799	07554	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7556	08800	07555	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7557	08801	07556	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7558	08802	07557	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7559	08803	07558	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7560	08804	07559	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7561	08805	07560	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7562	08807	07561	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7563	08808	07562	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7564	08809	07563	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7565	08810	07564	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7566	08811	07565	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7567	08812	07566	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7568	08813	07567	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7569	08814	07568	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7570	08815	07569	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7571	08816	07570	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7572	08817	07571	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7573	08818	07572	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7574	08819	07573	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7575	08820	07574	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7576	08821	07575	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7577	08822	07576	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7578	08823	07577	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7579	08824	07578	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7580	08825	07579	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7581	08826	07580	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表211

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7582	08827	07581	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7583	08828	07582	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7584	08829	07583	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7585	08830	07584	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7586	08831	07585	4		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0						
7587	08832	07586	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7588	08833	07587	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7589	08834	07588	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7590	08835	07589	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7591	08836	07590	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7592	08837	07591	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7593	08838	07592	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7594	08839	07593	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7595	08840	07594	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7596	08841	07595	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7597	08842	07596	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7598	08843	07597	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7599	08844	07598	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7600	08845	07599	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7601	08846	07600	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7602	08848	07601	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7603	08849	07602	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7604	08850	07603	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7605	08851	07604	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7606	08852	07605	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7607	08853	07606	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7608	08854	07607	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7609	08855	07608	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7610	08856	07609	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7611	08857	07610	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7612	08858	07611	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	0						
7613	08859	07612	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7614	08860	07613	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7615	08861	07614	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7616	08862	07615	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7617	08863	07616	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表212

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7618	08864	07617	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	X68742	94.1	101	1	263	3453	
7619	08865	07618	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7620	08866	07619	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7621	08867	07620	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7622	08868	07621	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7623	08869	07622	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7624	08870	07623	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7625	08871	07624	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M23613	94.8	290	83	966	1296	
7626	08872	07625	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7627	08873	07626	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7628	08874	07627	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7629	08875	07628	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7630	08876	07629	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7631	08877	07630	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7632	08878	07631	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7633	08879	07632	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7634	08880	07633	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7635	08881	07634	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7636	08882	07635	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7637	08883	07636	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7638	08884	07637	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7639	08885	07638	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7640	08886	07639	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7641	08887	07640	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7642	08888	07641	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7643	08889	07642	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7644	08890	07643	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7645	08891	07644	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7646	08892	07645	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7647	08893	07646	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7648	08894	07647	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7649	08895	07648	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	M55409	100	79	1	1067	1155	
7650	08896	07649	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7651	08897	07650	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7652	08898	07651	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0							
7653	08899	07652	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	D11466	97.1	275	1	3253	3589	

表213

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7654	08900	07653	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7655	08901	07654	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7656	08902	07655	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7657	08903	07656	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7658	08904	07657	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7659	08905	07658	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7660	08906	07659	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7661	08908	07660	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7662	08909	07661	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7663	08910	07662	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7664	08912	07663	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7665	08913	07664	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7666	08914	07665	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7667	08915	07666	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7668	08916	07667	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7669	08917	07668	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7670	08919	07669	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7671	08920	07670	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7672	08921	07671	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7673	08922	07672	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7674	08923	07673	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7675	08924	07674	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7676	08925	07675	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7677	08926	07676	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7678	08927	07677	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7679	08928	07678	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7680	08929	07679	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7681	08930	07680	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7682	08931	07681	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7683	08932	07682	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7684	08933	07683	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7685	08934	07684	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7686	08935	07685	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7687	08936	07686	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7688	08937	07687	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						
7689	08938	07688	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0						

表214

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7690	08939	07689	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7691	08940	07690	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7692	08941	07691	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7693	08942	07692	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7694	08943	07693	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7695	08944	07694	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7696	08945	07695	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7697	08946	07696	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7698	08947	07697	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7699	08948	07698	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7700	08949	07699	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7701	08950	07700	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7702	08951	07701	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7703	08952	07702	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7704	08953	07703	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7705	08954	07704	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7706	08955	07705	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7707	08956	07706	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7708	08957	07707	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7709	08958	07708	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7710	08959	07709	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7711	08960	07710	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7712	08961	07711	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7713	08962	07712	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7714	08963	07713	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7715	08964	07714	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7716	08965	07715	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7717	08966	07716	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7718	08967	07717	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7719	08968	07718	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7720	08969	07719	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7721	08970	07720	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7722	08971	07721	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7723	08972	07722	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7724	08973	07723	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7725	08974	07724	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表215



	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AL	AW	AY	B	ABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7726	08975	07725	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7727	08976	07726	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7728	08977	07727	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7729	08978	07728	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7730	08979	07729	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7731	08980	07730	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7732	08981	07731	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7733	08982	07732	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7734	08983	07733	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7735	08984	07734	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7736	08985	07735	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7737	08986	07736	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7738	08987	07737	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7739	08988	07738	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7740	08989	07739	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7741	08990	07740	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7742	08991	07741	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7743	08992	07742	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7744	08993	07743	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7745	08994	07744	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7746	08995	07745	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7747	08996	07746	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7748	08997	07747	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7749	08998	07748	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7750	08999	07749	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7751	09000	07750	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7752	09001	07751	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7753	09002	07752	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7754	09003	07753	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7755	09004	07754	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7756	09005	07755	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7757	09006	07756	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7758	09007	07757	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7759	09008	07758	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7760	09009	07759	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						
7761	09010	07760	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0						

表216

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AB	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BABC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7762	09011	07761	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7763	09012	07762	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7764	09013	07763	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7765	09014	07764	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
7766	09015	07765	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7767	09016	07766	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7768	09017	07767	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7769	09018	07768	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7770	09019	07769	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	03191	98.6	69	4	725	793
7771	09020	07770	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7772	09021	07771	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7773	09022	07772	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7774	09023	07773	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7775	09024	07774	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7776	09025	07775	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7777	09026	07776	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7778	09027	07777	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X57348	91.5	199	3	1219	1450
7779	09028	07778	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7780	09029	07779	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7781	09030	07780	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7782	09031	07781	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M24069	95.1	265	56	989	1568
7783	09032	07782	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7784	09033	07783	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7785	09034	07784	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7786	09035	07785	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7787	09036	07786	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
7788	09037	07787	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7789	09038	07788	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7790	09039	07789	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	M21302	93	256	1	423	683
7791	09040	07790	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	X66029	100	123	1	1555	1681
7792	09041	07791	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7793	09042	07792	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2						
7794	09043	07793	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7795	09044	07794	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7796	09045	07795	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7797	09046	07796	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

表217

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AO	AS	AW	AY	B	BC	BE	BF	BGBH	BI	BK		
7798	09047	07797	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M60047	95	261	1	103	1163	
7799	09048	07798	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7800	09049	07799	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7801	09050	07800	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3							
7802	09051	07801	8		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	J00269	94	6	351	1	1268	1617
7803	09052	07802	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7804	09053	07803	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7805	09054	07804	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7806	09055	07805	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7807	09056	07806	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7808	09057	07807	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	M93150	98	8	169	1	1576	2360
7809	09058	07808	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7810	09059	07809	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7811	09060	07810	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7812	09061	07811	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7813	09062	07812	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7814	09063	07813	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X04790	98	5	326	1	2116	2458
7815	09064	07814	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7816	09065	07815	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7817	09066	07816	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7818	09067	07817	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7819	09068	07818	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7820	09069	07819	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7821	09070	07820	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7822	09071	07821	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7823	09072	07822	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7824	09073	07823	3		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	3							
7825	09074	07824	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7826	09075	07825	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2							
7827	09076	07826	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7828	09077	07827	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X04098	93	2	325	1	1551	1918
7829	09078	07828	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	D13638	91	78	1	3793	5167	
7830	09079	07829	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							
7831	09080	07830	2		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	J04605	97	6	123	1	1627	1888
7832	09081	07831	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X02902	98	2	337	1	584	1181
7833	09082	07832	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1							

表218

	A	B	C	E	G	I	K	M	O	Q	S	U	W	Y	AA	AC	AE	AG	AI	AK	AM	AQ	AS	AW	AY	BA	BC	BE	BF	BG	BH	BI	BK
7834	09083	07833	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7835	09084	07834	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7836	09085	07835	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	X56976	92 287	1 3066			3419
7837	09086	07836	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						
7838	09087	07837	1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1						

表219

配列番号：1

配列の長さ：704

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00001

配列：

```
GATCTTCAAA CAAGCATCAG CGTTTTCCAG GGCTTCCCAG AGGTCTGTGC GACTAGCCCG 60
TGTCTATCAA AAGTTATTAG AGAGGATGAA GCATTAGCTT GAAGCACTAC AGGAGGAATG 120
CACCACGGCA GCTCTCCGCC AATTTCTCTC AGATTTCCAC AGAGACTGTT TGAATGTTTT 180
CAAAACCAAG TATCACACTT TAATGTACAT GGGCCGCACC ATAATGAGAT GTGAGCCTTG 240
TGCATGTGGG GGAGGAGGGA GAGAGATGTA CTTTTTAAAT CATGTTCCCC CTAAACATGG 300
CTGTTAACCC ACTTGCATGC AGAACTTGG GATGTCACCT GCCTGACATT CACTTTCCAG 360
GAGAGGACCC TATCCCCAAA TGTGGAATTG ACTTGCCTAT GGCCAAGGTC CCTTGGNAAA 420
GGGAGCTTCA GTATTTGTGG GGGCNTCATA AAACCATGGN TTCAAGNCAA TCCAGCCTCA 480
TNGGGNNGGT CCTGGGNACA GTTTTTTGGT AAAGGCCCTT GGCCCAGNTG GGGGGAATGG 540
GCCTCCTTTT TAAGNTTGGG GNTGGAATNG TCTNGCAAAT TGGGGCTCCC ATTCNCGGG 600
GGTTTGGGGG TTTTTTNGGG CCTTNCNGG NNGGAAGGGN TGGGTTTGGG GGNTNGGTTN 660
CCNTTGGGNG GGCCTGGGGN TTTGATTNA CCCGGGNCCT NGGN 704
```

配列番号：2

配列の長さ：659

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00002

配列：

```
GATCTTTAAA ATACACACTC AAATCAAGAA ACTTAAGGTT ACCTTNTTC CCAAATTTCA 60
TACCTATCAT CTTAAGTAGG GACTTCTGTC TTCACAACAN ATTATNACCT TACAGAAGTT 120
TGAATTATCC GGTGCGGTTT TATTGTTTAA AATCATTTCT GCATCAGCTG CTGAAACAAC 180
AAATAGGAAT TGTTTTTATG GAGGCTTTGC ATAGATTCCC TGAGCAGGAT TTTAATCTTT 240
TNCTAACTGG ACTGGTTCAA ATGTTGTNCT CTTCTTTAAA GGGATGGCAA GATGTGGGCA 300
GTGATGTCAC TTAGGGCAGG GACAGGATAA GAGGGNTAG GGAGAGAAGA TAGCAGGGCA 360
TGGCTGGGAA CCCAAGTCCA AGCATAACAA CACGGAGCAG GCTACTGTCA AGCTCCCCTC 420
GGAGGCGGNG CTGGTTCACA GCCAGCTGGC ACCAGNTTTT NTNGNGGAAG NCTTTTCAA 480
ACAGTCTCAG GNAATCCAAT NTGCAAAGAC TTGCTTTNAG NAAAACCCAG NAGTTGAAAG 540
GCTCCCAAGN ATTTTAAGGG NACTTNCCAA AACGGGGCCC CNGGNNCCTT TTGGGTTTNG 600
GGGNTCAAAA CCCCAGGGG GTTGGAAG NTTTTAATTG GNTTTAAAN ATNNNTNTN 659
```

配列番号：3

配列の長さ：625

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00003

配列：

```
GATCTAACTG GGTACCTGAG ATATTTNACA GCTGGACCTA GTTTCACAAT CTGTTGTCTC 60
```

CAGCTCTGCA TATGTCTGGC CAGGGGGCTT CTAGGAAGTA GGTTCATCT ATCAAATGTC 120  
 TCCTCTGACT TCCTTTTGAA ACTTACTGCT CTTCTGTTT ATTTTGTTT GTTGAAGCT 180  
 CAGAGGGAGA TGGGCAATTG ACAGGGATGC AATCCAGGT GGGATTCTT GAGGAAGTTA 240  
 CAAATAAGCT TGTTACAACA TCAAGATAGA TGGAAATGGA AGGATGCTAC CAGGAGAGTA 300  
 CTTACATAGT GCTCAGGAGT TTCTCTTCTT AAAATGTTT CTGCTGAAAG ATGAGCAGGA 360  
 CCAGGGCGTT ATAGGCAGAG CCCTAGCCGA GAAACCTGCT GGCCTCTGCC TGTTTTCATT 420  
 TCCCACTTTT GGTGTGTGTG GCATTACTTT CAGAATTGC ACTTCCTGC TTGTCATGAC 480  
 TTTTTTGGCA CACTTGCCAT GACGGGTGTT TCTGNGAACC ATGGAAGTTT TGCGGTAGTG 540  
 CCTCCAGGGG CAGGGGGNAA GGAGGNGGTG TANGTGCATT TNGTNCAAAT AAATCCNGCC 600  
 TATTGTTAAT NAACCAGTCT TTTGN 625

配列番号：4

配列の長さ：256

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00004

配列：

GATCTGCCAG GCTGGGGTGT TTTCGGTATC TGCTGTTTAC AGGTCTCCAC TGTAATCCGA 60  
 ATACTTTGCC AGTGCATAA TCTCTTTGGA GATAAAATTC ATTAGTGTGT TACTAAATGT 120  
 NAATTTTNTT TTGCGGAAAA TACAGTACCG TGTCTGANTT AATTATTAAT ATNAAAAATA 180  
 CTTCAATTCCT TAACTCTCCC TCATTTGCTT TGCCACAGC CTATTCAGTT CCTTTGTTTG 240  
 GCAGGNTTCT GCAAAA 256

配列番号：5

配列の長さ：616

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00005

配列：

GATCAAGCTC AAGAATAAGC TGAAATATGG CCAGACTATC AGGCCCATTT NTCTCCCCTG 60  
 CACCGAGGGA ACAATCGAG CTTTGAGGCT TCCTCCAAC ACCACTTGCC AGCAACAAAA 120  
 GGAAGAGCTG CTCCTGCAC AGGATATCAA AGCTCTGTT GTGTCTGAGG AGGAGAAAAA 180  
 GCTGACTCGG AAGGAGGTCT ACATCAAGAA TGGGGATAAG AAAGGCAGCT GTGAGAGAGA 240  
 TGCTCAATAT GCCCCAGGCT ATGACAAAGT CAAGGACATC TCAGAGGTGG TCACCCCTCG 300  
 GTTCTTTTGT ACTGGAGGAG TGAGTCCCTA TGCTGACCCC AATACTTGCA GAGGTGATTC 360  
 TGGCGGCCCC TTGATAGTTC ACAAGAGAAG TCGTTTCATT CAAAGTTGGT GTAATCAGCT 420  
 GGGGGAGTAA GTGGGATGTN TGCAAAAACC AGAAGGCGGC AAAAGCAGGT ACCTGNTTCA 480  
 NGGCCGAAC TTTCACATCA NCTNTTCAA GGTNTNCCT GGNTGAGGNG GAACNTCCAN 540  
 GTTGGGGGTT TTGGGTTTTT TTAAGGGGTT CNTGTTNGCA AGGGGGTTGG GNTTNNTTTA 600  
 NNCCTGTTNN GNACCN 616

配列番号：6

配列の長さ：615

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名 : HUMGS00006

配列 :

```
GATCTCTGCT ATTTTANCCC CCCAAATAAG TTATTTGTCC TTAAAGGTTG GTTACNNATA 60
ATACCCCTCA GTAAGATTCC AGTATTAATT TCTGGGCAGT TTGTTCTCTG TATACAATTG 120
CAAATGATAA GCATTTTGTG GAGTGACCAC CTTTGCAATA TGTTTGTAA TTNTTCATGT 180
TGGGTTCTTT CTGAAATGTA CATCTTTACA TAAAAACCTC ACATTCTACT TGATTTACAC 240
TTCCTAGTCT ACATTACATG TGGTTGAAGG TTTTATACAT TCTATATGCT TTTACTAAAT 300
ATACAAGATT TACTACTAGA AATTTGGAGA AAGAACACTA ACACATGTAC TTGTGATTG 360
TTCATGTTAT ATTA AACCT TGAGATTTGT GTATTTATGT AGGGGGGGGT ATTGNCCAGG 420
NCTGNTGGTT TTTTGCTCCN TGGGGCTATT NTAATAAANC NGGGGTATNG GGTTGNTGGC 480
CTNGGTTTGG GCCTAAANTT GGATATATNT GGGGTTCCCT NGNTTTTACC AAAATNGNTT 540
TTGGTTGGTA GGGTTNTTAT TGGACCCNNT CCTGGGCCTG GGATAATNTG GCNGNTTCCC 600
NGGANAAAAAN NCCCN 615
```

配列番号 : 7

配列の長さ : 608

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00007

配列 :

```
GATCAAACCA AAGGAAAAGT GTTGCTAGAG AAAATTGGGG AAAAGGTGAA AAAGAAAAAA 60
TGGTAGTAAT TGAGCAGAAA AAAATTAATT TATATATGTA TTGATTGGCA ACCAGATTTA 120
TCTAAGTAGA ACTGAATTGG CTAGGAAAAA AGAAAACTG CATGTTAATC ATTTTCCTAA 180
GCTGTCCTTT TGAGGCTTAG TCAGTTTATT GGGAAAATGT TTAGGATTAT TCCTTGCTAT 240
TAGTACTCAT TTTATGTATG TTACCCTTCA GTAAGTTCTC CCCATTTTAG TTTTCTAGGC 300
TGAAAGGATT CTTTTCTACA TTATACATGT GTGTTGTCAT ATTTGGCTTT TGCTATATAC 360
TTTACCTTCA TTGTTAAATT TTTGTATTGT ATAGTTNCTT TGGNGGTATC TTA AACCT 420
ATTTTTGAAA ACCAACCTTG GCTTTGN TAA NCATTTGGGC CGCTTGGGTA NGTCCGGACC 480
TNNCCTTTNC CCCNAGGGCC TGTCAGGAGN GCCGGNTTNN CCGGGGNGTT GGNCCCGNNG 540
CCTTCCCGAT TTTTNGGGGT TGGGTCCTTN GGTNCCGGC NTCTGTANGG GGTN CNCCTT 600
TTNNNCCN 608
```

配列番号 : 8

配列の長さ : 606

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00008

配列 :

```
GATCGCTTCC TAGAAATAAG CAACACCTCT CCCAAAAAGC AGCCCACAAG GCAGGGGCCA 60
GCAGCCCAGC CATCACTCAT CTTNAGGAA ATNAGTTGGT AGCCTCTGTG CACTGTTTGG 120
TGGCCACATC ANNGGTGATG TCCTGTTTAC ATACCTGCTT GTATTTAAAG CCCTCAGTCT 180
GTCCTGTTGT GTGGGGCGAA GTGATGGACT CTGCCAGGTG GACATGCTGT GGGTGGATGT 240
TCCCGGCGTG TGCCGGCCTG AATGGACAGG GGTCACTTCA CAAGCATGTC AGGGAAAAATC 300
ACTGTCACAC AATTCCAATG GATTTTGTGC TCTTTTGA AAAAAAAAT TCTTTAGCGT 360
AAACCATGNA TTTTTTTTCA ATGTAGNCCC TTGGGGANTG AANTGAAAT TTGGGCTTCT 420
```

TCANATNCGN AAAATNAAAT TTTTACCCCT GAGGGGGGGA GCCCCTTTCT GAAAGAAGGT 480  
 NTGGGCCAAA AGCCCTTTTA ATGNTTGCTG GCCNTTGNTG GTTTNANNG TCCANTTTGC 540  
 TTGGGGCGAA NGCCGNNTG ANAAAGGTGG GTTTCNCTGG NGGNTTTAAG GNGGTGGTTT 600  
 GNTTTN 606

配列番号：9

配列の長さ：606

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00009

配列：

GATCTTCANN NGTTAAGCAC TTGCTCTNAA GATTAAAATT CCTTTTCTTT TTAAGGTAA 60  
 GGGTGTGTAC GTATGGCAGT GATGTCTATG TTGAGATTAA CTTATGTATT GAGGAAAATT 120  
 TGAAGTTTAT TTTTTCGATG AATAAGGCTG TCAAATNATT TAGTATAGAT TAATGACATC 180  
 TTTTTTAGAA ATATTAAAGT GAGTATTCCT CATTATGTCA TCATTCTGA TAATTAGAGT 240  
 GCTAATTTGA ATGTTAGATA ATGNTCCAC ATCTATACCT ATTTCTTTCT AGGGCACTTC 300  
 TGACCCTGGG GCTTGGGGAT GGCCTTAGG CACAAGTAGT GTCTGTGTTA AGTTCATAA 360  
 ATGTGTATTT AATGAGAAAC ATTCCNATGT AAAAATGTGT GTATGTGAAC GTATGCNNAC 420  
 ATTGTTATTG TGCACCGTA CATTGTGAAG AAGTAGTTN GAAATTTGT AANGCACAAC 480  
 CCTTAANGNG GTGTGGAGTT ATTAANTGN TGTAGGCNCA AATGTAATGT TTAGCCTATA 540  
 AAAGGCCCTC CTATTGTCCN TNGGCAAGGC TTTGNCNCTT GNAANTAAAN CCCGTNTTTG 600  
 TTAAAA 606

配列番号：10

配列の長さ：606

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00010

配列：

GATCAGGGGA GACCCCACT GCCAGATATA TTTTAATGTA CAAAACTGAA ACCAGATGAA 60  
 ATAATGTTCT GTCACGTGAA ATATTAAAGT ATATAGTATA TTTTACTCT AGAACATGCA 120  
 CATTTATATA TATATGTATA TGTATATATA TATAGTAACT ACTTTTATA CTCCATACAT 180  
 AACTTGATAT AGGAAGCTGT TTATTTATTC ACTGTAAGTT TATTTTTTCT ACACAGTAAA 240  
 ACTTGACTA TGTTAATACC TTGTCCATG TCAATTTGTA TATCATGAAA CACTTCTCAT 300  
 CATATTGTAT GTAAGTAATT GCATTTCTGC TCTTCAAAG CTCCTGCGTC TGTTTTTAAA 360  
 GAGCATGGAA AAATACTGCC TAGGAAAATG CAAAATGGAA ATAGGAGAGA GTAGGTTTTT 420  
 CAGCTTAGTT TTGAGGGGGG CCGGTTACCT TGTATATTCC CCCATTCACT TTTGGGTGCC 480  
 ATGTGTAGGG GAAGGTAAAG GGGTGGTTCC ATAATCAAGT TCCCCGTGGG GTGTNCCCCC 540  
 TGTTAAATGT CCCTGTTTTG GTGTTACCCG GGCTTTATGG GGNCCTTCA TTATTCCGG 600  
 TNGGGN 606

配列番号：11

配列の長さ：598

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状



クローン名 : HUMGS00011

配列 :

```
GATCAACAAA AGATAAACAA ATTTGCACGG AATACAAGTA GAATCACAGA GCTGAAGGAA 60
GAAATAGAAG TAAAAAGAA ACAACTCCAA AACCTAGAAG ATGCTTGTA TGACATCATG 120
CTTGCAGATG ATGATTGCTT AATGATACCT TATCAAATTG GTGATGTCTT CATTAGCCAT 180
TCTCAAGAAG AAACGCAGAA ATGTTAGAAG AAGCAAAGAA AAATTTGCAA GAAGAAATTG 240
ACGCCTTAGA ATCCAGAGTG GAATCAATTC AGCGAGTGT AGCANGATT GAAAGTTCAG 300
TTGTATGCAA AATTCGGGAG CAACATAAAC CTTGAAGCTN GATGAAAGTT AAACATTTTA 360
TAATACTTTT TTTATTTGNT TTAATAANCT TGATTATTTG TTTAANATGG TAATTTTTCC 420
TTCTTCANAT GGCNGNGGT NAGCAAANCT TTCTTTTTTT AAAAAATTTT CCANTTGTTT 480
AATGGGGAAC TTTGCCNTT TTCCNCATGG CNTGNTNATT NATTTNTNT TTTTAAAGGG 540
GGGCCAGTTT TCCCCNNGG TTTTGTGCT TNNCGGTTNT TNCAGGNTN GGGGGTCN 598
```

配列番号 : 12

配列の長さ : 597

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00012

配列 :

```
GATCGACAGA CCTGAAGCCA TCAGTGAAGA GAGGTGCGA GAGATGTTG GTTTATATGG 60
TCAGACAACA GGAAAGGGGA GTATATCTCT GAAAGAACTG AATGCCCAGC CCTTAGAAGT 120
TTTCATGTGT AGTGTGCTCA AAAGACAAGG TTACGGAGAA GGCTCCGCT GGATGGCACA 180
GTACATTGAT TAACACAAAC TCACATTGGT TCCAGGTCTC AACGTTGAG CTTACTCAGA 240
GATTTGATTG CTCAACATGC ATAACCTGAA TTCAATAGAC TTTTGCTNGG TTATAAAACA 300
GATGTTTTTT AGATTATTAA TATTAANTCA ACTTAATTTG ANTNGAATT NGAAANCTGA 360
TTCAAGTAAG NTTTGAGTAT CACANTGTGA GCTTTCCTAA TTCCATAAAN GTACCTGGG 420
TTTTTNCAG NTTTATAAAT CTGGCCATCA NCCCCNGCGG CCTTTNGTA AAGGGGCACC 480
TTTTCCNGCA GGCCATTGG NAGCNCTTTT TTAACCACCT TGGGNTTTTT AACCTTTTT 540
TNAAGGGNCN NCNTGGTTAA NTTTTTNNT GGGCCTTNC NGGGCCTGGT NTTAAN 597
```

配列番号 : 13

配列の長さ : 593

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00014

配列 :

```
GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAATAA CTTTTCTAAA TGTAAGTCCT TTAAAGGAAA 60
AATGAACACA GGAAGTGAC TTTGCTACAA ATAATGTTGC TGTGTTAAGT ATTCATATTA 120
AATACATGCC TTCTATATGG AACATGGCAG AAAGACTGAA AAATAACAGT AATTAATTGT 180
GTAATTCAGA ATTCATACCA ATCAGTGTTG AAACCTCAAC ATTGCAAAAG TGGGTGGCAA 240
TATTCAGTGC TTAACACTTT TCTAGCGTTG GTACATCTGA GAAATGAGTG CTCAGGTGGA 300
TTTTATCCTC GCAAGCATGT TGTATAAGA ATTGTGGGTG TGCCTATCAT ACCANTTGTT 360
TTCTGTATCT TGAAAAAGTA TTCTCCACAT TTTANATGGT TTTATATNG GGGATTTCCT 420
TAATGCCCCC TTGGNCAAAT TTATATATAT GGGCCCCATN GTTNCCNTTT NAATTTTTNG 480
GTTTTNGGGT GTAAGGGNCN TGCNCNTATG GTGGGGGCCT CCCAAAANTG GGANCANGNT 540
```

TTTNCCTNNG GACNCCCNT TGGTTGTTNA GGGGGGCCAA TTTTCNTNC CCN

593

配列番号 : 14

配列の長さ : 574

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00015

配列 :

GATCGTNTCTG CAGTGGGAGC GTGTGACTGC GGAAGTTGTG AAGCCACGGG AAACCTCGGAG 60  
 CCTAGAGCAG CAGCTCAGCG CTTCTATGGG AAGCGGTCTC GAGCAGAAGC CCCACTGAAG 120  
 TGTCCCCTGG CAGACACCCA CATGAACTCT TCCGAGAAAC TCCAGTTCTA TAAAGAGAAA 180  
 GCCCCAGATT GCCATGGGCC AGTNTGAAA CACGAAGCTA TCTCAAGCCA GGAGTCAAAG 240  
 AAGAGCAAGA AGAGACCTTT TGAGGAGTCA GAGACAGAAC AGAATAACTC TTCACAACCT 300  
 TCAAAGCAGA AATATGTATG TNTTGCTGTG GAAGACTGGG GACTTGTTAA ATTCCTATTG 360  
 ATTAAGTAGA TACAAGTTGA CCTTCTCTCG GCCCCAGCT CTAGTGTGTTG AGTAAAGGGA 420  
 GACTNAGGGT GGGTTTACTT TTTTNGGTTT GNATTTANCC TATTGGCATT TAGNCATAGG 480  
 TAAGGCGGTN TTTTCNNCCT TTTNTGGNT TTGGGNGGGG GATTNTNTNN GGGGNNNNA 540  
 AAAANTTNCC ANGGGNTTTT TCCAAANCAT NGGN 574

配列番号 : 15

配列の長さ : 573

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00016

配列 :

GATCAGCCCCA GAGGAATGCT GAGAAATCAC CTGGAGGAGG GAGCAGAAAG AGAAGGTTTT 60  
 TAAGGAGGGG CTTCTGAATA CTTGGGAGAT ACGGAACGGA CCAAGGACCA CACTCCAGGG 120  
 TGCATTGCTT GCTCCCTGGG GCACCACTTC TGGATTACAG TGTGCCAGGT CCTTTGGAGG 180  
 CCCTACCCCT TCCCCATTCA TTGCCACCAG TGAGAAATNG GGGTGCCCT GTGTAAAGAA 240  
 ACCTACCAAA GGTTTACATT TGCACCTTAG CCTCAATAGC TACGAACCCT AGAGAAGCAG 300  
 CTAGCTGGAG CTCATGTGCA ACTCCTGATT CTCAGGAGAA AGATGGATTT TAACCNAAAA 360  
 TTATGAGTNA GCTGTAACT CTAATGTA CTTNNGGAGA TAGGGCCAAG NGAGAGGTCA 420  
 TGGGCCAACT TAAGTGTTAT CCNGTAGGAA AGNNCAGGTA NCACTGGNTT TTTTTTNN 480  
 GGGTTGCTNT TNCCTTNTNC TAAANGGATT TGNTANTTCC NTGGGGNTNG NATTTAAATT 540  
 GGGTTNTAAA AAGNTTNGAC GTGANAAAAA TTN 573

配列番号 : 16

配列の長さ : 567

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00017

配列 :

GATCAAAACA GTCTACCCAG CACCATATCC ACATTCTAGC CCATGGAAAG GGTAAGAAAA 60  
 AGAAAGTGGA AGATATTAGT TTCCATTAA GGAAGTGACA TGGAGNTAAT ATAAGTCACC 120  
 TGTGTTTACA TTCCACTGGC AAAAATTCAG TCACAGGAAT GTACTTAGCT GCAGAGGAGG 180

CTAGGATATG CCCTCCAAAA ACTCAGGGGG GATGTCCTAC TTGTAAAAGG AAGAAATGAA 240  
 AANTGGACAC TGAGAGGAAA TCAGCAGTCT CAGAGGTAAT ATACTTACAC AAGTTTTTTA 300  
 AAAACCATAA AATGATGCAG AATGAAGTTT CCACTCTATT CACCATCTAT CCAGTCCTCA 360  
 TGCCTCCCAN CANGNGGTAA ATNCTTTATT ATTGTGTCAT GGTATCTTTC CAGGGTTTTT 420  
 CTAAGCAATT TTGCAACNGN TTTTAATTAT GTATCCTNAT TTCCTACNTT ACCCCNTTTT 480  
 TGTCCATGNA NGGNANANTN TCCTGNGGNN TAACCTTCNT GTNTCTTTTT TTCCCCTNAT 540  
 ATTTTTTGGC GGTNCCNTNN NTTTGGN 567

配列番号 : 17

配列の長さ : 552

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00018

配列 :

GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGANGCT 60  
 CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC TGTNCTGTGT TGGTTTTACT 120  
 AAAAAACGCA ACAATCAGAT ACGGAAGACC TCTTATGCTC AGCACCAACA GGTCCGCCAA 180  
 ATCCGGAAGA AGATGATGGA AATCATGACC CGAGANNNGC AGACAAATGN CTTGAAAGAA 240  
 GTGGTCAATA AATTGATTCC AGACAGCATT GGAAGAGACA TAGAAAAGGC TTGCCAATCT 300  
 ATTTATCCTC TCCATGGNTG TCTTCGTTAG AAAAGTAAAA ATGCTGAAGA AGCCCAAGTT 360  
 TGAATTGGGA AAGCTCATGG AGCTTCATGG TGAAGGCAGT AGTTCTGGAA AAAGCCACTT 420  
 GGGGNCCGNG ACAGGTGCTT AAAGGTTGAA CCGNGCTNGA TTGGTTNTGA ACCCACCAGT 480  
 CCCAGGAATT CTTGTTTAAA GTTCCAGNCN TTCAATTAGT TGGCAAATTA AAAANGTGCT 540  
 TTTTTGNGGA AA 552

配列番号 : 18

配列の長さ : 581

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00019

配列 :

GATCGCCGTT CTGGTAAAAA GCTGGAAGAT GGCCCTAAAT TCTTGAAGTC TGGTGATGCT 60  
 GCCATTGTTG ATATGGTTCC TGGCAAGCCC ATGTGTGTTG AGAGCTTCTC AGACTATCCA 120  
 CCTTTGGGTC GCTTTGCTGT TCGTGATATN AGACAGACAG TTGCGGTGGG TGTCATCAAA 180  
 GCAGTGGACA AGAAGGCTGC TGGAGCTGGC AAGGTCACCA AGTCTNCCCA GAAAGCTCAG 240  
 AAGGCTAAAT CGAATATTAT CCCTAATACC TGCCACCCCA CTCTTAATCA GTGGTGGAAG 300  
 AACGGGTCTC AGAACTGTTT GTTTCAATTG GCCATTTAAG TTTTAGTAGT AAAAGACTGG 360  
 TTTAATGATA ACAATGCATC GTAAAACCTT CANGAAGGN AANGGAGGAA TGNTTTTGTG 420  
 GGCCCACTTT GGGTTTTNCT TTTTNCGGT GTNGGCAGTT TTTAAGGTTN TTAAGTTTTT 480  
 TNAAAATNCA GGACCTTTTT TAANTGGNAA CCAACTTTGG CCCAAAAATT TTGTCACCAG 540  
 ATTTTTTNGG GCCCCNTTTA AAAANGTNTT NATTNGGGAA A 581

配列番号 : 19

配列の長さ : 556

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00020

配列：

```
GATCAGCAGG GTTCTTTGTA AATAGTATTT TGAGACACTA AGATGTTTCT ACTGCTACGG 60
AATGTATTTT AAACACATAT CGTTTCTTTT TCTTGAAAA AAAGTTGATT AGGACCACAG 120
NNNNGGTTTA GAAAGGGTAA TATTTTGAAA TACTACAAGG TTTAGACAGT CCATGAAATC 180
GACCTGTTTA ATAATTTACC ATCCTGAAAG TCCAGAATTA AAATATGGAA GCAAGAACTA 240
TATAATTGAT TAGGATGCTT GGTAGGTTTT TTTCATTGTT CAAATATTCA TTGCACAGTG 300
GATTGTTTTG ATTAGTTAGT ATGCTTTTTT TTTAATTAAT TCAGTCTTCT GTTAATTTTT 360
AAGNTTGGT TAGTGCCACA AGGAATTNA CTTNTTGATT TGTATAATNG GAACCTGACC 420
TNGGGATTNG TAGCGGGGNT TTGAAGGGTG GGGACCTNCC CNCAAAATAA GGGGGAGGTT 480
TCCAAANNTT CCNCTGGCCG NCCNNNNATC CCAGGTAAAG GGGGTNGAAA TANTNNGGNN 540
NCCCCCAGG GGAAAN 556
```

配列番号：20

配列の長さ：555

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00021

配列：

```
GATCTGGTAC GAGTGTGTGA AAACATCCCC ATTGTGTTGT GTGGCAACAA AGNGGATATT 60
AAGGACAGGA ANATGAAGGC GAAATCCATT GTCTTCACC GAAAGAAGAA TCTTCAGTAC 120
TACGACATTT CTGCCAAAAG TAACTACAAC TTTGAAAAGC CCTTCCTCTG GCTTNCTAGG 180
AAGCTCATTG GAGACCCTAA CTTGGAATTT GTTGCCATGC CTGCTCTCGC CCCACCAGAA 240
GTTGTCATGG ACCCAGCTTT GGCAGCACAG TATGAGCAG ACTTAGAGGT TGCTCAGACA 300
ACTGCTCTCC CGGATGAGGA TGATGACCTG TGAGAATGAA GCTGGAGCCC AGCGTCAAGA 360
AGTCTAGTTT TATAGGGAAG TTGTCCTGTG ATGTCAGCGG TNCAGCGTGT GTNCCACNTC 420
ATTATTATCT AGCTAAGCGG ACATGTNTTC ATCTGTGGGN TCTTAAGGAG NTGAGTNGNN 480
TNGGNGTNAT NTGGANTTAA AAATAACTTC ATTNTTNGGC CNNATATTTA NGTNTTTTNG 540
CCCGNTTNTT CCCTN 555
```

配列番号：21

配列の長さ：544

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00023

配列：

```
GATCGATACA TGCAAATTTA ATGTAGTAAC TCACTTTTCC ATATATTTTN AATGTATATT 60
TCTATTTATG AATACCAATT TATAAAAAAT AATTACACAG AAAAAAATGG AATAGGAAAA 120
ATTATGCATC TAGCACATTT AAAGTGTGCA AATATGAAAA TTTTTCGAGG ATTACATTTT 180
NTNNNTAGGC TGCATATTTT AACTGGCTTT AAAACTGTAA CACATCACAT AAAAGTACTT 240
TACCCGGTAT GTATTGCATT ATATCATTGC AATAATTATT GGAGTCTAGA TATCGAGCCA 300
TCCAGGTGT TGGGCGGGGG GAGGGTTGTG GCAAGTTGTC TTTTCAATTT NGNGNGTTTT 360
CCTGTNGCTC CAGGGCAAGT ACCGGGTTGG AAAGCTGCCT GTAAGCGTTG GCACCTTCAT 420
AGNGTAGTGT TTNGGTGNCT TTTTTNTCG GTTCTTGTA AATTNGGTNCG GTNGGTGGTG 480
```

TTCAGATGNT TTTTNCNCT NGTTCAGCAA CTTNCCCNNT NNCTTGCTT GATAGGGNAC 540  
NTCN 544

配列番号 : 22

配列の長さ : 538

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00026

配列 :

GATCTCTATC CAGTTGGACA CTTAATTGCT TTCTTCATTC AGAAAGATAG TCATGTTTAC 60  
TGGTATATTT GGTCACCTTT AGAACCTGTC CTTACATAT GTTTTTTATG GGACCCATGA 120  
ATGGTTAGCC TTTCTGTACT ATTGTAGAAG GAAATAAATA GGCGTAAAAA GACCATTGTA 180  
GTAAATAAGT TCAAGGGGAA CTTGGGACCA GAAACCACTG GTATGTACAA AAAAGCTGGC 240  
AATTTGAATA ACCTCAAGTT TGACAATAAT TTTTAAATTT GAACAGTTAT GATAAATTTT 300  
AGTAGTTTTA TACACTAGAT GTGCCTAGAT GGTTCTCAAG GCTTATAGGA CTGGCTCACA 360  
GTTACCACTT TCTAGTGGCT TTTCTTGCCT TTGGGTCTGG GGGGCTGGGG GCAATGGGCT 420  
TTTTTCCTTG GGTGCGCAAT CGGTTTCTCT GGTTGGTCAG TTTCCAATCC TTNGGGGGGT 480  
CNTTGTGNTN TTNNCNGCCC NGNNNGGTNN GTCCNGGGTG TTNGCCGGGN NCNTTTTN 538

配列番号 : 23

配列の長さ : 535

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00028

配列 :

GATCCTGGAA TATGTCGAGG TTATATTACC AGGTATTTTT ATAACAATCN GACAAAACAG 60  
TGTGAACGTT TCAAGTATGG TGGATGCCTG GGCAATATGA ACAATTTTNA GACTCTGGAA 120  
GAATGCAAGA NCATTTGTNA AGATGGTCCG AATGGTTTCC AGGTGGATAA TTATGGAACC 180  
CAGCTCAATG CTGTGAATAA CTCCCTGACT CCGCAATCAA CCAAGGTTCC CAGCCTTTTT 240  
GAATTTACAG GTCCCTCATG GTGTCTCACT CCAGCAGACA GAGGATTGTG TCGTGCCAAT 300  
NNGAACAGAT TCTACTACAA TTCAGTCATT GGGAAATGCC GCCCATTTAA GTACAGTGGA 360  
TGTGGGGGGA AATGAAAACA ATTTTACTTC CAAACAAGGA ATGTCTGAGG GGCATGTAAA 420  
AAAGGGTTTC ATCCAAAGGA TTTTANAAGG GNGGCTNATT TAAAACCANA NGGAANNNGN 480  
AGGAGGCNGG NNGTGAATTT GNNTTTTGGN GGAANTTTTT GNTTNAANNT TNTGN 535

配列番号 : 24

配列の長さ : 528

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00029

配列 :

GATCTACACT TGGATGGATG CAACCTTGAA AGAACTGACA AGTTTAGTAA AAGAAGTCTA 60  
CCCAGAAGCT AGAAAGAAGG GCACTCACTT CAATTTTNC AATCGTTTTA CAGATGTTAA 120  
AAGACCTGGC TATCGAGTTA AGGAGATTGG CAGCACCATG TCTGGCAGAA AGGGGACTGA 180  
TGATTCCATG ACCCTGCAGT CGCAGAAGTT CCAGATAGGA GATTACTTGG ACATAGCAAT 240

TACCCCTTCCA AATCGGGCAC CACCTCCTTC AGGGCGCATG AGACCATATT AAATTCTATT 300  
TACTATTTGT TGAATTTATT TTTCCGTCAG TTATGTAAAA TAAACATACT CTNCCTTCCT 360  
CCCCTGGAATT TATTGCCATT TAAGGCTTTT AAAATTCTAA TCAANNTTTG TNANTGCAAT 420  
CATCTGTTTN GGGNGTTNNG TTTTGGGATG TGCTTTTTGN NTGGNTTNCG GNTTAGNCTT 480  
GGNTTGTTTT AATGGCCNTT CNNGTNANAT TTGGNGGNA NGNGCTTN 528

配列番号 : 25

配列の長さ : 528

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00030

配列 :

GATCAAGGTA TAATGGAAAA ATATACCTAT TCTTGAAGTA GTTTATTATN GTTTTCAAAT 60  
TGATTTATAC CATTATTAAC CTGATGTGGT CTGCTTAAAA AATGAATATA TCAGTATTTA 120  
GAAATAAATT GCAAAGGTGG GAATATATAC TTAAATAATT TGTCTTAAGT AAATTAGCAT 180  
TTGGTAGTCT GANATGGTGA CAGATTACTT GTTAAAAATG TGAAANCTCT GTTGTGTCCT 240  
CTCTNCCTAC ATTTGTCCCT GAGAGTNCTC CACGATTACT AGGTTCTTGA TTCCCTTATA 300  
TGGCAATCAG GCAGAGGCGT TCCTTAAGCA TTAGAGAGTT CTGAAGCTTA AGATTTGTTT 360  
TGGTTGGATG AANGTCCTTA GTACAGTTGA AAANCAGAGC ATTAAAGNCT ANTCANTTTG 420  
TTTTGNCCTC ACCAGTCATT TTAATAATNNG TNGGAATNCT TNTTNCTCA GTGCTTAAAN 480  
NTTTCNTTG TTTCAANCTG NNGGGGGTTN GGATTAAACC AGGCCNCN 528

配列番号 : 26

配列の長さ : 527

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00031

配列 :

GATCAGAATG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60  
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120  
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA TGCACATATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180  
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240  
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTCTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300  
CCTAGGTAAT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAANCAG CACTCANGTA 360  
ATCCTAAAAT GGATTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGGCCCT GGNAANGTCN TATTGANTTT 420  
ANANGGGCTT TCTTCNTTTC AGGAGTTTNG GTCAACGGTG GCAAATCCNT GGGGTNNTTA 480  
ANTGGNNNGG TTNNTTAANT TNTGNTANTT TCNTNGGGGC CANAGGN 527

配列番号 : 27

配列の長さ : 520

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00033

配列 :

GATCAAAATG GTTGGTGAAC CTCCACATGT CCAGTTCTGT TGCCAAACTT TCCATTGAGA 60

GTATTTGGTG GAGTTTGAAT TTGAGCAAAC TAAATGCCTT CATCTTAGGT AGAAAGGGCC 120  
TGAATCTTCC ATTTTATATT CAAACCTCAT TGTATTTGG CCTAAGTAAA AAGTCAGATT 180  
TCATTTCCAT TTACCTGAGT TCGCTTTAAA GAGCTTTTCA AAGAGAGCTT TATAGACACC 240  
CACAATTGTC CCAATCTCT TCATGATGTT GCATTAATAG TTGTTTTTGT CCCTTCTTG 300  
GAAATGTAA TGCCAAAGNT TGCCTGAACA TTNGGGCGGG TTTTCTTAAA TTTGAANGTN 360  
TAAAANTTTT NTAANGGGGG AATTNCCAAA NGGGTATTTA AAAGGGTTNG TTTTAACCAG 420  
GTATTGTNGT GGGGGGATGG TCCAATAATC CTCNNGGGGG AGGGCTTTCA AGGGAAATCC 480  
CNTTTTNGGG GAAATAAAAA NNGGGTTAAA ANNNNTTTN 520

配列番号 : 28

配列の長さ : 514

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00034

配列 :

GATCAGCGAG GCCGACAAGA AGAAGGTGCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60  
GGACGCCAAC ACCTTGCCCG AGAAGGACGA GTTTAAGCAC AAGAGGAAGG AGCTGGAGCA 120  
GGTGTGTAAAC CCCATCATCA GCGGACTGTA CCAGGGTGCC GGTGGTCCC GGCCTGGGGG 180  
CTTCGGGGCT CAGGGTCCCA AGGNAGGGTC TGGGTCAGGC CCCACCATTG AGGAGGTAGA 240  
TTAGGGGCCT TTCCAAGATT GCTGTTTTTN TTTTGGAGCT TCAAGACTTT GCATTTCCCTA 300  
GTATTTCTGT TTGTNAGTTC TCAATTTCTT GTGTTTGCAA TGTTGAAATT TTTTGGTGGA 360  
AGTACTGAAC TTGCTTTTTT TCCGGTTTCT ACATGCAAGA GATGAATTTA TACTGCCATC 420  
TTACCGGCTA TTTCTTCTTT TTTAATTCCA CTTAACTCAG GCCATTTTTT AAAGTTGGGT 480  
ACTTGCAAAG TAAAATAAAC TTTAAAAATT CAAA 514

配列番号 : 29

配列の長さ : 513

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00036

配列 :

GATCATCATT CTTCTGACTC TAGATGGGAC ACTTGACAGT GACTTGAAAC ATTTGCATAT 60  
TCAGGAATGC ATGAGATTTT AAGAGAGCCT ACAGTATGAA ATCATTTTCA CAAAATAAGC 120  
AGCTTGCTTC TGAATGCTG TCTTTCCCAG TAGCTACTCA CCTGCCTCTG GTGGCTGGGA 180  
TTCAGATGCC AAAAACTGT CAGTATCTAT AGACCAGGTC TGTGCCACCT CCTCTCTCCT 240  
CTGTGCTCAG TGAGGAGGCA GTAAATGAAG TTACAGGCTA GCACAATACC TAACTCATGT 300  
TTCCCAGTAC ACCTGTTGGA TATTNCTGT NCCTTTTAAT GGTTCTCAAG GGANTTAGGT 360  
TNTTGNCTG TTTCCAGNGG TTTCCAGGTT TTCTTTGGGT NCTTTTTNAA TTTTNAANTT 420  
CCNAGGGGGG GGGNNTTTTG GGNAAGGGGG GGGCAAAGGG GNTTTTTTTT TTNTTGGGCC 480  
NNGNTTTTTG GGGGGAAANC CTTTNNGGTN NCN 513

配列番号 : 30

配列の長さ : 512

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00037

配列 :

```
GATCTAAATT GTTACATTTT ACCATTTTCAT TCCGAAGTTG GTTTTACTTT ATTAAATGAA 60
GATTTAGTTT TCATATCGTA TACATAGCTG TATAGATTTC AAAATNAGGT TGTTAATTTG 120
TGTCACCTAC TATTTTTGTG TTGGTAATGC TTTAAATGCA TACTTAAAAA TGAAGTACTG 180
TTATCTAAGC TACTGTGTTT AGAAAATGTT AAGAATGAGC AGAAATTTT ATAGAAAAGT 240
ATAACCGGAA GANGAGAGAA GATACTGCGA ATAGGCCCTC AANCTTAAAA NAGAAAAACC 300
TTTGCCAGTT TTANGGACAT ATTTTGATTG TTTTCNGTATT CTTAACACCT TTTTAAACAA 360
NGTTCCTGAT AGTACCCACT ATTATTGGGT TTGTTTATG CCATTATTTG ATTCTTGGAT 420
ATTCAAGCAT TTNCAATGTG GCATATTTNG NTTCCNNTN NCCTTNCNTT TTTTNGGNCN 480
NCNTTACCCT TTCCNTTGGG AAGNCANTTN GN 512
```

配列番号 : 31

配列の長さ : 510

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00038

配列 :

```
GATCAGCCAG GCACAGAATC TCCAGAACAA CCTAGAGAGT GAATGCTAAT TTGTAGAGCG 60
AACTTCCATT TGGCCCATNA TTTGTAAGTG TGTAAGTCT CCAAGTGCCA GANTGCTTAC 120
ACGTTAAAGC AGCACCTTTC CATTTGCCCA CATATTCTTC TTGCACACCC CTTCCATTAC 180
TGCTGAATAG GACATTGCAT GGGAAAGAGTA CAGAGGTGGC AGANTGANGC TAGAGTGGGC 240
AGGNCTAAAG ACTGAGCCCC AGAGTGCTCC CAGCAACCGC CACGTACANG GTCTGNAATG 300
NCANGGGCAN GNGTGAGATT GGAANCTGTG TGTGAANGGT AAGCCCTTGC AGTNTTCTG 360
CCTCCCTTTC TTTCTGCCTT TCACCCCNCT TANTTGTNTG GTTNTTGGTT TGCCCGTTCT 420
TCTCTTGGTG GNTGCNCATT TGTANATGG TGTAGGGGT GTGGGGNTGA GGTTTTCCCC 480
TTTGATGTGG GNTTNTCCN TTGGGTTTAN 510
```

配列番号 : 32

配列の長さ : 507

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00039

配列 :

```
GATCGTGAAG CCCAATGGCG AGAAGCCGGA CGAGTTCGAG TCCGGCATCT CNCAGGCTCT 60
TCTGGAGCTG GAGATGAACT CGGACCTCAA GGCTCAGCTC AGGGAGCTGA ATATTACGGC 120
AGCTAAGGAA ATTNAAGTTG GTGGTGGTCG GAAAGCTATC ATAATCTTTG TNCCCGTTCC 180
TCAACTGAAA TCTTTCCAGA AAATCCAAGT CCGGCTAGTA CGCGAATTGG AGAAAAAGTT 240
CAGTGGGAAG CATGTCGTCT TTATCGCTCA GAGGAGAATT CTGCCTAAGC CAACTCGAAA 300
AAGCCGTACA AAAAATAAGC AAAAGNGTCC CAGGAGCCGT ACTCTGACAG CTGTGCACGA 360
TGCCATCCTT GAGGGACTTG GTCTTTCCNA AGCGGAAATT NTNGGCAAGA GGANTCCNGN 420
GTCAAACCTT GNTTGGCANG NCGGGCTCAT AAANGGTTCA TTTTGGNNCA ANNGACNAGN 480
AGGNCCAATT NTGGGNCAAA NAGGNTN 507
```

配列番号 : 33



配列の長さ : 508

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00040

配列 :

```
GATCAGAAAC TCACCCTAAA TCTNAACGGG TGCCGCTATA ATTNGTNACA TCTGGCAAGA 60
TTTCCCTTTA TGTATATATT TAAACAATCC GCTTGGACAC GAACAAAGCC ACACTTCTAA 120
CTGCTTCTGG CGAACTGATT TAATTTTNAA TTTTNTNCAA TAAAGATATT CTTAGATACT 180
GAAAGAAATA GTTAATGAGT TTNCATTTGT CCTTGAGAAA ATTTGGCTCA AGTCCATTTG 240
GCTGTAGTGT CAACGATGTT TCCAGTAGTG TTTAGGATTT GGTGTCTTCA AAGGTAGTTG 300
ATTAAACCAA GTGTGTCTTT AATATCTTGT ATCAGAATAA CTTTGTATGT TACCAACTTA 360
AATTGCTAGA ATAAGGGTAA ATTGGATACA CAACTGCTGA TTTTAAATTT AGGANCTTTG 420
ACCNNAATTTT GGGGTTTTCA AANCCGTTTT TGGNTGCTNT GTATCCTTAT GCTGTTGGT 480
TNATTTCCAN TAAAAANTTC ACNCGNGN 508
```

配列番号 : 34

配列の長さ : 505

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00041

配列 :

```
GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTTTTA AAGNNAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAAACAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GAAGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA ANTTATACTA 240
ACTTATTTAT GTTAAAGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
TTTGTGCATT TGTAATGCT GTGTTGGTA GANTAGGTTT TCCCCTCTTT TGTTAAATAA 360
TATGGCTATG CTAAANGGT TGCATACTGG GGCCAAGTAT AATTTTTNTG GTAATGTGTG 420
GNAAGGATG NCCAGTTATT GGTACCNCCT TTANGNNATC CNNTAANGGG AACCTTCCCC 480
TNGGTTAAAA NCANGNGTA NANNN 505
```

配列番号 : 35

配列の長さ : 62

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00042

配列 :

```
GATCTGGAAA GAGCTGTTTT GGATGAATGC AGTATAAAAT GTAAANCCC TGCTAAATGA 60
AA 62
```

配列番号 : 36

配列の長さ : 503

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00043

配列：

```
GATCGAAAAGG CACTCCATGA GCTAAAACTG GAAGAGTGGA AAGGCAGACT ACAAGTTACT 60
GAGCACCTCC CTGAGAAAAT TGAAAGTAGT TTACAGGAAG ATGAACCTGA GAATGNTGCT 120
AAGAAAATTG AAGCACTGCT AAACCTTCCT AGAAACCCTT CAGTAATAGA TAAACAAGAC 180
AAGGACTGAA AGTGCTCTGA ACTTGAACT CACTGGAGAG CTGAAGGGAG CTGCCATGTC 240
CGATGAATGC CAACAGACAG GCCACTCTTT GGTGAGCCTG CTGACAAATT TAAGTGCTGG 300
TACCTGTGGT GGCAGTGGCT TGCTCTGTN TTNTTCTNGN CTNTTTAACT AAGAATGGGG 360
CTGTTGTACT CTCACCTTAC TNATCCNTAA ATNTAAATAC ATACTGATGN TTTGTATTAA 420
TCGNTCCAAT ATATGNNTAC ATGNANTATA TCNACNCNCC TTNGATNTTT AAGCANGTAA 480
ATAAAACCAT TNNGCAATGG AAA 503
```

配列番号：37

配列の長さ：497

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00044

配列：

```
GATCGATAAA GAATTGGCTA GTGGTGAATA CTTTTGAAG GCAAATCAGA AGAAGCGGCA 60
GAAATGGAA GCAATAAAGG CTAACAAGC AGAAGCCATC AGTAAGAGAC AAGAGGAAAG 120
AAACAAAGCA TTTATTCCAC CTAAGGAAAA ACCAATTGTG AAACCTAAGG AAGCTTCTAC 180
TGAAACTAAA ATTGATGTGG CCAGCATCAA GGAAGGTT AAGAAAGCAA AGAATAAGAA 240
ACTGGGAGCT CTTACAGCTG AAGAAATTGC ACTTAAGATG GAGGCAGATG AAANGAAAAAN 300
GANGAAAAAN NAGTANCATA CCCAAANCTC CTTGNCTNGG ACCTATCTCC TTTTNGTAA 360
AGGGGTTTTT TGGGGTTTTT AGGCCTTTAG GTTNCCTTT TTTGNGGGA AANTTTNTT 420
GGGGGGGTTT TTTNNTTTT TTTNGGGGGG GNGGGGGTT TTNNTCCTTG GGNGGGGTTT 480
TCTTTNAAA AATTTTN 497
```

配列番号：38

配列の長さ：498

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00045

配列：

```
GATCTTATGG ATGCTGAGCA TGTTCTGCAC TGGTGCTAAT GTCTAATATA ATNTTATATT 60
TACACACATA CGTGCTACCC AGAGATTAAT TTAGTCCATA TGAATATTG ACCCATGTT 120
CATTGAGACA GCAACATACG CACTCCTAAA TCAGTGTGTT TAGACTTTTC AAGTATCTAA 180
CTCATTTCCA AACATGTACC ATGTTTTATA AACCTCTTGA TTTCCAGCAA CATACTATAG 240
AAACACCTG CTAACAAAA CACAATTCT CAGTGTATC CATTGCTGTC GTGAGAGACA 300
ACATAGCAAT ATCTGGTATG TTTGCAAGCT TTCAAGATAG CCTGAACCTA AAANGTTGGT 360
GCATTAGTTG TATCTGATGG NTATAAATTT TGCTCCTAG GTTCACTTTG GTGTCCAGGN 420
GCTAAACCTG TGGANCCTAA CTTCCCTTN ATTGGGGGGG GAATAACCTG GAAAATAAAG 480
GGTTTTTTTC CAGGGNTN 498
```

配列番号：39

配列の長さ：494

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00046

配列：

```
GATCTGTGCT GTAGAAAAAC ATTAACCCCTT GTTCAAAAAA GAAATGGATA ANCTTGGCCT 60
TTCTAAGTGG TAAGAAATGAC CTGTCACTAT AATATACTGT ATGTTTACAT TTNATTTAAA 120
TTTAATCTCT TATGTATAGG GTGATAACCT TCCCCAGAAA CAACAGTGAT TGCNATTGTT 180
TTCTAGAAAC TNCTTTAAAG TGCCACATTT GGCAGTACAA ATGAGTCTGA GTGTAATAGC 240
CCAGAGATTT ATATATAGTT GAATGTCTAA NATGGTAAAA TGTGCCACTG TGTCAGTTA 300
CAGTGGCTTA TGTTTTTCAT AGTAATTCAN ATGANCTTCC TATTTTTGNT AGTAAATGGC 360
CATTTAATAG NATTCCTTGG CCATTTGAGG CTCACTGGCA AATTTAGGT GCNGGGGGNG 420
GAANCCANTT TTTTANATGG NAATCCTTGG GTTTTTNCCN CCNTNNTNCC TGGNCCNTTC 480
CCCCAAAAAN CCTN 494
```

配列番号：40

配列の長さ：244

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00047

配列：

```
GATCAGTTGA CAGTGGCAAT TAAACTGTAA ATAACCTGCC CTGGGGGCCT TTTTTTAAAA 60
AACAAAAACC AAAAAATTC CCAAACCATA CTTGCTAAAA ATNCTGGTAA GTATGTGCTT 120
TTNTGTGGGG GTGGGATTTG GAAGGGGGGT TGGGTTGGGC TGGATATCTT TGTAAGTGTG 180
GACCACCAAG GGGTTGTTGA AAACATAATTG TATTAAATGT CTTTGTATAA GCCTTCTGCT 240
CAAA 244
```

配列番号：41

配列の長さ：283

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00048

配列：

```
GATCACTGTA AATGAACCTC CCTGTTGGCC GCTCTGTGGA TGANACTTTA AGACTAGTTC 60
AGGCCTTCCA GTTCACTGAC AAACATGGGG AAGTGTGCCC AGCTGGCTGG AAACCTGGCA 120
GTGATACCAT CAAGCCTGAT GTCCAAAAGA GCAAAGAATA TTTCTCCAAG CAGAAGTGAG 180
CGCTGGGCTG TTTTAGTGCC AGGCTGCGGT GGCAGCCAT GAGAACAAAA CCTTTCTGT 240
ATTTTTTTTT NCCATTAGTA AANCACAAGA CTTCAGATTC AAA 283
```

配列番号：42

配列の長さ：486

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00049

配列：

```
GATCAGTTTT CNTTGTAACA CTGGGTTTAA TCTGAATGGC GCTGATTCTN CCAAGTGCAC 60
```

TGAGGAAGGA AAATGGAGCC CGGAGCTTCC TGTCTGTNCT CCCATCATCT GCCCTCCACC 120  
 ATCCATACCT ACGTTTGCAA CACTTCGTGT TTATAAGCCA TCAGCTGGAA ACAATTCCTT 180  
 CTATCGGGAC ACAGCAGTTT TTNAATGTTT GCCACAACAT GCGATGTTTG GAAATNATAC 240  
 AATTACCTGC ACGACACATG GAAATTGGAC TAANTTACCA GGAATGCAAG GGAAGTAAAA 300  
 TGCCCATTC CATCAAGACC AGNCAATGGA TTTGTGGNAC TATCCTGCAA ANCCCAACAC 360  
 TNTNTTCCA AAGGNTTAAA GGCCACATTT TGGGTTGGCC ATTGGTNGGG TTATTTNTCT 420  
 TGGGAGTTGG GCGCCGGANG GAANTTTGNN TNTGTTNCCN NAANCTTGGG GAACCCTTGG 480  
 GTTTNN 486

配列番号 : 43

配列の長さ : 470

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00050

配列 :

GATCCACCAG CTGAGAATTC GTCCGCTCCC GAGGCTGAGC AGGGCGGGGC TGAGTAAATG 60  
 CCGGCTTACC ATCTCTACCA TCATCCGGTT TAGTCATCCA ACAAGAAGAA ATATGAAATT 120  
 CCAGCAATAA GAAATGAACA AAAGATTGGA GCTGAAGACC TAAAGTGCTT GCTTTTTGCC 180  
 CGTTGACCAG ATAAATAGAA CTATCTGCAT TATCTATGCA GCATGGGGTT TTTATTATTT 240  
 TTACTTAAAG ACGTCTCTTT TTGGTAATAA CAAACGTGTT TTTTAAAAA GCCTGNGTTT 300  
 TTCTCAATAC GCCTTTAAAG GTTTTAAAT TGTTTCATAT CTGGTCAAGT TGAGATTTTT 360  
 AAGNCCTTCA TTTTAAATTT GTAATAAAN GTTTACCACC TTGGATTTTT TCAANAAAGG 420  
 TCAACCAANC TGCAANGCAC CTGTTAATAA NGGGTCTTTA ANTAATTAAA 470

配列番号 : 44

配列の長さ : 479

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00051

配列 :

GATCTGTAAG TAAC TTCACA TTAAAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60  
 CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTNTNA AAGGAAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120  
 TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAANCAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180  
 AAANCCATTT GANGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA AATTATNCTA 240  
 ACTTATTTAT GTTAANNAT TTTTTTAAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300  
 TTTGTGCATT TGTAATNCT GTGTTGGGTA GAATAGGTTT TCCCCTCTTT TTGTTAANTA 360  
 ATATGGCTAT NCTTTAANGG GTTGCNTACT GGGCCAGGTN TAATTTTTTG TAATGGNGTG 420  
 AAAGGGTGCC ATTTTTTTGT CNCACTTNGG GGGTCTCANT GGGGGGNTTC TNNCNGGGN 479

配列番号 : 45

配列の長さ : 477

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00053

配列 :

GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60  
TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCCT TTTCTTATAG GCTTTATGCT CAAATGTCAT 120  
AGTCTCCTTT CAAAGAATTG TGTTGCATTT TAAATGCACC CAGCTTAAGT AGAAGACATT 180  
GAAGGATGCA TTAATTTTCA GGAAGTATTT TGAATTATGA AAAGATTCCC AATTGAAAAA 240  
NTTATTCAAC AAGTAAAAGC TAAGAAATTT CATTGAAATC ATAAGGCAGT TTAAGCATAA 300  
NTTGATAAAA ATAGCTGTGT ACTACTAATT AATAGAAAAT CATTCAACCA AGAGANGAGT 360  
CANGTGAATA TCGTTTGT TTGTGCTAGT GAGTTTCTTT GTAACGTTGG ATTTTATTAA 420  
NTGGTTAATN TTTGGTTAGG TATGTCCTAT GTTANTNAAA ANTGGNCCAA NTTTAAA 477

配列番号：46

配列の長さ：476

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00055

配列：

GATCACCATT AGCAAATGGA AATNACATTT GAAAGCCATT AGACTTATAG GTGATGCAAG 60  
CATCTAAGAG AGAGGTAAAT CACACTATAG AGGCATAAGT GGTATCAGTT TTCATTTTCN 120  
TAATTGTTTA ANCTGTGTTT TATACCAGTN TTTGCAAGTA ATTGGGTGTT AGCTTGAGAT 180  
GGTTAAAGGT GGTTCGGGGA GGGACTTCGT TGTAATGGTT TTCCTGTAAA ANATGTTTCC 240  
AACTCCNCTG AAATGTTGCT GAAAAGCATG GTGCTGGTAA CAGTTCAACA ATCCCGTGGC 300  
TGCTCATTCT TGGCCTACTT TTAATCTCCC ACTTGNAGC AGGTAGCGT TTGAAGGGTG 360  
GTATGGGAAA AGCCTNGCAT TGCCTGGGCC AAATTCCTTT TGGGGTTCN CTCNTTCCC 420  
CNCTTCNCCN TNTCCTTCCT TTCCCCNTN ANGTCCNNCC NCTTNCNTTA GGTTTN 476

配列番号：47

配列の長さ：472

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00056

配列：

GATCAAACTCT GCACTGTGTC TACATATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ATGTTCCCAA 60  
TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120  
AACCTTATGG CCCTTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180  
CTAAAGAAGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240  
TATCCAGGTC TGCCTCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300  
ATAATTTACC ACCCACTTAT CCACCTTTAA ACTTGGGGAA GGNNGCNTTT CAAATTAAAT 360  
TTAATCNTNG GGGGNTTTTA AACTTTAACC CTTTNCNT TNTNGGGGTN GGNANTTGNC 420  
CCCNTTAAAG GGGGNCCCC TNCNNGGGG AATAAAACAA NTTNNTTTT TN 472

配列番号：48

配列の長さ：472

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00057

配列：

GATCAAANCT GCACTGTGTC TACANATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ANGTTCCCAA 60  
 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120  
 AACCTTATGG CCCNTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180  
 CTAAAGNNGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240  
 TATCCAGGTC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300  
 NTANTTTAGC AACCCAGTTA TCCNCNTTAA NNCTGNGGAG AGTGGTCTTT ACATCTTAAT 360  
 TTTATTCTNG TGGTGGTTNT TACCTTTAAC CCGGTTTCTT ATTTTGGGT TTGTTATTGG 420  
 CCCTTTTTAG GGGTGGTCCC TNTTCCNGGT TGGNTTCCCT TTTTTTGTG TN 472

配列番号 : 49

配列の長さ : 319

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00060

配列 :

GATCTCATGG TCCGGAATGA CACCCCTGT GGAACCACCA TTGGACCTAT CTTGGCTTCT 60  
 CGGCTGGGGC TCGGGTGCT GGATTTAGGC AGCCNNAAC TGGCCATGCA CTCTATCCGG 120  
 GAGATGGCCT GCACCACAGG AGTCTCCAG ACCCTCACC TCTCAAGGG CTTCTTTGAG 180  
 CTGTTCCCTT CTCTAAGCCA TAATCTCTTA GTGGATTGAG CCCTCTTGA AAGACTTCTC 240  
 TGCCATCCCT TTGCACCTGA GAGGGGAAGT TCTCAGCTGA GCTGAAGCTG GATTATTAAA 300  
 GTGGATTGTC ACTCAGAAA 319

配列番号 : 50

配列の長さ : 461

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00061

配列 :

GATCTTCCTC TAATTGACAG CCTCATTACG GGTCTTACAA AATATGGAAC AGTGTGAGAA 60  
 AAAACCAGAG AACTCGGCAG AGTCTAACAC AGAGGAAACC TAAAAGGACT GATTAAACCC 120  
 AAGATGATTT CCACTTGAAA ATCTTAAAGG ATATTTTATG TGAATTTCTT TCTAATATTT 180  
 TTCAGGCATT AACAAAGGAG ACGGTGGCTC AGGGAGTAAA GGAAGGCCAG TTGAGCAAAC 240  
 AGAAGTGTTT CTCTGCATTT CAAAACCTTC TTCCTTTCTA TAGCCCTGTG GTGGAAGATT 300  
 TTATTGAAAA TCCTACGGTG AAGTTGATAA GGCGCTTTGC TGGATGGGCT TGGGATAAAA 360  
 ACCCTTTCCC AAGTTTTAAA GGGTTTCAGG TCTTTAAATC CCTGAAATTT TGGGATTTCT 420  
 TTCTTGTTCC AGGTTGTTTA AACCTTTTAT TTTTCTCC N 461

配列番号 : 51

配列の長さ : 458

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00062

配列 :

GATCTAGCAT ATTTCACTAT TCTGTGGATG AATACATAGT TTGTGGGGAA AACAAACGTT 60  
 CAGCTAGGGG CAAAAAGCAT GACTGCTTTT CCCTGTCTGG CATGGAATCA CGCAGTCACC 120

TTGGGCATTT AGTTTACTAG AAATNCTTTA CCTTAAGCAG CACACACATT TACTACACAC 180  
 ACAGNCCTAA CAAAGCACTG TGCTTAGAGG GTAAAAAGGA ATCACAAAAC AAGAATCTTT 240  
 CCAAAGTTGT CTCATTGAGC AATGTTAAGG CATCTGTATC AAATTATTTT GGATGTAAAG 300  
 ATTCCTGTGT CTCATAATAT GAATGTATTT TTTGATATAC AAGGAACTG GCCATAAAAA 360  
 TGGTGNGGNA ANCCGCCCN TAATTTNCC CCTGGGGCCC CAATTGGTNN NNTCNANTCT 420  
 NGGNTTNAGC NTTTGTCTC AAATGGGATN CANTTNNN 458

配列番号 : 52

配列の長さ : 459

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00064

配列 :

GATCTATCAC CCAAACATCG ACGAAAAGGG GCAGGTCTGT CTGCCAGTAA TNAGTGCCGA 60  
 AAAGTGAAG CCAGCAACCA AAACCGACCA AGTAATCCAG TCCCTCATAG CACTGGTGAA 120  
 TNACCCCCAG CCTGAGCACC CGCTTCGGGC TGACCTAGCT GAAGAATACT CTAAGGACCG 180  
 TAAAAAATTC TGTAAGAATG CTGAAGAGTT TACAAAGAAA TATGGGGAAA AGCGACCTGT 240  
 GGACTAAAA CTGCCACGAT TGGTTCCAGC AAGTGTGAGC AGAGACCCCG TGCAGTGCAT 300  
 TCAGACACCC CGCAAAGCAG GACTCTGTGG AAATTGGCAC GTGCCACCGN CTGGCGTTCG 360  
 NTTGTGGCAG TTAATACTT TTCTACAGTT TTCTTAATCA AAAGTGGTCT TAGGTAANCC 420  
 TGTAAGGNA AGGGGTTTAN NAATTTTANG GTTGGTCTN 459

配列番号 : 53

配列の長さ : 458

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00065

配列 :

GATCAGCTGG CCAACTCAGC CAATCCGCAC ATTTAGCTCT CCAACTACCA TACAACGTGC 60  
 TTGGTTTAGG TCGGAGCGCA AATNTNCTTG ACCATCTCTA CGTTGGTATT CCCCCTCCAT 120  
 CTGGAGAAAA ATCTATACGA AANCAAGAGT GGAATGCAAT NATTCCAAAT NCCCAGCTAA 180  
 TTGTCAATCC ATACCCTCAC AATGTCCCTC GAAGTTGGAG TGCCAACTG TATCTTACAC 240  
 CAAGTAATAT TGTNCTGCTT ACTGCTATAG CTCTCATCGG TGTCTGTGTT TTCAATCTTT 300  
 GGCAATAAAT TGGCATTTTA CCATTTGNCA GGGAAAAGGA AAGGCNGGTT GGNTTGGGGG 360  
 GAAAACCGGC CAAGGGGANGG CCCCCCGGG TTTTCNATTT TTGGNNGGNT TTTTGGGNNT 420  
 TTTGCCTTTT TAAANTTTTT CCNAANAAAN NGGGANTN 458

配列番号 : 54

配列の長さ : 454

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00066

配列 :

GATCAGTTNC GTGTCCGCNG GAGCAGGCCT TGCTGAGTGA AGACACTGGN ACTAGCTGGG 60  
 TCCTGGGGTG ACTTGGAGGC TTTGGGCCTA AAAGGGCAGC CTGAACCTGG AGTCTTATCT 120

CCCCAGGAG CCGAAAGCAC TTTTCTTGAT TTCCCCCAGG AAATCAAGCG CTGCTTCTCA 180  
 GCTCCTGTGG TTTTAGTATT TATATATCTG TATCTTCTTT GTAGAAATTT ATTTATTTTT 240  
 GAATAAGAAT ACCTGCCTGG AAAAAATTTA AAAGGACGGG AGGGCGAANT GCAAGGGAAG 300  
 GCCTCTCCTA TGCCGNCCCA GAGNAGCACT GTACCAATTT CATGTGATTC CTTAACTCTG 360  
 TTTAAGGAAG CTCTGAAACT GTCATTTTCT TTGCAGATTG TTNTGAACCT GGAAACCCNG 420  
 AATTTATNGN TAANNCTCAN TTNCCACCNG GAAA 454

配列番号 : 55

配列の長さ : 505

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00067

配列 :

GATCGTTGGG GAACCCAGCC CCTTGGAACCT TGGAAGACCC GTGTTTCCTG GACCGCGAAT 60  
 CAGTGTGTG GGCATCAGTG TTTTCTGCAA GGGTTGTGAC CTGAAACTTT TAAAAACCA 120  
 CCCACCTTTG GGGAAGCATT TCTGAATTTA TCCATCACCA ACCATTTCTT CTTGGATACC 180  
 ATCAAGTAAC AGCTATTATT TGCCAAGTGG AGCTGTCATT TAATTTGATG CACCTCTGGN 240  
 TTCAGATGAA ACATTAAATT GTCTTCCTCG ATTCTCCATC GGGTGTAGAG TTTTAAACT 300  
 ATCANTGGCA TTTCAAGTCT TCTGANACAA CATGGCTGTA TGTGCGTGGT CCATAGCACA 360  
 GTACATGCAG CATCTAATAA GNGTTTCCAT TTGTAGAATT NTTTTCNNCA NACTTNTAGT 420  
 TAAANNCAAA ATTTTTTAAT TTGNAAANAA GNGTGNNGTT GGTATTNNN GNTGTNTTTT 480  
 GTNTNTGGTT GNTNTGTTTA TTNTN 505

配列番号 : 56

配列の長さ : 450

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00068

配列 :

GATCAGAGAC TGGAGAGGTG GAGTGAGAAG TCTCCGCTGC TCGGGCCCTC CTGGGGAGCC 60  
 CCCGCTCCAG GGCTCGCTCC AGGACCTTCT TCACAAGATG ACTTGCTCGC TGTTACCTGC 120  
 TTCCCCAGTC TTTTCTGAAA AACTACAAAT TAGGGTGGGA AAAGCTCTGT ATTGAGAAGG 180  
 GTCATATTTG CTTTCTAGGA GGTGTGTTGT TTTGCCCTGT AGTTTTGAGG AGCAGGAAGC 240  
 TCATGGGGGC TTCTGTAGCC CCTCTCAAAA GGAGTCTTTA TTCTGAGAAT TTGAAGCTGA 300  
 AACCTCTTTA AATCTTCAGA ATGATTTTAT TGAAGAGGGC CGCAAGCCCC AAATGGAAAA 360  
 CTGTTTTTAG AAAATATGAT GATTTTTGAT TGCTTTTGTA TTAAATTCTG CAGGTGTTCA 420  
 AGTCTTAAAA AATAANGATT TNTANCAGGN 450

配列番号 : 57

配列の長さ : 447

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00069

配列 :

GATCTTTGAT AGTNGAGAAA ATTATGCAAA GTTCCTCAGA AGTNGGTTAT NATGCTATGG 60



CTGGNGATTT TGTGAATATG GTGGAAAAAG GAATCATTGA CCCAACAAAG GTTGTGAGAN 120  
 CTGCTTTTATT GGATGCTGCT GGTGTGGCCT CTCTGTAAAC TACAGCAGAA GTTGTAGTCA 180  
 CAGAAATTCC TAAAGANGAG AAGGACCCTG GAATGGGTGC AATGGGTGGA ATGGGAGGTG 240  
 GTATGGGAGG TGGCATGTNC TAACTCCTAG ACTAGTGCTT TACCTTTATT AATGANCTGT 300  
 GACAGGAAGC CCAAGGCAGT GTTCCTCACC AATAACTTCA GAGAANGTCA GTTGGAGAAA 360  
 AATGANGAAA AAGGGCTGGC TTGAAANTCA CTNTTAACCN NTTANGGTTG CTTGGGTTTC 420  
 ANGTTGGCCA NAGTTTTNNN TNNTGGN 447

配列番号 : 58

配列の長さ : 445

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00070

配列 :

GATCACTGAG CAGTTTTCCC AGAGCTCCAT GGAAGGCAA GCTCTCCCTC CCAATGGGAG 60  
 CCCCCTGTC ACTAACTGTA AACTCAGGCT CAGGCTTCAN CTGCCTACCC CCATCCTCAT 120  
 ATTTCTGTCT GTCCCAGCAC CTCAGGAGCA TTCTCATTGT GGCCGGCTAA CTCCGCCTGG 180  
 ATGTGAACAG GCAAGCACAG TGGGAAATNA GTCACGTACT TGTATTGCAC AGTGGACACC 240  
 TCTAGAGGTC CATTGGTTTA AAGGGATAGG GAAGGAGGAG GGATGAGACC ATCTCCCCCT 300  
 CCCAGGAAGT AAATCTAAGT ATCTAAGGTT TTCTTTATNG CCTTNGAGTC AAACANTAA 360  
 CTGGCTAGTA CGGGAGGTGT NTGCTNGGTT TTTTCGGGT GGTTTTTTCC TAATGNAATA 420  
 AACTTCATTT NTTGCNTGNT TGGNN 445

配列番号 : 59

配列の長さ : 459

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00071

配列 :

GATCTTCGGT GGCCTCATGT AAACGTGGCA GCCAGCCTCT TCTAGAACCC TAGCCCAGGG 60  
 ACTGGAGCAG GAAAGGGACC TTCAAAGTGA AGACTGCCTT GTCCCGCAGC TCCTTCTGGC 120  
 TTAGATTGAA ACATGGGCTT CTAATGGGT TAAATCCTTT AAAACAAGGA GTTGTGGGGG 180  
 AAGGGTGTG TGCCTCCTA GAGAAAGGTA CACAGTTGCC CGGTTGGGAA TGTGCTTGGC 240  
 GCTGACCTG CGGGCATCTG ACTGGTCTTC CAGCTCAGGA AAAAGAATTT GAAAGAGGCT 300  
 TAGCGTGAAG GGAATCAAA GAGGAGGTTG TNATTTNGGT CGAAGGTGCC TTGGTTTAA 360  
 TCCTNGTAAT TTGTNCTTAT TAATTTTTTT TNATATAATA TNATTTTNTT GGGGGGTAAA 420  
 CCATTTTAA ATTAACCAA CCATTTGTCT TNCTNGAAA 459

配列番号 : 60

配列の長さ : 441

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00072

配列 :

GATCAGACAC TTCAAGGTCT AGGCTAGACA TGGCAGAGAT GAGGAGGTTT GGCACAGAAA 60

ACATAGCCAC CATT TTTTCC AAGCCTGGGC ATGGGTGGGG GGCCTTGTCT GCTGGCCACG 120  
 CAAGTTCACA TGCNATCTAC ATTAATATCA AGTCTTGA CTCTACTTCC CGTCATTCCT 180  
 CACAGGACAG AAGCAGAGTG GGTGGTGGTT ATGTTTGACA GAAGGCATTA GGTTGACAAC 240  
 TTGTCATGAT TTTNACGGTA AGCCACCATG ATTGTTTTCT CTGGCCTCTG GGTTGACCTT 300  
 AAAAAACCC ATTTGGA ACT TGNNGACTTT GAAANGGTGC TCTTTGCTTA AGGCTTTNAT 360  
 ATNGNGCCTT GTTTAATTGG GANGGTCNCT TAAAAAGGCC NTTTCCTTA NTAANGGNG 420  
 GGGTTNTTAN GGNTGTAGAA A 441

配列番号 : 61

配列の長さ : 436

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00073

配列 :

GATCCGTCAC TCTTCCTTGT GGTAATCCCT AGACTGGGAG CTCAGGTACT CTTT TAGTCA 60  
 TCTTTGTATG TCTTTAGCAG AGTTCTTGAC ATGTGGTAGG TGCTTAATAA ATNTTTGTTG 120  
 TTTATCAAAT TTTATGGTAG GGAGAGTAAG TCAGCATCGG TATAAAATCG CTTACTCCAC 180  
 GTAACCTTTC TTCTGATAGG GTTTGATTTT CTATTAGAAG CTCAATTTTA GTTTTTTTTC 240  
 ATATTATAAC TAAATATGTT TCCTGAGAGA TAAGAGAAAT AATGTTCCCTA CAATAGTTGT 300  
 ATGTATCTAA GATAAGACAT ATAGATGCTT AAGACATTTT GTTTCCTTG CTATTCTACTA 360  
 GTGTA CTGTA ACCATGGTCA TTTTAGCCC TTTTCCTAGG GACCATGCTT ATTTCTCAAT 420  
 AAGGAAATAC CTTCCN 436

配列番号 : 62

配列の長さ : 434

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00074

配列 :

GATCTTTTTT CATCCAGCAG TGGAGTTTAG TACTTAAGAG TTTGTNCCCT TAAACCAGAC 60  
 TCCCTGGATT AATGCTGTGT ACCCGTGGGC AAGGTGCCTG AATTCTCTAT ACACCTATTT 120  
 CCTCATCTGT AAAATGGCAA TAATAGTAAT AGTACCTAAT GTGTGGGGTT GTTATAAGCA 180  
 TTGAGTAAGA TAAATANTAT AAAGCACTTA GAACAGTGCC TGGANCATAA AAACACTTAN 240  
 TAATAGCTCA TAGCTAACAT TTCCTATTTA CANTTCTTCT AGAAATAGCC AGTATTTTGT 300  
 TGGAGTGCCT ACNATGTTAG TTCCTTNTAC TAGTTGCTTT ACATGGATTA TCTTNATATC 360  
 CTGTTTTAAA GNTTNTTCAC AGGTACCAGG TTTTCATGGA ATTTTCCTTT NANTAAANGG 420  
 GGAGGNNAAN GNTN 434

配列番号 : 63

配列の長さ : 433

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00075

配列 :

GATCTGTGAA TCTTGGCTGG GACTTCCTCT GAGTGATGCC TGAGGGTCAG CTCCTCTAGA 60

CATTGACTGC AAGAGAATCT CTGCAACCTC CTATATAAAA GCATTTCTGT TAATTCATTC 120  
 AGAATCCATT CTTTACAATA TGCAGTGAGA TGGGCTTAAG TTTGGGCTAG AGTTTGACTT 180  
 TATGAAGGAG GTCATTGAAA AAGAGAACAG TGACGTAGGC AAATGTTTCA AGCACTTTAG 240  
 AAACAGTACT TTTCTATAA TTAGTTGATA TACTAATGAG AAAATATACT AGCCTGGCCA 300  
 TGCCAATAAG GTTCCTGCTG TGTCTGGTTA GGCAGCATTN CTTTGTATGC AAATTTCCCTA 360  
 TTGGNCCCTN TTTTNTTCCA AAAAGGTAAA TGNCTTNNAT TNCCCGGTGA AAAAATNNTT 420  
 CCCNGGNNAT TTN 433

配列番号 : 64

配列の長さ : 432

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00076

配列 :

GATCCTGGAG GTCTTTTCTA GTCTGAGCTT CTTTAGCTAG GCTAAAAACAC CTTGGCTTGT 60  
 TATTGCCTCT ACTTTGATTC TNATAATGCT CACTTGGTCC TACCTATNAT CCTTCTACTT 120  
 GTCCAGTTCA AATAAGAAAT AAGGACAAGC CTAACCTCAT AGAAACCTCT CTATTTTAA 180  
 TCAGTTGTTT AATAATTTAC AGGTTCTTAG GCTCCATCCT GTTGTATGA AATTATAATC 240  
 TGTGGATTGG CCTTTAAGCC TGCATTCTTA ACAAACCTT CAGTTAATTC TTAGATNCAC 300  
 TAAAANTCTG AGGAACTCTA CATGTAACCTA TTTCTTCAGA GTTGTGCATA TACTGNTTGG 360  
 CATCTGAATG GCTACTCAGC ATTTGGTTAA CATTNNGTA AATTGGAAT AAANTTCCCC 420  
 AGTAAGCCAT TN 432

配列番号 : 65

配列の長さ : 459

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00077

配列 :

GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAAGCC ACTGAAAAAC TTGAGAATCA TGTGAAGCT 60  
 AAACCCATAT GCAAAGACCA TGCGCCGGAA CACCATTCTT CGCCAGGCCA GGAATCACAA 120  
 GCTCCGGGTG GATAAGGCAG CTGCTGCAGC ANCGGCACTA CAAGCCAAAT CAGATGAGAA 180  
 GGCGGCGGTT GCAGGCAAGA AGCCTGTGGT AGGTAAGAAA GGAAAGAAGG CTGCTGTTGG 240  
 TGTTAAGAAG CAGAAGAAGC CTCTGGTGGG AAAAAAGGCA GCAGCTACCA AGAAACCAGC 300  
 CCCTGAAAAG AAGCCTGCAG AGAAGAAACC TACTACAGAG GAGAAGAAGC CTGCTGCATA 360  
 AACTCTTAAA TTTGNTTATT CCATAAAGGT CAAATCATTT TGGNCAGCTT CTTTTTTGAA 420  
 TAAAAGNCCT GNTTTATACC AGGGCAGTGA GGAACCAAA 459

配列番号 : 66

配列の長さ : 626

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00078

配列 :

GATCTACAAA GGCCATGGGA AAAATTCAGA GAGTTAGGAA GGAAAAACCA ATAGCTTTAA 60

AACCTGTGTG CCATTTTAAG AGTTACTTAA TGTTCGGTAA CTTTATGCC TTCACCTTAC 120  
AAATTCANGC CTTAGATAAA AGAACCAGC ANTTTNTGC TAAAAAGTCC TTGATTTAGC 180  
ACTATTTACA TACAGGCCAT ACTTTACAAA GTATTTGCTG AATGGGGACC TTTTGAGTTG 240  
AATTTATTTT ATTATNCCCG TTTNGTTTAA TGTCTGGTGC TNNCTATCAC CTCTTCTAAT 300  
CTTTTAATGT ATTTGTTTGC AATTTTGGGG TAAGACTTTT TTATGAGTAC TTTTCTTTG 360  
AAGTTTTAGC GGTCAATTTG CCTTTTAAAT GANCATGTGA AGTTATACTG TGGGCTATGC 420  
ACCAGCTCTC ACCTACNGGG GGNCTTACCT TGGGGGTAGN GNCCATACCA GNCCACTGTA 480  
TGTTTACTTC CTCACCCATT TGGNGTTGCC CCANCTTGGT TNAACACTNG GGCANCATTN 540  
TGGTTTNAGG GGNCTTAGG GTTNACCAGN TCNTTTTAAAC NGGNTATTTN CCCGGGGTTT 600  
TTTNAAANTG GCCCAAAATN CTAAA 626

配列番号 : 67

配列の長さ : 534

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00079

配列 :

GATCAACAGT TCTAGTACTC TTCTTTGTCA GTATATCAAC CTACAGCTAT TGAATGCAAA 60  
GCCACAAGAG TGTTTAATGG GGACAGTGGG CACTCTCCTG CTTGAAAACC CACTTGGGCA 120  
GAATGGACTC ACCCACCAAG GTCTTCTGTA TGAAGCAGCC AAGGTGTTTG GCCTTCGGAG 180  
CAGGAAGCTA AAGCTGTTTC TGAATGAGAC CCAAACGCAG GAAATTACAG AAGACATCCC 240  
CGTGAAGACT TTGAATATGA AGACTGTGTA TGTTTCTGTG TTACCAACAA CAGCAGACTT 300  
CTAGCATGTA CTTATCAATG TTGTTCCGTC AGCCCTTCCC TAATTACACC TATCCCCTAC 360  
ACATACATGC ACATAGNCAC ACACATGNAC AACTTGAAG GTATTCCTT CAAGGTGTGT 420  
GTAAAAATAT GCTGCTTGGN TTTGAATTCA AATGGGGTTG NTTAGGTCAA GTACTTTGNG 480  
GCCTNANAGG NATCTTCACA CTTAACCTTA GGCACTTTGT ANGCATTGTT GGGN 534

配列番号 : 68

配列の長さ : 417

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00080

配列 :

GATCTTAGTT GATATTTTGG GCTTGGGGCA GTGAGGGCTT AGGACACCCC AAGTGGTTTG 60  
GNAAAGNAGG AGGGGAGTGG TGGGTTTATA GGGGGAGGAG GAGGCAGGTG GTCTAAGTCC 120  
TGACTGGCTA CGTAGTTCNG GGCAAATCCT CCAAAGGGA AAGGGAGGAT TTCCTTAGAA 180  
GGATGGCGCT CCCAGTGA CTCTTTTGAC TTCTGTTTGT NTTACGCTC TCTCAGGGAA 240  
AAACATGCAG GTCCTCTAGT GTTTCATGTA CATNCTGTNG GGGGGTGACA CCTTGGTTCT 300  
GGTTAAACAA GCTGTACTTT TAATAGCTGT TNCAGGAAG GTTAAGGCCA ACTACAAATT 360  
AATGTTGGTT GCAAATGTAG TGTGGTTCCC TAACTTTNCG GGGTTTTCTT GAGGAAA 417

配列番号 : 69

配列の長さ : 417

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS00081

配列：

```
GATCTGCCCTG CCCACCAACT GGTGATGGAA GGTTACAAGT GGCATTCAA TGAGACGGTG 60
CTCACTGTGT GGTCGGCACC AACTACTGCT ACCGTGTGGG AATGTGGCAG CATCTTGGAG 120
CTGGACGAGC ATCTCCAGAA AGATTTATC ATCTTTGAGC TGCTCCCAAG AGCACGGGGC 180
ATCCCTCCAA GAGCCGTGCC GCTATTCCTG TGACCCGCCG GCCTGCCCTC ACCTTTGGCT 240
CGACATGTGC TTGCATTTCT AGCGAGCTGG CGTGGGGGCT GTCTGGTTGT GTCCCAAGAG 300
GTGTTGAGGT AGGINTTGAG AGCTGAGACT AGTCATGTCT CTCTTTCCAT TACATGAGTT 360
CATATTTTNN TTTTCTNNTT TGTGTTAGTA ATTTGGAAAT GAAATTATAA GGAATGN 417
```

配列番号：70

配列の長さ：415

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00082

配列：

```
GATCTTTCTG GGAACACAGC CCNGCTGGCG GCTAACCTGC TGTTTGAGAT GCTATGTGCT 60
CTCCCCAAG TGACAACCGT CTGAGTCTTG TGCTCTTCAA GACAAAACAG ATTGCGTCGC 120
TGACAAGTTC TCAAGAAGAA CTTATGAGTA AGCAGTCTGA GAACTAAAGA GTTTATGCCA 180
AGAAAACCTT CTGCTGAAAG TGTCATTGCT GGCTGTGAAG TCGGGATAAT CAGTAGAATT 240
CTCACCCAAA CAGCAACATT TCTAAGGAAC TTGGATTAAT TGGGGGAAAA AAAANGGGT 300
ACTTGACTG CTTTGATTG TTTTCCTTG GNTGAAAAGN TGGGGGGTTA AANGGGGGAT 360
NGTGAGGGGG ANTTTNCCTN TNNAGGGNTT TTTNTNANC CCATTNNGN NTNCN 415
```

配列番号：71

配列の長さ：415

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00083

配列：

```
GATCAGAATC ATTAATAAAT ATTTTGTGTT AGTAAGTTG AAGATTTCNN GCTTTNAGGC 60
CTTTCCTATT TTGTCCCATT TATTTTNCNA GGCAATCTTT TCCATGGAGG GCAGGGTATC 120
CATTCTTTAC CATGGGTGTA CCTGCTTAGG TTAATAATCA TACCAAGGCC TCATACTTCC 180
AGGTTTCATG TTGCGTCTTG TTGAGGGAGG GAGAGCAGGT TACTTGGCAA CCATATTGTC 240
ACCTGTNCCT GTCACACATC TTGAAAAATA AAACGATAAT AGANCTAGTG ACTAATTNCT 300
CCTTACAGTT CCTGCTTGGN CCCACCCNAC TGNGGGTNGG CTCCATTGGT NNGTTCCGGG 360
GCCGTNNTTT AGGGGGNANT TGGGGGNTCG GTTAGGCCTN TNGGTTTGGG GAAAN 415
```

配列番号：72

配列の長さ：410

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00084

配列：

```
GATCTCCCN CTCTAGGGGT CAGGCTCCAT TAGGATTGTC CCCTTCCAN CTCTTCCTAC 60
```

CCAACCACTC AAATNAATCT TTCTTTACCT GAGACCAGTT GGGAGCACTG GAGTGCAGGG 120  
 AGGAGAGGGG AAGGGCCAGT CTGGGCTGCC GGGTTCTAGT CTCCTTTGCA CTGAGGGCCA 180  
 CACTATTACC ATGAGAAGAG GGCCTGTGGG AGCCTGCAAA CTCACTGCTC AAGAAGACAT 240  
 GGAGACTCCT GCCCTGTTGT GTATAGATGC AAGATATTTA TATATATTTT TGGTTGTCAA 300  
 TATTAAATAC AGACACTAAG TTATAGTATA TCTGGACAAG CCAACTTGTA AATACACCAC 360  
 CTCACTCCTG TTAATTACCT AAACAGATAT AAATGGCTGG TTTTATAGAA 410

配列番号 : 73

配列の長さ : 406

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00085

配列 :

GATCGTGACG CTGAATAAAT GTCTTTTTTT TAATGTGCTG TGTAAGTTA GTCTACTCTT 60  
 AAGCCATCTT GGTAAATTTT CCCAACAGTG TGAAGTTAGA ATTCCTTCAG GGTGATGCCA 120  
 GGTTCATTTT GGAATTTATA TACAACNGC TTGGGTGGAG AAGCCATTGT CTTCGGAAAC 180  
 CTTGGTGTAG TTGAACTGAT AGTTACTGTT GTGACCTGAA GTTCACCATT AAAAGGGATT 240  
 ACCCAAGCAA AATCATGGAA TGGTTATAAA AGTGATTGTT GGCACATCCT ATGCAATATA 300  
 TCTAAATTGA ATAATGGTAC CAGATAAANT TATAGATGGG AATGAAGCTT GTGTATCCAT 360  
 TATCATGNGT AATCAATAAA CGGNTTNAAT TCNCTTGGAN TGGAAA 406

配列番号 : 74

配列の長さ : 408

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00086

配列 :

GATCACATTG TAAAACTATG GATGGTCTGA TAAGGCTTTN ACTGACCCCA CTGACTTCAG 60  
 AGTTTACTC TGTTTGCNAC ATCATAATGC TGGTTTTCCT GACTTTTTGT NTTTTAATAT 120  
 ATTTATAAAA AAAGAAAAAG TTGGTGATTG CATTGGGAAA TTCCAGGGT ATTACTGGAC 180  
 CTATGTGGTG TATTGTTAAA CCAGTGCCT TGNATACTG TTGCTCTTGA TGTTCTGAT 240  
 ACAGGTAAGG ANGCAATTGG TCAACTCTNA TACAAAGTAT ATATACAGTT CAGTATTGTC 300  
 TCTGTTTATT TTGTTTTAAT TTCATTGGNC AAANTCAANC CAGCATTCCC CATTTGTGTA 360  
 AATAAATGAT TTTCTGGAA TAAAAGGNAA AGGNCTTNA ATTCCAAA 408

配列番号 : 75

配列の長さ : 407

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00087

配列 :

GATCAAACTA GCTCAGGCCA AACTTTAAGT TCATACCTGA GCTAAGAAGG ATAATTGTCT 60  
 TTTGGTAACT AGGTCTACAG GTTTNCATTT TTCTGTGTTA CACTCAAGGA TAAAGGCAAA 120  
 ATCAATTTTG TAATTTGTTT AGAAGCCAGA GTTTATCTTT NCTATAAGTT TACAGCCTTT 180  
 TNCTTATATA TACAGTTATT GCCACCTTTG TGAACATGGC AAGGGACTTT TTTACAATTT 240

TNATTTTATT TTCTAGGTAC CAGCCTAGGG GATTTCGGGT TAGGTACTCA TTTTGTATTC 300  
 ACTGTCACTT TTTCCCTCATG GTCCTAATTA TAAATNGNCC CAAAATCAAG GNTTGCCTNA 360  
 AAAAGGGGGN AAAATGGTTG GCCCCNNGGT TNTTNGNNNC CCCNGTN 407

配列番号 : 76

配列の長さ : 413

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00088

配列 :

GATCTACCGA CTCACCTCTG AGAATATTTT TNACAGATTA TCTTTGGGCC TTTCCATTAG 60  
 AAAGCTGTTT GTTTGTCCCC CTGTTGGTAC ATTTGGTTAC CTCATTTTGC CGTTTCAAAT 120  
 TGTAAGGCT CACAGGGGTG TTTTTTGGAA TCATTTGCTG AGTCATTTTC TCAAATCATA 180  
 TTCCATTGTA TCAGTTAACA TATAGTTTAA AATGTATGTA TTATAAATNT CTGTANCCAA 240  
 ATCATTTGAA GGCTTGATAA ATTTNTAACA ANGTTTGTAC ATTTNTCATG AAAGTCACTA 300  
 GTAATGCTNG GNGNGGTAGT GCAATGGANT TTTCCNTTTT TCNTCCCTGT GCCCATTTTG 360  
 GAGTTGAGAG GGTGTNGGT AATNAACTGT ATGGTGTACA NTGNANCCNA NNN 413

配列番号 : 77

配列の長さ : 417

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00089

配列 :

GATCGGCAAG CCNCNCACTG TCCCTTGCAA GGTGACAGGC CGCTGCGGCT CTGTNCTGGT 60  
 ACGCCTCATC CCTGCACCCA GGGGCACTGG CATCGTCTCC GCACCTGTGC CTAAGAAGCT 120  
 GCTCATGATG GCTGGTATCG ATGACTGCTA CACCTCAGCC CGGGGCTGCA CTGCCACCCT 180  
 GGGCAACTTC GCCAAGGNCA CCTTTGATGC CATTTCTAAG ACCTACAGCT ACCTGACCCC 240  
 CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT CAGGGAGTTC ACTGACCACC 300  
 TCGTCAAAGA CCCACACCAG AGGTCTCCGT GCAGNGGACT TCAGGNTNCA GNTTGTGGTT 360  
 ACAACATAGG GGNTTTTTAT ACAANGGAAA NGTAAAGGTG NNNTTAAAGN GGTGAAA 417

配列番号 : 78

配列の長さ : 404

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00090

配列 :

GATCAGAAGA AACACTCCAA AAATTGAGAT GAAATGTTGG TGCAGCCAGT TATAAGTAAT 60  
 ATAGTTAACA AGCAAAAAAA GTGCTGCCAC CTTTATGAT GATTTTCTAA ATGGAGAAAC 120  
 ATTTGGCTGC ATCCACATAG ACCTTTATGT TTTGTTTCA GTTGAAACT TGCCTCCTTT 180  
 GGCAACATTC GTAAATNAAG CAGAATTTTT TTTCTCTTT TTTCCAAATA TGTTAGTTTT 240  
 GTNCTTGTA GATGTATCAT GGGTATTGGT GCTGTGTAAT GAACAACGAA TTTTAATTAG 300  
 CATGTGGTTC AGAATATNCA ATGTTAGGTT TTTAAAAAAG TATCTTGATG GTTCTTNTTC 360  
 TATTTATAAT TTCNGACTTT CATAANGTGT ACCCANGANT TTCN 404

配列番号：79

配列の長さ：622

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00091

配列：

```
GATCCCCGCA ACTCGCTTGT CCTTGGGTCA CCCTGCATTG CATAGCCATG TGCTTGTCCTC 60
TGTGCTCCCA CGGTTCCAG GGGCCAGGCT GGGAGCCCAC AGCCACCCCA CTATGCCGCA 120
GCGGCCCTAC CCACCTTCAG GCAGCCTATG GGACGCAGGG CCCCATCTGT CCCTCGGTCTG 180
CCGTGTGGCC AGAGTGGGTC CGTCGTCCCC AACACTCGTG CTCGCTCAGA CACTTTGGCA 240
GGATGTCTGG GGCCTACCA GCAGGAGCGC GTGCAAGCCG GGCAGGCGGT CCACCTAGAC 300
CCACAGCCCC TCGGGAGCAC CNCACCTCTG TGTGTGATGT AGCTTTCTCT CCCTNAGCTG 360
CAAGGGTCCC GATTTTGCCA TCGGAAAAAG ACAACCTCTA CTTTTTNCCT TTTGTATTTT 420
TGATAAACAN TTGAAGNTTG GAGCNTGTGA AAATTTATTN TTTGGGGGA AACCTNAAGA 480
ACTGGGNCTT AATTTNGGNG TTCGTGGGAC CCTNTTANNT GGTTTTNAAT NAANC GGTTA 540
NGGAATTAAT CTGTTTTGGA ANANTTGGTT TAAAGNTTAA AAATTTTGGG AAAAAAAGGG 600
GCTTTTTTAAA TTTTTTGGGT TN 622
```

配列番号：80

配列の長さ：400

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00092

配列：

```
GATCTTCCTT TTTCTNTGA ATGNGCTCTG TTGNCTTTTT CTCTTTTTTC TCATGTGTTT 60
TTCCCTCCAC CTCCACCCCT TTCTTTCTTT CTCTCTCTGA TTGAGAGGCA TTNAATTACG 120
TTTTCAGTAG TACAGGCTTC TTGCCGATAT GAAGGGAAG TTTTCAAGAA AGACCTACTC 180
TGGGTCAATTT AATTTTGAAT ACAGTTTTCA ATCGTTCAAG TTTTGGNNNG NTTATATCTA 240
ATGTGTGTTT CATTTTTTTG GAAAGCTATA TTTTGTATTT AGGAAATGGT ATACTATTTT 300
GCTATTTGTA CTGAGTGAGT ACATTGGCAT AAATATAGAA ATTTATATAT ATACATATAT 360
ATAACTGTGC TNNTTGCCT TTTTNTGNG GGAAATTGGN 400
```

配列番号：81

配列の長さ：396

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00093

配列：

```
GATCAGACTG TGGCATTGTA AATGTCAACA TTCCAACAAG TGGGGCTGAG ATTGGAGGTG 60
CCTTTGGAGG AGAAAAGCAC ACTGGTGGTG GCAGGGAGTC TGGCAGTGAT GCCTGGAAAC 120
AGTACATGAG AAGGTCTACT TGTACTATCA ACTACAGTAA AGACCTTCCT CTGGCCCAAG 180
GAATCAAGTT TCAGTAAAGG TGTTTATAGT GAACATCCCN NAATTTGAGG GTGTTCCAGC 240
AGCTGTTTTT GGAGAAGACA AAGAAAATTA AAGTTTTCCC TGAATAAATG CATTATTATG 300
ACTGTGACAG TACTAATCC CCCTATGACC NAAAGNCCT GATTAAATCA AGAGATTTCCT 360
```



TTTTTAAAAA TCAANTAAAA TTGTNACACC ATAAAA

396

配列番号 : 82

配列の長さ : 400

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00094

配列 :

```
GATCGATGGT TGACAATCCA GAGTGGTGAA CAGCCCTACA AGATGGCTGG TCGATGCCAT 60
GCTTTTAAAA AAGAATGGAT AGAATGTGCA CATGGAATNG GTTATACTCG GGCAGAGAAA 120
GAGTGCAAGA TAGAATATGA TGATTTCGTA GAGTGTTCG TTCGGCAGAA AACGATGAGA 180
CGTGCAGGTA CCATCAGGAA GCAGCGGGAT AAGCTGATAA AGGAAGGAAA GTACACCCCT 240
CCACCTCACC ACATTGGCAA GGGGGAGCCT CGGCCCTGAA CAGAGCAGCT GCTGATGTCT 300
GGAGGCTGAT TTTCTGTTC TCTGTTCTCC ACTGGAAAGG TTGTTTACGA CAAACCTCCT 360
TGTCAAAGTN TGAAAAATA AAGGATTGCT CCATCCTAAA 400
```

配列番号 : 83

配列の長さ : 397

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00095

配列 :

```
GATCTGGGCA CTGTACTTNA GCCTGGGCGA CAGAGAGACC CATCTCAAN AAAAAATTGG 60
AACCTGAGAA GGGGGTCGTG GGGTCCCCGG GGCCACCGT CTGCACTTGG NATCTNAAGT 120
CGGGGTGGNC TTGTGGGACT NACCCNTTAC CCTGTGGGTT CTGTACTAGC TCCGGGNAAT 180
TGGTGACAGA NTCGAGTTAA ATGTAGGAC ATCGCGTTGG TGTCTGAGAG GGAGTTGGAG 240
AGCTGGTTGG TGTGGAGGGA AAGGNTTACA CACATGTNAT TTCAGAAGCG TTCTGTGGGT 300
AGAGGAATCG TTTTCTCTTT GAGACTGTTA TGAGTATGTA CAAATTTTAT TTCCTGTAAA 360
AATATTNCA TTTTTTAAAN TGGTTATTTT CTAGAAA 397
```

配列番号 : 84

配列の長さ : 390

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00096

配列 :

```
GATCGAAGAT TTATCCCAGC AAGCACAAC AGCAGCTGCT GAGAAATTCA AAGTTCAAGG 60
TGAAGCTGTC TCAACATTC AAGAAAACAC ACAGACTCCA ACTGTACAAG AGGAGAGTGA 120
AGAGGAAGAG GTCGATGAAA CAGGTGTAGA AGTTAAGGAC ATAGAATTGG TCATGTCACA 180
AGCAAATGTG TCGAGAGCAA AGGCAGTCCG AGCCCTGAAG ANCAACAGTA ATGATATTGT 240
AAATNCGATT ATGGAATTAA CAATGTAACC ATATGGANGC AACTTTTTTT TGGTGTCTCA 300
NAGGNGTAAC TGCAGCTTGG TTTGAAANTT TGTTACCTTG TTTCTTATCA TAAATNAAN 360
NGTTATTNGC TTCCTTTTTT GGNTTGAAAA 390
```

配列番号 : 85

配列の長さ : 392

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00097

配列 :

```
GATCACTTTC ACTNTCAATT ATTTGCCAGG NCTCACAGAA CTCAGAAAAG CTCAGANCAC 60
TCATGGTTAC TATTTAGTAA AGCAAAAAGA CACAAATNAA AATNAGCAAG TTTGGCCGGG 120
ATTGCAGGCA TGAGCCACTG AGCCCGGCCC CCAACTGTTA CATCAAAATA TTATTTGAGA 180
GTATATGTGT CCTCACGTCC CTAAACACT AGAAACTGTC AANCTTTTAA TCTTTGTCAA 240
ACTCTCAAAA GTAGTATCTC TGCATTTGCA TGCCTTTGNG TNCTAATAAG GTTGAGTACT 300
GCTTTAAAAG TTTGCTGGNC ATCTNTTGN TTTTTTAAAG GACCTGCGGT GGNNAGGCC 360
NTTCAANANA TTNTTCNTT AATTNGGGCC TN 392
```

配列番号 : 86

配列の長さ : 393

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00098

配列 :

```
GATCAGTCTG GCTGGTGGTT TAACAGGTGT CACTCTGCAA ACCTGAATGG TGTATACTAC 60
AGCGGCCCCCT ACACGGCTAA AACAGACAAT GGGATTGTCT NGNACACCTG GCATGGGTGG 120
TGGTATTCTC TGAAATCTGT GGTATGAAA ATTAGGCCAA ATGATTTTAT TCCAAATGTA 180
ATTTAATTGC TGCTGTGGG CTTTCGTTT TGCAATTCAG CTTTGTTTAA AGTGATTTGA 240
AAAATACTCA TTCTGAACAT ATCCATGCGC AATCATGATA ACTGGTTGTG AGNAGTGCTT 300
TTCATTCTTC TCACTTGCTT TGTACTTA ATGTGCTTTC AGGACAGCAG ATATGCAATA 360
TTCACCAAAT AAATGTAGGC TGGTGGTAAT AAA 393
```

配列番号 : 87

配列の長さ : 391

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00099

配列 :

```
GATCCAGAAA TACTTAACAC GTGAATATTT TGCTAAAAAA GCATATATAA CTATTTNAAA 60
TATCCATTTA TCTTTGTAT ATCTAAGACT CATCCTGATT TTAACATCA CACATGAATA 120
AAGCCTTTGT ATCTTTCTTT CTCTAATGTT GTATCATACT CTNCTAAAAC TTGAGTGGCT 180
GTCTTAAAAG ATATAAGGGG AAAGATAATA TTGTCTGTCT CTATATTGCT TAGTAAGTAT 240
TTCCATAGTC AATGATGGTT TAATAGGTAA ACCAAACCCT ATAANCCTGA CCTCCTTTAT 300
GGTTAATACT ATTTANGCAA GGANTGCACT ACAGATTTGG NTACAGTACG GATTTGNCCA 360
AATAANTTCA NTAAAAGCCT TAAAGCTGAA A 391
```

配列番号 : 88

配列の長さ : 390

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00100

配列 :

```
GATCAACCCA CAGAACAAAG CGGATTTCCT AGGCATCTCC CCAGAGCGAG CCTTTGCTGA 60
TTTTCTCTTT GCCAGCACCA TCCTGCACCT TGTGTGTCATG AACTTTGTTG GCTGACTCAT 120
TCTCATTTAC TTAATTGAGG AGTAGGAGAC TAAAAGAATG TTCACTCTTT GAATTTCCCTG 180
GATAAGAGTT CTGGAGATGG CAGCTTATTG GACACATGGA TTTTCTTCAG ATTTGCACTT 240
ACTGCTAGCT CTGCTTTTTA TGCAGGAGAA AAGCCCAGAG TTCACTGTGT GTCAGAACAA 300
CTTTCTAACA AACATTTATT AATCCAGCCT CTGCCTTTCA TTAAATGTAA CCTTTTGCCT 360
TCCAAATTAA GGAATCCATG CCACTCCTCN 390
```

配列番号 : 89

配列の長さ : 390

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00101

配列 :

```
GATCTTTCTN AATGTGTATT GATTGGTCTT TTCAGCTACT CTGAACAGAT TACTAAGGCC 60
ATCTCCTCAT CTCTAAGGGA GAAAAATAGT CTGTAGATGA ATAATGTAAG GTAAAGAGTT 120
GCATGTCAGT CTTTGTAATN ATTTACACTT TAACTTTCTC CAGAACTCAG ACATGATTTC 180
AACATGGTGT TAGATTTGTG CATTTNATTT TCCTGACCAC CTCATTCCAG CCAATGTATG 240
GTTATCCACT CTGTGTGCNA AANCCAATCA TGCNTTTCAC GGCCCTTTAG TTCAGAGAAG 300
TTCTGCACTG ATTTTATGTC TCTTGATGTC TCAATCTTAC ATGTATACCA ATCACAATGG 360
AATAAAAAGT GTTTGAGGTT GACTGTGGN 390
```

配列番号 : 90

配列の長さ : 391

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00102

配列 :

```
GATCCGAGGA GGCGGAACAA GTCCACGGAG TCCCNNGCAG GCCAACGTGC AGCGGCTGAA 60
GGAGTACCGC TCCAACTCA TCCTCTTCCC CAGGAAGCCC TCGGCCCCCA AGAAGGGAGA 120
CAGTTCTGCT GAAGAACTGA AACTGGCCAC CCAGCTGACC GGACCGGTCA TGCCCGTCCG 180
GAACGTCTAT AAGAAGGAGA AAGCTCGAGT NATCACTGAG GAAGAGAAGA ATTTCAAAGC 240
CTTCGCTAGT CTCCGTATGG CCCGTGCCAA CGCCCGGNTC TTCGGCATA GGGCAAAAAG 300
AGCCANGNAN GCCGCAGANC AGGATGTTNG TAAGGAAANN ATTTANAGCC CCTCCTGGGN 360
GACCTTTGGG ATTCAGTCGN CAGTCAATAA A 391
```

配列番号 : 91

配列の長さ : 391

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00103

配列 :

```
GATCTGTGCC AAGCTCAGGG TGTAGCGCTG CAAACGATGA AGCAAGAGAT TCTCATTAAC 60
```

CTTGTGAAGC AAAAGCCACA AATAACAGAG GAACAACCTG AGGCTGTCAT TGCAGATTTC 120  
 TCAGGCCTGT TGGAGAAATG CTGCCAAGGC CAGGAACAGG AAGTCTGCTT TGCTGAAGAG 180  
 GGACAAAAAC TGGNGNCAAA AACTCGTGCT GCTTTGGGAG TTAAATTAC TTCAGGGGAA 240  
 GAGAAGACAA AACGAGTCTT TCATTCGGTG TGAACTTTT TCTTTAATT TAAGTGATT 300  
 AACACTNTTT GGTGAATTAA TGAAATGNTA AAGACTTTTT ATGTGAGATT TTCCTTATCA 360  
 CAGAAATNAA NTNTCCTCCA AATGTTAATA N 391

配列番号 : 92

配列の長さ : 385

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00104

配列 :

GATCTTTTCC CCTGGCCAAA GGGGAAGTTGT ATTAGTCTGT GACATCTTGT GATGCTGTTT 60  
 ATCTTGTTT GACATTGGAG ATACGCTAGT AACTGTGATA CCATACTATA AAACAGAAGA 120  
 ATTTCTGCT ACTAAAACT GCCTTTTAC AAAATGACTG TAAATATTG TAAAATAAAA 180  
 TAACACTAAA CTTAAGCCC AAAAGGAGAG ATAGAGCCAT GTGTTCAGTT GTGGACCTGT 240  
 CCGTGGGGCA CAGTGCCACC CCATCACAGT GTTGCTGTCA TCAGGCAAAN GTGAATGTTT 300  
 GTTTATGGCA AATTCGNCTT TTGCGAATGG CTTANTTCTG ACACTACCTT TCTGGGAAAT 360  
 GTTAATANAT TTTTAATTNT TCAAA 385

配列番号 : 93

配列の長さ : 381

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00105

配列 :

GATCTTTGAT AGTTTGGTG AACTCTCTAA AATACATTCA CTGTGGGTCC GACGCAATTT 60  
 ATAAAAATNA TGTACTCAAG AAGGGAGACC TGTGTGTTT ATTTCTCATC TGTTTGGGAG 120  
 ATGATTTTAG AGCACTAGAA AGGCACTGGG GAGATTCTCA GCTTAAACA TCCAGCAGTT 180  
 TGAAGTATGA TTAGGTACAT CAGGGCTGCA TTGTCAATNT TCTCTTAAAG TCTTTTAAAC 240  
 TTTATAGCAA TTTTTTTTTT CCCGGAGAGT TTAGGTTGCA AGTTTTGGGT TTCTTGTTTG 300  
 TTTTGTGTTT GCTTCCTGCT TTAATNCTTN AATTNCAGT CATTACTGGT ATTGAAAAAT 360  
 AAAATATCTT TAAANCANNG N 381

配列番号 : 94

配列の長さ : 380

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00106

配列 :

GATCTAAGAG ACTCAAGAGC TGGGTTTCTT TCAGCACTCT GTACTGTCCC AAATAGCAAA 60  
 CAAATNACTT TGTAAGCAGA TTTCTGAATG GAAATNAGAA ATTGAATTCT CCATGGACTT 120  
 TTAGGTTTAT GGGGGAGTTT TAGCTGTGTT TCTTGTTTTT ATTCAGCCA AACATGTCTG 180  
 CTTTTGATTT TTTTTTAAAT GTATAAGTGG TCTATATATA TGTTACCTT TTAAATGTAA 240

ATGTTTAAAA AGTAAGCATT TATGTGTTTC CATAACTGAC ATCTGATGCA GACCTCATT 300  
TCTCCCCCTC TTCTACCCCTC CTCTTTTCCC CCTTTTCAAT ACTCTTGTAT TGGGTTCTAA 360  
TAAAATGGGT TGCTTTTTCN 380

配列番号 : 95

配列の長さ : 379

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00107

配列 :

GATCCATACT TGGATGATAT TGATGATGAG ATGGACCCAG AGATAGAAGA AGCTTATGAA 60  
AAGTTTTGTT TGAATCAGA GCGTAANGNA NAACAGTAAA GTTAAATTC AGCATATCAG 120  
TTTTATAAAG CAGTTTAGGT ATGGTGATT AGCAGAACAC AAGAGAGCAA GAAAATGTGT 180  
CACATCTATA CCAAATTGAG GATGTTGAGT TATGTTACTA ATGTATGCAA CTTTAATTTT 240  
GTTTAACACT ATCTGCCAAA ATAACTTTA TTCCCTATAA CTTAAATGT GTATATATAT 300  
ATAATAGTTT ATTATGTACA GTTAATTCTA CTGTTTGGC TGCAATAAAA TCGATTTTGG 360  
AAATAAATGG AATGTTGGN 379

配列番号 : 96

配列の長さ : 384

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00108

配列 :

GATCTTTGCT GGCAAGCAGC TGAAGATGG ACGTACTTTG TCTGACTACA ATATTCAAAA 60  
GGAGTCTACT CTTCATCTTG TGTGAGACT TCGTGGTGGT GCTAAGAAAA GGAAGAAGAA 120  
GTCTTACACC ACTCCCAAGA NGAATAAGCA CAAGAGAAAG AAGGTTAAGC TGGCTGCTCT 180  
GAAATATTAT AAGGTGGATG AGAATGGCAA AATTAGTCGC CTTGTCGAG AGTGCCCTTC 240  
TGATGAATGT GGTGCTGGGG TGTTTATGGC AAGTCACTTT NGNCAGACAT TATTGTGGCA 300  
NATNTGTCT GACTTACTGG TTNCAACAAN CCCAGAAGNC ANGTNAACTG TNTGANGTTN 360  
ATNAAAAGNC ATGTNCTGAA CAAA 384

配列番号 : 97

配列の長さ : 583

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00109

配列 :

GATCCTCATG AATGACTATC CTAAATTTAA GTATGCAGTT CTNTTTTTC TGGGTTTATT 60  
CGTGCTGGTT CATCGNAGT NAGANGCCTG CCTGCTGTT CCTGGGAAGA TGCCATAGTT 120  
TTCGTTACTG GATGTTTGA GTAGATACTG GTCTGTNATT GGTGGAATGG AGAACACACG 180  
TGTTGGTGCT TCTGGGTAGC ACTGGTTTGC ATTAGTTTAT GTTCCATGC CAGAGTTTGT 240  
GTGGGCGGGC GCATGTCCAC CACAGAGTGC ACTCGAGGGG ACTTTCAGTC ACAGGATTTT 300  
ATAATTGTNA TTGTCACACT TTCAAATTTT TGTACATCAG TGAATTTTTT TTATATTAAA 360  
AGGTTGAGCC AAAGCCCCCA GTGTTTGTG TTTTGAAGCC AAGCTTCACT TCTAAAAGTG 420

CCTACAGAGG ACTTGTA AAA TGGAAAATGC AGCTCTGCAC GGAGTTTGAA ACCGTCATAC 480  
 CTCCTTCTAT TAGGGAAATNG GCATATACTG AGGGTGGTCC GGAAGNNNTT AACTTCCTAA 540  
 AATTTTAAA TAAAAGGCCT TTGCACCATT GGACCCCNNTT AAA 583

配列番号 : 98

配列の長さ : 370

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00110

配列 :

GATCAAGAAA AGCAACTTAT GGAAACAACT ACAGAATTTA CAAAAAGGA TACTCAAACC 60  
 AAAAGTATTA TTTCAGAGAC CAGTAATAAA ATTGACGCTG AAATTGCTTC CTTAAAAACA 120  
 CTGATGGAAT CTAACAAACT TGAGACAATT CGTTATCTTG CAGCTTCAGT GTTACTTGC 180  
 CTGGCAATAG CATTGGGATT TTATAGATTG TGGAAAGTAG ATTAATGCTC ATCCTGCTGT 240  
 GGCTGTTGGC TTCTTAGAAC ACCAAACCGG GAGAGATTTA CTTTGAACAT TGTCAGTTGC 300  
 AGCAAAATT TACTACACAA GATTATTCGA AGTGTATACG GACTAAAAGA GGAAGTGTTT 360  
 TAGAATGAAA 370

配列番号 : 99

配列の長さ : 384

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00111

配列 :

GATCTGAAGA GCGTCTGGG TCAACTGGGC ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60  
 CTCTCCGGGG TCACAGAGGA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA AGGCCGTGCA TAAGGCTGTG 120  
 CTGACCATCG ACGAGAAAGG GACTGAAGCT GCTGGGGCCA TGTTTTTAGA GGCCATACCC 180  
 ATGTCTATCC CCCCCGAGGT CAAGTTCAAC AAACCTTTG TCTTCTTAAT GATTGNCCAN 240  
 AATACCAAGT CTNCCCTCTT CATGGGAAAA GTGGTGAATT CCACCNA AAA ATAAGTGNCT 300  
 GTNGGTNCTC AACCCCTTNC NNTTCATCCN TGGGGCCNTN GGCTTGATN GANAATTAAA 360  
 AGAAGGGGTT GNGGCTNGGG NAAA 384

配列番号 : 100

配列の長さ : 374

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00113

配列 :

GATCTTTGAA ACCTTGGTCC CGTTAACTTA CTAGTCACAT TGACCAATGT TTTATAGAAA 60  
 TGCCTAGAAT TTTGAGACTA ATNGTAGTTA TCCATTAACA TTCCAAAAGT TTTGTNCTTT 120  
 TNAAAATTTG TTTGGTAAT TATCACATTT NTNCCTCTTA CCTTCCTTTA AATGGCCACA 180  
 GTGTGTACTG CTGGANTGTN CCATCCAAAA GATGTAGCTT CAGANGCACA GTGATTGCCC 240  
 CAGGGTCCAT GAGATATTGT TTGTATTATG ANGTGGAGT GCTGTCTACT GAAATTATAC 300  
 TCTTAAATAA NTATGTATGT NGTGTGAAT ATTTCTAAT AAATNCTTTN GATAAACTAA 360  
 AAAACTNNNG CTNN 374

配列番号 : 101

配列の長さ : 382

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00114

配列 :

```
GATCTGTGCA AGGTATTAAC GTGTCAGGGC TGAGTGTTCCT GGGATTTCCTC TAGAGGCTGG 60
CAAGAACCAG TTGTTTTGTC TTGCGGGTCT GTCAGGGTTG GAAAGTCCAA GCCGTAGACC 120
CAGTTTCCTT TCTTAGCTGA TGTCTTTGGC CAGAACACCG TGGGCTGTTA CTTGCTTTGA 180
GTTGGAAGCG GTTTGCATTT ACGGCTGTAA ATGTATTCAT TCTTAATTA TGTAAGGTTT 240
TTTTTTGTAC GCAATTCTCG GATTCTTTTG AAGNAGATGA CAACAAATTT NGGTTTTCTA 300
CTTGTTATGT GAAGACCATT AAGGCCCCAA GCAACAAGNC AATTNTGTAA GGGAAANTNA 360
AAGTTCCTTG CNGTAANCCA AA 382
```

配列番号 : 102

配列の長さ : 368

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00115

配列 :

```
GATCTGTCTC TGCTGTTTAA CTCATTGGA TTAATCAGCT GGTTCAACT CTA CTGCGAA 60
ACAAAAATAG CTCCTTAAAA GTACTGTTCT CCTTCAGTGG CATGTAGTTA TCTAATCAAG 120
ACACCTCATT CAAACAAAAC CTGCCTTAGG AAAATTTAAT ATATTTNAAA TNATTTTAAA 180
AGAAATACAA CATCTTATTC TTTAGCTTTC TTAATCGGTG CTTTATGGAG GCCAGTGTAA 240
CGNTACATGA CTCGTTGAGA AAGTTGAGGA ATTCCTCTA CCACCTTTGT TGCTTGAAGA 300
AAAACATGTC TTTTCAAAT GAGAGGCTTT CATTGAAGAA AAGAAAAAAA CAACAGTTAA 360
AAGCTAAA 368
```

配列番号 : 103

配列の長さ : 367

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00116

配列 :

```
GATCTCGGAT GACCAAACCA GCCTTCGGAG CGTCTCTGT CCTACTTCTN ACTTTACTTG 60
TGGTGTGACC ATGTTCAATNA TAATCTCAAA GGAGAAAAAA AACCTTGTA AAAAAAGCAA 120
AATGACAACA GAAAANCAAT CTTATTCCGA GCATTCCAGT AACTTTTTTG TGTATGTNCT 180
TAGCTGTACT ATAAGTAGTT GGTTCGTATG AGATGGTTAA AAAGGCCAAA GATAAAAGGT 240
TTCTTTTTTT TCCCTTTTTT GTCTATGAAG TTGCTGTTTA TTTTTTTGGG CCTGTTTGAT 300
GTATGTGTGA AACANTTGTN GTCCAACATT AANCAGGANT TTTATTTTNC NGAGTNGTNC 360
TANCAAA 367
```

配列番号 : 104

配列の長さ : 366

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00117

配列：

```
GATCTTAGTA ACTATGNATG AAGATGGTGC TTGGCCTGTN CTTCTTGATG AATTTGTTGA 60
GTGGCAAAAA GTCCGTCAGA CATCATAGCA AGAACTATGT GAAGAAAATG CAAACCTTTC 120
AATTCACACG TGTATACAAG CTAATGTGAT GAGGGGGAAA AAAATCCAAC GGGTGCATTT 180
TCATTCATAT GAAAGACTTC TCATAGTACT TTTTTTCCN TTTTAAATAA GGAGGTTTTT 240
CTTGTTACAT GTGATGGGCA TTGAGCCACA CCNNTTCTTA GACTGAATAT NGAAGTTTTT 300
GTTTTGAGTT ATGTTTATAA CATTATTTC AGAACANTAA TGATTCAGAT TTGTGACAAA 360
GGCAAA 366
```

配列番号：105

配列の長さ：122

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00118

配列：

```
GATCCCCGAA ATTGGTGGGC TTGACCTCCT GGCAAATTGC TGGCTCTTTC CACTTGCTGT 60
TCAGGACCAC TAAATGCTGA AATNTGGATG CATACCGAAA TAAAAGNAAT TCATTGTGTA 120
AA 122
```

配列番号：106

配列の長さ：364

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00119

配列：

```
GATCTTCAAT ATGAAGACAT GAGCTTTTCT CGCAGGAAAT TTTCTTTTTC ACAGAACTGG 60
TGTCAGGAAT CACTGAAGGG CTAACCGTGA TAGTCCTTGC AAGTAAGTCA AGGTTTATC 120
CTGATTGGAA ATAGAAGACA TTTCCGGTTG AGAGAACAGA TTCGTTGGAA GCTTAACTTT 180
TGTTGCCTCT TAACGCCACC AAATTTTAGG GTAATTTGAT TATGAAAGAG TGAATTTTTC 240
TGGACAGAAA AGGGAGAGCT ACCAAATTGT TTTTCTTTT TTAAGGAA GTTTAATGTC 300
CGTTGTATCA CAAATCAGTG TTAACACC AGAACTTTAG CAAAATAAA TGTCTTACAT 360
TACN 364
```

配列番号：107

配列の長さ：358

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00120

配列：

```
GATCAGCAGG GAGTTTATTT GAGGACATCA GTCACCTTG GGGTTGCCAT GTACAAATNAG 60
ATTTATAATC ATNATACTCT TCGGTGGTAG TTTCAAAGA CACTACTAAT ACGCAGGAAG 120
CGTTCAGCT ATTTAATGCT GGCAACTACT GTTTAATGGT CAGTTAAATC TGTGATAATG 180
```



GTTGGAAGTG GGTGGGGTTA TGAAATTGTA GATGTTTTTA GAAAACTTG TGAATGAAAA 240  
 TGAATCCAAG TGTTTCATGT GAAGATGTTG AGCCATTGCT ATCATGCATT CCTGTCTCAT 300  
 GGCAGAAAAT TTTGAAGATT AAAAAATAAA ATAATCAAAA TGTTTCCTCT TTNCTAAA 358

配列番号 : 108

配列の長さ : 430

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00121

配列 :

GATCTGTCTC TGGGGTCCCN CATACAGAGA AATGCATCTT GCTGAACAAG TGACCAATAA 60  
 TCTTAAAGAA CTTGCACAGC AAGTAACTCC AGGTGATATC GTAAGCACGT ATGGAGTTCG 120  
 AAAAGCAATG GGGATTTCCA TTCCTTCCCC CGTCATGGAA AACAACTTTN TGGATTTGAC 180  
 AGANGNNNCT GAAGAACCTA AAAAGACGGA TGTTGCTGAG TGTGGACCTG GTGGAAGTTG 240  
 AGGCTGCCTG GTATTTGATT ATATATTATG TACATACTTT TTCATTCTTA ACTTAGAAAT 300  
 GCTTTTCAGA AGATATTAAA TATTTGTAAA TTGNTTTTTT AATTAACTT TGGAACAGCG 360  
 AATTTGGNTG TTCCAGAGGT TGGGCCTTGT ATTAGGAAA TAAAAGCTTG GACCTGGGGC 420  
 CTCGTGAAAA 430

配列番号 : 109

配列の長さ : 357

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00122

配列 :

GATCACTNGA TATTTTAGTC ATTCTGCTTC TCATCTAAAT ATTTCCATAT NCTGTATTAG 60  
 GAGAAAATNA CCCTCCCAGC ACCAGCCCC CTCTCAANCC CCCAACCCAA AACCAAGCAT 120  
 TTTGGAATGA GTCTCCTTTA GTTTCAGAGT GTGGATTGTA TAACCCATAT ACTCTTCGAT 180  
 GTACTTGTTT GGTTCGGTAT TAATTNGACT GTGCATGNCA GCGGCAATCT TTTCTTTGGT 240  
 CAAAGTTTTC TGTTTATTTT GCTTGTCATA TTCGATGTAC TTTAAGGGTG TCTTTTATGA 300  
 AGGTTTGCTA TTCTTGCCAN TTAAGNTTTT TTAGGNCTTT TTAAANGNGN ANNNAAA 357

配列番号 : 110

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00123

配列 :

GATCAAGGGA CGGCTGAACA GACTTCCCGC TGCTGGTGTG GGTGACATGG TGATGGCCAC 60  
 AGTCAAGAAA GGCAAACCAG AGCTCAGAAA AAAGGTACAT CCAGCAGTGG TCATTGACA 120  
 ACGAAAGTCA TACCGTAGAA AAGATGGCGT GTTCTTTTAT TTTGAAGATA ATGCAGGAGT 180  
 CATAGTGAAC AATAAAGGCG AGATGAAAGG TTCTGCCATT ACAGGNCCAG TAGCAAAGGA 240  
 GTGTGCAGAC TTGTGGCCCC GGATTGCATC CAATGCTGGC AGATTGCATG ATTCTCCAGT 300  
 ATATTTGTAA AAANTAAAAA AAAGCTAAAC CCATTAATAA GTATTTGTTT TGCAAA 356

配列番号：111

配列の長さ：375

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00124

配列：

```
GATCCTACCT ATCAAGCACT AAAAAGTTGA ACCATTATAC TTTATATCTG TAATGATACT 60
GATTATGAAA TGTCCCCTCA AACTCATTGC AGCAGATAAC TTTTTTGAGT CATTGACTTC 120
ATTTTATATT TAAAAAATTA TGGAAATATCA TCTGTCATTA TATTCTANTT AANGTTGTGC 180
ATAATGCTTT GGAANAATGG GTCTTTTATA GGAAAAAACC TGGGATAACT GATTTCTATG 240
GCTTTCAAAG CTNAAATATN TAATATACTA AACCANCTCT AATATTGCTT CTTGTGTTTT 300
ACTGTCAGNT TAANTTACAG CTTTATATGGG TGGTTAACTT TTCGTNCATT TTCAAAAAAN 360
CCNGGGGNNN NNNNN 375
```

配列番号：112

配列の長さ：356

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00125

配列：

```
GATCTCTGTT TTGTTGTTGA AAATTCATTT GTATACTTTT GTTTTNATCT AGGACTTCAT 60
GTTTTTTNAA AGCACTGGCA GCCAGGAACA AAAATCAGGA GTGTGGTAGT GGATTAGTGA 120
AAGTCTCCTC AGGAAATCTG AAGTCTGTAT ATTGATTGAN ACTATCTAAN CTCATACCTG 180
TATGANTTAA GCTGTAAGGC CTGTAGCTCT GGTGTATAC TTTTCCTTTT CAAATTATAG 240
TTTATCTNCT GTATACTGA TTTATAAAGG TTTTGTACA TTTNTNAATA CTCATTGTCA 300
ATTTGAGAAA AAGGACATAT GAGTTTTTNC ATTTATTAAT GNAACTNCCT TTGAAA 356
```

配列番号：113

配列の長さ：351

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00127

配列：

```
GATCACATTA TNATAAATAA ATGAAAAAAT GATTTAATCT GTAATAAACT GGTTTATTGT 60
GCAGTGACTG TAATATACTA GAGTTATAAT AAATTGTTTA CTCTGCCTCA CCAAACACAT 120
GCTAGGATAT AACCCCAAAA ATAAGTATTT AACTTTGCAT TAGGTATAAA GGAGACTGGG 180
TGCTATAATN AGATTATTTT GAGGCAGACA GAGAGCTGTT ATCCTAACTG ATTAGTATG 240
TTCTGTAATT GAGAAAATGT TCACCAAAATN ATACTTTTTA GTGATTTACA TGTACATTTT 300
ATAGGGGACA TGTCTGTGT ATAGCGAATA AATAACTTTT ATAGTATCAC N 351
```

配列番号：114

配列の長さ：352

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00128

配列：

```
GATCTTGAAC CTGGTGCTCC ATCCATGGNA GCNNAAAGCC TTTGCATCCC CTTCAAACCA 60
CTCTGTGAAC TGCAGCCTGG AGCCAAATNT GTCTGTGGCA AGAACCCTGC CAAGTACTAC 120
ACCTTATTTG GTCGCAGCTA CTGNGGGATG NACGAAAGCC CCCTCTTCAA CTCCTCTCAC 180
TTTTTAAAGC ATTGATATTA GTATCTTCTC AGATACAGAC CGTTTTATGA TTTTTTAAAA 240
AGTAAAAGTT CTAAAATGAA GTCACACAGG ACAATTATTC TTATGCCTAA GTTAACAGTG 300
GATAAAAGAC TTTTCTGTAA ACAACTCCAG TAATAAATAT CATGNACTNA AA 352
```

配列番号：115

配列の長さ：348

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00129

配列：

```
GATCAAGTCG TGCTCCTGGC AGGCGCGCCC CTGGAGGATG AGGCCACTCT GGGCCAGTGC 60
GNGGTGGAGG CCCTGACTAC CCTGGAAGTA GCAGGCCGCA TGCTTGGAGG TAAAGTCCAT 120
GGTTCCTTGG CCCGTGCTGG AAAAGTGAGA GGTCAGNNTN NTNAGGTGGC CAAACAGGAG 180
AAGAAGAAGA AGAAGACAGG TCGGGCTAAG CGGCGGATGC AGTACAACCG GCGNTTTGTC 240
AACGTTGTGC CCACCTTTGG CAAGAAGAAG GGCCCCAATG CCAACTCTTA AGTCTTTTGT 300
AATTCTGGGC TTTCTTCTAA TAAAAAAGCC ACTTNAGTTC AAGTCAAA 348
```

配列番号：116

配列の長さ：344

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00130

配列：

```
GATCTCCCAC AATTAATTTA TCTTTTGACA AAGGGGATAA AGAGTTTCAG TTTAGCTCCT 60
TTTGATTGTA TATNATTTTT TCCTTTTTNA TTGTGAAAAG AGGTAGGTTT TATTTGTGGA 120
GAGAGAGTTG AAGATTAGGG AACCAGTGAT TTTAATTATG CTACTTTTCC TTCTAAGAGA 180
TAAATTGATA TATCATTGAG TGTCATGAAA AACATGAATG TNGTACAATT TTCTNCCTCA 240
AAAAACTTTT TAAATGTAAG TATCCTTATT TNNTTTTTAA AAGAGCACAA TGTAGGTGTA 300
TTTGGGTATT TCCAAGAAAA GANTAAANCC ATTAATGCAG TAAA 344
```

配列番号：117

配列の長さ：351

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00131

配列：

```
GATCTGGGCT CCAAGCCAGG AAAGGTGAAC AGAAACCACA AGTNTCCAGC CCTCGGTGCT 60
GGAGTGGACG TTAATTGTNA GCCACCAGAC TGTCCCGGCA CCTACAGAGA ATGTTTCACA 120
GTTCTGGCAT TTAAATCCTT TGATAGTGGA TTGTGCTGCT GTTAGCCTTA GTTTCAGTGC 180
TTTACAAGTC TCGCTTATNA TCTCATTGGT ATTTAGGTAT ACAAACAGT TGATTATTCA 240
CCACGCCAAT ATCTGGGTCT CTGTAJCTCA TGTAGAACAT AAGAAAATGG GAACTAATAG 300
```

GGAAATTTAT TTATAGCATG AAAATAAACC TGGTGGCTGG AGTCTGCTAA A

351

配列番号 : 118

配列の長さ : 343

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00132

配列 :

GATCCTAAGG CAATAAAAGA ATAAGGAGAT TTGGAAAACC ATTGTCTGTA ATCTCTGAAG 60  
AAAAGTGGAC ATTAGGGGAG TCAGTTGAAA AGCAAAGCTA TCACCATTTT CTAAAGAGGA 120  
AAAAGGTGAA CCTCACAAAC TATAGACCAA AAAAATAGGA CATCGAGAGA AAGAATATGA 180  
AGCTAGCATA GGTTCACAAA GAATGAGTCA AATCAAACAA CATGCATTTT TTATTTATAA 240  
AGCATGACTT GTTCATTGTC AATTCATGTT AGCTTAATCA TTAGGCATTA ATGCCATCAC 300  
TGCAATGCAT ATGTCAGCAA TAAATAATCA AGGCCCGGCT TCN 343

配列番号 : 119

配列の長さ : 345

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00133

配列 :

GATCTTCCCA CAACACCACA GGA CTGCAGG GTGCACAACT CCCCTGCCAA GGAAAACCAT 60  
GCAGTCCTCC CCTCCCTGGT CTCCTGCTTC AGCTCTGTAC AACGAGGGCA AAGATGCTAA 120  
ATCTTGCTTT GCATTCACTA AAGTGTCAAG TGATTAAGTG TGTATTTGTA CCCTAGATGA 180  
TATGAACCAG CAGTCTTGTT TTGGCATCAT CCTCATCATG TTGTATTCCA GCTTCTTAAG 240  
TGGAAGGAAA AGAGTGCTGA GAAATGGCTC TGTATAATCT ATGGCTATCC GAATTCTCTG 300  
AAAAANTANT AAAAGTCCCC TCTNTTATAT GAGCCTGTAC AGAAA 345

配列番号 : 120

配列の長さ : 358

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00134

配列 :

GATCCCCCT CTCGAGGGCG ATGAGGATGC GTCTCGCATG GAAGAAGTCG ATTAGGTTAG 60  
GAGTTCATAG TTGGAAAAC TGTGCCCTTG TATAGTGTC CCATGGGCTC CCACTGCAGC 120  
CTCGAGTGCC CCTGTCCAC CTGGCTCCCC CTGCTGGTGT CTAGTGTTT TTNCCCTCTC 180  
CTGTCTTGT GTTGAAGGCA GTAACTAAG GGTGTCAAGC CCCATTCCCT CTCTACTCTT 240  
GACAGCAGGA TTGGNTGTTG TGTATTGTGG TTTATTGAA TTNCCTTCAT TTTGTTCTGA 300  
AATTAAAAGT ATGCAANAAT AAAAGAATTA TGCCCNNTTT TNATACAANA NNAANAAA 358

配列番号 : 121

配列の長さ : 350

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS00135

配列：

```
GATCTTCATG CCCTGGGTTT TCCCCGNACG GACCCNCATC TCTGTGACTT CCTGGAGACT 60
CACTTCCTAG ATGAGGAAGT GAAGCTTNTC AAGAAGATGG GTGACCACCT GACCAACCTC 120
CACAGGCTGG GTGGCCCGGA GCTGGGCTGG GCGAGTATCT CTTGAAAGG CTCACTCTCA 180
AGCACGACTA AGAGCCTTCT GAGCCCANCG ACTTCTGAAG GGCCCNNTGC AAAGTAATAG 240
GGCTTCTGNC TAAGGCTCTG CCTNCAGNCA ATAGGNANGC TTTTAAACN ATCCTAACAN 300
GGNTTGGGAC CAAATGGNAA TAAAGNTTGT TNGATGCAGG AGATATGAAA 350
```

配列番号：122

配列の長さ：338

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00136

配列：

```
GATCTGAGCT GAATTTGAAG ACTATTAATA AGTTATGTTT GGAAGTTTAA ACTTCAATGA 60
AGTAATTATT TGCTGTGAAA GAAACAAACA TTGAATTACT AAACAAAGAT GGTGCAATAT 120
CTTTGTTTTT TTTTATGAG GCTCCTGAGA ATCAACCCAA CTGAAGCATT TCAATTCAT 180
TGAATGAGAA ACGTGTTTAG TATCAAAAGA GCCCAAGAAG ACACTGGTGT GAAAGGTACA 240
NTCTCAGAGG TTGGTCAATT ACCGTGGCAC ANTTTCTGGT CACTTTGTAC AATGTAGATT 300
TGAAGTACAG TGGTGAAAAC ATTAAATGTG ACATTTGN 338
```

配列番号：123

配列の長さ：337

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00137

配列：

```
GATCAAAAAA CATGAGGNAG AAGAAGCCAA AGCTGAGCGT GAGAAGAAGA NAAAAAGAAC 60
AGAAAGAAAA GGATAAATAG AATCAGAGAT TTTATTACTC ATTTGGGGCA CCATTTCAGT 120
GTAAAAGCAG TCCTACTCTT CCACACTAGG AAGGCTTTAC TTTTNAAC TGGTGCAGTG 180
GGAAAATAGG ACATTACATA CTGAATTGGG TCCTTGTCAT TTCTGTCCAA TTGAATACTT 240
TATTGTAACG ATGATGGTTA CCCTTCATGG ACGTCTTAAT CTTCCACACA CATCCCTTT 300
TTTTGGAATA AAATTTGGAA AATGGAAATN AAGGAAA 337
```

配列番号：124

配列の長さ：336

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00138

配列：

```
GATCACCATT TGAGATACGC GGCTTAACGC ACATGTGAGT GTAGCTTGCT ACATGAAAAT 60
GCTAGGCTCT AGGGCATGTA AAACATGAAT ACAGAATACT AGATTGTTCT AAGTAATGTC 120
ATTTGGGTTT GTGANTTTGA TTTTCCCTT CATTTCATGT CATATTGNAA ATGCAAACAA 180
ACTGCTCTCA AGAACACCCA GAAGCTATCT GTGTTACCAG ATGTGTTGTG NAACTCTAC 240
```

TNTTTTTCAT AGGTGCTACC TGGNAATATA TGTCCATTGT AGTGGTGGNG NGGGNCTNGA 300  
CTCTNTCAGG CTCTNTCTN GCCAGNTGNC TNCNGN 336

配列番号 : 125

配列の長さ : 338

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00139

配列 :

GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60  
ACAGAACACC TGGGGCTGCG GGAACAGCCT GCGTACGGCT CTCATCAACT CCACTGGGGA 120  
AGAAGTGGCC ATGCGCAAGT TGGTGCGCTC AGTGACTGTG GTTGAGGACG ACGAGGATGA 180  
GGATGGAGAT GACCTGCTCC ATCACCACCA CGTGAGTGTA AGCCGCCGTT GAGGCCGAGC 240  
CTGCACTGGG GCCACCNAGC CAGGCCTGGG GGNAGCNTTT CCCNAGNNTN CNNGTGCCAA 300  
AANTTTTTTN ATTAAAAGAT TGTTTTGGGA ACTTTAAA 338

配列番号 : 126

配列の長さ : 347

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00140

配列 :

GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTNCGGAC CAGGTTTAAA TANGGCAGGA AAGTTCCCTT 60  
CCCTGCTCAC ACACAACGAA AACATGGTGG CCAAAGTGGA TGAGGTGAAG TCCACAATCA 120  
AGTTCCAAAT NAAGAAGGTG TTATGTCTGG CTGTAGCTGT TGGTCACGTG AAGATGNCAG 180  
ACGATGAGCT TGTGTATAAC ATTACCTGG CTGTCAACTT CTTGGTGTCA TTGCTCAAGG 240  
AAANCTGGCA GANTGTCCGG GCCTTATATA TCANNNGCA CCATGGGCAA NGCCCCAGCG 300  
GCTTATATTT AAGGCACATT TTNNATAAAT TCTATTNACC CGGTAAA 347

配列番号 : 127

配列の長さ : 335

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00141

配列 :

GATCAGTTGT AATCAGAATA CAACTGNGTC TTGTAGTTGT AATATGTTCT ATCTTAACCA 60  
CCACTTTCGT ACCAGGAACC TGCTCAGGTT TGTTCTCTAG AAGCTCCCAA CATAGATAGT 120  
CTACATTTCA GACTACTAAG TTATTAAACA ACCCTTTGGG CCCATGTTCA CTTTAGGGTT 180  
GAGCATAGTG TGAGGAGATG TAAATTAAAT TATAATCCTA TATGTGTGTG TAATAAATAT 240  
TAAAGTGTAT AAATTAAACA GCAGATTCTA AGTATCCAAC AAGAGTCAAA TAAATGATAC 300  
AAAGTCACCA AATAAATAAT ATTTAATCTC ATCTN 335

配列番号 : 128

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00142

配列：

GATCTAGTTA AAGTTATTCA ACAGGAGTCT TACACATATA AAGACCCAAT TACAGAATTT 60  
GTTGAATGTT TATATGTAA CTTTGACTTT GATGGGGCTC AGAAAAAGCT GAGGGAATGT 120  
GAATCAGTGC TTGTGAATGA CTTCTTCTTG GTGGCTTGTC TTGAGNNNN CATTGAAAAT 180  
GCCCCGTCTCT TCATATTGGA GACTTTCTGT CGCATCCACC AGTGTATCAG CATTAAACATG 240  
TTGGCAGATA AATTGAACAT GACTCCAGAA GAAGCTGAAA GGTGGATTGT AAATTTGATT 300  
AGAAATGCAA GACTGGATGC CAAGATTGAT TCTAAATTNA GGTGATGTGG TTATGN 356

配列番号：129

配列の長さ：333

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00143

配列：

GATCAAAGNA CTCTGACTGC AGAACTGCCG CTCTCAGTGG ACAGGGCATC TNTNACCCTG 60  
AGACCTGTGG CAGACACGTC TTGTTTCAT TTNATTTTG TTAAGAGTGC AGTATTGCAG 120  
AGTCTAGAGG AATTTNNTT TCCTTGATTA ACATGCTTTT CCTGGTTGTN ACATCCAGGG 180  
CATGGCAGTG GCCTCAGCCT TAACTTTTG TNCCTACTCC CACCCTCAGC GAACTGGGCA 240  
GCACGGGGAG GGTGTTGGCTA CCCNTGCCCA TCCNTGAGCC AGGTACCACC ATTGTAAGGA 300  
AACACTTNCA GAANTTCAGC TGGTTCCTCC AAA 333

配列番号：130

配列の長さ：332

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00144

配列：

GATCTCTGTA GATATTCTGT TTTATTTTGG TCATCTTTAG AAGTTATCAG GAATGTGTTT 60  
AAAACAAGAA GAGAACTTTT CTAAGGAATG ATACATAGAA AAGATTTTAT TTAAAAATGA 120  
GTTGTAAAGC TTGTTTTTCT TTGTTGCTGC AANTATCTGC CCAAGTTAAT GCAAATGGAC 180  
ACATTTTTTA TGTCAGAAAA ACACACACAC ACACACACAC ACACACACAC ACACACNCGC 240  
GNNACACAGN GANAAAAGTG CTTGNGCTTN NNCTCNCTNC CCCTTGCNGT CTGTTGTGTG 300  
CGCAGCCTGT TTATNTCTCT NNTATTGTGT CN 332

配列番号：131

配列の長さ：332

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00145

配列：

GATCTGTGAC CTTACCCCCA AACCTGTNCT CTCTGAAACA TGTGCTGTGT CCACTCAGGG 60  
TTAAATGGAT TAAGGGCGGT GCAAGATGTG CTTTGTTAAA CAGATGCTTG AAGGCAGCAT 120  
GCTCCTTAAG AGTCATCACC ACTCCCTAAT CTCAAGTATC CAGGGAGACA AACACTGCGG 180

AAGGCCGCAG GGTCTCTGC CTAGGAAAAC CAGAGACCTT TGTTCACTTG TTTCTTTGTT 240  
 CACTTGTTTA TCTGCTGACC TTCCCTCCAC TATTGTCCTA TGACCCTGCC AAATCCCCNT 300  
 NTGATGAAAA ACACCCAAGN ATANTCANTA AA 332

配列番号 : 132

配列の長さ : 333

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00146

配列 :

GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCNTTAAAT GCAACACGGA 60  
 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA ACTGGTACCC GTTGAACAA 120  
 GATTGTCTTG AAGAAGTGGT ACACGATTTT NAAGGACCAC GTGTCTCTGG GGGACTATGA 180  
 AATCCACGAT GGGATGAACC TGGAGCTTTA TTATCAATAG ATGAGAATCC TCATCTTNCT 240  
 GCCCCGCTNT CCNCTNCCA TCCTCATCCC CCACANTNGG GATAGATGCT TNGTTTGTA 300  
 AAACTCANCN NAATAAAGAC TTAGATGTTG AAA 333

配列番号 : 133

配列の長さ : 330

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00147

配列 :

GATCAGGTCT GTAAATGTGT ACTAAAAAA TNAGAGTTTA TTTATAAACA AAATAGTTTA 60  
 TTTAAAGAGA AGGTCTCTTC CTTATTGATA TCATGGTATG CATTAAATCC ATTTGTTACT 120  
 ATTGTGCACA AAAGCCCTGT TCACAGGGGA ATGGTGTAAA CATTTATACT GTTTTGTTCA 180  
 CTGTATTTAG TAGACATAAC TGTGAATAG TTAGTGAATC ATGATGTAAA GAATATGTGA 240  
 CCATCTTCAG GTATGGGATT TCTGAACGTT TCAAATTTCA ATCAATGAGC ACTGTCAACA 300  
 CCCACAGGNG AGAATAAAAT TACCTGTGCN 330

配列番号 : 134

配列の長さ : 326

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00148

配列 :

GATCGAACCA CTGCACTCCA GCCTNGGTGA CAGAGAGAGA CACTGCCTTN GAAAAAAAAA 60  
 GAATCTCACT CACTATCTAG AGAGGATTGT CAGANTATC ACGATTCAGN TCTTGAAACT 120  
 TTGATTATGC AAAAGAGGTA TATATAAATA TTTCATTATG ATTCAGGTTT TAGGCTTTGC 180  
 AGCTTCTATA AGGTGTTCTC AGGTGGCCCT TGTACNNCTN AAAGCATCCT TTAGGAAATN 240  
 CTTTAAGGGN GGCTTTNTAT AAGGAATAGG NGGNTGTTGA ATTTTACAG GGGGGTTTGG 300  
 GTCATTNAGN CCCCATTNT GTANGN 326

配列番号 : 135

配列の長さ : 325



配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00149

配列：

```
GATCATGANC TCTGAAAAAA AGAGAAACCT TATCTTTNCT TTGTGGTTCC TTAAACACA 60
CTCACACACA CTTGGTCAGA GATGCTGTGC TTCTTGAAG CAAGGCTCA AAGGCAAGGT 120
GCACGCAGAG GGACGTTTGA GTCTGGGATG AAGCATGTNC GTATTATTTA TATGATGGAA 180
TTTCACGTTT TTATGTNAAG CNTGACAACA CCAGGCAGGT ATGAGAGGAA AGCAAGGCC 240
GTCCATNGCT GTCCGTACNC TTACGGNTTG CTTGTNGGAG NCATTNNGT ATTGTTTGT 300
GTAANANCCA AAANGGGCTT TGGNN 325
```

配列番号：136

配列の長さ：326

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00150

配列：

```
GATCNACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTGTCG AAATCCACCT GTCAGGACGC 60
CTAGGGGTCT GTACCGGGCT GGCCTGTGCC TATNACCTCT NATGCACACC TCCCACCCC 120
TGTATCCCA CCCCTGGACT GGTGGCCCCCT GCCTTGGGA AGGTCTCCC ATGTGCCTGC 180
ACCAGGAGAC AGACAGAGAA GGCAGCAGGC GGCCTTTGTT GCTCAGCAAG GGGCTCTGCC 240
CTCCCTCCTT CTTCTTGCT TCTNATAGCC CCGGTGTGCG GTGCATACAC CCNACCTCC 300
TGCAATAAAA TAGTAGCATC GGCAA 326
```

配列番号：137

配列の長さ：324

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00151

配列：

```
GATCAAGNNG CCCTGGAGGC GGTGGCGGC ACCGTGGTTC TGGAGTAGCC TCCAGCTCGG 60
AGGACTTGTN TNCAGGGGTC CTGGGCCCCG GNCAAGGTCC CGCCCTCCCG TGGTCACTGG 120
CTCCGCCCA GCACAGGCG CCCAGTGGAG CCGTTTGGA GAATTGCCTG CNGCACGAGC 180
GGGGCCGGAC AGGCGCACAG ACCTACTGTN GCGGGAGGAA GGGGCGGCTG CTGCCTGGTG 240
ACGGCACCCG GANGCCACC AGGACGCGCC ACCGGTNAAT GTNNCTCTNG TGGCTGCTGA 300
GAAAAATACA CTGTGCAAGT CAAA 324
```

配列番号：138

配列の長さ：323

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00152

配列：

```
GATCTCAGCT TTTGGTTTCC CATGATACCA TCTCTAGGGG TAGCAGCTGG CTATAATAAC 60
TAATGTCTGG ATTATCTAA CTCTTCTGTT TGTNCTTCA GGTATTAAAC AATGTTGTGA 120
```

CTAATTGGCT TCCATTATTT CCCTAGAGTA GGTTCGTGA TNACCCTGGA ATATGTTTGT 180  
 AATAGAGTGG GCTATTACAA TCATCTAGGA TAAAGATAAT CGTGGCTTGG AATAAGGGTG 240  
 GTAGCAATGG AAGTGATGAG AAGTCATTAG ATGCAGAATA TATTTTATAG ATGGANTGTG 300  
 ATAAANTAAA AAATAAACTG GGN 323

配列番号 : 139

配列の長さ : 322

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00153

配列 :

GATCCATTCT CGGAATTCAC AGAATTTTNA TAACATCTNA CTCTCAGGGG GCATGAAGTG 60  
 CATAATCTTC CCTAGATTAC AAAAAACATA TAGATGACGG GTTTCCTAT NAACTTCAG 120  
 TACTACAAGA AACATAAAAT ATTTAAATAT ATGANATTTA AATATATTTA AAATTATTAA 180  
 AGTAATATAA ACATTTTNA GTGACTGTGT TATGTTTTTC TGGTTATTTT GTTTTCTACT 240  
 AGTATATTTT TCTGTAAAAA TTGTAAACT ATATCAGCAA TTTCTAATGC CAANAANGTA 300  
 AAACCTNGTG TGTATAAATG CN 322

配列番号 : 140

配列の長さ : 323

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00154

配列 :

GATCAGAGGC ACAAGTNCAG AGGCTGTGGT CATGCCGAAC ACTCTGTTAT TTAAGATGGC 60  
 TATCCAGATA ATCCTGAACA CTGTGTATTT ATTAAATTTA GACTACCAGC AAAGATTAAA 120  
 GCATGAAATG TAAAACATCT GATAAACTT ACAGCCCCCT ACACCAAGAG TGTATCTGTG 180  
 AAAGAGCTCC TACACTTTGA AACTTAAGA NTCCTTNTC ATGAAGTTTG CCTGTNCTAG 240  
 AATTGTAAAG TGTTAATTT CCNTCAATCT CTAGTGACAA CACTTAATTT CTTNCTAAT 300  
 ANAAAAAGCC TNGTNGGTGN AAA 323

配列番号 : 141

配列の長さ : 328

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00155

配列 :

GATCAAGTTT AAATGACTGT GGTGCCCCCT TCACATCAAA GAACTACTGA CAACGAAGGC 60  
 CGCGCCTGCC TTTCCCATCT GTCTATCTAT CTGGCTGGCA GGAAGGAAA GAACTTGCAT 120  
 GTTGGTGAAG GAAGAAGTGG GGTGGAAGAA GTGGNGTGGG ACGACAGTGA AATCTAGAGT 180  
 AAANCCAAGC TGGCCCAAGG TGTCTGCAG GCTGTAATGC AGNTTAATCA GAGTGCCATT 240  
 TTTTTTTTGG GGTTCAAAANG NTTTTTAATT TNTTNGGAAT NGNNCCANTT TTTTNAATTT 300  
 NGCAANTAAA AANGTTTAAA ANCTTAAA 328

配列番号 : 142

配列の長さ : 369

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00156

配列 :

```
GATCTCTGGC AGTGGAGGAA GTCTCTTTAA GAAAATAGTT TAAACAATTT GTTAAAAAAT 60
TTNCCGTCTT ATTCATTTTC TGTAACAGTT GATATCTGGC TGTCCTTTTT ATAATGCAGA 120
GTGAGAACTT TCCCTACCGT GTTTGATAAA TGTNGTCCAG GTTCTATTGC CAAGAATGTG 180
TTGTCCAAAA TGCCTGTTTA GTTTTTAAAG ATGGAAGTCC ACCCTTTGCT TGGTTTTAAG 240
TATGTATGGA ATGTTATGAT AGGACATAGT AGTAGCGGTG GTCAGACATG GAAATGGTGG 300
GGAGACAAAA TTATACATGT GAAATAAACC TCAGTATNTT AATAAAGTAG CACGGNTTCT 360
ATTGNAAA
```

369

配列番号 : 143

配列の長さ : 324

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00157

配列 :

```
GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGANNN 60
NTCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTCC CTGTCCCCT AGACTAAGTT AAATATTTCT 120
GCACAGTGTT CCCATGGCCC CTTGCATTTC CTTCTTAAGT CTCTGTTACA CGTCATTGAA 180
ACTACACTTT TTTGGTCTGT TTTTGTGCTA GACTGTAAGT TCCTGGGGA CAGGGCCTTT 240
GTCTGTCTCA TCTCTGTATT CCCAAATGNC TAACAGTACA GAGCCATGAC TCAATAAATA 300
CATGTTAAAA TGGGATGAAT GAAA
```

324

配列番号 : 144

配列の長さ : 316

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00158

配列 :

```
GATCATTGAA CGAGACAGAA AGCGACCATC CTGGTTCACC CAGAATTGAC ACCAAAGATG 60
TTAAAAGGAT AACTTCACAG TAAATCATTT CTCCTGAAAT AGAGGAAGAT TCTTTACGTT 120
GTTGTNCTTG TTTTAAATC ATCAGTATAG TTAAACACAT TCTTTCTAAG CAGTTTTGTG 180
TGGGATAATT TGAAGAATAT ATTATGAGTA ANCTCCGAAA ATTTTGTTA TCCAAAGGCT 240
CANTGGATTA TGTTTCTATT ATNTACAAGG TTTTAAGTAA ACATANNNNT TCCNGNCCNG 300
AGNTTANAGN NATTTN
```

316

配列番号 : 145

配列の長さ : 323

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00159

配列 :

GATCTTCATT TTATTGCATT AGTTCATGTA GATGGGCATC TCTATGAATT AGATGGGCGG 60  
 AAGCATTTC AATNAACCAT GGTGAACTA GTGATGAAAC TTTATNAGAG GATGCCATAG 120  
 AAGTTTGCAA GAAGTTTATG GAGCGCGACC CTGATGAACT AAGATTTAAT GCGATTGCTC 180  
 TTTCTGCAGC ATAGCTTGTC AATAATGGAA ACACCAAAAA CTGTATTATT TGCAACTAAA 240  
 TTTTCTCTGC CATACTACTA CTCAAAAATT TTGATATTTT CATTAAGTTG ATGATTAAAC 300  
 TTTATGTGAG TTAANCTTTG AAA 323

配列番号 : 146

配列の長さ : 319

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00160

配列 :

GATCTTACTG CTGTNACTT GAATCCCGTG ATTGTNATAC ATCTCTGGTA TAAGCAACAT 60  
 TTGATTTTTG AAGTGTGTAG ACCATCTCTT CATATTTTCA AGATGTAATT TTACATTNCT 120  
 GCATTTTTAA AACAGTTTGG CCATAATCCT AGATGCACGC TTCTAATTCA TGTACCTGCA 180  
 CATGTGACCT TTGTGAACAG NAATTTGCAT GNATAATTNG TGTTTACTTG TAACTNCTG 240  
 GTTATATACT GCTTATATCT GTGGATTCAA GTTACTGAAG TGGANTNCCA ATAGAAAGNA 300  
 ANCCCTAGGC CATGTTAAA 319

配列番号 : 147

配列の長さ : 316

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00161

配列 :

GATCTCTGAT TACCAGCCTG ACATCAACAA ATCCCCTCAG TTACAACGTA TAGGTAAAC 60  
 AAAGCTTTTA AAAGCTCATG TGGTATGACC TCAAGGTTGC TAACCTGGTC ACTCATGGTA 120  
 ATNAGAACT CTGATTGGCA GCTTTGTATT TCTTGACTAA AAACCTAAAT AACTGATTA 180  
 GGTTTTAGGC GTTCTTCAA AGAGGTTCTT GAGAAGATTG AGAACTATCC TATTTGGTGC 240  
 TTAGTGAAAA GATTTTGAAT TACTGTACGT ACCAGTTGTT GCCATTTCTT TATTAAATTC 300  
 AGAAGTTTTT TTGCCN 316

配列番号 : 148

配列の長さ : 319

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00162

配列 :

GATCTTGGAC AGCNTGGGTA TCGAGGCGGA CGACGACCGG CTCAACAAGG TTATCAGTGA 60  
 GCTGAATGGA AAAACATTG AAGACGTCAT TGCCAGGGT ATTGGCAAGC TTGCCAGTGT 120  
 ACCTGCTGGT GGGGCTGTAG CCGTCTCTNC TGCCCGAGGC TCTGCAGCCC CTGCTGCTGG 180  
 TTCTGCCCT GCTGCAGCAG AGGAGAAGAA AGATGAGAAG AAGTAGGAGT CTNAAGAGTC 240  
 AGNTGNTGNC ATGGGATTG GCCTTTTTTG GTTAAATTCC TGNTNCNCTG CAAATAAAGG 300  
 CTTTTTTTAC AGANGTAAA 319

配列番号 : 149

配列の長さ : 313

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00163

配列 :

```
GATCAATGCC CTCATTAAAG CAGCCGGTGT AAATATTGAG CCTTTTGGC CTGGCTTGTT 60
TGCANAGGCC CTGGNCAACG TCAACATTGG GAGCCTCATC TGCAATGTAG GGGCCGGTGG 120
ACCTGCTCCA GCAGCTGGTG CTGCACCAGC AGGAGGTCCT GCCCCCTCCA CTGCTGCTGC 180
TCCAGCTGAG GAGAAGAAAAG TGGAAGCAAA GAAAGAAGAA TCCGAGGAGT CTGATGATGA 240
CATGGGCTTT GGNCTGTTTG ACTAAACCT CTTTATAAC ATNGTNCANT AAAAAGGCTG 300
GAGCTTTAAT AAA 313
```

配列番号 : 150

配列の長さ : 313

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00164

配列 :

```
GATCCAGAAT CCACGGGGTC TGGAGCATAA GGTTCATCTC AAGTNTCAAT TGANCTGCCT 60
CCTCTTGTA GGCAGGGACA ACTGGGAGGA TGAGCCCCAA GAGCCTCAAG AACCCAACAA 120
GGTGGCCCTA GAAGACACAG AGACAGATGA NCTTTGGGCA TCCTTGAGG CAGCTGCCAA 180
GCGGANAGCT CTCGGGTTTG GAGCAGCCCC AAGGAGCTCT CCAAACGAGA CGGAGAAAGA 240
AGAAGCGGCC TGGGTCCACC AGCCCCTGAC GCCCCTGTNN CCACTTTGTA AATAAACTTG 300
CTGAACACCC AAA 313
```

配列番号 : 151

配列の長さ : 313

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00165

配列 :

```
GATCATCAAC AAAGAAAGTC TGAGAAATTG TCCCGGAATA AAGGGGCCTA AGGAGACATA 60
ACATCTAAAT GTAATGTAGT ATCCTGGATG GACTCCTGCA ACAGAAAAAG AACTTTAAGT 120
AAAAATTAAG GGAATATTAA TAAAGTATGC ATTTTGGTTA ATAATGTATC AATATTGGTT 180
TATTAGTTGT GACAAATGTA CCAGAGGAAT GTAAATGTC AACAATAAAG GAATTGGATG 240
TGGGGTCCAT GAGATGCTGT ACTATTTTGT CACTTTTCTT AAATCTAAAC TCTTATAAAT 300
TTAANCATAA AGN 313
```

配列番号 : 152

配列の長さ : 317

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00166

配列：

GATCTGGCCA TCTACGAGCC AAAGACTTTN AAATCTTTGG CTGCCTTGGC CAGTAGGAGG 60  
 CGACACGAAG GATTTNCTGC TGCCTTGGGG GATGGGAAGN AACCTGAAGG CATTTTTNCC 120  
 AGAGTGGTGC AGTACCAC TN AGGACTGTTG CTGTATTGAT TAGGAAAAGA GACAGAGTAA 180  
 TTTNCAGTTT GTTTGATT TA TACTTTTGTT TATCTACAAC CCAATAACAG ACATGAGGGA 240  
 TGGCCCTGTC TCTCTGGGAC AGAGCCTCAA AGATGATGTC CATGTTTTGT GTGAATGAAA 300  
 CTCAAACACT CTTCAAA 317

配列番号：153

配列の長さ：310

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00167

配列：

GATCCCCTGC CCCCTGTCCC CTGCCTCTTT TCCCAATTCC CTTCTTATG CTGGACTTTT 60  
 AAAGCTTAAA AAAAATCCGA TTGAATATAA ATGCCTAATT TCATTCTTTG TGAAATGGTT 120  
 GCTTCCTCCT GATTCCCTAA TTGTGCTGTG TTCGTGCTTT GCACTGGAAT TCAACATTCC 180  
 CTTCTCCTTT TGTACTGTGT TGTGCTTGCT GTCTCTCCCG GACANCCTTA AAGACTGTCT 240  
 TTTTAGCAAA AAATTTAGT AAAGTGTTTT CTGTAATCTT TTTTAAAAG GTGAGAACTA 300  
 ATTATTGTCN 310

配列番号：154

配列の長さ：309

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00168

配列：

GATCACCACG GTTTTCAGCC ATGCTCAGAC AGTGGTTCTT TGTGTAGGTT GTTCAACAGT 60  
 GTTGTGCCAG CCTACAGGAG GAAAGGCCAG ACTCACAGAA GGGTGTTTAT TTAGAAGAAA 120  
 GCAACACTAA TGATTCAAAC AGCTTCCTGA ATTTTAATTT TGTGTTGTCT CACAGAAAGC 180  
 CTTATCATAA ATTCCATAAT TCTAATTAAT TTACCAAGAT AATGTAATTA CATTTGGTTT 240  
 TGTAAGGTAT ACAGCAGTAA TCTCCTATTT TGGTGTCAGT TTTTCAATAA AGTTTTGATT 300  
 ATGGGCAAA 309

配列番号：155

配列の長さ：307

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00169

配列：

GATCACATAC AGGGGAAAAG CCCTATGNAA TGTAACACAT GCAGGAAAAC CTTCTCTCAA 60  
 AAGTCAAATC TCATTGTACA TCAGAGAACA CACATAGGAG AAAANCCTTA TGANTGATTT 120  
 GGATATTAGA AATTNCCAGC CACAAGTCAG CCTCCATAAT GCNTCAGAGT CTTCACTG 180  
 TGGAGANGGG CCTGTTGACA TCCTGATTGT TCANTAATA TCCACAACCT CGCCTTATGT 240  
 TACTCCANNG TAACAGTAGG GGTAAANCC ATAGNCTACA ACACCTNTNG GNTGGCTTTT 300

NTTAGGN

307

配列番号 : 156

配列の長さ : 307

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00170

配列 :

```
GATCCACCAA CTTTGGCCTC CCAAAGTGTT CAGATTACAG GTGTGAGCTG CTACCATGCC 60
TAGCCCCAGC TTCTACTGCT TGANGGCTCT CTTTGGCATC TCCACACATC ATCCTTAGCA 120
GCCCAGACTG CATTTCTGTA GCAGCCTCTT CCCTGGTCTC TTCTTTCAGT CTCTCTGCCT 180
CTAATCCAGT GGCTTTAAGA ATTTTTTGGC TGTGACTTCC AGTAAGAAAT ACAATTTACA 240
TTGTGACCTA GTAAATATGT GTGTAAGATT TATTAAGTGA AATAAAAATG TTATGATTTA 300
ATTTTTN 307
```

配列番号 : 157

配列の長さ : 306

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00171

配列 :

```
GATCTGTCCC TGTGGTGGTG TCTAAGAATC GGACACCTTG GTTTTTGTGT TAGATTGAGC 60
TGGGCAGCTG CAATCAGCTA CTTAATATGC AAATTAGGCA CGTCCCATCT GTGGGTCCCT 120
GTTGGTGGCT AATGAAGTGA GGGGAGGGAG GGATGTCACC CAAAAGTAG GCCCTCCCAT 180
TGGCTTTGGC CAGGCCAGAC ACTTCACATC GTTTACATGG TTCTGTGTAA TTTTAAAGTT 240
TATGTGTATA AAGCGACGGT TTTCTGTGAA CTGTATATTT TGTAAATAAA TATATTGCTA 300
CTTTGN 306
```

配列番号 : 158

配列の長さ : 310

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00172

配列 :

```
GATCTTCAGA TAAATTCTGC CATTTTNATT TCACTTCCTG AAAGTNAGGG TCGGCTTGTN 60
AAAAGTTGTT AAACAACATG CTAAATGTGA AATGTCAACC CTCACTCTAA ACTTCCCTG 120
TTCAGAGCAT CAGATGAAGA CTTCAATTGGG TTTTATAGTG GCTTTCTGAT TTTNGGTAGT 180
CCATTGAAGA AGGGAGTTTG AAAGTTGTTG TATACTGTTA ACGATTGTCT GCCCATGTCC 240
TGCCTGAAAT ACCATGATTG TNTATGGAAA GTATCTTTAA TAAAGCTGGA TACAGTTTGG 300
CTTGGAGAAA 310
```

配列番号 : 159

配列の長さ : 306

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS00173

配列：

```
GATCTACTTT GGAAAAACAA AGGATATCGT CAATGGGCTG AGGTCTGTNC AGACTTTTGC 60
AGACAAATCA AAACAAGAAG CTCTGAAGAA TGACCTGGTG GAGGCTTTGA AGAGAAAGCA 120
GCAATGCTAA ACCTCTGTTT CATGCTAACC AGACACGCCG TGCACTCGTT AGATTCCTTT 180
CTTAGAAAAC TCGTTTTCTG CTCCCTTCCC TCGTCCCTC CCTCCCCGAC AGGTCACATA 240
ACAGCTGCAT CATTGACCGC ACAGCGCCAT CTCTCCCTGA GAATAAAGCC GATAGCCACC 300
NTCAAA 306
```

配列番号：160

配列の長さ：329

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00174

配列：

```
GATCTATTGG ACTTTTTTTT GCAGGAAGTG CATTCTCTGG TCCTTCCCTA TTTTCTGTTC 60
TGGATGTCAG TGCAGTGCAC TGCTTACTGT TTTATCCACT TGGCCACAGA CTTTTTCTAA 120
CAGCTGCGTA TTATTTCTAT AACTAATTG CATTGGCAGC ATTGTGTCTT TNACCTNGTA 180
TACTAGCTTG ANATAGTGCT GTCTCTGATT TCTAGGCTAG TTA CTGAGA TATGAATTTN 240
CCATAGAATA TGCAGTGATA CAACATTACC ATTCTTCTAT GGAAAGAGAA ACTTTTGATG 300
ATGAAACAAT AAAGNTTTTA AATATCAAA 329
```

配列番号：161

配列の長さ：303

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00175

配列：

```
GATCTGAATA AAGCAAATCT GCATAAATGG TAACCAGTAG CTCTACTTTN ATTTTNNATG 60
TTGCTTAAC TTTTATTTG AAGGAAACCT GTGTGATTTA AAAAGTTATA GCTTTTGCAA 120
CTTTATTACT GGTATATAC ATTTGGCCAT TATNATGTGC AAGCAATTGG AAAAAAAGTC 180
AAGTAAATGC TTGTTTTTGT AGTAGTTTGT TCTGTGTTAA AATGTTTATA TGATAATGTC 240
TGTAACAGC ATCACTTTGA TTACAATAGA TGTAGTGTG TAATAAACTG TTTAATGGGG 300
AAA 303
```

配列番号：162

配列の長さ：298

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00176

配列：

```
GATCTCTCTA GCTTTGTCAT AGTTATGTGA TTTTCCTTG TAGCTACTTT TGCAGGATAA 60
TAATTTTATA GAAAAGGAAC AGTTGCATTT AGCTTCTTTC CCTTAGTGAC TCTTGAAGTA 120
CTTAACATAC ACGTTAACTG CAGAGTAAAT TGCTCTGTTC CCAGTAGTTA TAAAGTCCTT 180
GGACTGTTTT GAAAAGTTTC CTAGGATGTC ATGTCTGCTT GTCAAAGAA ATAATCCCTG 240
```



TAATATTTAG CTGTAAACTG AATATAAAGC TTAATAAAN CAACCTTGCA TGATTAA 298

配列番号 : 163

配列の長さ : 309

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00177

配列 :

GATCTCCTTC ATCCCTCTCC AGAAGAGGAG AAGAGGAAAC ACAAGAAGAA ACGCCTGGTG 60  
CAGAGCCCCA ATTCCTACTT CATGGATGTN AAATGCCAG GATGCTATAA AATCACCACG 120  
GTCTTTAGCC ATGCACAAAC GGTAGTTTG TGTGTTGGCT GCTCCACTGT CCTCTGCCAG 180  
CCTACAGGAG GAAAAGCAAG GCTTACAGAA GGATGTCCT TCAGGAGGGA AGCAGCACCT 240  
AAAAGGCACT CTGAGGTCAA GGATGAGGTG GGGGAANCCAT CTCAATTAAC CACCATTTTT 300  
TGGGTAA 309

配列番号 : 164

配列の長さ : 295

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00178

配列 :

GATCTCGGTA AAAATCTACC ATTCCCTACA TATTTTCCTG ATGGAGATGA AGAGGAACTG 60  
CCAGAAGATT TGTATGATGA AAACGTGTGT CAGCCCGGTG CGCCTTCTAT TACATTGCG 120  
TAACATCTTT GGACGTGGCA GAACCTTACA TATTCTGTGA GCTTCGATGA GCCAGAGTGA 180  
TATCATAACC ACCAGAAATC ATACTCTCCT TTCTTAGTCA CAACAAAATC ACACATGTCA 240  
TCTTTGTCAA GGGCATAAAT ATATCATTC TACCCCATTA AAATTTTGTT AGAAA 295

配列番号 : 165

配列の長さ : 289

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00179

配列 :

GATCCCCACC CCATGTGTTT TAAAAAGGCA GTAGCCTTTG CAGGGACCTG TCTGTCCCAA 60  
CTGTTTGAAC AGTGTGCTCC TCAGATTCTG TGTTTCAAG NCCCCTGNTG CATTGAGACT 120  
TGAAACCTTT GGATAGGGGA AAAAATTATA TATATATATA TNNNTTGTG CTGTTTGCA 180  
TTCTTAATTT GTGCTTGGA TGTGTTGATG TGCACAGCTA ATGATTCAAT GCGAGACAAG 240  
ATTGGCGTCT GTGTTGTGGA GGTTCAAAT AAAGAGCACT CTTCATAAA 289

配列番号 : 166

配列の長さ : 300

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00180

配列 :

GATCTGTAAA ATGTGATTTT TTA CTTCAC TTATAACT TGTGATTGGG GAGGTTTGTG 60  
 GAAATTCAT TATGATGAAA AACCTATCTT TTTTGTAA TGGCATACT TGGGGAATTT 120  
 AGTGGCAAAT ACATTCCCA GCAGGCCTTT TGTGGTTGC ACTAACTGCA AGGTGCTGG 180  
 GAAGTAGAGT CCATTTGGTT GATGAGCTTT GACTGCGGTT TTGGAACCTT ACCTCTCCTC 240  
 CTTAGCCCAA TATGCTGTCT TGGGTCCTAT TCAAATAAG TTATTTCTCC TGGTCTCAA 300

配列番号：167

配列の長さ：292

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00181

配列：

GATCAAAAA CCATCTCCAC ATTTAAAAGA GATGTAAGGT GTATTCATAG GGATGGTGGC 60  
 TCAACAAATC AAGCAAATG GAATCAAGGG GAGGGGAAG GGAATNAAAT GGAAAGGGAG 120  
 GCTGATTCCC TTCCCTGAC TTACCACTAA TTTACTAGGC TACCTACTTT NATGAGTAAC 180  
 CTCTCACAGC TACCCAGCAC ATGCCACAAT CCTATGCTCT TGCCTTCTTT NATCTGCACT 240  
 GTGTGAAGGG ACTCTTTTAA ATAAATNAGC AAGTGTCTTA AGCTATGTCA AA 292

配列番号：168

配列の長さ：292

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00182

配列：

GATCTTGGCT GTATTTAATG GCATAGGCTG ACTTTTGCAG ATGGAGGAAN TTCTTGATTA 60  
 ATGTTGAAAA AAAACCTTG ATTATACTCT GTTGGACAAA CCGAGTGCAA TGAATGATGC 120  
 TTTTNTGAAA ATGAAATATA ACAAGTGGGT GAATGTGGTT ATGGCCGAAA AGGATATGCA 180  
 GTATGCTTAA TGGTAGCAAC TGAAAGAAGA CATCTGAGC AGTGCCAGCT TTCTTCTGTT 240  
 GATGCCGTTT CCTGAACATA GGAAATAGA AACTTGCTTA TCAAACTTA AA 292

配列番号：169

配列の長さ：333

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00183

配列：

GATCCACATG AACGCACGCC TGAGATTTGG CCACTCACCT ATGTTTGGG TGGATTGCCT 60  
 AGGAAAGCAA GTCATATGGC CATTGATAGT TCTCATGTAA TTAGTTTGC TCACCACTAG 120  
 TACAGATGAC CCGTTTACAC GTGGCTTCCC TCGGAAGCCT CCTCAACAGT AGCTGGTGTG 180  
 AAAGACTAAA TCAGTAGAGT TGGAAAAGCT TTATAACCGG TGTGTCATAT GCTTGCTATT 240  
 TAAAGCTGTG TGTGGTTTT GTTTTCTGC CACATTCAT AGTTTTTTAA TAAATATTTT 300  
 CCAAAANTGG AAAAAAANA NNCCNCNNC CCN 333

配列番号：170

配列の長さ：401

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00184

配列：

```
GATCTGGANG GGACACGTCA TGCCTTGGGC CTAGAATACC CTGATGNGAA AAGAGAAGAN 60
AAAGGGAGGC CATATCTACA ACACAGCCTC TCGGCACTGC TGCTCCTTAT TTAACTTTG 120
TNTTGCAATTG TCCTGTATTT ATCACAGTTT CTGTTGAACA GCTTTTCAAG TATTTGGGGA 180
GTTTATCTTG CCATCCTCCC CTTCTGGTTC TCTGCACCCA CCTGTCCCAC TGCAGTTCCT 240
TCCGTGCTCT GTGACTTTAA GAGAAGAAGG GGGGAGGGGT CCCGGATTTT ATGTTTGT 300
GNTNTTCTC CTTAGCAGTA GGAATTGATA TTTTCAATTT TGAAGAAGT AAAAGATGAA 360
TAAACTGGGT TTTTTTGTG GTTGNTTTT GNAAATTCAA A 401
```

配列番号：171

配列の長さ：305

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00185

配列：

```
GATCGAGCTC GCCTATNAGC AAGTGGCAAA CCCCTCAAA TAAGCCCCTC CTGGGACTCC 60
CTCAACCCCC TCCATTTTCT CCACAAAGGC CCTGGTGGT TCCACATTGC TACCAATGG 120
ACACACTCCA AAATGGCCAG TGGGCAGGGA ATCCTGGAGC ACTTGTTCCG GGATGGTGTG 180
GTGGAAGAGG GGATGAGGGA AAGAAATGGG GGGCCTGGGT CAGATTTTAA TTGTGGGGTG 240
GGATGAGTAG GACAACATAT TTCAGTAATA AAATACAGAA TAAAAATCAA GTGTTTTTAC 300
GCAAA 305
```

配列番号：172

配列の長さ：289

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00186

配列：

```
GATCTGAGGC AAGCTGGACA GGAGAGGTGG ATATTNTTG ATGGAAGAAT TCAAGTTTAT 60
AATCAATTCC CACTTAGCAC CTACTGTGTG CTAGGAAGT GAATGTGTAT GTTTGACAAG 120
TCCTGCTTGG CCTGATGGGT GGGAGANGGA ACCTGAGCCT GGCTGAGATG GCTAGGCGGA 180
GGGCTTTGAA GTCCAAGCAG CTGAACTGGC TGGGTGGGT TCTACCTTTG AACTGCAAG 240
ACTTNTTTTG GAGCTCTTAA TTACAATATC TGATATTTT ACAGTCTGN 289
```

配列番号：173

配列の長さ：286

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00187

配列：

```
GATCCCTACC CTTNCCGTTG GTCTCTNTCG CTGACTCGAG GCACCTAACA TCCATTCACA 60
CCCAACACAG GCCAGCGACT TCTGGGGCTC AGCCACAGAC ATGGTTTGTN ACTNTTGAGC 120
```

TTCTGTTCCT AGAGAATCCT AGAGGCTTGA TTGGCCCAGG CTGCTGTNTG TNCTGGAGGC 180  
 AAAGAATCCC TACCTCCTAG GGGTGAAAGG AAATNAAAAT GGAAAGTTCT TGTAGCGCAA 240  
 GGCCTGACAT GGGTAGCTGC TCAATAAATG CTAGTNTGTT ATTTCN 286

配列番号 : 174

配列の長さ : 290

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00188

配列 :

GATCGGGTTC TAAAGGAAAG GGTGGAGAGA TTCAACCAGT TAGCGTGAAA GTTGGAGATA 60  
 AAGTTCTTCT CCCAGAATAT GGAGGCACCA AAGTAGTTCT AGATGACAAG NATTATTTCC 120  
 TATTTAGAGA TGGTGACATT CTTGGAAAGT ACGTAGACTG AAATAAGTCA CTATTGAAAT 180  
 GGCATCAACA TGATGCTGCC CATTCCACTG AAGTTCTGAA ATCTTTCGTC ATGTAAATAA 240  
 TTTCCATATT TCNCTTTNAT AATAAACTAA TGATAACTAA TGNCATCAAA 290

配列番号 : 175

配列の長さ : 284

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00189

配列 :

GATCAAGGCG CGGACGTATC TACGACCACA TCAACGAGGG GAAGCTGTGG AAACACATCA 60  
 NGCACAANTA TGACAACAAG TAGTTCCTTG GNGGCCCTAT CCAGGCCAGA AGGCCANNGC 120  
 CACCCAGCAG CTGTTTGCCA GAGCTGGAGC TCAGTTGAAG ATGATGCTCA AGGTACTCTT 180  
 CATGGCCACC ATTCGTGTTG GAAGAACGNT TTACTIONNA CAGCTCTTTA CCTTCTGTGT 240  
 GTTTNAGNTG TTAGNAGATN TCAGGAATAA TGTGATTGCC TTGN 284

配列番号 : 176

配列の長さ : 282

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00190

配列 :

GATCAGAACA TGAAATGCCC TCCTAAATGT CAGCTGTTGT CACACAGTAG CTCCAACACT 60  
 TTGAGCATTT TTAAGGGAGT GGCCTCATTT CACTAGAGAC AAATCTTTAA GAATAGTTCT 120  
 AAAATTGGGC TTGTGATTTC CATTTCTGAT GTCTCCAGAT TGGCACCCCT TTCTAGTTCA 180  
 ATGCCTCACG AGATTTTGCC AGGGGCATCC AAGGCAAACA ATCCCAATCT TTCTATATAA 240  
 ANTGTATTCA AGCAAACATC AAATAANTTT CTGGGATATT TN 282

配列番号 : 177

配列の長さ : 278

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00191

配列：

GATCAGAGTT TGAAATGAAA TGTTTGTCAG GGTGTTGGAA AAATTTTGGT GAGTTCTGCA 60  
CATTTCCCCT GGTTCAGGCT GGGCATGGAC CAGCCTTCAG ATGGCAGAAG TGGAAGATGA 120  
GCCTACTTGT GAGCGATGTG ACTTTAAGGA AATGAAGACT GGGGAAGAAT AATTAGTGTT 180  
TATAAGACAT TTAAGAGGCC CTTTTTCATA TACTGACTCA CTGATGAATC AGCATTNCA 240  
TTNTATGGAA NAATATAAAT CCAAAGAAAT AATTTAAA 278

配列番号：178

配列の長さ：281

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00192

配列：

GATCAAAATA ACCCTCGTAA AAATATATGT ANGGGGTACA CAAAGTAAGC CTCTTTATGA 60  
AACAAATTGAG GATAATNATG TGAAAGGTTT TAATGATGAT GTTCTACTTC ANATAGTTCA 120  
CTTTCTACTG AATAGACCAA AAGAAGAAAA ATCACAGCTG TTGGAAAAC GAAAAAGCAT 180  
ATTTNATTGA GAACTGTGGG AATATTTAAA TTTTACTGAA GGACCAATAA TGATGAGATT 240  
TGTAAGTGTC AACTATTAAA TACATTGATT TTTGAGACAA A 281

配列番号：179

配列の長さ：278

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00193

配列：

GATCAGGCCC AGGAAGGGCA CAGGGGCTGA GCACTACAGA AGTCACATGG GTTCTCAGGG 60  
TATGCCAGGG GCAGAAACAG TACCGGCTCT CTGTCACTCA CCTTGAGAGT AGAGCAGACC 120  
CTGTTCTGCT CTGGGCTGTG AAGGGGTGGA GCAGGCAGTG GCCAGCTTTG CCCTTCCTGC 180  
TGTCTCTGTT TCTAGCTCCA TGGTTGGCCT GGTGGGGGTG GAGTTCCTC CCAAACACCA 240  
GACCACACAG TCCTCCAAAA ATAAACATTT TATATAGN 278

配列番号：180

配列の長さ：278

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00194

配列：

GATCTACATT AATATCAAGT CTTGACTCCC TACTTCCCGT CATTCCTCAC AGGACAGAAG 60  
CAGAGTGGGT GGTGGTTATG TTTGACAGAA GGCATTAGGT TGACAACTTG TCATGATTTT 120  
GACGGTAAGC CACCATGATT GTGTTCTCTG CCTCTGGTTG ACCTCNACAA AAACCATTGG 180  
AACTGTGACT TTNAAGGTG CTCTTGCTAA GCTTATATGT GCCTGTAAAT GAAAGTGCCT 240  
GAAAGACCTT CCTTAATAAA GAAGGTCTA AGCTGAAA 278

配列番号：181

配列の長さ：277

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00195

配列：

```
GATCTCTCCC CCGTGAAGGA GTTGAGCACA TTAGCAACAA TGTACATTAA TTTTGGATTT 60
TCATTTTCAT GTTTTATTTT GTAAATATTA TCTGATGTTT GGAGCTTGAG TATACAGACT 120
GTAAATATAG TTCTGTATT TGTACTAATT CTGATTCTTT TGCTNNCNG CCTTAGATGT 180
GCAATGCAGA CACTATCTAA CTGTGTGTGG TAACCTTGCG TCACGGAGCT GTTAGTGAAC 240
GAGGTAAGGTA TAATAAAGGT ACAGCCAGTG CATCAAA 277
```

配列番号：182

配列の長さ：282

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00196

配列：

```
GATCAAAACN GATTACGGT GGGGGAGGAA TNTGAGCTGG AGACAATNAC AGGGGAGAAA 60
GTCAAGACAG TGGTTCAGTT GGAAGGTGAC AATAAACTGG TGACAACCTT CAAAAACATC 120
AAGTCTGTGA CCGAACTCAA CGGCGACATA ATCACCATA CCATGACATT NGGTGACATT 180
GTCTTCAAGA GAATCAGCAA GAGAATTAA ACAAGTCTGC ATTCATATT ATTTAGTGT 240
GTAAAAATTA AATGTAATTA AAAGTGANCT TTNGTTTTTA AA 282
```

配列番号：183

配列の長さ：277

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00197

配列：

```
GATCCAGATG ACCGTGGTNG TTGGGGTATA TCTCCTCGAG GAGCTGGTTA CACCTTTGGG 60
CAAGATATTT CTGAGACATT TAATCATGCC AATGGNCTCA CGTTGGTGTC TAGAGCTCAC 120
CAGCTAGTGA TGGAGGCATA TAACTGGTGN CNNGGCCCGG AATGTAGTAA CGATTTTCAG 180
TGCTCAAACCT ATTGTTATCG TTGTGGTAAC CAAGCTGCAA TCATNGANCT TTTGCGATAC 240
TCTAAATAC TCTNTCTTGC AGTTTCACCN AGNNNNN 277
```

配列番号：184

配列の長さ：277

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00198

配列：

```
GATCTGAGAT TTCCGTGTTT GGCTGAACCT GGGAGACCAG CTGGGCCTCC AAGTAGGATA 60
ACCCCTCACT GAGCACCACA TTCTCTAGCT TCTTGTGAG GCTGGAACCTG TTTCTTTAAA 120
ATCCCTTAAT TTTCCATCT CAAAATTATA TCTGTACCTG GGTCATCCAG CTCCTTCTTG 180
GGTGTGGGGA AATGAGTTTT CTTTGATAGT TTCTGCCTCA CTCATCCCTC CTGTACCCTG 240
GCCAGAACAT CTCCTGATA CTCGAATTCT TTTGGCN 277
```

配列番号：185

配列の長さ：277

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00199

配列：

```
GATCGGTTTT TGTTCCTGC TTACCATATG ATTGTAAATT GTTTTATGTA TTAATCAGTT 60
AATGCTAATT AATTTTGGCT GATGTCATAT GTTAAAGAGC TATAAATTCC AACAACCAAC 120
TGGTGTGTAA AAATAATTTA AAATTCCTT TACTGAAAGG TATTTCCCAT TTTTGTGGGG 180
AAAAGAGCCA AATTTATTAC TTTGTGTTGG GGTTTTAAAA ATATTAAGAA ATGTCTAAGT 240
TATTGTTTGC AAACATAAAT ATGATTTTAA ATTCTCN 277
```

配列番号：186

配列の長さ：276

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00200

配列：

```
GATCCTGACA CTGACATGAA GGCAAGCCTT GATTTCGTAT GAACGTTGCT GAAGTGGTAA 60
TTGAGGAAAA CAGTCCCCA GATTGTTAAG AGTTCCTGA AGATATTGAC ACAATTTNNA 120
AAAAATCAGTA AAGGAATGTA TATAATATTG CNCTCGTGTT TTACAGTAAG ATTTGTTGCT 180
CTCAGACTGT GTAAACAAA ATTNATNGNT GTTTTCTGCA TTTTAAAAA TCTTATTGTA 240
CCANCTGGTA ANCTATTAA NCTATAAN NCTAAA 276
```

配列番号：187

配列の長さ：275

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00201

配列：

```
GATCAAGGAN GAAAGANTGA CTTCAAATAT GCCTTGTTAG TGTAATGTG ACTTNTNGAA 60
CTGTATGAGT ATTTAAGAT TATTNGAGTA AAGTAAGTTT TAAAAAGCAG TCCCTAATCA 120
TCAAAAGTAA AAAACTCTTG ATGTAGTCAT ATAACCACAC TAAGAACTCT TCCAGGTGAC 180
TTCAAAACAT AGGACAGTAC ATCTCTAGTA GANTNTGCCC TGAGAATGAA AAGAATGTAA 240
CAGTGTTAGT ATTTGAATA AACATGTTAT TACTN 275
```

配列番号：188

配列の長さ：273

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00202

配列：

```
GATCACTTTT TTTAGAGTGA AGAAAGAACA ANCTTGTTTT TTGTGTTTTT TAAAGGAATA 60
TAAAATAATG AAGGATGTAT AATTGATGCC AAATAAGCTT GTNCTTTAGT CACACCGACG 120
```

TCTTATTTTT CCCTTTAGGC CAGTTCGTGT TTTAAGGTGT ACATGGNCAA TGTTACAGTG 180  
TAAGAAACTC CATATCCATA TGTNCCCATT CGCATTTTGT ATTGGTTCAT GTATACCATT 240  
TTTNCAAAAN ANANGGAANA ANNGGNAGTN CTN 273

配列番号：189

配列の長さ：271

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00203

配列：

GATCTGAAAA GCTCACTTTA AACTCATACT ACATTCGTNA CGAGTATTTN ACGTTAACAT 60  
AATTGAAAAG TACAAGGTCC AAGCTGGCTT TCAAATNATG TCTAAACAGA AATGGGACAA 120  
ATAGACTTGA AAATAGAAGG GATTTATTCC ACCCCTGCAA GGGTAAGAGT CAGGTGAGAG 180  
TCCCTTGGTG AGTCATTGT ACATCAGTGT CATTTCTTCT TAACCTCTGA AGAAAGATGG 240  
GCATCAGAAA TAAAGACAAA GCACTATCAA A 271

配列番号：190

配列の長さ：270

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00204

配列：

GATCTGCCAC GAGGGCAGCA GCCAAGAGGA CTTGCTCTCT CCATGTGAAT GTACAGGGAC 60  
CTTGGGGACA ATTATCGGA GCTGCCTGGA GCACTGGCTG TCATCCTCAA ACACCAGCTA 120  
CTGTGAACTC TGCCACTTCA GGTTCGAGT CGAGCGAAAA CCCAGGCCGT TAGTGGAGTG 180  
CCTGGGAAAC CTTGGCCCCC AGATTGGGAG GGGNCTTTTT TTTGGNGANA TGGTNNNTTT 240  
TGGGTNTAA ATCNCNCGG NNCCATNTNN 270

配列番号：191

配列の長さ：166

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00205

配列：

GATCTCTGAG CTGCCAGCA TAGTCCAAGA CCTAGCCAAT GGCAACATCA CATGGGCTGA 60  
TGTGGAGGCC AGGTATCCTC TGTTTGAAGG GCAAGAGACT GGTAAAAAG AGACAATCGA 120  
GGAATGAGGA CAATTTTGAC AACTTTTGAC CACTTGCGCT AATAAA 166

配列番号：192

配列の長さ：276

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00206

配列：

GATCTACATG AGAAGTATAG TGGCTCTACC CCCTGAAAGA GGGTGGATGC AGCTGCTTGT 60



GTTCTTGGG GTGACTGTCA TTGGTAATAC GGACACAGTG ACCCATCCTC CATCCTATTT 120  
 ATAGTGGAAG GGCCTTCAAT TGTATCAGTA CTTNTTTTA AGCTCTGGCA CATTGACCTC 180  
 TATGTGTTAC CAGTCATTAA TGAGCTGCTG CAGAGGTGAC TATTTGTTTT ACTTTCTTGG 240  
 ATGTTAACAT TACTACTCTC ACTACTCAAT CTCAAA 276

配列番号：193

配列の長さ：273

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00207

配列：

GATCTGACAT TTGACATGAA CACAAAGTTG CTAGATGCTC TTGTTGACTT CCAGCAGATG 60  
 GGATGGGGGA AACACAGCAG TTCTTGGTAA AGTCCTTTGT AATAATAGTT TGATTTTTTT 120  
 ATTTGAGAG AATCTTTCAT TTTCTATGT ATGCTTTTNN CCTTTTTTGC CCAGTTTCCT 180  
 TATCACTTGC TGTAGATGGC TTATNTNGCA TTCATGCAGA CTATGTTGCA AGTCTGTTTC 240  
 ATCTAGTAAA CTGAAAATNA TTGCTTAATC AAA 273

配列番号：194

配列の長さ：267

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00209

配列：

GATCCCAGAG AGGGAAGAGA ACCAGGGGCC CTTTTCTCTT TNAGAATTTN CTTTAAATCA 60  
 GCCCACCTTT TGAATCCCCG CCCGCCCAA TCCATTATNT TTTCTGCCT TCCGGGTCCC 120  
 ATCCTTAGAG CTCGAGTCGT TCCTTCCCCT CCTGGATTCC GGGTAGCAGA GGCAGCGCCG 180  
 CAGGAGGCGG GTGCCCGTTT GTCCCAGGNC TGGGCGTGGT GGAGNNAGGG GTGCTGGAAC 240  
 AATAAACGGC ACNNNNCAAA TGTCAAA 267

配列番号：195

配列の長さ：384

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00210

配列：

GATCAAAAAC ACTACTCAGC TCTCTTGCAC TGAGGAAATT TTTCCCCTA CATTGACTCC 60  
 TGGCCTACAT CAGCCAACT TAACCTTGGT GGGGTTTGA TTTGATAGCC AATTAGTTCT 120  
 GTGCTGGTTG CAAAGAATTG ATATTAGAT GGTTTTAAAT ACTCAGCAGA TTGTCTTCCT 180  
 TTATATTGTG TCTTTTTTAT GTNGCATGTN GCTTTTGTTA TCAGCCTGAT TTTTGCTCA 240  
 GTATATGATA GTNCTGCTGA TGTTTGTTT ATTGGCAGA CATATCTTCA TTAAGAGTTT 300  
 TTGGAAAAC CATCAAATC GATGAATACA TTTCTTCAT AACCATTG GAATTATTCC 360  
 TAATAAAATG ATAAATACG TAAA 384

配列番号：196

配列の長さ：277

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00211

配列：

```
GATCTAAAAA AATTCAGAAG AAATATGATG AAAGGAAAAA GAATGCCAAA ATCAGCAGTC 60
TCCTGGAGGA GCAGTTCAG CAGGGCAAGC TTCTTGCCTG CATCGCTTCA AGGCCGGGAC 120
AGTGTGGCCG AGCAGATGGC TATGTGCTAG AGGGCAAAGA GTTGGAGTTC TATCTTAGGA 180
AAATCAAGGC CCGCAAAGGC AAATAAATCC TTGTTTTGTC TTCACCCATG TAATAAAGGT 240
GTTTATTGTT TTGTTCCAC ATTTATGTTG CCTGAAA 277
```

配列番号：197

配列の長さ：271

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00212

配列：

```
GATCGGCGGC GCGCAGNAAC CGCTCCTACA GCAAGCTGCT GTGCGGCCTG CTGGCCGAGG 60
CGCCTGCGCA TCAGCCCGGA CAGGGTCTAC ATCAACTATT ACGACATGAA CGCGGCCAAT 120
GTGGGCTGGA ACAACTCCAC CTTCGCCATA GAGCCGCAGG ACCCACGCTG TCTGCGCTGG 180
CTCCACCCGG GAACCCCGCG CACGCTGTGT TCTAGGCCCG NCCACCCCAA CCTTCTGGTG 240
GGGAGAAATA AACGGTTTAG AGACTAGGAA A 271
```

配列番号：198

配列の長さ：264

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00213

配列：

```
GATCCTGTAG TGTTCCTGGA GAAGCTAGAG CCTGATTGTA GGCTACTACT CATCAATTAA 60
CTTCTACAGT GGAGACTACT TCTGGGACTG GAATATAAAA AAGAATCAA GGTTCGTATT 120
TTNAGTTGCA ATAAAGGGAA AGACCATGCT CATAGCAGTG CCAACATCTG AAGTGTGGAG 180
CCTTACCCAT TTCATCACCT ACAACGGAAG TAGTTAACTG GAAGAGATTA CCAAGAGAAT 240
AAAAAGAGAC TCATTCACTG GAAA 264
```

配列番号：199

配列の長さ：257

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00215

配列：

```
GATCTGCCTT AAAGAAAAGA AAATTTTAGA AAGAAATATT GTTGCTCAGT GTTGTTAATA 60
TAGCTCAAGA ATTGAGTTTA TATTTGCAGT ATGCTATAAA TGATACCCCC CTACCACACC 120
CACACACACA GTTTTTGTCT AATGAAAATG TTGCTGTGAT TATTTATAAT TGGTAGTATT 180
TCTTCCAGAA GAAGCTAAAA TAAGACTGGC ACTTACCCTG AAGTGCATTA ATAAAACCAC 240
ACTTTAAAAA TAANAAA 257
```

配列番号 : 200

配列の長さ : 374

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00216

配列 :

```
GATCAACCTG AGCNTGGAGA ATGCCTGGGG CATTTAACGC TGGGTCATTG ACATCTGCAT 60
GAAGCTGGAG GAGGGCAAAT ACCTCATCCT CAAGGACCCC AACAAGCAGG TCATCCGTNT 120
CTACAGCCTC CCTGATGGCA CCTTCAGCTC TGATGAAGAT GAGGAGGAAG AGGAGGAGGA 180
AGAAGNGGAA GAAGATGNGG ANGAACTTA AACCAGTGAT GTGGAGCTGG AGTTTNTCCT 240
TCCACCGAGA CTACNGGGGC CTTTATGCT TAGTGGGAATG TNTGTCTAAC TTTGCTCTCT 300
TGACATTTTA GCAGTTGAAA TTAAATTATA TANTCTGTTT TNNGTCTTTT NAAATAAANA 360
AAANNANATT NTGN 374
```

配列番号 : 201

配列の長さ : 256

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00217

配列 :

```
GATCTGAACT ATTTGCTTTC TCTTCAAGAT AAGTTGTATT TTACCATGGA AAAATACAGT 60
ATCTAACATT ACCATTACAG TTAAATGAAG TTTCTCATA ACATTTATCT TTAGTTTTAT 120
GAAGTCATCG TGACCAATGT TACAGTAATT TCTGTTAGCT GATTGTGGTA AACAATGTTT 180
AATGNGAAAA GAAATTAAAA CTTTCTTCAT CTGTTGTAGA ATATTTCTCT TCTTTAAAT 240
GGCTTCTATT CATAAA 256
```

配列番号 : 202

配列の長さ : 256

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00218

配列 :

```
GATCCCCACT GGAGCAGCCT CTGCAAAAGG GAGCCCATGT AGTGGCCAGG GGCTGTCCAA 60
ACTCCAGCTT CTTCCCCTGG GAAAAACCC AAAGAACCAA AAACAAACCA CCCCAGGAT 120
AATAATAGCT ACACTGCTAG CTTCTCAAGT TCTTGTGAAA AACAATTTAC ATAATGACAC 180
AGTAGATGTG GAACACCTAG CCAGTGCCTG GGCAGGTCCC TATTATCATA AATGAACATA 240
AAGTGCTCTA AAAACN 256
```

配列番号 : 203

配列の長さ : 265

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00219

配列 :

GATCCAAATC AGGAAAAGAC GGCGCCACTA CAATGGAGAA GCATATNAGG ATGATGAACA 60  
 TCATCCCAGA GGTGGTGTTC AGTGTGAGAC CTCTTAATGG GCCAGTGAAT AACACTCACT 120  
 GCTGGCATT TATGTGCAGT AGTGAATGAG TGAAGGACTG TAATCATAAT ATGCTCACTA 180  
 CTTGCTCTTG TTTTGTGTTT AATAAACTAT AGTAGTGTTA TAANNNGTTA AATGAAGAAT 240  
 AAACGCAAAT ATAANAGCTC TGAAA 265

配列番号 : 204

配列の長さ : 253

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00220

配列 :

GATCTAAAGA GACACTTAGA GACTCTTGGG GACCTCAGAT TTCCACCNCCT CCACAGCATT 60  
 CTGCCTACAC AGTTCCCCTC ATTTTNCCTA GTTACTCGGA AGAGCGCTGG ACTTGAAATC 120  
 AAAATAATTG CGTTATGTCT TTGGTTATGT CGTTTCATCA TAGCACTTTC TAAAACTATT 180  
 TGACAAACAT GTATTGCATA CCTACNGCAT TCCAGTTCTN GTACANGTAA TTAAATGCTC 240  
 GACTAACGNN AAA 253

配列番号 : 205

配列の長さ : 253

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00221

配列 :

GATCTGGAAT TGGACATTTC TCTGTCAGAG CACAGAGGAG GCTCATATCA CCTCTTCCCT 60  
 CTCCTACTTG GCCCAGCTGC TTGGAGGACC GACCCCATGG CTGAGAATAT NACGGCAAGA 120  
 GGAACAGAGN TTGCTCCAAG TGGGAAAGGG TCCCAAGCAG TCCAGAGAAG ATGTCTGTGT 180  
 GGCTTTCCCT CCCTGCCTCC CCCAGCTCCC ACACTGGCCT TTGTAAATAA ATGGCGTGGT 240  
 CTTTGTGTG AAA 253

配列番号 : 206

配列の長さ : 253

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00222

配列 :

GATCTGCCGT CTGTCACCTC TCTCCAAGTT GAGACAGGGG CCTGGATTTC AGCCCTTCCT 60  
 GCCGAGAAAT CTNTAAATT TCAACCTACC TTAAAAATA AAGTCTCCCT ACTTAAATC 120  
 CAGTAGATAT CATGGCACTA ATGCTAACAC CCCTTTCCCC AAATTAATAA AACAAAAATA 180  
 AAAAAAGAA AAAANTGCAG GCATGCAAGC TTGGCGTANT CATGGNNTNA GCTGTTTCCC 240  
 NGTCACGGCG TGN 253

配列番号 : 207

配列の長さ : 251

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00223

配列：

```
GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCATN ACGTCCTNCC AAGTGAACAG 60
CTGCGGCAGC CCTCCCAGCC TACCCCTCCT GCGCTGACCC AGAGCCTGGG AAGGAGGCCG 120
CTATGAGGGT AGCACTGGGA ACAGGAGACC CACCTNAGNC TCAGCCTNGC CTCAGTNTAC 180
TGGGGAGTTT ACTACCTGGG GCCCANTTGA CATGCTCCAG CTACANACAN TTANTTGCTT 240
TTTTNTTGGN N 251
```

配列番号：208

配列の長さ：243

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00224

配列：

```
GATCGATTCT TGTATATTNA TTTTATCTCT TTCTGTATCT ATAGGTAAAT CTCAAGGGTA 60
AAATGTTAGG TGTTGACATT GAGAACCCTG AAACCCCAT TCCCTGCTCAG AGGAACAGTG 120
TGAAAAAAA TCTCTTGAGA GATTTAGAAT ATCTTTTCTT TTGCTCATCT TAGACCACAG 180
ACTGACTTTG AAATTATGTT AAGTGAAATA TCAATGAAAA TAAAGTTTAC TATAAATAAT 240
AAA 243
```

配列番号：209

配列の長さ：249

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00225

配列：

```
GATCACANTT AATGATTCAG TATAATGTTT GAGGCCAGAC AAGATATATA TTGTGCCTCT 60
TACAGCCTTT GGNNCNNTTG TTTCCATTTT TTAAATATCT TCTATATCCA TATAGTATTC 120
AAATNATTAA TGCTCATGTA CCAAGGTTTT GCTATAAAG TTTTGNCTGT ATGAATAATG 180
TGGCTTTAGT AAATAATCAT TTTTCAACTG TAAACTTATT CTGAAATAAA GTAAAATTCT 240
AATTGTTTN 249
```

配列番号：210

配列の長さ：248

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00226

配列：

```
GATCATAGAA ATATATGTAA AGTATTCAAT TTTCAATCAT TTTCAAATNA CTGTTATAAA 60
TTGTTTTTGC TGAGTTGTAA TACTTTTNAG ATACAATGTA TTCCTTGTA TGAAGAATG 120
AAAAAGGACT TTTTCAGCAT TTGAGGTAAG TNCTTTAACG TTTCATTAAA ANCATTTTTT 180
ACAAATATTT TGTACATGCA CTTGCAGTAT TGAGGTTAAT CATTTTAATA AATNCGGAAA 240
TTAAACN 248
```

配列番号 : 211

配列の長さ : 247

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00227

配列 :

```
GATCTCAGCN TTGCAAACAC ANTTNCTACA TAGATAGTAC TAGGTATNNT TTAGATATGT 60
AAAGAAAGAA ATCACACCAT TAATAATGGT AAGATTGGTT TATGTGATTT TAGTGGTATT 120
TTTGGCACCC TTATATATGT TTTCCAAACT TTCAGCAGTG ATATTATTTT CATAACTTAA 180
AAAGTGAGTT TGAAAAAGAA AATCTCCAGC AAGCATCTCA TTAAATAAA GGTGTGTCAT 240
CTTTAAA 247
```

配列番号 : 212

配列の長さ : 256

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00228

配列 :

```
GATCAAAACA AACAATCCAG ATGTATAAGT ACTAGGCAGA AGCCAATTTT AAAATTTTCCT 60
TGAATAATCC ATGAAAGGAA TAATTCAAAT ACAGATAAAC AGAGTTGGCA GTATATTATA 120
GTGATAATTT TGTATTTTCA CAAAAAAAAA NGTTAACTC TTCTTTTCTT TTTATTATAA 180
TGNCACAGCT TNGGTATTTC ATTGTTACCA NGTCTATTT TNGANTAAA ATTGTTCTCC 240
TTCTAAANGT TTTAAA 256
```

配列番号 : 213

配列の長さ : 244

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00230

配列 :

```
GATCGGCAAG CCCCACTG TCCCTTGCAA GCCAAGGCCA CCTTNATGC CATTTCTAAG 60
ACCTACAGCT ACCTGACCCC CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT 120
CAGGAGTTCA CTGACCACCT NGTCAAGACC CACACCAGAG TCTCCGTGCA GCGGACTCAG 180
GCTCCAGCTG TGGCTACAAC ATAGGGTTTT TATACAAGAA AAATAAAGTG AATTAAGCGT 240
GAAA 244
```

配列番号 : 214

配列の長さ : 243

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00231

配列 :

```
GATCAGATTG GGTCTGCTC CTCTCAACCT TGAAGTCCCC ACGTATGAGT TCACCAGTGA 60
CGATATGGTG ATTGTTGGTT AAGAGACTTG GACTCAAGTC ATAGGCTTCT TTCAGTCTTT 120
ATGTCACCTC AGGAGACTTA TTTGAGAGGA AGCCTTCTGT ACTTGAAGTT GATTTGAAAT 180
```

ATGTAAGANT TGATGATGTA TTGGCAAACA TTAATGTGAA GTAAATNGAA TTNAATGTNG 240  
AAA 243

配列番号 : 215

配列の長さ : 243

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00232

配列 :

GATCGCCAGT GGAAGAAGAT TAGTGCAATC ATTGAGAAGA GGAAGAAGAT GGAAGCTGAT 60  
GGGGTTGAAG TCAAAAGACC AAAATACTAA TCACTAGTTA CAACCAGAGA TGCTCCACAA 120  
GGATATGCTC CCCACGGTTT TCTTTCTACA ATTTCCAAAG GTTGCAAGAT GTTTTTTTGT 180  
GGATGAATAT AAAATTTTAT TGTGTAATTA CTTGGTTCCA TTAAAATTGG TTAAGTTGCT 240  
AAA 243

配列番号 : 216

配列の長さ : 243

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00233

配列 :

GATCGTAGAT GTTAACCAAA TCTACAAAAT CCACTACTCC CCCGTTATCA ACGGGATACG 60  
TTCCAAGACC CCCAGTGGAT GCCTGAACT GGCTAATGCT GAACCCTACA TATACTATGT 120  
TTTTNCTGTA CATATATATG ATAAAGTTTA AATNATAAT NAGGTACAGT AACAACAATA 180  
ACAGTAAAAC AACAGTTATA ACAATATACT GTAATAAAG TCATGTGAAT GTGGTGTTTC 240  
TCN 243

配列番号 : 217

配列の長さ : 242

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00234

配列 :

GATCTTCTCC AGATTGGCAG AAAGTTGATA TAGGTGGACT TTTTACAGG TCAGTTGAGG 60  
CAAAAACTA TGGGTTTTTT CAGGTGAACC TCCCCATTT AAATACTCAG AAGATAAGGT 120  
GTGAATGTAT GTATTATTAG AGTCCTAAAG TATTTTATAA GTACTGGTTT CACCACGCTT 180  
TGTGGGAGAG AAATCATTCA AATCATTTTT TTTGTCCGTA CAATAAAGTT TACTAAAAAC 240  
CN 242

配列番号 : 218

配列の長さ : 238

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00235

配列 :

GATCTTCGTG ATACTGTACA TAGCTGTTG AAATGCCAGA ATGACTTCTG ACATNCCAAG 60  
 TTTTTCACAA AATATATTTN ATCTGTGATT AGCCATTGTA CTAATAATAC TGGCTAACAG 120  
 ATGTTGAAAA AAATTGTCTG TTTTCTCATT AATTTGGTC TAAAACATGT TTGCACTTGT 180  
 NTTTGA CTG TGT TTTATTA ACATTGATTG GCATATTAAA AGTCACTCNG AGCTTAAA 238

配列番号：219

配列の長さ：239

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00236

配列：

GATCCAAANN ATGACTTCAG AAAAACTTG AAAGTAACAG CAGTGCCTAC ACTACTTAAG 60  
 TATGGAACAC CTCAAAA CTG GGTAGAATCT GAGTGTCTTC AGGCCAACCT GGTGGAATN 120  
 TTGTTCTCTG AAGATTAGA TNGGTAGGAT GGCAATCATG TCTTGATGTC CTGATTGT 180  
 CTAGTATCAA TAACTGTAT ACTTGCTTTG AATTCATGTT AGCAATAAAT GATGTTAAA 239

配列番号：220

配列の長さ：250

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00237

配列：

GATCAGAGGT GAAGGGACAG AGAGAGGAGA GGAGGAAGAT TGAGCTGGGG GCAACAGCCA 60  
 AGCTCACCTG GGCAGGTCTC TGCCACCTCC TTGCTCTGTG AGCTGTCAGT CTAGGTTATT 120  
 CTCTTTTTTT GTGGCTATTT TTAATTGCTT TGGATTGT AAATGTTTTT TGTCTTCTGT 180  
 TAAGTGTGTT TTCTCTGGAG ATAGAATGTA AACCATATTA AAAGGAAAAA GTTTCAGACA 240  
 AGCAATTAAA 250

配列番号：221

配列の長さ：237

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00238

配列：

GATCAGCTTT GCTCCTGAAA TTGCATCCGA AGAAGAAAGA AAGGGGATGG TGGCTGCGTG 60  
 GTCCCAGAGG CTGCAGACCA TCTGGAAGGA AGAGCCCATC CCCTGCACAG CCCACTGGCA 120  
 CTTGCGGCAA TAACTCTGTG GCACGTGGGC ATCACGTAAG CAGCACACTA CGAGGCCCAG 180  
 GCGCAGGCAA AGAGAAGATG GTGCTGTCAT GAAATAAAAT TACAACATAG CTACAAA 237

配列番号：222

配列の長さ：243

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00239

配列：



GATCAGTGTA GAACTGGTCA TAGAGGAAGA GCTAGAAATC CAGTAGCATG ATTTTAAAT 60  
AACCTGTCCT TGTTTTGAT GTTAAACAGT AAATGCCAGT AGTGACCAAG AACACAGTGA 120  
TTATATACAC TATACTGGAG GGATTTTATT TTTAATTCAT CTTTATGANG ATTTAGAACT 180  
CATTCCCTGT GTTTAAAGGG AATGTTTAAAT TGAGAAATAA ACATTTGTGT ACAAATGCT 240  
AAA 243

配列番号：223

配列の長さ：232

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00240

配列：

GATCTAATAA CAGGTTGACA TAAGAAATAT TTGTCTCAA AATCAATGTA TTTAATAGTT 60  
GACAGTTACA AATCTCATCA TTGAAAGATT TAATTTTAGT TACCTTTTGT TGATTTANNN 120  
NNNATTGCAT TTGTATATTG CTAAGTATA AGACAAATTG AGTTATTGAG CTATTAANTG 180  
CACATTTTAA TATAANTGCA GAAATCCCAA ATAAATGCT AACATACTGA AA 232

配列番号：224

配列の長さ：237

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00241

配列：

GATCACCGTG ACATCCGAGG TGCCTTTCTC CAAAAGGTAT TTGAAATATC TCACCAAAAA 60  
ATATTTGAAG AAGAATAATC TACGTGACTG GTTGCGCGTA GTTGCTAACA GCAAAGAGAG 120  
TTACGAATTA CGTTACTTCC AGATTAACCA GGACGAAGAA GAGGAGGAAG ACGAGGATTA 180  
AATTCATTT ATCTGGAAAA TTTGTATGA GTTCTTGAAT AAAACTTGGG AACCAAA 237

配列番号：225

配列の長さ：236

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00242

配列：

GATCTTCACT TAANCTAAGT CTGTGAATTA CTTTATATT ATTTTGAAAN ACTCCTTGCA 60  
GTATATTGGC ATGATACAGT AAAAGCANTT TCCACAGATT GTTATCACCT TCTTTAAAAG 120  
AAGTCAAAAT TTAATAAATA CAATAGCAGG TTGTTGGTGT CATATTCAAT AACATTTCCA 180  
ATGCTACATA TAATTTTATA GACATAATAA AGAAGGTATT GAAAAACTA AATAAA 236

配列番号：226

配列の長さ：227

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00243

配列：

GATCGCCACC TACCGCCGCC TGCTGGAAGA TGGCGAGGAC TTTAATCTTG GTGATGCCTT 60  
 GGACAGCAGC AACTCCATGC AAACCATCCA AAAGACCACC ACCCGCCGGA TAGTGGATGG 120  
 CAAAGTGGTG TCTGAGACCA ATGACACCAA AGTTCTGAGG CATTAAGCCA GCAGAAGCAG 180  
 GGTACCCTTT GGGGAGCAGG AGGCCAATAA AAAGTTCAGA GTTCAAA 227

配列番号 : 227

配列の長さ : 205

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00244

配列 :

GATCAGCAAG CAGGAGTATG ACGAGTCCGG CCCCTCCATC GTCCACCGCA AATNCTTCTA 60  
 GGC GGACTAT GACTTAGTTG CGTTACACCC TTTCTTGACA AAACCTAACT TGC GCAGAAA 120  
 ACAAGATGAG ATTGGCATGG CTTTATTTGT TTTTTTTGTT TTGTTTGGT TTTTTTTTTT 180  
 TTTTGGGT NNCCCNNGGT TTAAA 205

配列番号 : 228

配列の長さ : 226

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00245

配列 :

GATCTGCCCA AAGAGGTGTT GGCTGAGCTT NAGGCCCTGG AGAGACGTGT GCACAAAATG 60  
 TNACCTGAGG CCCTAGTCTA GCAAGAGGAC ATAGCACCTT CATCTGGGAA TAGGGAAGGC 120  
 ACCTTGCAGA AAATATGAGC AATTTGATAT TAACTAACAT CTTCAATGTG CCATAGACCT 180  
 TCCCACAAAG ACTGTCCAAT AATAAGAGAT GCTTATCTAT TTAAA 226

配列番号 : 229

配列の長さ : 228

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00246

配列 :

GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCAACTCAA AGACCTGGAA AAATGGCAGA ATAATCTGCT 60  
 TCCATCCCGC CAGTTTGGTT TCATTGTACT GACAACCTCA GCTGGCATCA TGGACCATGA 120  
 AGAAGCAAGA CGAAAACACA CAGGAGGGAA AATCCTGGGA TTCTTTTCT AGGGATGTAA 180  
 TACATATATT TNCAATAAA ATGCCTCATG GACTCTGGTG CTTCCAAA 228

配列番号 : 230

配列の長さ : 308

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00247

配列 :

GATCTGCGAC CATTCTGTA CAACACAAGC TGGCCTTGGC AGTTTCGGTG CATAGAAAAT 60

CAGGTGCTAC AGCTCGAGAG GGCAGAGCCA CAGTCCCTGG ACGGCGTGGA CTGAGGCCGG 120  
 TTCCTTCCTG GAGGCCTCCT GTCCTCGGGG ACCCCAGCAC CTCATCATCA GCATTGCTGG 180  
 AGCCAAGGGT AGGAGCCCTA CACTAGGAGC CCAGGATGGG ACGGNGNATN AGCCGAGAGG 240  
 NAGGGAACCT TTNAGTNAAA TTCCTCAAAA AGAGGNTTAG AATAAANCCT TNGGCTTAAA 300  
 AAGAGAAA 308

配列番号 : 231

配列の長さ : 230

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00248

配列 :

GATCCAAAGA CAGACCACAG ACTGGGAAAA GTTGAAGAT GAACACTTGA GGAATTTCAGC 60  
 TTCTCACCTA CTTAGTACAG TTGGGAACCA TACACTTCTG GCATGTTTGG AAATCAAAAT 120  
 GTCACATTCT CGGGGGAGGA AGCCCAGAAA ATTGGGTATG TTCTAGAGAT TTACCACCAT 180  
 TGCTTATTGC TTTTNCCTT TAATAAAGTT TAGGAAAGTA GAATTTTAAA 230

配列番号 : 232

配列の長さ : 228

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00249

配列 :

GATCTAAAGA TTTCTCTATC CAATGAATCT AACAAAGTCA ATGGAAATTG AACTCTAGAA 60  
 TTGTCTCTAG AAAACATAGC TTCTTACTGA ACTTGAACAT TTTTACAACA TTCCTGGTT 120  
 TTTGTTTTGT TAGCTAATAA TCTATAATAG TTGAGTATCT CTGGGAATGG GGAGGGAAAT 180  
 TATATGTAAT AGAGCTTAAA AATAAAGTGT CAATTTCCAA GGNCTAAA 228

配列番号 : 233

配列の長さ : 221

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00250

配列 :

GATCAATAAG CATGTCAGAC TGATTAATGT CTA CTGTGAA AATTTGGTAG TAAATTTNCA 60  
 TTTGATATTA GATATAATA TCTGAATATA AATAATTTNA ATATACTAGT CATGATGTGT 120  
 GTTGTATTTN AAAAATTATC TGCAACCTTA ATTCAGCTGA AGTNCTTTAT ATTTCAAAG 180  
 AATGAATAAC ATTGATAATA AAATCGCTAC TTTAAGGGAA A 221

配列番号 : 234

配列の長さ : 219

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00251

配列 :

GATCTCTATG AATGTCAGAG CCCTAACTTT CAGGCTTTGC ATTTTGTATA TGGGAAGAAA 60  
TATGACAATC CTAGGTAATT AAACCATAGA CCCAAAGCCC TTACGTTTGA TGCAATTTAT 120  
TTTTAAATA GGCCTTGTTT TTCAGCTTCA TCTGCAGTTC TATGTGAAGA TTGATAAATC 180  
AGTTTTTACT TGTTTTATTA ATAAAACGTA ATTNGGAAA 219

配列番号：235

配列の長さ：287

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00252

配列：

GATCTCCGTT CCGCTCCCAG CGGCTCCAGT GTAAATTCCC CTTCCCCCTG GGGAAATGCA 60  
CTACCTTGTT TTGGGGGGTT TAGGGGTGTT TTTGTTTTTC AGTTGTTTGT TTTTTTGT 120  
TTTTTTTTN CCTTGCCTT TTNCCCTTT NATTTGNGG GAATGGGAGG AAGTGGGANC 180  
AGGGAGGTGG GAGGTGGATT TTGTNATTT TTTAAGCTCA TTTCCAGGGG TGGGANTTTT 240  
TTTTNAANAT GNGNCATGAA NAAAGTTTGT TTTTGAAANT AACCAAA 287

配列番号：236

配列の長さ：222

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00253

配列：

GATCAGAATT GGCAGCACAA AGAAAACGCC CTCTCCTGAC TTGTATTGTG GCAGTCTGAA 60  
CGNCCCAGA AAATTGTGCC AAAGAGTTTA GAAAAATAA TATACAATAA AAGTAAACAC 120  
ATACACACAA AACAGCAAAC TTCAGGTAAC TATTTTGGAT TGCAAACAGG ATAAATTAA 180  
TGTTCAAACA ATCTGATAAA ATAACCATT GGGNCTTGNA AA 222

配列番号：237

配列の長さ：221

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00254

配列：

GATCATCTTT CCTNTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60  
GTGTACTGAG CTGCAACNTC TTACTTCCCT ACTGAAAATA AGAATCTGAA TATAAATTTG 120  
TTTTCTCAA TATTTGCTAT GAGAGGTGA TGGATTAATT AAATAAGTCA ATTCCTGGAA 180  
GTTGAGAGAG CAAATAANGT CCTGAGAACC TTCCAGACAA A 221

配列番号：238

配列の長さ：217

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00255

配列：

GATCAGACGT TTTACAAATN CATGAAGCGA ATTGCTGCTT GTAAGGAGCA GATTTTAAGG 60  
TATTCCTGGA GTGGAGAGCC ACTCTTTTAA ACCTGCCCTA CATCAGANGT CACCGAGCTC 120  
CCAGCCTGCA GCCAGTNTGG AGGCCAAAGG ATATTNNATT TTCANCTTAT GCCAGCNCTG 180  
GTCAGCATGC TCAANAGTGC TANTTTAGGT CTTNCTN 217

配列番号 : 239

配列の長さ : 217

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00256

配列 :

GATCTCTCTG AGTCCTGGCA ACATCCAGCA AAACACTGCTC TTATCTCTCA AAGAATATTG 60  
GGAGCTCTCA ATCCTCGGTG ATATGGGAAA GAGAACTGAG TATTGCCCCT ATGACTGAGC 120  
TTTCTATAGG AATTTTATTA AAGAATGTTT AATTTNGTTG TCCTNCTNAA TGTCTCAGT 180  
CAAATAAATG AGTGAGCTGG TTTCGGCTGC TCTTGGN 217

配列番号 : 240

配列の長さ : 216

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00257

配列 :

GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAAGTTC TGTGGCCACC 60  
ACCTCCTGCT CCTGACCTCC CTGGGAGGTG CTATCAGTCT GTCCTGGCCT TTCAGTTTAA 120  
TAAGTNGNTT CCAGCCCCAG TGTCTGACT TCTNCTGCAN AATAGGAGGG AGGCCTCCTT 180  
TTNGGANGGN NGTACTTTGG GNGATAGTGN GGCCTN 216

配列番号 : 241

配列の長さ : 220

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00258

配列 :

GATCTTTTAA GTTTCCTTCC CTACCCAGTC CCCATTTTCT GGTAAGGTTT CTAGGAGGTC 60  
TGTTAGGTGT ACATCCTGCA GCTTATTGGC TTAAAATGTA CTCTCCTTTT ATNTGGTCTC 120  
TTTGGGGCCG ATTNNGNGAA AGCGAAATCA NTAGTGCAAC TGTTTTGATA CTGAATATTG 180  
ACAAAGTGTCT NTTTNAATA AAGACCCANT CCCTTCCAAA 220

配列番号 : 242

配列の長さ : 223

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00259

配列 :

GATCACTAAT CAATAATCTG ATATTTAACA AAATATGGAC AGGCCACTTA TGCTCAGTTT 60

TACCTTAGTT ATTCCTTGGT ATCCACAGGC CCAAGTCCCT TTAAATAAAA TACCCTCATA 120  
 TTTCCATATA ATCTACATAC ATTCTCCCAT ATACTTTAAA TCATCTCTAG ATTACTNATA 180  
 ATGTCTAATN CAAAATAAAT GCTATGTAAA TGTAATTATT AAA 223

配列番号 : 243

配列の長さ : 216

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00260

配列 :

GATCAACTTA ATTCCTTTTC TTTATCTTCC NTCCCTCACT TCCCTTTTCT CCCACCCTCT 60  
 TTTCCAAGCT GTTTCGCTTT GCAATATATT ACTGNNTAAT NAGTTGCAGG ATAATGCAGT 120  
 CATAACTTGT TTTCTCCNAA GTATTTGAGT TCAAAACGCC NGTATCTAAA GAAATACGGT 180  
 TGGGGTCATT AATAAAGAAA ATCTTTCTAT CTAAAA 216

配列番号 : 244

配列の長さ : 212

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00261

配列 :

GATCTCAGAA CAATCAGATG CAAAGCTGAA AGAGATTGTA ACAAATTTCT NTGGCTGGAT 60  
 TTGAAGCTTA AACTCCTGTG GATTACATC ANATACCAGT TCAGTTTTGT CATTGTTCTA 120  
 GTAAATTAGT TCCATTTGTA AAAGGGTTAC TCTCATACTC CTTATGTACA GAAATCACAT 180  
 GAAAAATAAA GGTTCATAA TGCATAGTTA AA 212

配列番号 : 245

配列の長さ : 221

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00262

配列 :

GATCCATCTG CCTTTGTGGC TGCTGCCCCCT GTGGCTGCTG CCACCAACAG CTGCTCCTGC 60  
 TGCTGCTGCA GCCCAGCTAA GGTTGAAGCC AAGAAAGAGT CGGAGGAGTC GGACGAGGAT 120  
 ATGGGATTTG GTCTCTTTGA CTAATCACCA AAAAGCAACC AACTTAGCCA GTTTTATTTG 180  
 CAAAACAAGG AAATAAAGGC TTA CTCTTT AAAAAGTCAA A 221

配列番号 : 246

配列の長さ : 214

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00263

配列 :

GATCCCATTG GAAGGAATGC TCTACCTCAC AGAACTCTGA ACCCTACAGA AATATGGGCC 60  
 TGCTGCCATT TCCTGAAGAC CGGGGCATCG GGGTGGGGTG ATAAAGGATA CAACCTGCAC 120

AGGGGGAAGT TATTAAAGAG GCTGCAAAGT CCAGCCACCC TGAAGATACT CCCCAGTGCT 180  
CCCCCTCCTGC TAAAGAACCA GTTACCCCAG GAAA 214

配列番号 : 247

配列の長さ : 208

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00264

配列 :

GATCCTCAAC TATTGGAAT NATGGACTGG TGGCCCTGGT ACAGAACCAT GACTGGCTGC 60  
TGAATTCTGA AAACCAGGAC TTGGTTCAAC ATTTAAATTT GATAGTTGCC CTGATTCCCA 120  
TTTTGGGTTT GTGAAAAGTG TATGTATTTA AATTTGCTGT AAAACATAAT CACTAATAAT 180  
ATGCAATAAA TATTTCTTG AAGGGAAA 208

配列番号 : 248

配列の長さ : 208

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00265

配列 :

GATCTGTGGG AGGAATGGCA AGAGAAGCAA CCGGACCCTG AGAGAAGAGT GTTAAGGAAC 60  
CTGCGCATGT GGTTAGCTTG ACCTTTCTGT TGGGCATGAC ATGGGGTTTT GCATTCTTTG 120  
CCTGGGGACC NTTAAATATC CCCTTCATGT ACCTCTTCTC CATCTTCAN TTCATTACAA 180  
GGTAAGATAA ATTGTACATG AATAGTCN 208

配列番号 : 249

配列の長さ : 201

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00266

配列 :

GATCAAATAT CACTAAATAC TTAAATTGT TTTACTTAAG AGTCTAATCT GGGAAGTTTT 60  
CAAATCATAC TATTAATGTG TAATCTAAGC TCTTCAGATG TATCCATGAA TAATCCTGGA 120  
ACAATATTGC TTGTATTCCT GTCATAGAAC AGGTTTTGTA ATCTTTAAAA GAAATGAAAA 180  
TTTATATAAT AAAGTTTCAA A 201

配列番号 : 250

配列の長さ : 211

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00267

配列 :

GATCACCTTG GTGTTCTTG TTTGGAAGAT TATTTCTCT GAATTTCTGG GCTTGGTCTT 60  
CCAGTTGGCA TTGCCTGAA GTTGTATTGA AACAAATTAN TGAAAATATT AAATATTTGG 120  
TTTCAAAAGG CAGATTTATC TTCTCCCAAC ATTCTGTTAT TTCTGATACT TTTGAAAAAC 180

TAATAAAAAT TAATAAAGA CATGAACTAA A

211

配列番号 : 251

配列の長さ : 208

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00268

配列 :

```
GATCCAAGAA AACGCCTCAC TGCCTTAACC TTAAGTGTTC TTCCTGGCGC TAAAAAGAGC 60
TGTATTTTTT AAAGTGCTGG GGCAAACAAA GNANCCCCAA AAGAGTTGAT GTGTGTTTTA 120
AAAGNAAAAA CCCAATGAGG AACAATTGGA GATTTTATG CAGAACTAA ATAATCCTTA 180
ATAAATAAAT CTCTATTTTG GAATCAAA 208
```

配列番号 : 252

配列の長さ : 205

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00269

配列 :

```
GATCTTCTAA AAAAGGAACA GAAAATGGTG TGAATGGAAC ATTAAGTCA AATGTAGCAG 60
ACTCTCCCG GAATAAAAAA GAGAAATCTT CATAATGAAT TATAAGTCA TTGATTAATG 120
TCCCCAAGA AATCTGCTTT CTACTATATC TTTCAGCATT AGAGATTTTC CTGTTCTNGA 180
AAATNCAGTC TGTGCTCTTT GATTN 205
```

配列番号 : 253

配列の長さ : 212

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00270

配列 :

```
GATCTAGGCA AAGAAGAATA CAAATNAAAC CCCNTTCTTT CTCGTTTCN GTCCAACAAC 60
TCTGTAGAGC TCTCTGCACC CGTTACCCCT TTCCACCTTT TGTATTTAAT TTTAAAGTCA 120
NGTGTACNTG CAAGGAATGC TGGATGCAAG ATAGATACTA TATTAACTG TACTGTTATT 180
TAAGATGTAA TAAAGCAGTT TGACATGAGA AA 212
```

配列番号 : 254

配列の長さ : 209

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00271

配列 :

```
GATCTAAGAT GATTATTTTG TAAAGACTT TCTAGTGTAC AAGACACCAT TGTGTCCAAC 60
TGTATATAGC TGCCAATTAG TTTTCTTTGT TTTTACTTTG TCCTTTGCTA TCTGTGTTAT 120
GACTCAATGT GGATTTGTTT ATACACATTT TATTTGTATC ATTTATGTT AAACCTCAAA 180
TAAATGCTTC CTTATGTGAA AAAACAAA 209
```



配列番号 : 255

配列の長さ : 197

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00272

配列 :

```
GATCTGCCAG CAGTGTCTT GCAATATGAG GAAGACAGTT ACAGCCACAT TATGGCTCTC 60
ATTGAACAGT ACGCAGCACC CCTGCCCCCA GCCGTCTTTC TGGGGCTTGC GCGCAAAATC 120
TACAAGCGGA GAAAGTGACC TAGAGATTGC AAGGGCGGGG AGAGGAGGCT CTCAATAAAT 180
AATCGTGTA CCTTAAA 197
```

配列番号 : 256

配列の長さ : 196

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00273

配列 :

```
GATCTATCAC CTGTAATCAT AACTGGCTTC TGCTTGTAAT CCACACAACA CCAGGACTTA 60
AGACAAATGG GACTNATGTC ATCTTGAGCT CTCATTTAT NTTAACTGTA ATTTATTTGG 120
AGTGGAGGCA TTGTTTTNAA GAAAAACATG TCATGTAGGT TGTCTAAAAA TAAATGCAT 180
TTAACTCAT TTGAAA 196
```

配列番号 : 257

配列の長さ : 196

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00274

配列 :

```
GATCTCACCA GGAGAAATGA ATATGTGAGG TGATGGATGT AACTAGCTTG ATTGTGGTAA 60
TCAATTCGC AATGTGTACA TATATCAAAA CATCACATTG TACAAAATAC ATACAGTTTT 120
TGTC AATTTA AAGATATCAG AATTCTAGAA TATGATAAAG TTGTGTTTTC AAGCAAGTAA 180
AGATAGNTTA CTAAA 196
```

配列番号 : 258

配列の長さ : 197

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00275

配列 :

```
GATCAGATTT TNCATTTTTN AATGTTCCGT GTTTTCTTAA GTAGCATGTA TGACATTTAT 60
AATNTTAAAA AATNTTTTAA AATATGTGTA TGATACATAT TTTCNATTGT CTTAGGGCAG 120
GCTTTTGAAA ATNTCAGCCT GTAGCCAAAT GCAAGATTTT CTCCATCCTT TAATAAAAAAG 180
CACACTGAGA AATCCTN 197
```

配列番号 : 259

配列の長さ : 199

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00276

配列 :

```
GATCTCTGTC TTGAGTTTCT CCTTCCCCAT CAGCTGAAGC ACTCTTCAGA GACTACGTCC 60
ACAGACACTG ATGCTGAGGC CTCCCTGGAG GAAGGAGGGT TAGGGGTGCC TATCCTCAAG 120
TATTGGAAGA GCAGAATTGA GGGAGAGACC TTTCTTCCTT GTTGAGGGTG AAAAATAAAT 180
ANGAATTACA TGTCTAAA 199
```

配列番号 : 260

配列の長さ : 197

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00277

配列 :

```
GATCAAGAAG GCTGGAACGG AACTGGTTAA CTTCTTGAGC TATTCGTGG AACTTGAAC 60
ACAGCCTGCC ACCCAGTGAA GTGTCCAGAC CATTGTCTTC CAACCCAGC TGGCCTCTAG 120
AACACCCACT GGCCAGTCCT AGAGCTCCTG TCCCTACCCA CTCTTTGCTA CAATAAATGC 180
TGAATGAATC CNNA 197
```

配列番号 : 261

配列の長さ : 195

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00278

配列 :

```
GATCTGAGTC AGTCGGAATT TGTGAAACAG GGTAGCAAAC AAGATATTTT ACTTCCATGT 60
ATACAATAAT TTTTAAAN NNTGCAATTT GCGTTGCAGC AATCAGTGTT AAATCATTG 120
CATAAGATTT AACAGCATTT TTTATAATGA ATGTAAACAT TTAACTTAA TGGTACTTAA 180
AATAATTTAA AAGGN 195
```

配列番号 : 262

配列の長さ : 193

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00279

配列 :

```
GATCTAGTGT AATGGAAGAC CTTGAGAAC CTGGGTGTAT TAACTTTGTG TATATAGTGT 60
AAATATCCCC ACTGTACTGT TAGAGGCCAA CAATTCTAGT ATGGCTTGTT GGCAAAGAGT 120
GCTACACCGT TTCAATGAAA CAATGTATGT TTGTTTTAAC TGAACAAAA TAAATACATG 180
CTTAATCCTG AAA 193
```

配列番号 : 263

配列の長さ：196

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00280

配列：

```
GATCCCTGGG ACCAACCGCA TCCTCAGCTT CTTCCCGAG AAATGCTGGA GCAGGCTGTT 60
CAGACCGACG TTGCCATCAA AACACATACA CCCAGAAAGA AACAACAGAA ACCAAAACTC 120
ACAAGGCGCA TGATTACTTG TTTTATATTT CATGTTGGGT TTTCCCTCCC ACTATTAAAC 180
AGTCTGTTTC CGTAAA 196
```

配列番号：264

配列の長さ：192

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00281

配列：

```
GATCTGTAA AAAAGAAATC TGTTCACA GATGACCGTG TACAATACCG TGTGGTGAAA 60
ATGAATTCAG ACTTATAAA TGATGAACTT GTTAAATCTN CTCAGTGTCT ATTTATCAGC 120
ACAATACACA CAGGAGANCT GTTGATGGCA TATTGAATAG ATTTNCCTGA ATAANTTGCT 180
CTGGAAACCA AA 192
```

配列番号：265

配列の長さ：189

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00282

配列：

```
GATCCTCGTC TTACAGCGAA TGGTTTCAAG ATAAAATTGA TACCAGGAGT TTCAATTACT 60
GAAAATTACT TGGAAATAGA AGGAATGGCT AATTGTNTCC CATTCTATGG AGTAGCAGAT 120
TTAAAAGAAA TNCTTAATGC TATATTAANC AGAAATGCAA AGGNNGTTA TGANTGTNGA 180
CCTCGCANN 189
```

配列番号：266

配列の長さ：188

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00283

配列：

```
GATCTTTTGT ACTTTAGGAC ATTAAATTGT ACAACTTTTG TATATATAAA AGCTTAGGAA 60
CTTTCTGTTT AGCAGGAAGG CAACACATTC CTACACTTTT AATGTATATG TTTGTTATAA 120
TGTCATGTA AACATGCCCT ATGTTTGTGC CTTTAAATTA GTTTGTCTCA ATAAACAAAA 180
TGTAGAGN 188
```

配列番号：267

配列の長さ：206

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00284

配列：

```
GATCCTGAGA ACTTGAATT CCTTGTA ACT GGAGCTCGGA GCTGCACCGA GGGCAACCAG 60
GACAGCTGTG TGTGCAGACC TCATGTGTTG GGTTCCTCCT CCTCCTTCCT GTTCCTCTTA 120
TATACCAGTT TATCCCCATT CTTTTTTTTT TCTTACTCCA AAATAAATCA NGGCTGCAAT 180
GCAGCTGGTG CTGTTTCAGAT TCTAAA 206
```

配列番号：268

配列の長さ：190

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00285

配列：

```
GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAAA GCGCCANCGT 60
GCTCCACCCA GAGAAGCACA CTTTGTGAGA ACCAATGGGA AGGAGCCTGA GCTGCTGGAA 120
CCTATTCCTT ATGAATTCAT GGCATAATAG GTGTTAAAAA AAAAANTAAA GGGCCCTCTG 180
GGGCTACAAA 190
```

配列番号：269

配列の長さ：189

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00286

配列：

```
GATCAAGATA TTAAATNTC GGATTATCT TTCCCATAT CCAAGTACCA ATNCTGTTGT 60
AAACAACGTG TATAGTGCCT AAAATTGTAT GAAATCCTT TTAACCATT TAACCTAGAT 120
GTTTAACAAA TCTAATCTCT TATTCTAATA AATATACTAT GAAATAAAAA AAANNGNTTG 180
AAAGCTAAA 189
```

配列番号：270

配列の長さ：189

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00287

配列：

```
GATCTTGTGT ATTGAGCTTA TTGTTGAAAG GGATTTTGA AGGACAGAAC AATTACTGCA 60
TGATGAATCT TCCTNTCTCT GCCTTCTGAG CACCGNCTTT AATTTCCATA TCTTCAAGTC 120
TTGAAGAAGT TGATGTTAAT TGAAGAATTC ACTGTCTGG TTGAAATAAA GCCTGTTTCT 180
GTTGTGAAA 189
```

配列番号：271

配列の長さ：186

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00288

配列：

```
GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTGAGA GTTATAAACT GAGAGTGACG TCACTTCAGC 60
CAGAACATAT TCTCCATACT CTGCATATAA TTTGTGGCTG CAGAAATTG TAATTTGTTG 120
CACACTATGT AACAAAACAA CTGAAGATAT GTTTAATAAA TATTGTACTT ATTGGAAGTA 180
ATATCN 186
```

配列番号：272

配列の長さ：185

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00289

配列：

```
GATCTAAAAT GTCAGCATCA TGCAAAGTGC ACGATATATA GTGAATTTNG CTCTAAAAGA 60
GCATGAACAA GTCTTTCTAA TGTTTTGTAC AGTGCCTGGC ACTCTGTGGG TGCTCAATAA 120
ATGGATAGGA GTTTTCATTT GAAGGATATT TGAATTTTAA AAATAAAGTG TTTTATTCCC 180
NTAAA 185
```

配列番号：273

配列の長さ：184

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00290

配列：

```
GATCTGGTCA CTGTGGTTCC TGCATGAAGA CAGTGGCTGG CGGTGCCTGG ACGTACAATA 60
CCACTCCGC TGTCACGGTA AAGTCCGCCA TCAGAAGACT GAAGGAGTTG AAAGACCAGT 120
AGACGCTCCT CTA CTCTTTG AGACATCACT GGCCTATAAT AAATGGGTAA ATTTATGTAA 180
CAAA 184
```

配列番号：274

配列の長さ：185

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00291

配列：

```
GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTAGAG TTATAAATGG AAANATTACA CTATCTGATT 60
AATAGTTTCT TNATACTCTG CATATAATTT NTGGCTGCAG AATATTGTAA TTTGTTGCAC 120
ACTATGTAAC AAAACAAC TG AAGATATGTT TAATNNATAT TGTACTTATT GGAAGTAATA 180
TCAAA 185
```

配列番号：275

配列の長さ：188

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00292

配列：

```
GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCCTGCTG GTAGCTGACC CTCGTCGCTG 60
CGAGTCCAAA AAGTTTGGAG GCCCTGGTGC CCGCGCTCGC TACCAGAAAT CCTACCGATA 120
AGCCCATCGT GACTCAAAAC TCACTTGTAT AATAAACAGT TTTTGAGGGA TTTTAAAGTT 180
TCAAGAAA 188
```

配列番号：276

配列の長さ：182

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00293

配列：

```
GATCGGGNTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT NGTCATCGTG 60
AAGGCCAAAT NCTTCAGCAG AAGAGCTGAG GAGAAGATTA AGAGTGTGG GGGGGCCTGT 120
NTCCTGGTGG CTTGAAGCCA CATGGAGGGN GTTTCATTAA ATGCTAACTA CTTTNCCTA 180
AA 182
```

配列番号：277

配列の長さ：195

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00294

配列：

```
GATCCAGCCA GAGGATGCCA CGCCAGCCCA GCGCTACCAG GCTGCCCAAG GGGGGCGGGC 60
CTGGGAAGAG CCCTACACGG GGCAGCACCT AGGATGGGGC AGAGACTTGT TGCATCTTTG 120
TCCCCAGCAA AGGCTACATG TTACCTCCTT CAATTGATAA TAAACCTTTC TGAGATGCAG 180
AGGGTCCAGG TCAAA 195
```

配列番号：278

配列の長さ：327

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00295

配列：

```
GATCCCATTA ACTCGATGCT GAGTATCTAC ATGGATACAT TAAATATATT TATGCGAGTT 60
GCAACTATGC TGGCAACTGG AGGCAACAGA AAGAAATNAA GTGACTCAGC TTCTGGCTTC 120
TCTGCTACAT CAAATATCTT GTTAAATGGG GCAGATATGC ATTAAATAGT TTGTACAAGC 180
AGCTTTCGTT GAAGTTTAGA AGATAAGAAA CATGTCATCA TATTTAAATG TTCCGGTAAT 240
GTGATGCCTC AGNCTGCCT TTTTCTGG AGAATAAATG CAGTAATCCT CTCCCCAAAA 300
AAAAAAAAAN NNNNNNTNN NNNNNN 327
```

配列番号：279

配列の長さ：183

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00296

配列：  
GATCCAAATC CTCATCTTAC TTTCCCGACC TTAAGGATGT AGCTGCTGCT TGTCTGTTC 60  
AAGTTGCTGG AGCAGGGGTC ATGTGAGGCC AGGCCTGTAG CTCCTACCTG GGGCCTATTT 120  
CTACTTTCAT TTTGTATTTC TGGTCTGTGA AAATGATTTA ATAAAGGGAA CTGACTTTGG 180  
AAA 183

配列番号：280  
配列の長さ：180  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00297

配列：  
GATCAAAGTG GCTGCAGCAG AGTTAGCTGT CTAGCGCCTA GCAAGGTGCC TTTGTACCTC 60  
AGGTGTTTTA GGTGTGAGAT GTTTCAGTGA ACCAAAGTTC TGATACCTTG TTTACATGTT 120  
TGTTTTTATG GCATTCTAT CTATTGTGGC TTTACCAAAA AATAAAATGT CCCTACCAGN 180

配列番号：281  
配列の長さ：180  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00298

配列：  
GATCACATGA TTTTGTCTCT CAGTCTATT AATGTTCTTG GATTCTGTTC AATGTTCTGT 60  
TCACATTGCA GAAAAAGCAT TTGACAAAAT AATTTAGTA GCTGCTGAAA AAGCATTGA 120  
TAAATTCAG CATACCTTTA TGATACAAA AACCTTCAAT AACTGGGTA TATATGNACN 180

配列番号：282  
配列の長さ：178  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00299

配列：  
GATCTTGAAT TATTTATAAA CTGGAAAGTG GTTTGATTAT TGTGAGTCAA AACTCTAAGT 60  
GGTTAAAAAT TAGTATGAAT TTTTAGCTT CTTAATGAAT ATGGATTAA AACTCTCCAG 120  
TTCTTATTTT ATGAAATGAC TTGCCTTTCT GGTAATACAA TGCTGATTTT TTAGTAAA 178

配列番号：283  
配列の長さ：182  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00300

配列：  
GATCCCAAAT ATGAAGTCAT CGAAAAACCC CAGGCCTGAA GAAATAAAGT AAAAAATNAAT 60

CTGGTAATTT GTCACGGATT AGTTGTACAA CTAGTTAGAA GTTTCAGAAT AACATGCAT 120  
TTCATAACTG TCAAATGTTC TTTAATTCT GAGTCCAAAT AAATTATTTG GTGATGTTGA 180  
AA 182

配列番号 : 284

配列の長さ : 179

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00301

配列 :

GATCTCTGAG TGAGAGGGAA ANAGGTCAGA TTTATACAAC TGAGCGCCAG AGGGGAAAAAT 60  
GCACCTTGTT GGAGTGAGAA ATGTTCTGAA ACTGAATTAC TTCTTGTAACA GCTGAGATAG 120  
CTTCTCTGA ACTATTATTA AATAAGTGAA TACAAAGGCC CTATGATGGG AAATCCAGN 179

配列番号 : 285

配列の長さ : 201

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00302

配列 :

GATCACCTGT TTGAAACCAT CTCCAAGCC ATGCTGAATG CTGTGGACCG GGATGCAGTN 60  
TCAGGCATGG GAGTCATTGT CCACATCATC GAGAAGGACA AAATCACCAC CAGGACACTG 120  
AAGGCCCGAA TGGACTAACC CTGTTCCCAG AGNCCACTTT TTTTCTNTT TTTGANATAA 180  
AATAGCCTGT CTTTCAANAA A 201

配列番号 : 286

配列の長さ : 176

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00303

配列 :

GATCGGAGAT GCTTTGTAAT CTA CTGTGCTCA GCTGGAAACA GCTCATGTTA CGCGGAAAAA 60  
ACTACAAGTA ATGTTCAAAT CTATTTTGGG TCATTTTAT GTACCTTTGG GTTCAGGCAT 120  
TATTTGGGGG GTTTTGTTTC CAAAGGAACCT AAATAAAGTC ATATTGCTTA TAGAAA 176

配列番号 : 287

配列の長さ : 176

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00304

配列 :

GATCTTTGCT GGGAAACAGC TGTGAAGATG GACGCACCCT GTCTGACTAC AACATCCAGA 60  
AAGAGTCCAC TCTGCACTTG GTCCTGCGCT TGAGGGGGGG TGTCTAAGTT TCCCCTTTTA 120  
AGGTTTCAAC AAATTTTATT GCACCTTCCT TTCAATAAAG TTGTTGCATT CCCAAA 176



配列番号 : 288

配列の長さ : 176

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00305

配列 :

GATCCGCAAG ACCAAGTACC GCCCCGACCT GCGCATGGCA GCCATCCGCA GGCCAGCNTC 60  
ATCCTGCGCA NCAGAAGCCT GTAATNGTGA AGAGGAAGCG GACCCGACCC ACCAAGAGCT 120  
CCTGAGCCCC CTGCCCCCAG AGCAATAAAG TCAGCTGGCT TTCTNACCTG AAGAAA 176

配列番号 : 289

配列の長さ : 175

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00306

配列 :

GATCTCAAAA CACAGTGAGA GGTCTGAAGG CTGGCTTCTG AAGAATCCCT GATGTCTTAT 60  
TGGAACAACC ACTGAGCTAC GGAGAGCTCT GCTGTGATGG GCTAGGCACT TTATATCTGT 120  
GTGAATACAG ATTTATAAAA CAGGTTAATA AACTTATCCA AGGTCACATT TCAA 175

配列番号 : 290

配列の長さ : 165

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00307

配列 :

GATCTGAATT CTTTATGTAT ATTTGTAGCT ATATTCATA CAAAGTGCTT TAAGTGTGGA 60  
GAGTCAATTA AACACCTTTA CTCTTAGAAA TACGGATTCTG GCAGCCTTCA GTGAATATTG 120  
GTTTCTCTTT GGTATGTCAA TAAAAGTTTA TCCGTATGTC AGAAA 165

配列番号 : 291

配列の長さ : 186

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00308

配列 :

GATCATTCTT TCTGTAGCTC AGGAGAGCAC CCCTCCACCC CATTGCTCG CAGTATCCTA 60  
GAATCTTTGT GCTCTCGCTG CAGTTCCCTT TGGGTTCCAT GTTTTCCTTG TTCCCTNCCA 120  
TGCCTAGCTG GNTTGCAGAG TTAAGTTTAT GATTATGAAA TAAAAACTA ACTGACAATT 180  
NTCAA 186

配列番号 : 292

配列の長さ : 175

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS00309

配列：

GATCTTGTA AAAATTTTGA TGAGGCATCA AAGAATGAAG CTAATAAAA GTTTGGTTTT 60  
TGGAAGCTGG CATGGACTAG ATTTAACAAA TCAGCTATGT GGTTCCAAAG TTTTACAGAC 120  
ATGGAGAACA TCACCTGTGA CTAGTTCAGT AATATAAATA TTTTGTATAT TAATN 175

配列番号：293

配列の長さ：406

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00310

配列：

GATCAGATTA CCAGGAACAT CAGGAGTGGA TTCCTGCCCC AACCAAACCG CATTTCGTGTG 60  
GATTTTTTTA TTCAACTTAA TTGGCTATTC CAAAGATTTT TTTTTCCTA TTTTGTACGA 120  
TTGGNGCCCT TAAGATGCAC GATGGAATTG TGTTTTNCGT TTTTNGGTAA AAGGAGCAAA 180  
GCGNGGNCCT GGAGATAAAC GCTGGAGCAA TCTCCTTGGA AGGATTCAGC ACGAGTAGAT 240  
GGTAAACATT TAAAGGGGAA AGGGGGGTTT GTTTAAAATA GTAAATCAGT AAGTCACTTC 300  
TAAATTTAAA GAAACCAAAA TTGGGAGTTG AAGAATAAGT AGGGTTTCCA ATTGGGCTAT 360  
TGCCGNTTNN CTTTGNAAAA ATTAAACCAT TTTTAAAAA CCTAAA 406

配列番号：294

配列の長さ：218

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00311

配列：

GATCCCATAG ACCAGAGCCC ACCTTTTNN TAACTTAGT AAAGTCTTNG AGACTAGAAG 60  
CAAGATAGTT TGTGACACAT AAGCTTCCCA AAAACTNGAA TAGATTTTNA CTGAATAGTG 120  
GTCTATCTGA TGGTATATGT TTCTTAAAGG TCCAANTGTA ATAAAAAAA TTGAAAAANA 180  
GGTCTCAGTG TTTTNAATGC ACTNCATATT TGTNTGCN 218

配列番号：295

配列の長さ：176

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00312

配列：

GATCCACCAA GCACGCCTAT NAATACAAAG TAACTATNA TTTTATTGT GAAATTTTCA 60  
TAGATGGAAA ATTGAATATN CTGTCCATTT CATTTTACAA TNATCTTACC ACTTATTTTT 120  
GTACCATGTA TTTCAATTGC CTGTTTAGTG AAAAAATAAA ATTAAAAAAA CCTAAA 176

配列番号：296

配列の長さ：172

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名 : HUMGS00313

配列 :

GATCCCAGCA AGATAATGTC CTGTCTTCTA AGATGTGCAT CAAGCCTGGT ACATACTGAA 60  
AACCCTATAA GGTCTGGAT AATTTTGTG TGATTATTCA TTGAAGAAAC ATTTATTTTC 120  
CAATTGTGTG AAGTTTTTGA CTGTTAATAA AAGAATCTGT CAACCATCTA AA 172

配列番号 : 297

配列の長さ : 173

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00314

配列 :

GATCGGTGAC ATCGTCAAGA TGGGCGAGTG CCGGCCTCTG AGCAAGACAG TCGCTTCAA 60  
CGTGCTCAAG GTCACCAAGG CTGCCGGCAC CAAGAAGCAG TTCCAGAAGT TCTGAGGCTG 120  
GACATCGGCC CGCTCCCCAC AATGAAATAA AGTTATTTTC TCATTCCCAG AAA 173

配列番号 : 298

配列の長さ : 167

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00315

配列 :

GATCGTTTCC AGATGAGAAT TCACAAGCGA CTCATTGACT TGCACAGTCC TTCTGAGATN 60  
TGTTAAGCAG ATTACTTCCA TCAGTATTGA GCCAGGAGTT GAGGTGGAAG TCACCATTGC 120  
AGATGCTTAA GTCAACTATT TTAATAAATT GATGACCAGT TGTAA 167

配列番号 : 299

配列の長さ : 171

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00316

配列 :

GATCTGGTGG TGGAAGTGGT GGATATGGTA GCAGAAGGTT CTAAAAACAG CAGAAAAGGG 60  
TTGAATGAGA ACCCTACTTG CCTAAATNAG GAATGTCTTT CCTACCATCT AAAATACGAA 120  
GGTTTCTGGC TGGGTAAGGT TTGTAGTTGA CAGTAAACC TGATGACACC N 171

配列番号 : 300

配列の長さ : 176

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00317

配列 :

GATCCGAGTG TGATTTGAAT TCTGTGATAT TTTCACACTG GTAAATGTGA CCTCTATTTT 60  
ACTTACTGCT ATAAATAGGT TTATATTATT GATTCACCTA CTGACTTTGC ATTTTCGTTT 120  
TTAAAAGGAT GTATAAATTT TTACCTGTTT AAATAAAATT TAATTTCAAA TGTA 176

配列番号 : 301

配列の長さ : 169

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00320

配列 :

```
GATCTTTGTT TTGTGTTTAA CCATAATGGT TGTGTACTGA ACCACTTCAT ATTTGTAATA 60
TATAATATAT ATATATNNGN TNCCCTNAAG ACTCAGCCTC CTGGTTTACC CCCCCGGCCT 120
GGGCATCTNA CCTCCCCAC CCCAGTGTGA TTAAACATCC NNGNACTGN 169
```

配列番号 : 302

配列の長さ : 174

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00322

配列 :

```
GATCTAGCTC TGAATGTATG TTTCTGACG TTTTACATTT CCACTTTCCT ATTCCATTCA 60
TTAAGCTAGC CAACAATCCA CCATCCTTTA AAGATTGTTC TCATAACTGA AAAAAACCA 120
CATAATCTAA ATAGAGCAAA GCTACAAGAA ATAAATTTAT TTAAACGCAA GAAA 174
```

配列番号 : 303

配列の長さ : 177

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00323

配列 :

```
GATCCTAGCA TATGTTAAAA TTCAAATTAA TGTA AACAG ATTAACAACA ACAAAGAAAC 60
TGTCTATTTG AGTGAAGTCA TGCTTTCTAT TATAATAACT TGGCTTCGGT TATCCATCAA 120
ATGCACACNN ATACTGTTAT CTGATTGTTT ATAATAAGA ATACTGTACC TNNTAAA 177
```

配列番号 : 304

配列の長さ : 167

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00325

配列 :

```
GATCAGATGG TTTTAGTATT GTGGCAGAAG CGAGAAACT TTGTTTATTG AAAAAAAAAG 60
AAAAAGAAAG CAAGAAAAAA AGATACTATG GGGTCAAGTG TAACTCCATG GAAATGCCAC 120
GTCTGCTCTT CAGTGAAGAA GCTGGTTTAG AGTCTCACAG AAAACTN 167
```

配列番号 : 305

配列の長さ : 170

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00327

配列 :

```
GATCGCTCAC AATNTTTCCT CCAAGAACCG CAAAGCCATC GTGGAAAGAG CTGCCCAACT 60
GGCCATCANA GTCACCAACC CCAATNCCAG GCTGCGCAGT GAAGAAAATA AGTAGGCAGC 120
TCATGTGCAC ATTTTCTGTT TAAATAAATG TAAAACTGC CATCTGAAAA 170
```

配列番号 : 306

配列の長さ : 171

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00328

配列 :

```
GATCGGGAAT GGTCTGTGTG TTATCAGCTG CGACTGGTTC ACTGCGNCTT AGACAAGCCT 60
CATGGGGACT GGGGATTCTG GCCAGTGTA TTTCTGTCAA CCACGGACGT TTGCCTTCAT 120
GTGTAGAATT TACTGTTGTT ATGCAAATTA TATTTCAAT TATAAATGAA A 171
```

配列番号 : 307

配列の長さ : 164

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00329

配列 :

```
GATCAGACAG AATAATATTT NCTAGTTATT ATGTGTAAGA TGAGTTGCTA TTTTCCTAAT 60
GCTCATTCTG ATACAACTAT TTCCGTGTC AAATATCTAC TGTGCCCAA TGTACTCAAT 120
TTAAATCATT ACTCTGTAAA ATAAATAAGC AGATGATTCT TAAA 164
```

配列番号 : 308

配列の長さ : 261

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00330

配列 :

```
GATCCCCGCC CTGGGGTCTG GTCCTCGCCC ATCCTGCAGG GATTGCCCAC CGTCTTCCAG 60
ACACCCACCC TGAGGGGGGC ACCAGGTTTA GTGCTGCTGC TTTCAGTNT GCACCCGCGC 120
CCTCGGCCGG CCCCCGAGC AGCCTTTGTA CTCTGCTTGC GGAGGGCTGG GAGACCTCC 180
AGGACATTCC CACNNTCNCC CATGCTGCCA AGTTNNNNCT ATAGCTACAA ATAAAAAAA 240
ACCTTGTTTT CAAGAAATAA A 261
```

配列番号 : 309

配列の長さ : 163

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00331

配列 :

```
GATCGAGTCA AGATGAGTTA GTGGAGCTGG GCTTGCCAG GGAGTCTGGG GACAAGGAAG 60
```

CAGATTTTCC TGATTCTGGC TCTAGCTTCC CTGCCAAGAT TTTGGTTTNN ATTTTTTTAT 120  
TTGAACTTTA GTCGTGTAAT AAATCACCA GTGGCAAACC AAA 163

配列番号 : 310

配列の長さ : 165

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00332

配列 :

GATCATGCTG CTGTGATACT GAGTTTTCTA AACAGCATAA GGAAGACTTG CTCCCCTGTC 60  
CTATGAAAGA GTATAGTTTT GGAGGGGAGA AGTGGGACAA AAAAGATGCA GTTTTCCTTT 120  
GTATTGGGAA ATGTGAAAAT AAAATTNTCA ACTCTTTCAG TTAAA 165

配列番号 : 311

配列の長さ : 164

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00333

配列 :

GATCTCAGTT TCCTGGCTTT TCCTCCCTCA GCCCCTTCTC ACCCCTTTGC TGTCTGTGT 60  
AGTGATTTGG TGAGAAATCG TTGCTGCACC CTCCCCCAG CACCATTAT GAGTCTCAAG 120  
TTTTATTATT GCAATAAAAG TGCTTTATGC CGGCTTTTCT CAAA 164

配列番号 : 312

配列の長さ : 337

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00334

配列 :

GATCATTGAA TGTGAGACCC TTCTAACATG ATTTGAGAAG CTGTACAAGT ATAGGCAGAG 60  
TTATTTTCTT GTTTACATTT TTTTTTTGTT TTGGGGAAAA AATTGGTAGG TGTCTAATNA 120  
CTGTTTACTT CATTGTTATA TTGCAGTAAA AGTTTTAAAN CANCCATTGC ATGTTNGCTT 180  
TTGATGTATC CCTTGNAGAA ATTAGCACTT TTGGGGCCAN TGGNGAAATG CAGCATTAC 240  
TCTCCCTGTC TTTTCCCTT CCCTCAGCAG AAACGTGTTT ATCAGCANGT CGTGAGTCAA 300  
ACTGCTGCCT TTTAAAAANC CCACAAANTT GNTNNGN 337

配列番号 : 313

配列の長さ : 176

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00335

配列 :

GATCCGCCGT CACTGGGGTG GCAATGTCCT GGGTCCTAAG TCTGTGGCTC GTATCGCCAA 60  
GCTCGAAAAG GCAAAGGCTA AAGAACTTGC CACTAACTG GGTAAATGT AACTGTGTA 120  
GTTTTCTGTA CATAAAAATA ATTGAAATAA TACAAATTTT CCTTCAGCCA GTGAAA 176

配列番号：314

配列の長さ：176

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00336

配列：

```
GATCACCTCT GAGACCCACC TTGCTCATAA ACAAATGCC CATGTTGGTC CTCTGCCCTG 60
GACCTGTGAC ATTCTGGACT ATTNNTGTGT TTATTTGTGG CCGAGTGTA CAACCATATA 120
ATAAATCACC TCTTCGCTG TTTTAGCTGA AGNATTANGN CATCTTGTCT ATTAAA 176
```

配列番号：315

配列の長さ：258

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00337

配列：

```
GATCATATTT AATGAATTAT AGTATAATGC TTGCAGGCCC AGTACAAGCA TATATATNGT 60
GCCTCTTACA GCCTTTGGAA TACATTGTTT CCATTTTSTA AATATCTTCT ATATCCNNNT 120
AGTATTCAAA TTATTAATGC TCATGTACCA AGGTNTTGCT ATAAAAGTTT TGTCTGTATG 180
AATAATGTGG CTTTAGTAAA TAATCATTTN TCAACTGTAA ACTNATTCTG AAATAAAGTA 240
AAATNCTAAT TGTTTAAA 258
```

配列番号：316

配列の長さ：153

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00338

配列：

```
GATCTTGGAC ACTTACAGAT TGAGCTGTAT GAATTCAGCG GGTCTCACTC CAGAGGGTCA 60
GAACGTTTGC TTAGTTTTT TCATCTGTTT TGTTCCCTGA GTCAGTGCTG TTGATGATGA 120
GTTGTCTTGA ATAAATNATG TGTTCTTTGC AAA 153
```

配列番号：317

配列の長さ：157

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00339

配列：

```
GATCAAAGCT AGAAAATGNA GATTCCTTAG CCTGGATTTC CTCTAACAT GTTATCAAAT 60
CTGGGTATCT TTCCAGGCTT CCCTGACTTG CTTAGTTTT TAAGATTTGT GTTTNCTNT 120
NTCCACAAGG AATAAATGAG AGGGAATCGA CTGTAAA 157
```

配列番号：318

配列の長さ：161

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00340

配列：

```
GATCTCCTTA TATAGCAGCC AAAATCAATG AAGCTAAAGA TTTACTAGAA GGTCAAGCTA 60
AAAAATGAAG TAAATGTATG ATGAATTTTA AGTTCGTATT AGTTTATGTA TATGAGTACT 120
AAGNNTTTTA TAATAAAATG CCTCAGAGCT ACAATTTTAA A 161
```

配列番号：319

配列の長さ：313

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00341

配列：

```
GATCTGAAAA CATGTAGAGA AGATGAGTTG AGGACAGCTT TTCTAAGGCA ATGTNATGTC 60
TTTCCTTTCT NATTTCTNTT TCTCTGCGTT GTTAGTTTTN AAGAGTGGAG GAGCTAGGGG 120
CTCCAGAAAG AATCTTACAC ATGTTTTGAA GACATTGATG TCATAGGGAG CGGGGAGCTG 180
CATTCCCTTC TGGGCTGTTA CTGCTAAATC TCAGTATGAA CAGACCAGGC GGAAAGCTTG 240
GTGGCCAAGC AGTCTGTGTG CTTCCCGCT GATGGAGAAC GTTGCGTTGT TCACAATAGG 300
GCCTCATGGG TGN 313
```

配列番号：320

配列の長さ：161

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00342

配列：

```
GATCTTGTTT ACAAGTAATC TGTTGACAGT GCCAATAAAT NATAAAAAAA AAATTAACAT 60
GTCACAATGT AACGGATGAC CATATGCACA ATTCCATGAA TTAAATCTGT TTCCTGTGTT 120
AGTCAGTATT CTAAATAAA ATTTATAATT GAAACATGAA A 161
```

配列番号：321

配列の長さ：163

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00343

配列：

```
GATCTATTGA NAGCCCTCTC TCNCATTCTG TAATGAGTAC AGCAGAGACC TTCCTGCTTT 60
TAACTGGGGA CTCCAGATTT TCCCCAACT TGCTTCTGTT GAGATTTTTC CCTCACCTTG 120
CCTCTCAGGC ACAATAAATA TAGTTATACC ACTGCCCATC AAA 163
```

配列番号：322

配列の長さ：156

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状



クローン名：HUMGS00344

配列：

GATCATCCTA ACAATGTGGG GCTGTTAGGT TTTACCTTTG ANCTTTCATA GCACTGCAGA 60  
AACCTTTAAA AAAAAAATGN TNNATGAATT TTTCTTTCC TACAGTTGGG TAGGGTAGGG 120  
GAAGGNGGNT AAGCTTTTTT TTTNAAATG ACTGAN 156

配列番号：323

配列の長さ：255

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00346

配列：

GATCATGCTG CCCTGGGACC CAACTGGTAA GATTGGCCCT AAGAAGCCCC TGCCTGACCA 60  
CGTGAGCATT GTGGAACCCA AAGATGAGAT ACTGCCACC ACCCCCATCT CAGAACAGAA 120  
GGGTGGGAAG CCAGAGCCGN CTGCCATGCC CCAGCCAGTC CCCACAGCAT AACAGGGTCT 180  
CCTTGGCAGC TGTATTCTGG AGTCTGGATG TTGCTCTCTA AAGACCTTTA ATAAAATTTT 240  
GTACAAAGGC ACAA 255

配列番号：324

配列の長さ：154

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00347

配列：

GATCTCTAGT ATAACACTCA GGCTACTGAG GTATTTTAGA GCAACAAGCT GGGTTACTTT 60  
CAGAGCAACC AGCTTGACTG GAACTGAGAG TAAATTGGGA ATGTATGACC AATCTTAGAC 120  
CCTGAAAAAT GGCAGAAAAT ACATGGAAAT TTGN 154

配列番号：325

配列の長さ：153

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00348

配列：

GATCTAGGGA AGACAACGTA GTCACCCTCG GTGCTTCCTC TGTCTCCTCT TTCTCCCTGG 60  
CCTGTGGTTG TCCCCAGCC TCTGCCACCC TCCACCTCCT CGGTCAGCCC CAGCCCCAGG 120  
TTGATAAATC TATTGATTGA TTGTGATAGT AAA 153

配列番号：326

配列の長さ：154

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00349

配列：

GATCTCTAAT ATTTTAAAGC CCAAGCCCCT TGGACACTGC AGCTCTTTTC AGTTTTTGCT 60

TATACACAAT TCATTCTTTG CAGCTAATTA AGCCGAAGAA GCCTGGGAAT CAAGTTTGAA 120  
ACAAAGATTA ATAAAGTTCT TTGCCTAGTA TAAA 154

配列番号 : 327

配列の長さ : 158

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00350

配列 :

GATCAAATTC TAATGGAATT GAGCCGGTTT CTTATCCTAA ATGTTTCCTC CCTTTTTACA 60  
ATCTCTGTCC AGCACCTCTT GGTTAAATAA TGTATGCTGT GAGACATGNA ATTAAAACAG 120  
GCCTATGGAA TAAATTATTT TAAAACCAGN AGGTAAAA 158

配列番号 : 328

配列の長さ : 155

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00351

配列 :

GATCTTAAAG CAGAATGCCN TTTNCTTTTT TTGCTTCAGT TGTAAGAAG AGGGAATACA 60  
TGATAAGTA ACTGGTTTGA TTTCTCGTTC ATTGTACACT GCCTCTGAAC ANCTAATTGT 120  
TTTGTAGTGT CTAAATAAAA TGCCTCTAAA AAAAA 155

配列番号 : 329

配列の長さ : 165

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00352

配列 :

GATCCAAGAG GAAGAATCCA GCTGCCTATG AAAATAACAA ATNAGCAACG CATCCGGATG 60  
ACGGTTCCTT GTCTCTGAAA GACCTTTCTC TGGAAGAGGA GTCTGCATTG TAGTGTCTCA 120  
AAGACACAAT AAACCTCCTA TGGTCTGCAC TGTTGTGATA TTAAA 165

配列番号 : 330

配列の長さ : 149

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00353

配列 :

GATCTACTTT GTTTGAGCAA AACAGCATT TTTGTTATGT TAATNATGGT TAATTTCCAT 60  
TTTATTGGTT TTATGTTTAT TTTAATTTGT AAATGTTTGA GCATTTATNA TTGTATGTNA 120  
NCTATATTN CCTATTTNAT GTTGATAAA 149

配列番号 : 331

配列の長さ : 151

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00354

配列：

```
GATCAAAATG CTAAACATG ATGATTAAGT GCACACCGTG TGCCATAGAA TGGCACATGT 60
CATTGCCAC TTCTGTGTAG ACATGGTTCT GGTTTAACTA ATATTTGTCT GTGTGCTACT 120
AACAGATTAT AATAAATTGT CATCAGTGAA A 151
```

配列番号：332

配列の長さ：147

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00355

配列：

```
GATCTTTGTT CTAGGCAGCT GGAATAGAC ATGGTACTTA CCTTAGAGTT TTCCAATTTA 60
TCTCAATTTT ATATGGCTTG TGATTCATTT NCTTAATCCA AATATATATA ANCGTGTGTG 120
GTCTNATTCT NCCCCCGCA ANANNAN 147
```

配列番号：333

配列の長さ：151

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00356

配列：

```
GATCCTTACG GAAAAGGAAC AGATTGTNCC TAAACCAGAN GAGGAGGTTG CCCAGANGAA 60
AAAGATATCC CAGANGAAAC TGAAGAAACA AAAACTTATG GCACGGGAGT AAATTCAGCA 120
TTAAATATAA TGTAATTAAA AGGAAAAGAA A 151
```

配列番号：334

配列の長さ：204

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00357

配列：

```
GATCTTTGCA GTAATTTCTA GGAGCTGTTT ATGTTTGGAG GTAATTGGTC CTTTGTCCAT 60
ATATATGAGA TGTAAGTNTT ATTTCCAGT TTATCTTTT GCTTATTTT TTTGACTTTT 120
TATTGTAAAA TAAACATCA AACTGCACAG AACAGTTGAA TAGCTTAATG AATAACTACA 180
GTAAAAGCTA TGGTAACCAC TAAA 204
```

配列番号：335

配列の長さ：146

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00358

配列：

GATCCAATTA ACATGTGGGG TTCTTGGTNT GGGTCTGGGG AGCTGAAGGA TTTNATGGAG 60  
CTGGTGCTTT GGAGGAATCT TAAGGGAAAG NAGTAGAAGC TCAGGCCTTT AAAGGATTTC 120  
ANCTCCTCCT CTCTGTAATT NNTNCN 146

配列番号 : 336

配列の長さ : 146

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00359

配列 :

GATCGCATCT NTTAAACAGG TACAAGTTGA CATGAGGTTA GTTTAATTGT ACACCATGAT 60  
ATTGGTGGTA TTTATGCTGT TAAGTCCAAA CCTTTATCTG TCTGTNATTC TTAATGTTGA 120  
ATAANCTTTG ANTTTTTTC TTAAAA 146

配列番号 : 337

配列の長さ : 147

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00360

配列 :

GATCAGTGTT GAAGAAAGTG CAAAAGGAAC TTTTATATAT TTAACAGTGT AGGAAATTGT 60  
CTATTCCTGA TATAATTACT GTAGTACTCT TGCTTAAGGC AAGNGTTTCA NATTTACNGT 120  
TGAAATAAAC CCAACTCTTC NTGNAAA 147

配列番号 : 338

配列の長さ : 147

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00361

配列 :

GATCTNGAAA ATNATCATTG AACATATTAA TGGTTATTTT TTTTCTTGG ATTTCCAGAA 60  
AAGCCTCTTA ATTTTATGCT TTCTCATCGA AGTAATGTAC CCTTTTTTTC TGAAACTGAA 120  
TTAAATACTC ATTTNATCNN NTGNAAA 147

配列番号 : 339

配列の長さ : 140

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00362

配列 :

GATCAGTTTT TTCACCTGGA AGCATTGTGT TCTACTTTGA TATGACTGTT TTTCGGACAG 60  
TTTATTTGTT GAGAGTGTGA CAAAAGTTA CATGTTTGCA CCTTCTAGT TGAAAATAAA 120  
GTGTATATTT TTCCTATAAA 140

配列番号 : 340

配列の長さ：144

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00363

配列：

GATCTGAACT TTTCATCTGC AGAGGCAAGA AAAATATTTA ACATTGTGAC TTGACTGTGG 60  
AAGATGATGG TTGCATGTTT CTAGTTTGTA TATGTTTCCA TCTTTGTAAT AAGATGATTT 120  
AATAAATCTC TTAAATACT TAAA 144

配列番号：341

配列の長さ：291

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00364

配列：

GATCAAAAGC TTATTCATCT GTTTTNCCTT TTCGTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTCTA 60  
AAAAACATAA ATTTCTTTAA TCATTTTGCC TCTTTCTCT GTGCTTCAAT TAATAAAAAA 120  
TGGAAGAAGT CTAATAGAGT GGTACAGCAC TGTTATTTT CAAAGATGTG TTGCTATCCT 180  
GAAAATTCTG TAGGTTCTGT GGAAGTTCCA GTGTTCTCTC TTATTCCACT TCGGTAGAGG 240  
ATTTCTAGTT TCTGTGGGC TAATTAAATA AATCATTAA ACTCTTCTAA A 291

配列番号：342

配列の長さ：139

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00365

配列：

GATCTTAAAC CTATGATTCA GTAACCTCTT ACCATATAAA AACGATAATT GCTTTATTTG 60  
GAAAAGAATT TAGGAATACT AAGGACAATT ATTTTATAG ACAAAGTAAA AAGACAGATA 120  
TTTAAGAGGC ATAACCAAA 139

配列番号：343

配列の長さ：143

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00366

配列：

GATCCGTGGC AGGGCTGCTG AGGCCTGTGG GTGGGACACC ANNTGCGAAA CCCTCATCCA 60  
GTTTCTCTC CATCTCTTTT CTTGTACAA TCCCATTTCC TATTACCATT CTNTGCAATA 120  
AACTCAAATC ACATGTCTGC AAA 143

配列番号：344

配列の長さ：139

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00367

配列：

GATCCAGTGA CATTGTGAGT GAAGACGCAA ACAGGTTTTG ACTCCTGCAT GGCCGATGAC 60  
CTTTTCTGTA GGCTTACCAG AAAAGTACAT NCAACAGTTC TTTGAGGTTT AACTAGAGCA 120  
GCAAATAAAG CAAAAGTTN 139

配列番号：345

配列の長さ：140

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00368

配列：

GATCAAGAAT CTTTTGTGAA ATTATAGAAA TTTACTATGT AAATGCTTGA TGGAATTTTT 60  
TCCTGCTAGT GTAGCTTCTG AAAGGTGCTT TCTCCATTTA TTAAAACTA CCCATGCAAT 120  
TAAAAGGTAC AATGCAGAAA 140

配列番号：346

配列の長さ：142

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00369

配列：

GATCCAGCTT GCCAGGGACT TAGGTTTATC CTGTTTTGTT TGCTACTGGT TACAAATTCT 60  
ATTTTCTGTA CAATTAGTCA GACTAAAGTT TTCCTGTGT TTGTTTGGCA AAACAAATTA 120  
AACAAAAAGT AAGGTTTTTA AA 142

配列番号：347

配列の長さ：156

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00370

配列：

GATCTCCGTN AAACACATTT TTNTTCTTAG TCTATCTCTT GTACAAACGA TGTGCTTTGA 60  
AGATGTTAGT GTATAACAAT TGATGTTTGT TTTCTNTTGT ATTTTAAACA GAGAAAAAAT 120  
AAAAGGGGGT AATAGCTCCT TTTTCTTCT TTCAAA 156

配列番号：348

配列の長さ：135

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00372

配列：

GATCTACAAT NGGAGTTGTG AGTNGCAATC TTACATGGCT ACGNCTTTCG TTTGATAGCC 60  
AGTCATGGTN ACCACATGAG AACCATATGC TGAGATGCAA TAAAGTAAGA GAATGTTTTT 120  
TGACAAAAAA ATCTN 135

配列番号 : 349

配列の長さ : 133

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00373

配列 :

```
GATCTTAAGC GTGTCTTGAG TTCCATGCAA ATTCAATTCT GTTGATAATG TGTCCATAAT 60
CAAATCATCA TCTTGCAATG CAAGGGCTAC CCCATAATTA TCAGACATTA AAATAGTTTA 120
TTTCTTTTTC AAA 133
```

配列番号 : 350

配列の長さ : 137

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00374

配列 :

```
GATCTCGTTC CGCCGGTTCC CCTTGGCCGC CAGTCCGTT CTCCTCACGG GCCGAACGGA 60
ACAAGGGGTC CAGCTTGCGG GGGACCCTCC CCAGCCCATT CCTGCTGTCA AACAAACAAA 120
ACCTTGCAAA GCGCAAA 137
```

配列番号 : 351

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00375

配列 :

```
GATCAAGCGT GCTTTCCTTA TCCGAGGAGC AGAAAATCGT TGTGAAAGTG TTGAAGGCAC 60
AAGCACAGAG TCAGAAAGCT AAATAAAAAA ATGAACTTT TTTGAGTAAT AAAAATGAAA 120
AGACGCTGTA AA 132
```

配列番号 : 352

配列の長さ : 142

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00376

配列 :

```
GATCAAGTTC CCGTGCCCC ACCGGGTNCT GCGCCGTCAG CACAAGCCAC GNTTCACCAC 60
CAAGAGGCCC AACACCTTCT TCTAGGTGCA GGGCCCTCTT CCGNGTTTTG CCCCAAATAA 120
ACTCANGAAC GNCCCGGTTA AA 142
```

配列番号 : 353

配列の長さ : 142

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00377

配列 :

GATCAAGGAT ATTTGAAATC ACTACTGTGT TTTNCTGCGT ATCTGGGGCG GGGGCAGGTT 60  
GGGGGGCACA AAGTTAACAT ATTCTTGGTT AACCATGGTT AAATATGCTA TTTTAATAAA 120  
AATATTGAAA CTCACCAGTA AA 142

配列番号 : 354

配列の長さ : 134

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00378

配列 :

GATCTCTAAT GAAAAAGGGA TGTCTTTTGT TTTATAGTCA TGTGGCAAGA TGAGAGTAAA 60  
ACCAGAGAGC AAACCTCTAT AAGTNTTGAG TATATGTATA CATTTGAAAT AAACCAGAAA 120  
TTTGTTACCT TAAA 134

配列番号 : 355

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00379

配列 :

GATCAGCTCT GAGGTGCACT TCTTCACATA CTGTACATAC CTGTGACCAC TCTTGGGAGT 60  
GCTGCAGTCT TTAATCATGC TGTTTAAACT GTTGTGGCAC AAGTTCTCTT GTCCAAATAA 120  
AATTTATTAA TN 132

配列番号 : 356

配列の長さ : 143

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00380

配列 :

GATCNGGGCT GGATTGACGG ATGTCACCCC CNATCCCCTC GTGACATGCA CGTCNGCAGG 60  
AATGGGGGGT CTGCNGTGGT CGCCNGTCGT GTGAACAAGA TTCCGTCAA ATATTTTCTG 120  
TTAATAAATT GCCTTCATGT AAA 143

配列番号 : 357

配列の長さ : 136

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00381

配列 :

GATCTAGAAG ATGATGTTCA AACTATGAAA CTGCTTGTTGA ATTGTGAAAT GACTTTGTTC 60  
TTTGCTTGTT TTTTNAATT TCCTATAATG NACATACTAA CTTTAAAAA ATAAAGGTTA 120  
TTTTAAAAGC CTGAAA 136



配列番号 : 358

配列の長さ : 133

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00382

配列 :

```
GATCTTCTAT GTAACAGTTG AAATNTGGAA GTGACGTCAC TTACCTGTCT AACGTGGTGT 60
GGGNGAGAAT TTACAAGTCC TTTATTGNAA GAATAATTGT TGCAAAATAT ATTGCTTCTA 120
CTTGCCTGG AAA 133
```

配列番号 : 359

配列の長さ : 130

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00383

配列 :

```
GATCAAGAAT TTGGGTGGGA GAAAAGAAAG TGGGTATCA AGGGTGATNN GAAATTTTCT 60
GCAGCATTAA AGCTGGCGCT TAATAAGAAT AAGTAATAAT AAAGAAATTT CTAACATTCC 120
ATGTCAGAAA 130
```

配列番号 : 360

配列の長さ : 157

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00384

配列 :

```
GATCTGAAAC TAATAGTAGG AGTTTCCCA GAAGTCATTT TCAGCCTTAA TTCTCATCAT 60
GTATAAATTA CCATAAATNA TGCATGTNTG TTTACTTTAG TGACGTTCCA CAGAATAAAA 120
GGAAACAAGT TTGCCATCTT GGTGTTGCAA TATGAAA 157
```

配列番号 : 361

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00385

配列 :

```
GATCTGAAAA GCGCTCTNCA CTGCTTTATC TCATGATGCT TGCTTGTAAG ACTTGATTTN 60
AGTTTTTCAT NNCTCAAATA GGAATACTAC CTTTGAATTC AATAAAATTC ACTGCAGGAT 120
AGACCAAGTA AA 132
```

配列番号 : 362

配列の長さ : 197

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00386

配列 :

GATCTGCCAG GNTGGGTGGT TCTACTGCTT TCTCAATTC TAAGAACCTT TTTTTTTCT 60  
NAAAGAGTTC TGCTGAATTA TTTGACAATA TTTGNAAGTA CCATGTTTCC TNGNGGGGTA 120  
TGCTCTGTNC TGGTTTCTGT TTTNAAATCA AATGCCTGTT TGGGAGGAGA TGAACGNATT 180  
NAGTCTATTA GATTG 197

配列番号 : 363

配列の長さ : 128

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00387

配列 :

GATCACAGTG TCAGAGACGC GTCCTCTTTC TTGGGGAAGT TGAGGAGTGC CCTTCAGAGC 60  
CAGTAGCAGG CAGGGGTGGG TAGGCACCCT CCTTCCTGTT TTTATCTAAT AAAATGCTAA 120  
CCTGCAAA 128

配列番号 : 364

配列の長さ : 127

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00388

配列 :

GATCCCAGGA GACACCAGGG CCAGAGTGAC CACAGCAGGG CAGGCATCAT CGTGTGTGTG 60  
TGTGTGTGGA TGTGTGTGTG TGGGTTTTNT AAAGAATTCT TGACCAATAA AAGCAAAAAC 120  
TGTCAAA 127

配列番号 : 365

配列の長さ : 129

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00389

配列 :

GATCTACAAA TGGGAAGCTT GTGAGTGGCC CATCTTTGTT GGCCTACGAA CTTTGGTTTG 60  
ATGCCAGTCA GGTGCCACAT GAGAACCTTT GCTGAGATGC AAATAAAGTA AGAGAATGTT 120  
TTCCTGAAA 129

配列番号 : 366

配列の長さ : 125

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00390

配列 :

GATCAGCTAT TAAATTTATA TAAACATAG GCATGTTTGT ACTAATGAAA CGTACTGTCA 60  
ACCTCTATCA CATTGTTAAA TTAACACTTT TGGTGGTAAC TCAATAAAAT TGAGAAAATT 120

GGAAA

125

配列番号 : 367

配列の長さ : 246

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00391

配列 :

```
GATCTTTTTA ATTATAATTT TGTTGTATTT GTTTCCTAGG AGCAAGTGTT CCTGCTGCCA 60
GTTCTTTTCCT CTTTAGGCGT GGTTGAGAAA AAGCAGAAAC TTTACATAAA GCTGTATTTC 120
TTAATCATCT TTAATTTGAA ACTTAAGNAA ATGAATTTAT TCTGTNATAT TTATGTAAC 180
NATTCCTGG NAGTNATATC TACTAGTNTT GNTTGATAAT AATAAAATTN GGCTATACCT 240
TGNAAA 246
```

配列番号 : 368

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00392

配列 :

```
GATCTAAAAT TTATTGTGGT GATGTTTGCA TAACAGTGCA AATATACTGA AAACCACTGA 60
ATTTTACACT TTAAATCAGT GGCTTCTGTG GTATGTTATC AATATTTCTC AATAAACTT 120
CAAAAAATA AA 132
```

配列番号 : 369

配列の長さ : 131

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00393

配列 :

```
GATCTGGTAT TAGGAAATTA CTTTCACAGT AAATATCAAA GAAAAAAGAT TAAGGGTCTC 60
TTTGCCATGC TTTTCATCAT ATGCACCAAA TGAAATTTT GTACAATAAA ATTTTATTTT 120
CTAAGTAGAA A 131
```

配列番号 : 370

配列の長さ : 123

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00394

配列 :

```
GATCTGAAAA AGAACACTGT GCGAGATTGT ATTCCTGCTT ATCCTTTCCA AGTTAGTAGG 60
CAGATTGGAA CTATAGAATT TATCCGTGAT AATAATAAAG TCCGCATAAC TTTTGTCTGT 120
AAA 123
```

配列番号 : 371

配列の長さ : 123  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00395

配列 :  
GATCTAAAGA GAAACTGTAG ATTGTTTTCC TGACAGCAAA AGACTAATGT GACAAAATGA 60  
AGTCATTGTA AAGAAGCGAT GCAACTTGTC AAATATTAA TAAAGAATTA TGGAAGCTGG 120  
AAA 123

配列番号 : 372  
配列の長さ : 124  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00396

配列 :  
GATCACAAC GNAAGATAAC AAGAGATTTA AGTTTAAAGG GCATTTAATC AGGAGGAAAG 60  
GTTTGGAAAA CTAATCAGG TGTATTNTT GTTAAAGCAG AAATAAAGTT TAATTTTNC 120  
TTGN 124

配列番号 : 373  
配列の長さ : 122  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00397

配列 :  
GATCTGTGTT AGAATGAGTG CTTTCCTTC CTAATGATGT GATTGTGGAT TAGGAATTCG 60  
TGACCGAGTG ATTTTGGCC AGTGGTTGGG TTAAAATTC TATTAATTAATT TGTAGTTTGG 120  
GN 122

配列番号 : 374  
配列の長さ : 121  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00398

配列 :  
GATCGCCGCC CTGCTGGCCA CCTGCGNTGG NGCTGGCNCCT CGTGGTCGTC GCGCTGAGAA 60  
AGTTTTCTCC CTCCTGAAGC GAATAAAGGG GCCGCNGCCG GCCGCGGCGC GACTCGGCAA 120  
A 121

配列番号 : 375  
配列の長さ : 120  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00399

配列 :

GATCAGGCCC GGTGCCTGCA GACCTGGTGC TCCCTCGGGC AGGGCTGGGT GCCGCACCGC 60  
 CTGCTGGCTT TTCTGGCAGC TCCTCTGTAT CAGAACCAAT AAAGTGCAC TGTTCCTCGGN 120

配列番号 : 376

配列の長さ : 119

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00400

配列 :

GATCAGGCAG TCCTTNAGGA TAGACAGATA TACACACCAC ACACACACAC CACATACACC 60  
 ACACACACAC GTCCCCATCC ACTNACCAC ACACTACACA GNCTGNTNCC TTATAGCTN 119

配列番号 : 377

配列の長さ : 225

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00401

配列 :

GATCTNATTT GTAACCCACT GAGAGGACAG AGAGAAATAA GTGCCCTCTC CCACCCTCTN 60  
 CCTACTGGTC TCTCTATGCC TCTCTACAGT CTCGTCTCTT NTACCCTGGC CCCTCTCCCT 120  
 TGGGCTGTGA TGA AAAATTG CTGACTGTAG CTTTGGGAG TTAGCTCTG AGAACCGTAG 180  
 ATGGATTNCA GTTCTGGGAA AATAAAACCC GTTGATTACT NAAAA 225

配列番号 : 378

配列の長さ : 125

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00402

配列 :

GATCTTAATA TATTTGAAAA AAACCTTCATT CTCGTGAGTC ATTTAAATGT GTACAATGTA 60  
 CACACTGGTA CTTAGAGTTT CNGTTTGATT CTTTTTAAT AAACACTCTT TTGATTAAAA 120  
 GCAAA 125

配列番号 : 379

配列の長さ : 147

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00403

配列 :

GATCTCAGTT CTGCGTTTAT TGTAAGTTGA TAAAAACATC TGGAAGAAAA TAACTAAAAAC 60  
 TGTTCATC TTTGTATGTA TTTATTACTT GATGTAATAA AGCTTATTTT CATTAAACAAT 120  
 TTGTATTAAA ATNTGGGTTT CTTGAAA 147

配列番号 : 380

配列の長さ : 116

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00404

配列：

GATCACCTTT TCAGAAATTT AGATGTGAAC ACCAAAAGAA GCATTTTCTC AACAAAAATT 60  
AATAGCTGGT TCTATTTTTT TTAAACCTAG AAAAAATAAA GTTGATTTTT TTCAA 116

配列番号：381

配列の長さ：119

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00405

配列：

GATCAATAGG GAGAGAAAAT CCACATTCTT GGGCTGAACG CGGGCCTCTG AACTGCTTA 60  
CACTGCACTC TGACCCTGTA GTACAGCAAT AACCGTCTAA TAAAGAGCCT ACCCCCAA 119

配列番号：382

配列の長さ：115

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00406

配列：

GATCTTTATT ATGGAAANCA TTTCAAGTTT ACTCCTTCTG TTTTAAGTTT TGTAGCAGTG 60  
TACCCACGCT GGGTATTACN NCCNAAATAA TCTGTNAGTG AAAGTTGCCA TTATN 115

配列番号：383

配列の長さ：115

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00407

配列：

GATCGANCTG CGCAANTGNG NAAGCTGCAG AGGACATCGC GTACCANCTC TCACGCTCTC 60  
GGAACATCAC CTACCTGCCA GCGGGGCAGT CCGTGCTCCT CCAGCTGCCC CAGTN 115

配列番号：384

配列の長さ：113

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00408

配列：

GATCTCTCAA AAAACAAAGA ATTACATGAG TTAGTACATG AAAAAATTAT GGGAAACTAC 60  
ATGAAATATA CTGTTACGTT CAATAACAT TAGCTTCTGT ATATAATANT AAA 113

配列番号：385

配列の長さ：116

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00409

配列：

GATCTCTTCC CCCAACTTCC TAACACTTAT TAATTTATGA AACTGTTTT CTCAGCGCAG 60  
TTTTGTTTTG TGTGTCCATT GGATTACAAA CTTTATTAAA AAATATAAAA CACAAA 116

配列番号：386

配列の長さ：118

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00410

配列：

GATCTCTCTC TTCTCGCGCG CGCACTCTCT CTTCAACACT CCCCTGCGTA CCCCAGTTCT 60  
AGCAAACACC AATTGATTGA CTGAGAATCT GATAAAGCAA CAAAAGATTT GTCCCAAA 118

配列番号：387

配列の長さ：247

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00411

配列：

GATCTATAAA AAGTCAGCAA CTGATGTGTT TGAAGCAT CCTTGCTNT ATATCCTAAT 60  
GTTTGGATGT GTCTTNTCTA AAGTCTCACA AAAATTAGTG GTAGCTCACA TGACCAAAAG 120  
TGAATATAT CTNCAAGACA CTGTCTNNGG GGGGCCAGGT CTTTGTGTTT TAGGNCCAGT 180  
ACTTNNATAA TTTTNTAGAC GGATATGGTT GTCCTATGGA TGGCAATGGG TGNTTNTCTCC 240  
ATTTGNN 247

配列番号：388

配列の長さ：112

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00412

配列：

GATCCTAGGA AGAGAGAACA GAGTGGCTCA CAAGCCCCAA CACAGTNAGC AGCAGATGAC 60  
AGGCACNCTN AGACCACACT NTAGGCCACC CATGGGNCCA AAAGGGAACA GN 112

配列番号：389

配列の長さ：111

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00413

配列：

GATCACCACN TAAGTCAGAA AAATGTATTT TTAAATGTTT CTTGAAGTGC CTTTGAACA 60  
TTTTTAAACA GCGGATTAA ATAATGCATA AANTAAATTG CCATGNTCAA A 111

配列番号 : 390

配列の長さ : 109

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00414

配列 :

```
GATCACCTTA GTTTGATTCT ATTTTTCAGC TTGCAAAAAG TGACTTATAT TCCAAAGAAA 60
TTAAATGTT GAAATCCAAA TCCTAGAAAT AAAATGAGTT AACTTCAA 109
```

配列番号 : 391

配列の長さ : 111

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00415

配列 :

```
GATCGTNACG CTCGCATCTA TAGATAACGG CTCTCCAGAC CTGAGCTTTC CGCGTCANAA 60
TGTAGGAATN GTTTTTCCTG CAGAGAATAA AAGGACCACG TGNAATACTT N 111
```

配列番号 : 392

配列の長さ : 109

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00416

配列 :

```
GATCTTATTG AAGGACATCT TACAGCTTCC CAATGAGAGG CCAGGAAGTG TGAACATACT 60
GATAGAAAAA GACTATATTT TATCCCTCAT AAAATGTTTT AAATGTAAA 109
```

配列番号 : 393

配列の長さ : 116

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00417

配列 :

```
GATCACTGAG TGTACAGAAG AGAGAAATTC AAACAAAATA TTGCTGTTCT TCAGTTTTGT 60
TTGTGGAATT TAAATNACT CAAATTTAAA ATAAATNACT GGACTGTGGA AATAAA 116
```

配列番号 : 394

配列の長さ : 115

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00418

配列 :

```
GATCTCAAGA GTTCACCTGG CTNACAGAAA GAAGATGCCA GATGACACTT AAGACCTACT 60
TGTGATATTT AAATGATGCA ATAAAAGACC TATTGATTG GACCTTCTTC TTAAA 115
```



配列番号 : 395

配列の長さ : 114

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00419

配列 :

GATCATTCTG AACTGTACAT ATTTATGTNG CGAGAGGCAA AGGGCAAGTT TTGGATTTC 60  
CTTCTTCCAA GTTTGTTTTT AAACGACAAA TAAAAAAGA ACATTTTAAA TAAA 114

配列番号 : 396

配列の長さ : 106

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00420

配列 :

GATCTGAATC TGTGACTTAT TGATTATGGA ACCTGTCAAG TAGTTTTNAA CTCTCCAGT 60  
GAGGATAATT AAACATGCTC AGCCTGAGCC ACCTCTAAGT NTCAAA 106

配列番号 : 397

配列の長さ : 107

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00421

配列 :

GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60  
TGCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT GAAGAAA 107

配列番号 : 398

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00422

配列 :

GATCCCCTCA AAAGGCAGGA NTGCTGCCCT CTNCCATGGT GCCCGTNCCT CTTTGCTGTN 60  
TATGTNAACC ACCCATGTAA GGAATAAAC CTGGCACTAG GTCTTAAATA AA 112

配列番号 : 399

配列の長さ : 105

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00423

配列 :

GATCANCTCT AAGGTGCAAC TNCCTCCACA TACTGTACAT ACCTGTNACC ACTCTTGGA 60  
GTCCTGCAGT CTTAATCAT NCTGTTTAAAN CTGTTGTGGC ACAAN 105

配列番号：400

配列の長さ：104

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00424

配列：

GATCTGGAAC TTGAAGATGC CATTCAACA GCCACTTAAC CTAAAGGGAA AGCTTTGAAG 60  
GGCAAATGAC AGAGGGTAAC ATAGGAGGTN GGATNCTNAA TNNN 104

配列番号：401

配列の長さ：104

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00425

配列：

GATCTTTGAT ATATCATAGT CATTAAAAGA CTTTTTCGTA TTTGTATTGA TAATGTATTA 60  
AAAGTNGTTT GTNCTTAATA AAAGACTTCT TTAANCATCT NAAA 104

配列番号：402

配列の長さ：109

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00426

配列：

GATCCCCGGC CTCAGTCCCT ACTCTGCTTT GGGATAGTGT GAGCTTCATT TTGTACACGT 60  
GTGACTTCGT CCAGTTACAA ACCCAATAAA CTCTGTAGAG TGGAACAAA 109

配列番号：403

配列の長さ：110

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00427

配列：

GATCACCTGC AGCTGGCCAC ACCACAGGCC CCCGNTGCCT GCAGCACTAC TCNGTNCCTN 60  
AAACACCTGG CCTGCTAGGA GGCTCCAATA AAGCTAACCC GGACCAGAAA 110

配列番号：404

配列の長さ：157

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00428

配列：

GATCCTCAGA ACTTCTCTGG GACAATTTCA GTTCTAATAA TGTCTTAAA TTTTATTTCC 60  
AGCTCCTGTT CCTTGGAAAA TNTCCATTGT ATGTGCATTT TTAAATGAT GTCTGTACAT 120

AAAGGCAGTT CTGAAATAAA GAAAATTTTA AAATAAA

157

配列番号 : 405

配列の長さ : 103

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00429

配列 :

GATCAGCAAC ATTTGCTGAG CCTGTTTTN AAGCTAATGT GTATTCTNAC TAATNTNCCT 60  
ATCAAGAATG GATTGTGAAT ATATNCTGTC TATTTCTAAT GTN 103

配列番号 : 406

配列の長さ : 105

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00430

配列 :

GATCTGTAAG CACAGTCTTA TTTNCTTTTG TTGTCCAGAA TACTTATAAT TCTTGAGCCT 60  
CCCAGAAATT GGAAGCTAAA TAAAGCAACT CAAGTTTCCT TTAAA 105

配列番号 : 407

配列の長さ : 104

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00431

配列 :

GATCAGCATC ATTGGAACAT GGGGACGAGT GACGGCAGGA GGACCACGAG GAAATACCCT 60  
CAAACTAAC TTGTTTACAA CAAAATAAAG TATTCCTAC CAAA 104

配列番号 : 408

配列の長さ : 105

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00433

配列 :

GATCTATCAC TCTCGTNCTT GTAGCTCCCA GCCGAGGACG TCGGATGTAA TCGTCCTTNC 60  
TGCTTTGCCA CCCCATTCCC GTCAATAAAG TGGTTTGAAC CCAAA 105

配列番号 : 409

配列の長さ : 105

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00434

配列 :

GATCAAACCT TTCTGGCCTG TTATGATTCT NAACATTGA CTTGAACCAC AAGTGAATCT 60

TTCTCCTGGT GACTCAAATA AAAGTATAAT TTTNACCTGC GGAAA

105

配列番号 : 410

配列の長さ : 101

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00435

配列 :

GATCAACACA AAGCACAATG NATTACNCGN AATTCAGTAT TTTCAAATTT ACATATTTAA 60  
AGTCATGCAA GCTGTAACCT CCCNGTCAAA ATTACTNGCT N 101

配列番号 : 411

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00436

配列 :

GATCATAAAG NNCTATCAAG GAGTTCTATC AAGGCATCCA TGTCAGTGGT GCTATGCTGG 60  
TTACAACCTG AGATTTTTGA AATAAAAAAT TTGTCATAAA 100

配列番号 : 412

配列の長さ : 103

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00437

配列 :

GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGTCTAC CATGATTATN TTTCTAAGCT 60  
GGTTGGTTAA TAAACAGTAC CTGCTCTCAA ATTGAAAAAG AAA 103

配列番号 : 413

配列の長さ : 99

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00438

配列 :

GATCTTGTGC TGTGTCAAAG TAACAGACTA GAACCTTCTT TCAAGTACCT GAATTGAAAT 60  
NAACTCATT TTGAATAATA AAAACTCTAG AAACCTCAA 99

配列番号 : 414

配列の長さ : 99

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00439

配列 :

GATCTGTAAT AGCATATTGT AGATGCACTT TGCAGCAGTT GGAAAAGAAA GTGTTGTGTG 60

ATTGATTGA AATAAACTA AATGTGTTGT CCTCCTAAA

99

配列番号 : 415

配列の長さ : 96

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00440

配列 :

GATCCCTGTG CCAGGAGCCA ACCTGGTCTT CCCGAGGGTC AGTGCCCCAG TGAAGACAGA 60  
AGCGAGAGAA TAAAGTTCCC TGTAGGTCCT CTGTCN 96

配列番号 : 416

配列の長さ : 97

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00441

配列 :

GATCCTCCCA TCCGTGTTGT GAGCACAGGC ATTTGTGTNT GGNCTGTCCT CCCTGTTGAT 60  
TGGTCTGGCA TTTCCGGTAT TAAAATGATA ANATAAA 97

配列番号 : 417

配列の長さ : 93

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00442

配列 :

GATCCTGCAT ATCTCAAGGA CCCTAAAGTT TGTAACATCA GATATCGGGA ATAAATTCTA 60  
TCACGTTACC ACTAATAAAC TTATTTTACA GTN 93

配列番号 : 418

配列の長さ : 97

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00443

配列 :

GATCTGTATT TTGCAAATAT TTTCTTCAAT ATGTGGCTTG TCTTTTGGTT CTCTTAACAA 60  
GGTCTCTTCC AGAGTATAAN CTGTAAATAT TAAGAAA 97

配列番号 : 419

配列の長さ : 98

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00444

配列 :

GATCTGGACA GAATCGCCGG ACAGGTGGCA GCTGCAACAA GAAGCATTAG AACAAACCAT 60

GCTGGGTAA TAAATTGCCT CATTGTAAT CCTGGAAA

98

配列番号：420

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00445

配列：

GATCTATTCT GAGTATTTTT TAGAGAGTTA ATATTTATAT TTTTAGTAAT TTTCTGGTAG 60  
AAGGAAATTG CACAATAAAA TNATTTGGTT TGGTTTGAAA 100

配列番号：421

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00446

配列：

GATCGTTGGC ACCATAGCCT TATGGCCAAC AGGTGGTNTG TGGTGAAAGG GCGTGGAGT 60  
TTCAATATCA ATAAACCACC TGATATCAAT AAA 93

配列番号：422

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00447

配列：

GATCTGTGTT TNCCCTGACG AATGGAATTT ATCCTCACAA ATTGGTGTTT TAAATGTNTT 60  
AAGAACCCTAA TTAAATAGCT GACTACAAAA CAAA 94

配列番号：423

配列の長さ：206

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00448

配列：

GATCCCAAAC CTTACGGCCA AGTTTCTTCT AGTATGATGG AAAGTTTCTT TTTTCTTTGC 60  
TCTGAATAAA ACTGAACTGT GGGTTCTCTA TAAGTGGCAT TTTGGGCTTT CCCTCTTTTT 120  
TGTAAGCAA TGTCTGCCTA GTTTATTGTC CAGTTAACTT TAGTGACCTT TAAAAGTTG 180  
GCATTGTAAA TAAAACAACT TGCAAA 206

配列番号：424

配列の長さ：481

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00450

配列：

GATCTCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCTGTCTCA ACAACAACAA 60  
CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTGCTCTT TCAAGTTCTA TCACTTTTTG 120  
TTTGCAAAGT TCAAAGCTGT ATTGTTTGGT ACATATACAT GTAGGTTTGC CAAGTCTTTG 180  
TGGTGAATTG ACTCTTCTGT CATTATGTGA TGTCATTTTT TTGCCTTTTA ATAGTCTTGT 240  
CAATACTTTA CCTGATGTTC TCATAGTGAC TCCTGCATAT TTTGATTAAT GTTTGCATGG 300  
TTAATATTTT TTCATTTTAT TTTAAAGCTT ACCTGTATCA TTAATTATGA AGTCAGTTTC 360  
TTTGAACAGC ATATACTCAG GCCATGCTTT TTTTNAATCA TTCCTGCATA TGGCTCTCCT 420  
TAAATTGGGA ATGGTGGAAA ATGGNTTAC CATTANAAT AAATTAATTG GTATTTTTAA 480  
A 481

配列番号：425

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00451

配列：

GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAAG CACTGCTTCT NTATGTCTCT TGTGGTATTG 60  
GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA 87

配列番号：426

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00453

配列：

GATCATACTT GAAAGTGAAC TTTAACATTG AAAAATCGTA CAGTCATTTT AAGAATAAGA 60  
AAATAAAATT TTCTCTTTGT CTGAACCTGC AAA 93

配列番号：427

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00454

配列：

GATCCCATGT GCTCTCACAC CATGTTTTTG TACAGAACTG ATGGTTGAAT CTTTGTCTC 60  
TTGAAATAAA CAGAAGAAAA TGAAA 85

配列番号：428

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00455

配列：

GATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTTTCTG AGCTGATTTT TCCATCTTTT GTAATTATCT 60

TTATTAAAAA ATTGTA CTG GATTAAA

87

配列番号：429

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00456

配列：

GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAATCC TGTCTNTTC ANAAATTGAC AATGTAAATA 60  
AATTNAAATA TGGTTCCTG TTA CTCTTAA A 91

配列番号：430

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00457

配列：

GATCTGAGAA ACAGGTGTGA CAAGAGCATG AACCANAGGT GCACCTGGGG CAGTTCCTA 60  
ATAAACTGG TTTGTACAGT CAAA 84

配列番号：431

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00458

配列：

GATCATGAGA GTGCCTGTCC CTTGTGAGCA CTATGAAAGT GTTAGCTGTT CTTTACCAGA 60  
ATAAATGCAT TTCTATATCT TCN 83

配列番号：432

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00459

配列：

GATCACCGAC TGAAAATATT GTTTTACAAT AGTTCTGTGG GGCTGTTTTT TTGTTATNAA 60  
ACAAATAATT TAGATGGTGG TAAA 84

配列番号：433

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00460

配列：

GATCTTGATG GATTTCATA CGATTGTAAA TGNAGCTATA TTAAAGTCTA TTAAAGGAAG 60



CCCTTCTTGT TTGAGGGAGN

80

配列番号：434

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00461

配列：

GATCTATGCT TGTTTGT TTT TGTAATCCAT ATCATAGTTG CTTTCTTTAA TTGTTCTTC 60  
TGAATAAACA GTTTATTTAA GATAAA 86

配列番号：435

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00462

配列：

GATCCAGTCA CTGACTCTGT CTGGTGTGA CAGAGGATTT ATTTAAGCTA TTATTTTAAT 60  
AAAGNACTTT GTACATTTT AAA 83

配列番号：436

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00463

配列：

GATCTACATA CAAACAAATG CAACCAACTA TCCAAGTCGT TATACCAACG TAAAACCCCC 60  
AATAAACCGT TGAACATGTG ACAAA 85

配列番号：437

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00464

配列：

GATCTGCTTT TACTTTGTAA TTTGTAGTTC TCAAAAGACT TTTTTTTAAA AAAATAAAGN 60  
CCATACTTAC ACTTAGGCTT TATAAA 86

配列番号：438

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00465

配列：

GATCATTCTG AGTGTGCGAG TGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCANCTGC CATGTTAATA 60

AAATATTCAA TTTGAAATCC AAA

83

配列番号：439

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00466

配列：

GATCCAAACT GTCTTTTTTT TGTATCTGTT ATTTAAAGCC CAGTGGATAT TTCAATNAAA 60

AAAAAAATCT AAAGATGN 78

配列番号：440

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00467

配列：

GATCTGACCA CCTCTGCCCT GTCCACCAGG ATAAGTGACA CCTAGGACCC AGGAAATAAA 60

TGCCGATGAT TTGTGTGAAA 80

配列番号：441

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00468

配列：

GATCTTACAG GGAGAGAGAT TGGGTGCAAT TTGCCTCTTT CTTTGAATAA AAAGCTCTTT 60

GCTCACCCCTC AAA 73

配列番号：442

配列の長さ：197

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00469

配列：

GATCAAAAGT CTACATAACT AATACTCACA GCTGAGCTAT GTAGTATGCT ATGATTAAAT 60

TTACTTATGT AACTTTTATT GTCTTTGGCA TTAACAGTGT TTCAAAAAAT TTCCTGTGTA 120

TACCCATCAG TGATTCATTC CCAAATCTNC TAGAAGCATA AGTGTCTCAA TATATTAAAA 180

CATATTGAAT AATCAAA 197

配列番号：443

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00470

配列 :  
GATCCAGGCG CCACGCTGGC GGTTCGTGAG TGTCGAGGCA CCACTAAATA TAGCTGTCTG 60  
CCGTCCACTC ATAAA 75

配列番号 : 444  
配列の長さ : 74  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00471

配列 :  
GATCANATTG TAAGCTTTTC TGTTTNATTT CTTTAAAGAA CCTTTGAATA AAAACATCT 60  
GAAATTTTAA NAAA 74

配列番号 : 445  
配列の長さ : 73  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00473

配列 :  
GATCTCTTTG TAGCCATCCT GTTAAATTTG TAAACAATCT AATTAAATGG CATCAGCACT 60  
TTAACCAATG AAA 73

配列番号 : 446  
配列の長さ : 71  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00474

配列 :  
GATCATGTCT GAATTATGTA TGAAAATTAT TCTATGTTTT TATAATAAAA ATAATATATC 60  
AGACATCGAA A 71

配列番号 : 447  
配列の長さ : 69  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00475

配列 :  
GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TCTTGATAC TAATAAAATG ATAAGCATTC 60  
TGTTTCTCN 69

配列番号 : 448  
配列の長さ : 68  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00477

配列 :  
GATCGTAATG TAAAATTCTT TTACCATGTA CAAGAATTAT TAAAATACAG GTACTTGACC 60  
ACATTCTN 68

配列番号 : 449

配列の長さ : 72

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00478

配列 :  
GATCGGGCCC CGGGGGCCTG AGCCTGGGAC CCCACCCNGT GTTAATGAAA AATGAGTTTT 60  
GGCAGCGCCA AA 72

配列番号 : 450

配列の長さ : 64

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00479

配列 :  
GATCCTTTTG TAATGACTTA CACTGGAAAT GCGAACATTT GCAGTAAAAA AATATATATA 60  
TAAA 64

配列番号 : 451

配列の長さ : 66

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00480

配列 :  
GATCATGCAT TTAGATTTAT ATTTTNNCCA NAAAATACAA GGTTATAATA AACTAAGAN 60  
CTACCN 66

配列番号 : 452

配列の長さ : 70

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00481

配列 :  
GATCTCTATT GTAATCTCTA TTGGAGATTA CAATGATTAA ATCAATAAAT AACTGAAACT 60  
TGAANATAAA 70

配列番号 : 453

配列の長さ : 65

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00482

配列：

GATCACTAAT TTTGCATCAG TAAATGAAT TTTTTTAAAA CCAATAAATC ATCAATTATT 60  
AGAAA 65

配列番号：454

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00483

配列：

GATCACAGTT GCGTCATTGT GTATTAAATA CTTGGAATAA ATCAAGCAGG TCTCAACGCC 60  
AAA 63

配列番号：455

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00484

配列：

GATCATTAAAT TGTAAGCGC TTTGTAAAAT TCACATTTAC AAAATAATAA AGTCAGTTCA 60  
AACCTAAA 68

配列番号：456

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00485

配列：

GATCTGTGTC TGAGTCATCT TTGTATCTTG CCTAGCACCT ATCAATAAAT ACTTCTTGAA 60  
TGN 63

配列番号：457

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00486

配列：

GATCATGGGA ATATGCAGAA TTTCCAATGT ATTTTAAAT ACAAATAAAA TTGTAATTTA 60  
GN 62

配列番号：458

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00487

配列 :  
GATCTAACAC TAACTGTATT GTTTTGTTCA CATCAAATAA ACATCTTCTG TGGACCAGGA 60  
AA 62

配列番号 : 459  
配列の長さ : 61  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00488

配列 :  
GATCTCGGCT CACTGCAATC TCTGCCTCCC GGGTTTCAAG CTTGTCCAGG NNNATCTCAA 60  
A 61

配列番号 : 460  
配列の長さ : 61  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00489

配列 :  
GATCAACCTG AGTTTTAAAA TACCTTTAAT AAATATNAGT NGAAAAAATG TCTACTTNAA 60  
A 61

配列番号 : 461  
配列の長さ : 61  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00491

配列 :  
GATCAAACAC CCCACCCTCA CAAAAATGGC CACGTTGCAA TAAAAATTGT GGCATATTAC 60  
N 61

配列番号 : 462  
配列の長さ : 86  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00493

配列 :  
GATCTTTATT TTCCCTTTGT ATTCATTTTA AGCATCTAAA TAAATTGCTG TATTGTGCTT 60  
AATGTAAATA TTTGCTTTAT TACAAA 86

配列番号 : 463  
配列の長さ : 66  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00494

配列 :  
GATCTCTACT ACTGTTGATT TTGCCCTCGG AGCAAAGTGA ATAAAGCAAC AAGATGAAAA 60  
CTGAAA 66

配列番号 : 464  
配列の長さ : 70  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00495

配列 :  
GATCAAACTA GAACTCATAT GCCATACTAG ATATGGTTGT CAATAAACTT ATGACGTGAA 60  
AAAAAAGAAA 70

配列番号 : 465  
配列の長さ : 57  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00496

配列 :  
GATCCAAAAA GTGCGCGATG CGAGTAGTCA AGTCGTACTC CGCCATCTTG CCAAAGN 57

配列番号 : 466  
配列の長さ : 65  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00497

配列 :  
GATCTAAAGC TCTTTCGATT TTATACTGAT TAAATCAGTA CTGCAGTATT TGATTAACCA 60  
AGAAA 65

配列番号 : 467  
配列の長さ : 55  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00498

配列 :  
GATCTAAGGC AAGAGTTTCA GATTTACTGT TGGAAATAGA CCCAACTCTT CATGN 55

配列番号 : 468  
配列の長さ : 56  
配列の型 : 核酸  
トポロジー : 直鎖状  
クローン名 : HUMGS00500

配列 :  
GATCATAAAT ATTAATGGNG AAAACACTGT AGTAATAAAT TTCNATATGC CAGAAA 56

配列番号：469

配列の長さ：52

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00503

配列：

GATCTGTTCA GTGTCACCTCT GTACCCTCAA CATATATCCC TTGTGCGATA AA 52

配列番号：470

配列の長さ：54

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00504

配列：

GATCCCCGGT NGGTTTTGTG CTCAAATAA AAAGCCTCAG TGACCCATGA GAAA 54

配列番号：471

配列の長さ：57

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00505

配列：

GATCATCCGG TTATAGAGCA TAATTGCCA ATAAAGCTTT TGGAAGCGGG AAAGAAA 57

配列番号：472

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00506

配列：

GATCCAGTGT TGGNATTCTT TGGTGTAAT AACGTTTGG TTTTATTTAT NCAGGTAAAA 60

配列番号：473

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00507

配列：

GATCTCATTT ATTGCCACAG ATGCACAAAA TAAATAACCC AAAATCACAA A 51

配列番号：474

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状



クローン名 : HUMGS00510

配列 :

GATCATATAT TTTGACAAAA TATATTTATA ACTACGTATT AAAAGAAAAA AATAAAATGA 60  
GTCATTATTT TAAAGGTAAA 80

配列番号 : 475

配列の長さ : 77

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00511

配列 :

GATCCAAAAC TTTAATGTTG CACNTGTATT CCAAATAAAG GGTAAAAACA GAACCAAAGT 60  
TATAACTCCA ACACAAA 77

配列番号 : 476

配列の長さ : 669

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00532

配列 :

GATCAAAAAG AAGGCTTAGA ATTCTGCAGT TAAGCTGAGG TTAAACTAA AAANTGTTTC 60  
CTTGGGTCAG TGGTTTTNAG GTCCAGTAGC TAGGCTTTTT TCTTTTGTCC TTCCTGTTGG 120  
AATGAAAACA TTTTGATTTT CCTTCATCTG TGAAGGTGC CATAGACACA GGTTTATAGT 180  
TTAACTTAC AGTATTGTTT GAAATTTACC TGTTTTTNTT GTCAAACCTG AGCACTCCTC 240  
CTGCTGAAGT TTCTTATTTA ATTCCAGAGT ACTGTCCTCT ACTCTAAGGC ATTACTTTTA 300  
AGTGTATTAT GAAGGCAGTT TTCAAAGGAT ATGACCAGTT GGGGGTAATT CAAATTAAAA 360  
AGGAAAAGAT TTGTTTGGGA AGTAACTGGG TGTCTCTAAG AGGGAATTTT TAGGATGTCC 420  
AGTTTGGGAG GCTCTTTCCC CCCTCAAATT GAGANGCTCC TTGGTTAATT CAGAGCTCCC 480  
ANGACTAGGC CCTGGGCTAA CCAANCATTN GGGNGGCCAA AGGTTAGGGA ACCATTNGNT 540  
ACCAAGCTTT TGNANCAGGG GGNTTTNTNC CATTTGGGTA ATAGGGCCCT TTTCANGCCT 600  
TTANGGGTAN GCTTTTTTAN CCCNGAAACC NTTNNTNNT TTGNAATTAA ACCGGAACCT 660  
TTTGNCAAA 669

配列番号 : 477

配列の長さ : 651

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00533

配列 :

GATCAACCTG GAGCTCTACG CCTCCTACGT TTACCTGTCC ATGTCTTACT ACTTTNACCG 60  
CGATGATGTG GCTTTNAAGA ACTTTGCCAA ATACTTTCTT CACCAATCTC ATGAGGAGAG 120  
GGAACATGCT GAGAACTGA TGAAGCTGCA GAACCAACGA GGTGGCCGAA TCTTCCTTCA 180  
GGATATCAAG AAACCAGACT GTGATGACTG GGAGAGCGGG CTGAATGCAA TGGAGTGTGC 240  
ATTACATTTG GAAAAAATG TGAATCAGTC ACTACTGGAA CTGCACAAAC TGGCCACTGA 300  
CAAAAATGAC CNCCATTTGT GTGACTTCAT TGAGACACAT TACCTGAATG AGCAGGTGAA 360

AGCCATCAAA GAATTGGGTG ACCACGTGAC CAACTTGCGC AAGATGGGAG CGCCCGANTC 420  
 TGGCTTNGGC GGAATATCTC TTGACAAGC ACACCNTGGG AGACAGTGNT AATGGAAGCT 480  
 TAAGCCTTGG GGNTAATTTN CCCCATANGC NGTTGGGTG ACTTCNCTGG TCANCAGGGC 540  
 AGTTCANTGA ATGTTNGGGG TTNCCTTTAC CTTTNCNTTA GGTNGTCCNA AACAATCCNT 600  
 NAAAGTCTTT GNTTTGNACC NTTCCGNNA TAANGGATTN GGGCCCNAA A 651

配列番号：478

配列の長さ：617

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00534

配列：

GATCAAGAAA GTGGGGGGAA AAAAAACAAA CGTTAAAACC TCAATCCTCA GTAGGAAGGT 60  
 AGATTACATT AGGTGAAATT ATAGGTAATC TATGTATGTN CTAATGGGGT TGGAAAGAAC 120  
 CTTACAGAGC ATATTACCTG ATAACTGGA GTGGGTTTGG GAGAACAAAC TAATAGGATT 180  
 ATNGTNTCTC CTAGTTGGTA CCTGGGAGCA ATTGACATGC CCCCTTCAGA ACCTTAACTG 240  
 TTAGTAGCAG TGGCTGTAAC AACACAAACC AGTGACCAGA GATAACAGCT TTTNGGCCAA 300  
 GCTGGCCTGA CGGTATGGCT GCAGGANGTG ACTGAGCAGT AGCGGTACTC AGCCAGACCA 360  
 AGACGGAGAG GGGAGAGTCC ACAGCTTTCT GGAGCTAAGG CATTCTGGTG GTAGAAAAGT 420  
 GTGCCCNAAG CCTTCATNGG CGGGTTATAN GGTCTNAAGA TAAGTCTCCT CTTGTNTGGG 480  
 ATNCCATACT NTGCTAAATA ACCNNGGTAT TANCCGGGTT TTCCNTGTAA CNGCCTCTNG 540  
 GGAGGAANTG ACTNNGNAAG NTGGCACAGG TNTTTAAGCN TNAATGGAAA GGGNNAATC 600  
 CTNCTCAAAAN TAGAACN 617

配列番号：479

配列の長さ：569

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00535

配列：

GATCTGTCAG CTGCTTAATT AATTGAAACT TCTCTGTCAT TGATGTTGCA TTTCCAAGGA 60  
 GATAATCTCC TTCTTGGTGC CTAATTTTCT AGATGATAAT AGGCTAGTTT TGATTTCTTG 120  
 CTCATTTTCA GAATAACTTT CCAGGAAGAG ATGGCATTTA GAACTTCAGC TTTGGTGCTC 180  
 AGGTATAAAG CCAATTAAGG TACAATTGTA CCATAAAGGG AACAATCTGT TTCTGATTGC 240  
 ACAGTTTCTA ATTTTAAAA CTGNNGTGGT TTGCATTCA TAAAAGGCAA AGTTTACAGA 300  
 NCCATAAACA TTCTCAATTT TCTTTATGCT AGACATATAA ATTTATTTT CCAAACTGTA 360  
 ATAGGATTTG GGGTAAAAAG NTTGTCTCAG GTNCCTCTNC CCANTTTGCC AATGGGGNAA 420  
 AAAAAAGGCT TAATTTTTTA CCATNNTACT TNAATTTTC TAAAACCCNT GGTAACCCCC 480  
 CATTGGNACC CCNATTTTTC CANCTTTAAG GGTCTNGCAT NGGCNGGCTT TTTNAATTNN 540  
 CCCTGGGGGG GTTTTNCCTG GGAGGGCCN 569

配列番号：480

配列の長さ：556

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名 : HUMGS00536

配列 :

```
GATCCTGAGC NTGGTGCTGT GCTGTGGCAT CCGAACAGC TCCGTGTACT GAGGCCCCGC 60
AGCTCTGGCC ACAGGGACCT CTGCAGTGCC CCCTAAGTGA CCCGGACACT TCCGAGGGGG 120
CCATCACC GC CTGTNTATAT AACGTTTCCG GTATTACTCT GCTACACGTA GCCTTTTAC 180
TTTTGGGGTT TTGTTTTTGT TCTGAACTTT CCTGTTACCT TTTCAGGGCT GACGTCACAT 240
GTAGGTGGCG TGTATGAGTG GAGACGGGCC TGGGTCTTGG GGA CTNGAGG GCAAGGGGTC 300
CTTCTGCCCT GGGGTCCCAG GGTGCTCTGC CTGCTCAGCC AGGCCTNTCC TGGGAGCCAA 360
TNGNCCAAGA GACTCAGCTT GGNCAAANTT GGGGGGGNTN TGTNCAACCA NGCCCGCNNN 420
TCCTNTTNGG GTTGAAAAGT TTAACCTTGT TTCCCTTTCT NGCCCGGGTT TTGGAGAACC 480
CGANTTTTTT GGGGNAATTT TTTGCTTTNA ATNAACTTNT NCCTTTTTTA AAAANGTGGG 540
TTTAAACTN TNAATN 556
```

配列番号 : 481

配列の長さ : 551

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00537

配列 :

```
GATCTACTGT CTTTGTCAA AGGTCAAATA AAAACCTAGT CTCCTTTTAT TCTACTTTCT 60
ATTCTTAGCT AGAATGAAAC TCAGCATATA TACACTTCTG GACATAATAA TATTGAATAG 120
TAATTACCTT TACTAGATGA AAGAAATTTT CATTACAAAC TTAAATCATG TAAAACTCAA 180
CAACTCAGAT TCCTGGACCT GGTGTCCTGG NTGGGTCCAA GGTGATTTTA CAGAAGNAAA 240
AANCAACTNA AGCATTCTGG TGGCAACATA GAGATTGTAG GCTGCTTCTA AGGAAGTNAT 300
TAACAATTNG GAAATTCNA AGTAGGATGA GAGTTAGTAA CTGGATACGA GTGAAGTTTA 360
TATCCAAGTT CAGNCTCAAA GGCATNATTA TGATTNGCTT CTCCCATGT CTNCCATGGN 420
CCTGCTTCTC AAAGTTTTTC TNATCNATCA CACTGCTGCC TAACTGCTCT GAGNATGCAT 480
GNGGTNTTCA ATTCAGCGTN NTNTNAATCN GGNNTANCTN TGGATTGGGA TGGGGATACG 540
GACNTTAAGG N 551
```

配列番号 : 482

配列の長さ : 520

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00538

配列 :

```
GATCTTAATT TTGAAATTGA CATGAAAGTG TCATATCAGT AATCTGTGAA CCACCAGTCC 60
TTGGTACCTA TCAGAGGGTC AAAAATCACG ATTAAATATA ACCAAAAAAC TTTATAGTGA 120
CTGATTCAAA TTTGAATACT GGTTTTAGCT AATGTAGTAG TAATGAACTG GTTTGGGGGT 180
AAGATTTTCC TGGTATCTTA TTGCTGTAGA AATTTTCCTT TAACAGTTAC AGTGTTTTCT 240
TCCAAATCCT TCACTTCTCT GTCCTGGCTT GTAAAGAAAA CATCTGAGGA CTGAGGGGTC 300
ATATTTGAAT TGCTCTNTAT AATACCATAG ACTACTCATT GCTTAGACTN TACTAAGCTA 360
GAAATCACAA GAGCATAAGC NACTCTNAAA ATTNATATNA TGNGAATGTA AAAGGTACCT 420
GNCTGCAAAT ATCTNGANCN TCACTTTGGC TCAAGTNTCN NGTTAACCTG TNNNNTAATA 480
CNGNNATGTG AATTNGGCCA CCAGGTCCAT GNTTGGCAAA 520
```

配列番号：483

配列の長さ：517

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00539

配列：

```
GATCATGCTT TTNGTGCCTG TCACCAGGTC TCCCAAGTGC ACTCATCCAG GTCAGTGCTC 60
AGATGTGTTT AAGGAGACCC TATATTCAGG GAAGTTGCGT GAACACTGCA GTGGGGAGAA 120
TTGAGAATAG TCAGGCCTAT CAGTCTCACA GAATCACCCC TCTACCTTTG ATATTCCACT 180
TAGCTGTAGA GTCCATCTGT TTGTCCATCT GCTGAAATGA GAAAAGAAAA ATTTATGCAC 240
TGATTTAAAA CAAACCAAAA AAAAAGAAAA AACCAAAAAA AAAAATCCNT CCTTTCTNGC 300
TGACCAAAAN TGTGCAGTTA ATNCTGGGNG CTTGAAANTG CAGTGGTGAA TNTGGACCAA 360
GCCTGTCTGT ATATCTGGTA GCTCTTTTCT GGCTTNGTTT TTNCTTACCA GTATTCTNGGC 420
CTAACGTTTT GCTTCGGGNN TGGTAATATN NCCTNGNAAG NACANCNGTG GGTGTGGGAA 480
ATGGGTTNGG CAAAANGGAA NTTCCNGGGG TNTTGGN 517
```

配列番号：484

配列の長さ：515

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00540

配列：

```
GATCTTCTGG CTCTACCACC ACAAGATATT ATCCTTGCAT CTNATGTGTT CTTTGAACCA 60
GAAGATTTTA AAGACATTTT GGCTACAATA TATTTNTTAA TGCACAAGAA TCCCAAGGTC 120
CAATTGTGGT CACTTATCA AGTTAGGAGT GCTGACTGGT CACTTGAAGC TTTACTCTAC 180
AAATGGGATA TGAAATGTGT CCACANNNGT CTTGAGTCTT TTGATGCAGA CAAAGAAGAT 240
ATAGCAGAAT CTACCNTTCC AGGAAGACAT ACAGTTGAAA TGCTGGTCAT TTCCTTTGCA 300
AAGNACAGTC TCTGAATNAT ACCNACAACC NGTNTGCGGA CAGTATCAAT ACTGATGAGC 360
AACCNGGCAC ACAAATATG AGCAGACCAC TTCAGCTTGA GGAATGCAGT GGGTCTGAGG 420
ATGGTCAAGT CTGTTTGCCT TAGATTTTGN TGTCATTGG CCACACTTGA AANCTNNTT 480
GGAACAAAAN TTAAATTCG GGTTCCTCAAG GTAAA 515
```

配列番号：485

配列の長さ：510

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00541

配列：

```
GATCTGCAGC TCTCAGAGGA CGACTGAGGC AGCCCATCTG GGGGGCCTGT AGGGGCTGCC 60
GGGCTGGTGG CCAGTNTTTC CACCTCCCTG GCAGTCAGGC CTAGAGGCTG GCGTCTGTGC 120
AGTTGGGGGA GGCAGTAGAC ACGGGACAGG CTTTATNATT TATTTTNNAG CATGAAAGAC 180
CAAACGTATC GAGAGCTGGG CTGGGCTGGG CTGGTGTGGC TGCTGAAGCC CCACAGCTGT 240
GGGCTGCTGA AGTCAGCTCC GCGGGGGAGC TGCCCTGACG TCAGCAGACC GAGACCAGTC 300
CCAGTTCCAG GGGGAGGCCT GCAGGCNCTG GCCCTTCCAC CACCTNTGCC CTNCGTCTGC 360
```

AGANCTTGGT NCATCTGCAC CAGGCTCTGC TTNACTCNNN NANAGTNTTT GGAAATTTGT 420  
TCTNNTCTN TGAAAGTCAC ATTTGNTTNT AAAAATTTTG TGGNTTGAAT CGGAAACGGG 480  
AAGNAATAAA GCGGTGGGNG GNAGGGCAAA 510

配列番号 : 486

配列の長さ : 507

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00542

配列 :

GATCCTTACA TCTGCCCATT CTGTGGTTAG TCAATGGCTT GCAATAAATG TGCAAACTGC 60  
ATCTATAGGA AACATTTTGT TGATTACGGA ATACTTTAGT TGATTGCTGA AAATATTGAA 120  
AGGTCTTCAT TTTACAGTGA TGAGTACATA TGCATGTTTC GGGGACTTGG CCCTTCTGAT 180  
GAGGGGCCCT CGGTACTCTG GATAACGAAG CTGTGCAGA GTGGTAACCA TGCTTACACA 240  
CTAAACTATA ATATAAAGGA AATGAAGCCA TGTTAATCTG AGAGCAGTGT CGCCATAGTT 300  
GTGTTGTTTA CAATACTCTA TAAATGGGGT TCCTGTTGCC CTGTAATTAA CCTGCTGCCC 360  
GTAGAGGCCT TTCCAGTTCC TTTCTGTCC TTNCCCCTTT CTTAACACAA GCTCAAATTT 420  
TCCTAACTNG GTTTTNNATT TGGAGGNCTT TTA AAAANGN CCATTTTCAA TACCATNAAA 480  
ANTAACCAGG GCTTTATAAT ANTTAAA 507

配列番号 : 487

配列の長さ : 155

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00543

配列 :

GATCCACTAC CGGAAGAAGA AACAGCTCAT NAGGCTACGG AAACAGGCCG AGAAGAACGT 60  
NGAGAAGAAA ATTGACAAAT ACACAGAGGT CCTCAAGACC CACGGACTCC TGGTCTTAGC 120  
CCAATAAAGA CTGTTAATTC CTCAAAAAAA NGAAA 155

配列番号 : 488

配列の長さ : 499

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00544

配列 :

GATCTTAAAA ACTAATTCT AAGATGATTT CATCTTCTCA TAGTATAGAG TTTACTTTGT 60  
ACACGTTTGA AACCAACTAC TGTAGAAGAT GAGGAATCTA TTGTAATTTT TTGCTTTATT 120  
TTCATCTGCC AGTGGACTTA TTTGAAATTT TCACTTTAGT CAAATNATTT TTNGTATTAG 180  
TTTTTGATGC AGACATAAAA ATAGCAATCA TTTTAAATNG TCAAAATTTT CAGATTACTG 240  
GTAAAAATTA TTTGAAAACA AACTTATGGG TAATAAAGGC TAGTCAGAAC CNTATACCAT 300  
AAAGTGATAGT TACCATACAG ATTAATATGT AGCAAAANTG TATGCTTGAT ATTNCTCACC 360  
NGTGNTAATG TTNCTGCNGT ATTCCAGCNG ACCAAACCAA TATTAAGNAT GCATCTGTAT 420  
AAAATGGGNG CCTATNGGNT AATGGGAATN ATTNGGGTAA TNGGCCTNTA CCNGGNTGGT 480  
NATAATGGNG CCCTNTGGN 499

配列番号 : 489

配列の長さ : 516

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00545

配列 :

```
GATCTACCCC GGACACGGGA GGGCTACGC CAGGNCCGAC GGGAAGGTTT TCCAGTTTCT 60
TAATGCGAAA TGCAGTCGG CTTTCCTTC CAAGAGGAAT CCTCGGCAGA TAAACTGGAC 120
TGTCTCTAC AGAAGGAAGC AAAAAAGGG ACAGTCGGAA GAAATTCAAA AGAAAAGAAC 180
CCGCCGAGCA GTCAAATTCC AGAGGGCCAT TACTGGTGCA TCTTTTGCTG ATATAATGGC 240
CAAGAGGAAT CAGAAACCTG AAGTTAGAAA GGCTCAACGA GAACAAGCTA TCAGGGCTGC 300
TAAGNAGCA AAANAGGGCT AAGCAAGCAT CTAAGGNC TTGCAAATGG CTGCTTGCTA 360
AGGCACCTTC AAAGGGCAGC ACCTTAGGCN AAAAGGATT GTNTAAGCCN TGTGAAAAG 420
TTCCAGCTT CCCCGTNTT TGGTTGGGA NNGNTAAAC CTTGGCAGGG TTTGNTTTT 480
TTTAATTAAN AGGTTTGGG TTTAANCTN TTAA 516
```

配列番号 : 490

配列の長さ : 497

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00546

配列 :

```
GATCAAGCTG ACAGACCCNN CTCTGCTCTG ACCTGGAGGT CTCCACTCTG GTCAGCAAGT 60
ATCCAGACAT CAGGGATGAC CACATCGGTG CGCTNCTGGC TGTGCGTGGG GACGCCAGCC 120
GTGACATGAA GCAGACCATC ATGGAGACCC TGGAGCAGGG CCCAGCACAG GCCAGCCCCA 180
GCTACGTGCC CCTCTCAAG GACATTGTGG TGCCCAGCTG AACGTGGCCA AGCTGCTCAA 240
GTAGCCTCCG CGGNTGCCT GCTCGCCCTC CACAGCTNGG TCCTGCTTTA GAACGCGGGC 300
AGTNATTGTC TCTTGGCACA CGTGTCTTT TAGTGACGGC TGTNTTLAGG TGCANTGTNA 360
TGACNNGGTG TGCCTCGAGT GANGTCNGAG GGCACGTGCG GAGGCNGTAN TTTGCTGTAA 420
AGGCTGTGGG TTCAGNGTT NCNGACAGCG TTNNTTGGT GTTGTNTTC AGNGGTGAAG 480
TGTTNGGGAA AGNGNCN 497
```

配列番号 : 491

配列の長さ : 494

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00547

配列 :

```
GATCCAAGAA ACAATTTCTG ATAATTGTGT GGTGATTTTN TCAAAAACAT CCTGTTCTTA 60
CTGTACAATG GCAAAAAAGC TTTTCCATGA CATGAATGTT AACTATAAAG TGGTGGAAGT 120
GGACCTGCTT GAATATGGAA ACCAGTTCCA AGATGCTCTT TACAAAATGA CTGGTGAAAG 180
ANCTGTTCCA AGANTATTTG TCAATGGTAC TTTTATTGGA GGTGCAACTG AACTCATAG 240
GCTTCACAAA GAAGGAAAAT TGCTCCCACT AGTTCATCAG TGTTATTTAA NNNNAAGTAA 300
GAGGAAAGAA TTTCACTGAT GTTTATACTA ATAAGTTTGC TAGTACAGTG TCAGTTATTT 360
```

AAAGTGGTAA TGCCCGNTAA TGTCTTTTAA ATGTTTTGAG GGATGTTTAA AAATACATGC 420  
 NATTGTCTTC ACGGAGGAGG GNTGTAAAAA TTANTGGGCC AATAAATTGC GGGTGGGAAN 480  
 CCNTNTTCTT NAAA 494

配列番号：492

配列の長さ：489

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00548

配列：

GATCTTGACG AGGCTGCGGT GTCTGCTGCT ATTCTCCGAG CTTCGCAATG CCGCCTAAGG 60  
 ACGACAAGAA GAAGAAGGAC GCTGGAAAGT CGGCCAAGAA AGACAAAGAC CCAGTGAACA 120  
 AATCCGGGGG CAAGGCCAAA AGAAGAAGT GGTCCAAAGG CAAAGTTCGG GACAAGCTCA 180  
 ATAACCTAGT CTTGTTTGAC AANGNTACCT ATGATAAACT CTTTAAGGAA GTTNCCAACT 240  
 ATANACTTAT AACCNNAGCT GTGGTCTCTG AGAGACTGAA GATTCGAGGC TCCCTGGCCA 300  
 GGGCAGCCNT TCAGGAGCTC CTTANGTAAA GGNCCTATCA AACTGGTTTC AAAGCACTGA 360  
 GCTCANGTAA TTTACACCAG AANTACCANG GGTNGAGATG CTCCAGCTTG CTTGTGAAGA 420  
 TGCATGATTA GGTCCACCAG CTGTACATTT GGAAGAANTA NANCTTNTGT TAAATCAATG 480  
 NGGTNNAAA 489

配列番号：493

配列の長さ：487

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00549

配列：

GATCCTCTGN CACGGGATAA ATTTNCAGGN GAAGAGTGAG GTTGTCATGG CCTCAGCTAT 60  
 GCTTCCNGGC TCTCCCTCAA GAGTGCAACC TTGGCTAGAG AACTCACAGC TCTGGGAAAA 120  
 AGAGGAGCAG ACAGGGTTCC CTGGGCCCAG TCTCAGCCCA GCCACTGATG CTGGATGACC 180  
 TTGGCCTGAC CCTGGTCTGG TCTCANAATC ACTTTTCCCA TCTGTAAAAT TGAGATGAAT 240  
 TTTNGTGTTG AAAGTNCTTC CNNGAGCAGA TGTCCTAGAA GGTTTTAGGA ATAGTGACAG 300  
 AGTCAGGNCA CCCNAAGGGC CATGGGGAGC CAGCTGACCT GCTTNGCCGA AGGATTTCTG 360  
 ACAGACTATC TTTGGGGATG TTTTCAAAGA AGGGATATAG GTTATTGACN TNNGGGCATT 420  
 TAAAGNAAAT TNTNTCTCGG GGATTAANTT TTTAGGANAA TNAAAGCTTT NGTGTCTANN 480  
 GGCAAGN 487

配列番号：494

配列の長さ：481

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00551

配列：

GATCCCCAGC TGCCACTGAA TCTGGCTGCC CTTAGGCCC ACCTGGCCCA GGAGAACCGT 60  
 GTGGTGGCCT TCTTCAGCCT GGCTCTACTG CTTGCCCCAC TGGTGGAGAC GCTTATTCTA 120  
 CTGGACCGGC TGCTGTACCT TCAGGAACAG GGTTTCCATG CTGAGCTCCT GCCCATCTTC 180

AGTCCTGAAC TCTCTCCCAG AAACCTGGTT CTGGTGGCCA CCAAGATGCC CCTGGGTCAG 240  
 GCTCTTTNTG TTCTGGAGAC TGAAGACAGC TGATGCAGCC TGAGGAGACA TCTCAGACCC 300  
 CATCATCTGA AAGTGNCCAG AGAGCACAGT GGCAGAGTAC ATCTNATCCA GAGAAACAGC 360  
 ATCCTGCATC CTCCAGAGTC CTGGTTCCTT CAAGTTTCAT CNCTTTTNTC TCCTTTCCAT 420  
 GGGNTTATGT AAATACAATT GTAAAGTTTT AATTAAATTA AAAAATTGGG TTATCTGGAA 480  
 A 481

配列番号 : 495

配列の長さ : 472

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00552

配列 :

GATCTAAGCT CCAGGCACGC CTGAAGATGT GTTGCTACTC TNACATCCCG AGTTTCTGTC 60  
 CACACATTGC ATGCACAGCG CCCACACAT TGGATACTGT TGTTACAGAT AATTTCTCCC 120  
 GTTTTCCAGA GCATTTAACA TAGCTTGGAG GCGTAAAATG GCTCTGTATT TTAATAACAC 180  
 AGAAACATTT GAGCATTGTA TTTCTCGCAT CCCTTCTCGT GAGCNCTTAG ACCTTTTNTC 240  
 ATTTTAGTCG GATTTTGTTC TGGAAATTTG CTTTNGTATG AACACTCAGC AGAAAAGTAC 300  
 TTAATCTCTG CCAGTTATCT ATTAACCAAA ACCNTTGATT TGTAAGTTTA AAGNTTAACC 360  
 GNCAAAGTTC TNTNCATAAC TGCCTTGGCC AGTNNGGGT NGTNCCGGTN CTGGTTAATN 420  
 GCCTGTGGCN TTTTNGGTGG TTTGTGNTTG GTNTTTACNT GNGCANTTAA GN 472

配列番号 : 496

配列の長さ : 461

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00553

配列 :

GATCAACCAA TTTTNTAAA AGTTCAGTCG AAAGCTTTTA AGTATAGCTT CCTCCCTTGA 60  
 AAAAAAATGT AAATATGAC TGCTGAGTGA TAAACACTG TGGTGTGAAA GTNTCATCTT 120  
 CACTGCCAAT CAGGCAAAGA CCGGAAAGAT TTGCATTTTA TTATGTCTGT CTTATCATGC 180  
 AATGGAAATN ATGCTTTTNG TAAGTATGCA TCTTACCAAT GATGTAACGG TTAATACCN 240  
 TTGAATGTTT TAATAACCAA GTNGCTGCTG AACTTATACT AAATCAGGGG CCAAAAAACT 300  
 NGCTCTNATC NNCTCAAATN GTATNCNATA TCCATTAATG TATCAGTTAT NCCAAAGCCT 360  
 TCAGGTGGAG GGGTTTACCA CCNTCCTAGG TCGTTCAACC AGGTTTTGTG AGGAATGCAT 420  
 TCAAAGTGGC TNTATAAAAG ANGATTTTCT TTAGCATGAA A 461

配列番号 : 497

配列の長さ : 459

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00554

配列 :

GATCCCAAAA TTCCACTTTT CAACACAGAT GTGGACAACC TAGAAGGGAA GACACCACCA 60  
 GTTTTNTCTT CTAAAGGCAA ATACAGGGCT CTGAAAATGG ATTTTCCTCT ACCCCCTTCT 120



ACTTACGNCA CCATGGCCAT TCGAGAAGTG CTA AAAATGG ATACCAGTAT CAAGAACCAG 180  
 ACGCAGCTGA ATACAACCTG GCTTCGCTGA GCAGTACCTT GTCCACAGAT TAGAAAACGT 240  
 ACACAAGTGT TTGCTTCCTG GCTCCCTGTG CATT TTTGTN TTAGTTCAGA CTCATATATG 300  
 GATTTCAAAT CTTTGTAATA AAAATTATTT GTATTTTAA GTNTTTATTA GCTTAAAGAA 360  
 ATAATTNGCA ATATTNGTAC ATGTACACAA AATNCNGGAG GTTCTTANTT TTAGCTCAGG 420  
 NTATAAATNA GTCAAATNCN NNGGTNNNGG NTNNGNTGN 459

配列番号 : 498

配列の長さ : 481

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00555

配列 :

GATCCAGCAG AGAAGGATGA AAAGGGCATG CCTGTGACAG CTCGTGTGGT GTTTGTTTTT 60  
 GGTCTGATA AGAAGCTGAA GCTGTCTATC CTCTACCCAG CTACCACTGG CAGGAAC TTT 120  
 GATGAGATTC TCAGGGTAGT CATCTCTCTC CAGCTGACAG CAGAAAAAAG GGTGGCCACC 180  
 CCAGTTGATT GGAAGGATGG GGATAGTGTG ATGGTCCTC CAACCATCCC TGAAGAAGAA 240  
 GCCAAAAAAC TTTTCCCGAA AGGAGTCTTC ACCAAAGAGC TCCCATCTGG CAAGAAATAC 300  
 CTCCGCTACA CACCCAGCC TTAAGTCTCT TGGAGAAGCT GGTGCTGTNA GCCAGAGGAT 360  
 GTCAGCTGCC AATTGTGTTT TCCTGCAGCA ATTCCATAAA CACATCCTGG GTGTCATCAC 420  
 AGCCAAGTTT TTTANGGTTN CTATACCAAT GGGTTTATTT AAATGAAAAT GGGCACTTAA 480  
 A 481

配列番号 : 499

配列の長さ : 453

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00556

配列 :

GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT GGCTGGAATA 60  
 AAGGTACAGA TAGAGGCCCTC ACCCCCTCTG GGACCACTGG CACTCAGGGT GTTTGCAGCC 120  
 TCAGAGCCCA CCTGCCCCCA GGGCCACAGC TGCATCTCCT GCCCTGCTGT CATTACAGGG 180  
 ATGGGCAGGC TGGCATGGGG GCACCCGCTG CCCCTGCCTG GNTGTGCTG TGTATTCCTG 240  
 CCGGCCAGGG GCACTGCCAG GACCACGCCT CCNTTTT NAT ATCCNGATTC TTAAGTTCTG 300  
 CTATTGTGGT ATTCTGGTGG AGAAAAAGA CCGNGTGGCT GTTTTTGAAC TGCCTGGAAC 360  
 CTAAGACCCT GAATTCTTTT CCCCCAAGG GAAAATCTAT ATGGAAACAT TTATT TAAAT 420  
 ACAGGATGAA GTAATTAAAA GNTTTAATTC AAA 453

配列番号 : 500

配列の長さ : 446

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00557

配列 :

GATCAAAGTT GGCAAGGTGC GGA CTGAGA CATGGGCGGC TACAGACCAC AACCGACTTC 60

ATCAAGTCTG TCATCGGTCA CCTGCAGACT AAAGGGAGCT AGAGCCCTTT ATTTCTTCCA 120  
 ACCTTGCAAG GACCACACTN CCCATACCNT TCAGTGCAGT GTACCAGGGA AGAGCCTTGT 180  
 GCCTCTAAGC AGTGGACCAT GGTACACCTG CTGGGTAGAG CCTAGGTTGT CCTGGGCCG 240  
 GCTTCCTTAG GGGACAGACT NTTGGGTGGT GATGGGGATT GTAGGATGGA GCCAGGCACA 300  
 TGGATGATGA TGATTCTCCC NCACAGGTC GAACCTCTGA CATGGGTGGC TATGCTACTN 360  
 GCNATGCTTA NTGAGGNTGT CATTGCTGCT TTNCCNAACC ATAGGCCTGT CATACNNTGT 420  
 AAGGNGTCAA TAAGGACATG ACCAAA 446

配列番号 : 501

配列の長さ : 434

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00558

配列 :

GATCCAATTC AGGTTAGGCT TGTTTGATTT TTTTTTTCAG AAAATGTATT CCATAAAGTT 60  
 TGTACTTAGA CCAGACGGGT GTACTAAGAA TCATTCATGA GTAAATGTGT GTTGAATATC 120  
 TACCCTTGAC CTTTTTTTGA GAAATAGAGT AAACACAGTC CCTGTAGTCT GACAGCTAAT 180  
 GGGGAGAGAG GGTAGACTTT TCATCGAATT AAATTTCTAC ATGCACCTTT CCCCCAGAAA 240  
 TCTTACTCAT GGCTGGTCTC AAGTAAGTCT TTATTGAAAA ATATNGACAT ATCTNCTTCC 300  
 TCTTCCTTCT CCTCACTGTC TTCCTTTTAG TAGTTAGGCA GAGTTAATAG GTAAGAAAAA 360  
 TTATCTGCAT TTATGTGTAG TTTGTAATCT ACTAAAGGGG TTCTAGAATA AATGTNGNCA 420  
 TNTNGTAACN GAAA 434

配列番号 : 502

配列の長さ : 430

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00560

配列 :

GATCAAAACAG GTTCAAAGTA AAACGTAAAA TTTCACATTT NTTTTAAAGA ACTCTTAAAG 60  
 TGTAACAGTT ACGCCATACT TCATAAGTGG TAAAGAAAGG TATAAAATTT GGAAACATTT 120  
 TGTTGGGCAT AGTAGTGATT GGGTGAAAAG GATAAATTAT ATCAAAATGA GAATGTNCTG 180  
 TAATTGGAAG TAGGGAGCTA AAGGATGTTT CTTTCAGTTT AGTAGAACTG GAACGTTTTA 240  
 CTATTAAACA TGGCTTTTAT AAATNCATGG TCCAATAATT TTATTCAGT TTAGTATTTA 300  
 ATTCAGTGC AGCTTATTAA TGTTTTCTGT ACCCATTAAT GAATTTTAAA TTACAAAAAA 360  
 TTGTCTAGCA GCTTCCAGTT TAANAAATGG AACCTAGGCC ATTAATAATTA AATTTGGTAA 420  
 ATTTTTTAAA 430

配列番号 : 503

配列の長さ : 428

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00561

配列 :

GATCCTAAAT GTGTTGCTGA AATCAGGCAG CCCGAGCCTC TGGTCTCTCC AGAGAGCCCG 60

TNTTCACATT TGTNTATTCC TCAGCACTCA CCCGAAACTG AACAGATGGG GAGTGGTCTT 120  
 GATTGTCAAG ATAAAACTGG TGAAGAAAGC TAAATGCTGA GAAACTGAGC ATCTATTGTG 180  
 GTGTTTAAAGC TTAGCTGGGT CCTTTCTAGT TTGTTTTTAC AGCTTACTAG GTGAAGTAGT 240  
 TTGCACTATT TTNGCAATAA ATTCATGGAA AACCTAACAG TTACTNGTNT NGTTTCTNAC 300  
 TGTGTGTATA TAANCTAATA CTAAANGTNT GGCATAGTGT TTNTGCACCT NCNTACATAA 360  
 CCNCTAACAT GCACAGAATG CTGGTAAATN TGATAAANTA TGANGTGANT GATGATNNGA 420  
 TANAGTGN 428

配列番号 : 504

配列の長さ : 422

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00562

配列 :

GATCCTCACC CTCCTGAGGC CCAGTGGGGA AGAATGAACA TGGCTTCATC CAGGTAACT 60  
 NATGCTGCCA TTTGCCCAGC CTCTCCATC CCAGCCCTGT CAGTNAGCCC AGGTCTGGTG 120  
 CAACTNCTGC AGGATGCCTG TAGTAGGGAA CTCTGGAAGT GTATTGGGCT GAGGTGGGAT 180  
 TTTCCCTCCC CACAGTGCAC TGAGCAATGG AGGGTGGTGA GGGAGCCATG CTGCTGAATT 240  
 CTGGTTGGCA TTTCCCCATT ATGTAAAATG GGGTGTGGG TAGGGCAGAC TCTGCTGGG 300  
 TTTGGTTGTA AGATAAACCT GGAGGAGAAG CACAGTTGTC CCATTGAATT ATTTGAGCAA 360  
 AAATACTGT AAATAACTTT TTTGGGCTNT TGTCAAATAA AATTTTTTTT TGTTTNTTTA 420  
 AA 422

配列番号 : 505

配列の長さ : 417

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00564

配列 :

GATCTGATTC AGAAGGGCGT CATCCAACAC AAAGAGAAAT GCAACCAATG AAGAATCAAG 60  
 CCACTGAGGC AGGGCAGAGG GACCTTTGAT AGGCTACGAT ACTATTTTCC TGTGCATCAC 120  
 ACTTAACTCA TCTAACTNNT TCCCCGGACA CCCTCCACCT CTAGTTGTTA CTAAGTAGCT 180  
 GCAGTAGGCA TTGCTGGGGA AGAAACAAAC ACACACCAA CAGTACTGCT ACTTAGTTTC 240  
 TAAGGCTGCA CAGGGAAGGG AAAGACTGGG CTTTGGACAA TCTAGAGGTA ATTTATATCC 300  
 GCCCCAGGT GGAGCAACAT GCGATTNTGG AGGCACGGGG GTAAGTGAAG GTGAGTACAT 360  
 ATAGTNTTTC TGGTTTCTGG GGATAACCCA TCAATAAAG CTGCTTCCTC TNGTAAA 417

配列番号 : 506

配列の長さ : 421

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00565

配列 :

GATCTTCTTT ATAATTCTAC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TNAGCAGGTT 60  
 GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT GGGGAGCAGA GAATTCTCTT 120

ATCCAACATC AACATCTTGG TCAGATTGGA ACTCTTCAAT CTCTTGCACT CAAAGCTTGT 180  
 TAAGATAGTT AAGCGTGCAT AAGTTAACTT CCAATTTACA TACTCTGCTT AGAATTTGGG 240  
 GGAAAATTTA GAAATATAAT TGACAGGATT ATTGGAAATT TGTATAATG AATGAAACAT 300  
 TTTGTCATAT AAGATTNNT ATTTACTTCT TATACATTG ATAAAGTAAG GCATGGTTGT 360  
 GGGTAAANCT GGGTTTATTT TTNGTTCCAC AAGTTAAATA AAATCCATAA AACCTTGGA 420  
 A 421

配列番号 : 507

配列の長さ : 413

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00567

配列 :

GATCCCANAC TGGTCNTTGA ACAGACAGAA GGANGTAAAG GNTGGAACT ACAGCCAGGT 60  
 GTGTACTGAA ATNAGGGCAG GATTAGAGGA AGGGTGGAGG GTCCTAACAG AATTGGGCAT 120  
 AGGAGGTCAG GGGATAAAC ATCCCTTGCC CCCTCCTCTG AATCCAGGNC CTAGCCAATG 180  
 GNCTGGACAA CAAGCTCCGT GAAGACCTGG AGCGACTNAA GAAGATTCGG GCCCATAGAG 240  
 GGCTGCGTCA CTTCTGGGGG TGAGTGGGGG GTCTCATCTC CCTGCCTACC TCGACTCAGC 300  
 ATTCCTCCTA CTCGNTCTTC TTNTTTTCCC AACCTTTTGG TTTCTTGCTT GTNCATGACC 360  
 TNGTGACTTN TTCNTNTTTT TACCNTGCAN GCCTTTNGTN GTCCTAGGNN CAN 413

配列番号 : 508

配列の長さ : 407

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00568

配列 :

GATCTNAGGG TGAACCACTT CATTCTGCAG GGTCTCCCT CCCACCTTAA AGAAGTTCCC 60  
 CTTATGTGGG TTGCCTGGTG AATGGCCTTC CTTCCCGCCA NAGGGCTTGT AAACAGACCG 120  
 GAGAGGACAG TGGATTGTTT ATACTCCAGT GTACATAGTG TAATGTAGCG TGTTTACATG 180  
 TGTAGCCTAT GTTGTGGTCC ATCAGCCCCT CACATTCCTA GGGGTTTNAG ATGCTGTAGG 240  
 TGGTATGTGA CACCAAAGCC ACCTCTGTNA TTTGTNGTGA TGTCTTTNCT TGGCAAAGC 300  
 CTTGTGTATA TTTGTATATT ACACATTTGT ACAGAATTN GGAAGATTTT CNAGTCTAGT 360  
 TGCCAAATCT GGCTCCTTTA CCAAAGGAN ATTACCCTTG NGGNAAA 407

配列番号 : 509

配列の長さ : 402

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00569

配列 :

GATCAAACAG TTTCTGGAGT GTGCCAGAA CCAGGGTGAC ATCAAGCTCT GTGAGGGTTT 60  
 CAATGAGGTG CTGCANCAGT GCCGACTTGC AAACGGATTG GCCTAATGAA GAAGTTCAAC 120  
 CTGGAGAGAT GGAAAATCAG CTCTCATAAC TANGTTAATT TAGTATAAAA NTAGAATTGA 180  
 TAGTGAGGGT ATAAAGTGTA ACCATCAGTT AAACCTCTCC TGTCATTCCT GGCTTCCTTG 240

CTTCAGANTT GAAATGGAAG TGGGGGTGTC CCTACTCTGT AGAATCTGGG NCTGGGCAAA 300  
 TGTITGTTTG GCCTCCTTAA ACTAGCTGTT ATGTTATGAT TTTNTTCTT TGTGAGTTAA 360  
 TTAGGAATAA AGTCATTTTC TTCCAAGGG TATGGTTCCA AA 402

配列番号 : 510

配列の長さ : 396

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00571

配列 :

GATCATGAGA AGGAATGGAA ACTAGGCCGG TGCATTTTAC GGTTCCTGA GATTCTGCAA 60  
 AAGATTTTAG ATGACTTATT TCTCCACACT CTCTGTGATT ATATATATGA GCTGGCAACT 120  
 GCTTTCACAG AGTTCTATGA TAGCTGCTAC TGTGTGGAGA AAGATAGACA GACTGGAAAA 180  
 ATATTGAAGG TGAACATGTG GCGTATNCTG CTATGTGAAG NAGTAGCTGC TGTCATGGCC 240  
 AAGGGGTTTG ATATCCTGGG AATAAACCT GTCCAAAGNA TGTAATCCTT CATAGGTTTG 300  
 ACACTGTGTG TTTTACCAA GTGGCCATTG GNACTGTTTG CTTTTTTACA ATCATGTGGG 360  
 CACAAGCNTA AGAAAGGAAA TTNGCAACCA GGGAAA 396

配列番号 : 511

配列の長さ : 384

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00572

配列 :

GATCCAATCA GATGCAGAGA ATGTGGATAC AGAATAATGT ACAAGAAAAG GACTAAAAGA 60  
 TTGGNCGTTT TTNATGCTCG ATGAATGCTG GGAATTCAGA GGAATGTNTT CACTTATACT 120  
 TGGATTGCT CTCTTCCCAT TTCTGATTGT NGTATAGCTT TCGATTTTNC TTACAGTAGT 180  
 TCCCCCTTAT CTNCGGGAGA TACATTCCAA GGCCCCCAGT GAACTCCTGA AACCTCAAAC 240  
 AGTACCAAAC CTTTATACAC TGTTTTTTCC ATATATATAT ACCTATGATA AAGTATAATG 300  
 TATANNTTAA GCATAGCAAG AGATAATAAT AATGTNATAG NCCATTGNTA CNANCTATAN 360  
 TAANNGGTTA TGTGANTGTG AAAA 384

配列番号 : 512

配列の長さ : 383

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00573

配列 :

GATCAGAGCA AAACATGCAG AGCCCTTAGC AGAAACCCAC TTTAATGCAT TTTCTTCATA 60  
 TCCCTAAAGT TCCTTAAAAA TATGTGACAA TGCATCAGGA AGAGGAGAAC TGAAGAGTAG 120  
 AAGTTCCCTT GCAGATTTTT TTATCAGTGA CATGTAATGA GCAATTCACA GATGAGCGCA 180  
 GGCAGAGCTC TGTGTGCCGT GTACATATGG ACCGTGCTAT GATGTGTCTC ACATTGGATG 240  
 ATATTCCACT TTGGGAATTT TAGTATTTGT ATATAGAAAA TGGGTTTAAT AACTCACCAT 300  
 GGTTTTNATT NGTCTTATAT TCGTTATTTT TTAACACTCT NGTATGTGTT TTTATAATAA 360  
 ANAATAAAAG TAAGCCATGG AAA 383

配列番号 : 513

配列の長さ : 381

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00574

配列 :

```
GATCCAAAAT CATACTGTCA AGACCATCAA ACAAACAAA GAAGCTTAAG TGAAC TAAGC 60
ACAGGGAAAA GTTGT TTTT CACTCGTTCA TTTTGT CATC TGCTTCTAGA TGCTGCAATC 120
AAGAAGTAGC AAATGCCCAA GTTGCCATAG TGTTTGCAGG AAAAAAAGAG AAAAAATAAT 180
AAAAATAAGG AAGGAGCAAT GCCAAAAATT GAAGGAAATA TTATATAATT AANGCAAGAA 240
GNTATCTATC CATTGAGNGA AACAATTTT ATATTATTG CTTT TAGCNG CAAAGCATT A 300
GGAATTCTGA GATTGTTATA GCACTAAGAA GGT TTNATT CTGTGTACAC ACTGGAAAA T 360
TAAATTTCTG GGTAAAGGAA A 381
```

配列番号 : 514

配列の長さ : 381

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00575

配列 :

```
GATCCCCCTG GAAGAGGGAC TCCAATGGGC ATGCCCCCTC CGGGAATGCG GCCTCCTCCC 60
CCTGGNATGC NAGGCNTTCT TTNACCCCTG GCCACAGAGT ATGGAAGTAG CTCCGCAGAG 120
GCGTGGGCTC GATTCTCAG GGCCACGTTA CCACAGACCT GTTGT TTTCT NATGCTGTTG 180
TTCGTGGAGT CTCATGGGAT TGTNTGGTTT CCNTTACAGG GCCCNCTCCC CNGGGAATGC 240
GCCCACCAAG GCCNTAGACT CATCTTGGCC NTCCTCAGCT CCCTGCCTGT TTCCGGTAAG 300
GCTGTACATA GTNCTTTTAT CTNCTTGTGG CCTATGAAAC TGGTTTATAA TAAACTNTTA 360
AGAGAACATT ATAATTGCAA A 381
```

配列番号 : 515

配列の長さ : 377

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00576

配列 :

```
GATCTGCGTG GGGCTGGTGG TGGTTGGTGT CCTGCTCATC ATCCTGATTG TNCTGCTGGT 60
CGTCTTTCTC CCTCAGAGCA GTGACAGCAG TAGTGCCCCA CGGACCCAGG ATGCAGGCAT 120
TGCTCAGGG CCTGGGAAT GACCCAGCTG GTCCTGAAGG AGAAGCCAAA TGGCTGCACT 180
GGCCGATTCT GGTCTCCAGA GGACCTTGGT GTTGTCTCTC CCTTGACCCA CCCCAGTNAG 240
TGCCAAAGGG CAGCCCCAAC ATGTGCACCC CTGCATTTC TGT CATGCCA CAGACTGGCC 300
CTTGAGGGCA GCCTGCTGTA CTGGCCATGC TGGGCCAGCC NCACCTGGAG CTCAGTAAAA 360
ACTGCTGTTT GATTAAA 377
```

配列番号 : 516

配列の長さ : 375

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00577

配列：

```
GATCACACCA GTTCAGAGAG CTACACTTTA TGGGTAACAG TTTCACCTGT NATACAGTTC 60
CCTAGAACAT TTTCCCAAAA GTAGTGAAGT GCAAAGTGCT TAGGTTTGAC ATTTATTGTA 120
GCAGAACAGT AATATCACAG TATGGGACAA AGGTTTACAC TTTGCAGGGT ATTCTTTGGG 180
GGAATGTAA ATACTGTAAT AAAAACATGT TCAATCATGG TAAAATGTTT AACTNGTTAA 240
ANTTACAAAT GGNCAAAAAA NATTTTTTTC CTNATATATN GCCTAANTAC CAAATGAAGN 300
GCTTAANCTT AAGNTTCAAT GTGAAANCGA GTAAATNTGT TCCTAAATTT GCAGNAATAA 360
NAGATANCCN GTANN 375
```

配列番号：517

配列の長さ：374

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00578

配列：

```
GATCCATGTA CTGTCATGTT TTTTTCAGG AACAAGCACA TCATGATTGA TTTGGGGACT 60
GGCAACAACA ACAAGATTAA CTGGGCCATG GAGGACAAGC AGGAGATGGT GGACATCATC 120
GAGACGGTGT ACCGCGGGGC CCGCAAAGGC CGCGGCCTGG TGGTGTCCCC CAAGGACTAC 180
TCCACCAAGT ACCGCTACTG AGGCGCCTCA GTCTGCGCGG ATAAATGTCG TGGAGCCCTT 240
TTTGTATGGA AACGTTTTAA GCTATTTAAA GCCTTTGGAA AATACAGGAN GTNCAGGGCT 300
GGAGCACCTC TGAGATGGAA TTGATAACAT GGTCTTAACT CACCGAAATA AACAAGCACG 360
TNGTGAGNGG NAAA 374
```

配列番号：518

配列の長さ：374

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00579

配列：

```
GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGNAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAG GACTCCGGA AGGCCAAGAC AAAGGCGGTT 120
TCCCCTCGC AGAGAGCCGG CTTGCAGTTC CCAGTGGGCC GTATTCATCG ACACCTAAAA 180
TCTAGGACGA CCAGTCATGG ACGTGTGGGC GCGACTNCCG CTGTGTACAG CGCANCATCC 240
TGGAGTACCT NACCGCAGAG GTACTTNAAC TNGGCAGGNA AATTGCATCA AAANGACTTA 300
AAGGTNAAAN GGTTTTACCC CTNGGTNANT TGCAACTTTG GTTATTTNGN TGGGGGATGA 360
AGGNTTTGGG TTNN 374
```

配列番号：519

配列の長さ：372

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00580

配列：

```
GATCAGAGAG ATTAGGATTG TATTTTGACA TAGGATTG AACCCTCTA AATGTTGAAG 60
TTCCCTGAGA CAGCTCTCCA GCTGCTNNGC CTGCGCCAGG GGCTANGCAG CCCCTAATGA 120
GAGGCTCTGC TCCCTTTCCC ACCTCGCCAA TGTTGTTGTT GCTGCCTTTT TGATTTGTAT 180
CCTCTGTTAT AGACATTTTT NAAAAACGAT TTCCTCTTTC ATTGTGCACA AGTGCTGAGA 240
GTCTNAGGCC CCATTCTGC TGTGTATATA TATCCTGACT CGGGGCTTTT ATTCAGCAAA 300
CTGTTTCATTC TTCTGTCAGA CAATGTCATA TTCAACTCTG TTCATATTAA ACCACTTGTN 360
AAGCANTNNA AA 372
```

配列番号：520

配列の長さ：371

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00581

配列：

```
GATCTGGTCG CTGCCCCAGG GGGACTGATG GGCAGNGTCG CCCCTGTGGC TGGACTGTNA 60
CCATCCCTGA TGGGGCCTGA CCGCGGGAGC TGAGGAAGCG CCGCTCCACC GTCTGCCCTC 120
CAAGGACCCG CATGGAGGCA GTGGGCTGGC AGCTTCCTGC TGCTCCGTGT NAGAGTCAAA 180
GCACAAATCC TCAGGACGGG CTCAAGGGCC AGGGCAGCCG AGGGAAGTNC AGGTGGGGAC 240
CACGTCTTCC TGAGGTTGGT GCCACTGCTT GGNACCGTTT GCAGTGGGGT GGCCTCCCCT 300
CTGTTTGCNT GGTGNAGNNA GCGTGGCGTG GGGACGTGAC TGAATAAAGC ACCATGGGTG 360
ATGTGTTGAA A 371
```

配列番号：521

配列の長さ：382

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00582

配列：

```
GATCTNTGGG ACGTCAGCTG CTGAGAGGAG CAAGCGGTAG TACCACCCCT TAGTTGAGGG 60
AGTCAGCACA GTCCTTTCTG CAGCTTCTAA CCCAGGACCA TGAATCAGG TGCCTAGAGA 120
AGCCAGGCAG CNNAAGGACA AGGAATGCTG GGGGCTGTGG GAACAGGAAT GCAGATACCC 180
TTTGAAGGAG CATTCTGCT AAAAGAAGCT GAAAATGTAG ACCTATGTGA AGTGCTCTGA 240
TTTCTAAATA TTGTGAAGGT TAAGAAAAAC ATANATTTTN GGGTCTATGG GCTAGGATTN 300
AGNCCCACAG TTGGCCANTT TNTAGNGGT NCCCAAATGG ANTGGTTAAA CCNNNGGTTT 360
NGNTTCCTAG CCTAGGGGTA AA 382
```

配列番号：522

配列の長さ：382

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00583

配列：

```
GATCAAGAAC AATGCCTCCA CTGACTATNA CCTATCTGAC AAGAGCATCA ACCCTCTGGN 60
TGGCTTTNTC CACTATGGTG AAGTGACCA TGACTTTNTC ATGCTGAAAG GCTGTGTGGT 120
```



GGGAACCAAG AAGCGGGTGC TCACCCTCCG CAAGTCCTTG CTGGTGCAGA CGAAGCGGCG 180  
GGCTCTGGAG AAGATTGACC TTAAGTTCAT TGACACCACC TCCAAGTTTG GCCATGGCCG 240  
NTTCCAGACC ATGGAGGAGA AGAAAGCATT CATGGGACCA CTGAAGAAAG ACCGAATTGC 300  
ANAGNGAAGA AGGAGCTTAA TGCCAGGNAC AGATTTTGCA GTTGGTGGNN GTCTCAATTA 360  
AGNGTTATTT NNCCACTGGA AA 382

配列番号 : 523

配列の長さ : 367

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00584

配列 :

GATCTCCAAG CNAACTCAGC CTCCANCCAA NCTCCCTGTG GGTCCCTAGCC ACAAGCTCTC 60  
CAACAATTAC TATTGCACTC GCAATGGCCG CCGGGAATCT NTGCCCCCTT CCATCATCAT 120  
CNCGTGCGAG AAGTCGCTGG TGTCAGGCAA GCCAGCAGAG AGCTCTGCTG TAGCTGCCAC 180  
TGAGAAGAAG NCGGTGACTC CAGCTCCTCC CATAAAGAGG TGGGAGCTGT CCTCGGACCA 240  
GCCTTACCNG TNACACTGCA CCCTNACGGC ACCNGACTAC TTTGCCTGCT TGGATTTCTT 300  
CCAGGGGAAT GTGACCTAAT TTATGNCAAA TACGTAGAGT CAGGTATCAC TTCTAGTTTA 360  
CTNTAAA 367

配列番号 : 524

配列の長さ : 365

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00585

配列 :

GATCAAGAGG AAAGAGAAG TAACAACCAG AACCCCTGGA CATTTGAGCG AATAGCCACT 60  
GCCAACATGC TGGGCATACG GAAAGTACTG AGCCCATATN ACTTGACCCA CAAGGGGAAA 120  
TACTGGGGCA AGTCTACAT GCCCAAACGT GTGTAGTGAG TGTAGGAGAT AACTGTATAT 180  
AGGCTACTGA AAGAAGGATT CTGCATTTCT ATTCCCCTCA GCCTACCCAC TGAAGTCTTT 240  
GGGTAGCTCT TAAGCCATAA CTAAGGAGCA GCATTTGAGT AGATTTCTGA AAAACAATGT 300  
TATTTGTGA TTTAAAAAGA AAAGTGTATT NTTATTAAAT AAAATTTAAA CATCACTTCA 360  
GAAA 365

配列番号 : 525

配列の長さ : 396

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00586

配列 :

GATCTATGGG TTGACTAATT AAACAATAAT TCAAGTAGAG TGTCCCAGAA AAAAACCCT 60  
TGGGCTCCCT GTTTGGAGTC TGGCTGGCTC TGAGCATTGC CAATGGCCCC TACTCACCTG 120  
ACTTTGTATC CTCTCCTTTT AGAGGCTTTG CATTCTGCAC CCAGCTTCAC TAACAGTGGG 180  
CTGAAAACAT CCTTGGGTTG AGTGTTCAT TTGGGAGTTA TTTGGCCAGG GCCTTTTGAA 240  
CAGTAGTGTC CCCATGAAGT GCTAGATAAT ATATGTGTAA GAGTCAGCTT TTTTTTTTTT 300

TAAACTNTAA CACCNTTNAG AANTTTCTAA CTACTTNGNA ACTGNATGGT TTANCCCGGN 360  
GNTAAAAGCN GTTTTTAAAA GTNTANGTTT TCCAAA 396

配列番号 : 526

配列の長さ : 360

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00589

配列 :

GATCCGCGGG CTTCCACTNC ACCATCGGAT GTTTGCCACT CAGACTGAGG GGGAGCTCAG 60  
AGTGACCCAA ATTCTCAAAG AAAAGTTTCC ACGAGCTACA GCTATAAAAG TCACTGACAT 120  
TTCAGGCACT AAAAGAAGAA ATCAAAGAGA TGCATGGATT GCGGATATTT ACCTCTGTCC 180  
CCAAACGCTG ACCACGGCCT GGCTGCATAG ATGCTGCTGC TTAAGACCTT GGATGAACTT 240  
CACTGACATC ATTCTTCCCT AAGCAGTCAC CAAAAAATTT ATATATNTNG CTCATATACA 300  
NTNCCATATN ATANTTATAG AAGATGTATA ATCTATTTTA GATGTNANTN AAAGGGTAAA 360

配列番号 : 527

配列の長さ : 267

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00590

配列 :

GATCGGGTTT GGCCCCCAGC CCCGCTCAGC CCAGTCCCTC TTCCTCTGCC GGGAGGGTGT 60  
TTTCAACTCC AAACCCCAAG GAGGGGTTGT AGATTGGGTC CAGCTTTGCT TCAGTGTGTG 120  
GAAATNTCTC GTGGGGTGGC ATCGGGGCTG CGGGGTGGGG ACCCCAAGGC TTTCTGGGGC 180  
AGACCCCTTGT CCTCTGGGAT GATGGGCACT GCTATCCACA GTCTCTGCCA GTTGGTTTGA 240  
TTTNGAGGTT TNTGGGCTTT TTTTAAA 267

配列番号 : 528

配列の長さ : 352

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00591

配列 :

GATCAATCAC CTTCTGCTGC TTGGATGGGT GGATTGGTG CTCAGCCTCC CCAAGGACAA 60  
GTCCTCCCC CTGTAATACC TCCTCCTAAC CAAGCCGGAT ATGGTATGGC AAGTTACCAA 120  
ACACAGTGAG CCGGGACTCT AAAAAAAAAAT TGTAATTCAT GATAGGCTTC GATTTCCTGT 180  
GACACTCTGA AGACATGAAA GTAGACATCG GAAAATGNAA ATATTTATTT TAAAAATTGA 240  
AATGTTTGGG ACCTTTAGCA CAGATTTGCT TTGGTGAAGG ACACGTGTCT TCTAGTTCTG 300  
CCTTTTNAAG GTTNTTGTG CATGNTGGAT NTTGAACATN GNTTTTNTT TN 352

配列番号 : 529

配列の長さ : 351

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00592

配列 :

```
GATCAAGCCT TTCTTTCATT CCCTCTCTGA AAAGTATTCC AACGTGATAT TCCTTGAAGT 60
AGATGTGGAT GACTGTCAGG ATGTTGCTTC AGAGTGTGAA GTCAAATGCA TGCCAACATT 120
CCAGTTTTTT AAGAAGGGAC AAAAGGTGGG TGAATTTTCT GGAGCCAATA AGGAAAAGCT 180
TGAAGCCACC ATTAATGAAT TAGTCTAATC ATGTTTTCTG AAAACATAAC CAGCCATTGG 240
CTATTTAAAA CTTGTAATTT TTTTAATTTA CAAAAATATA AAATATGAAG NCATAAACCC 300
AGTTGCCATC TGGGTGACCA ATAAACATT AATGCTAACC ACTTTTTTAA A 351
```

配列番号 : 530

配列の長さ : 348

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00593

配列 :

```
GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGGCC CTGGGCATGT NCAGCGCAGC 60
TTTGGCCTCG GGGCAGCTGG GCCCCTCAT GTGCCAGTNC GGTCTGCCTG CAGAGGCTGT 120
GGAGCCCGCC AACANGGGCG ATGTGGAAGC GTTTGCCAAA GCCATGCAGA ACAACGCCAA 180
GCCCCAGCAG AAAGAGGGCG ACACGAAGGA CAAGAAGGAC GAAGAGGAGG ACATGAGCCT 240
GGACTGAGCC ACGCGCCGTC CTCCGAGGAA CTGGGCGNTT GCAGTGC GTT GCACACCTTN 300
ACCTTCNACN TACTGATTAT TAATAAAGTT TTTCTTTTA CCTGCAA 348
```

配列番号 : 531

配列の長さ : 347

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00594

配列 :

```
GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTGCTG AGAAGGCAGT GACCAAGGAG 60
GAATTTGAGG GTGAATGGAC TGCTCCCGCT CCTGAGTTCA CTGCTACTCA GCCTGAGGTT 120
GCAGACTGGT CTGAAGGTGT ACAGGTGCCC TCTGTGCCTA TTCAGCAATT CCCTACTGAA 180
GACTGGAGCG CTCAGCCTGC CACGGAAGAC TGGTCTGCAG CTCCCACTNG CTCAGGCCAC 240
TGAATGGGTA GGAGCAACCA CTGACTGGTC TTAAGCTGTT CTTGCATAGG CTCTTAAGCA 300
GCATGGAAAA ATGGTTGATG GAAAATAAAC ATCAGTTTCT ATTTAAA 347
```

配列番号 : 532

配列の長さ : 346

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00595

配列 :

```
GATCCGGTNT TGGTGCCAAT GTCTCCAAC TCACTTTTGC TCCTAGCACG ATTATATTTC 60
ACCTGGGACA TGCTGCTATG CTGGGACTCA TGTATGTCTA CTGGACTCAG CTCAACATGT 120
TCCAGACCTT GAAGTACCTG GCCATCTTGG GCAGTGTGAC GTTTCTGGCT GGCAATCGGA 180
TGCTGGCCCA GCAGGCAGTC AAGAGAACAG CACATTAGTT CCAGAAGAAA GATGGAAATT 240
```

CTGAAACTG AATGTCAAGA AAAGGAGTCA AGAACAATTC ACAGTATGAG AAGAAAAATG 300  
 GAAAAAATA CCTTTATTTA AAAANGAAAA AAGTCCAGNT TGTAATA 346

配列番号 : 533

配列の長さ : 346

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00596

配列 :

GATCTTGTAG CCTAGATAGG ATAGTNTGAC CTTCTAGCAT AGTCTTTTTG GCAAATNATT 60  
 TGTGTTTTCA GTGTGTGGG AAGCTGTCCT GGGGGCTGGG GCGACAGATA GCACATAGGC 120  
 TGTTTCTGGG GCTGCAGGGG CTTCCNTGAG CTGGATGTTG TGGGTNTTGC CGTGCTTCAG 180  
 GAAGTNTGGC GACCAGAAAG CGTAGACCCG GGGCCCAGGG TCTGCCCCGCC CCTGCAGCNT 240  
 GGCTCCCCG CACAGGCTGT GGCTTGCACT CCAGCCGNTC TAGTNTCTNA GGAATTTNCT 300  
 TGTNACTTGT ACTGTGTAAA TAAAGCTTCC TGGTTCAATA CCNAAA 346

配列番号 : 534

配列の長さ : 345

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00597

配列 :

GATCCTATGG CCATGACCCA GAAGTATGAG GNGCATGTNC GGGAGAGCAG GCTCAAGTAG 60  
 AGAAGGAGGA CTTCACTGAC ATGGTGGCTG AGCACGCTGC CAAACAGAAG CAAAAAATC 120  
 GGAAAGCTCA GCCCCAGGAC AGCCGTGGGG GCAGCAAGAA ATATAAGGNG TTCAAGTTTT 180  
 AGGTCCCCCTC AACTAGCCC TTTTTTGGC CCTACGCTG GATGCCTGGG CTTACACAA 240  
 GAACCACCTC TCCCGCAGTT CCAAGGNCT TGTCAATTCA TGTCTTATT TTAGACCTGT 300  
 TTTGTAAATA AAGCTGTTTC CCAAGGAAAG AGATGAATAT TTAATA 345

配列番号 : 535

配列の長さ : 354

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00598

配列 :

GATCGTGTTT ATGGTGAATC CAAGTTGGGA GGAAATGAAA TAGTATCTTT NTTGAAAGGA 60  
 ATATTGACTC TTTTGCTAC TACATAAAAG AAGATACTC ATTTATAGTT ACGTTTCAAT 120  
 CAGGTAAAC ATGAAAGAAG CCTGGTACT GATTTGTATA AAATGTACTC TTAAAGTATA 180  
 AAATATAAGG TAAGGTAAAT TTCATGCATC TTTTATGAA GACCACCTAT TTTATATTC 240  
 AAATTAATA ATTTAAAGT TGCTGGCCTA ATGAGCAATG TTCTCAATTT TCGTTTTCAT 300  
 TTTGCTGTAT TGAGACCTAT AAATAAATGT ATATTNTTTT TTGCATAAAG TAAA 354

配列番号 : 536

配列の長さ : 343

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00599

配列：

```
GATCCGTGAC AAGCGCACAG GCAAGACCAA GGGCTACGGC TTCGTCAGCT TCAAGGACCC 60
CAGCGACTAC GTGCGCGCCA TCGGTGAGAT GAATGGGAAG TATGTGGGCT CGCNCCCCAT 120
CAAGCTTCGC AAGANCATGT GGAAGGACCG GAATCTGGAC GTGGTCCGCA AGAAGCAGAA 180
GGAAAAGAAG AAGCTGGGCC TGAGATAGGG TCTGTGGCCA GGCACCCGCT CCCACCTGGC 240
CGGGCGCTGG CTCCTCCCTC AGTTCTCTTT GGGAAAACCC CCAGCTNGTC CACCCATCCN 300
NTGCCCCAAA ACCAGTTTCA GTAAATTAC GTTCATTTC AAA 341
```

配列番号：537

配列の長さ：341

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00600

配列：

```
GATCGAACGG ACTGTGAAAT CCGCTCTTTG TCGGAAGCTG AGCAAGCTGT GGCTTTTTTC 60
CAACTCCGTG TGACGTTTCT AAGGTAGTG TGGTAGGACC CCGGCGGGTG TGGCAGCAAC 120
TGCCCTGGAG CCCCAGCCCC TGCNTCCATC TGTGCTGTGC GCCCCACAGT AGACGTGCAG 180
ACGTCCCTGA NAGGTCTTG AAGATGTTTA TTTATATTGT CCTTTTTTAC TGGAAGACGT 240
ACGCATACTC CATCGATGTT GTATTTGCAG TGGCTGAGGA ATTCTTGAC GCAGTTTTCT 300
TTGGCTTTAC GAAGCCGATT AAAAGACCGT GTGAAATGAA A 341
```

配列番号：538

配列の長さ：339

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00601

配列：

```
GATCCTCGGG TGTCTTCCC ATCAGATAAA ATAGTTCAC ACAGACAGAT GTTTTTATCT 60
ACTGAACTAC AAAGAGTAGA AGAGCTTTAT GATTCATTAT TACAAGCTGT TGCCTTCTAT 120
GANTTAGCAG TGTGTGACTC TCAGCCTTAG AATTCTGAGG TTAACGTGCT AAAGTATAAT 180
TNTTAGCTCT AACGTAACAC CAACTGTTGT GAACATCCAT GTTATTGGAA AAGAACACAT 240
TTTCAGTGTA TTTTAGATGT TTAANTTCTG ACTTTTGGCT ATTAAATGGT TTACACAATA 300
AGCCAAGACC AAATCAATAA ACATTTTNTG AGAACGAAA 339
```

配列番号：539

配列の長さ：339

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00602

配列：

```
GATCATCATC CGAGTGCAGA CCACGCCGGA CTACAGCCCC CAGGAAGCCT TTACCAACGC 60
CATCACCGAC CTCATCAGTG AGCTGTCCCT GCTGGAGGAG CGCTTTCGGG TGGCCATAAA 120
AGACAAGCAG GAAGGAATTG AGTAGGGGCC AGAGGGGGCT CTGCTCGGCC TGTGAGCCCC 180
```

GTTCTACCT GTGCCTGACC CTCCGCTCCA GGTACCACAC CGAGGAGAGC GGCCGGTCCC 240  
 AGCCATGGCC CGCNTTGTGG CCACCNCTCA CCCTGACACC GACGTGTCCT GTACATAGAT 300  
 TAGGTTTTAT ATTCCTAATA AAGTATAGCG GAAGAGAAA 339

配列番号 : 540

配列の長さ : 339

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00603

配列 :

GATCGTTATG AATATCAAAT GTCCATTTCT ATNGTAATGA ATTCAGTGA ACCATCACAC 60  
 AAAAGCACAC AAAGACCTCC TCCTCCACAG GGGAGACAGA GGTGGGAGG CTCTCTGGC 120  
 TCACATAATC GTGTCTGTGT CACAAATAAT CATTAAATTA GCTATTTTCA GCTAACACAT 180  
 TTGTNGTTGC ACTTGAAAAA GAGTTAGTGA GCCTGTCTTG GAGTTTAAGT AGTTTCAAAT 240  
 AAAAAAAGGC TACAGTGCCT CACAAAGGAT GTTCCCAGCA AGTNGTTTAA ATTCCCAGCA 300  
 AGTTGTTAAA GTGTAAATAN AANTATATGA ANTTGTAAA 339

配列番号 : 541

配列の長さ : 355

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00604

配列 :

GATCCTGAAA TCTACTAGAG ACACCCCTAA GCCATGAATG AACTACATCC AAATACCTGA 60  
 NTTTTTGAA TCTGTTTCAT GGATTTTINCA TCTTCTACCG TATGTNAAAT TGCAAGTNTT 120  
 TGAAGATTTA TAAGTACAAA TTTGGGAACA TACAAATCTT TTAGGTAGTA GAGTTTAACG 180  
 TGTATAAGCT AAAAGTGAAA GTAAGTGAAT GTTCTCTTGT TTCTTTGCAT TAATGTAACT 240  
 GTGTGGTTTG CCTTTGTCCC CCTGGATAGA ACGTGCATTT AAAGAATATA TTGTACTTAC 300  
 TGTGACAGCA GATAATAAAC CAGTCTCTTG GAGGGCACAA CCCTTATTTG ACAA 355

配列番号 : 542

配列の長さ : 331

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00606

配列 :

GATCTTTTTT ANATAAANNT TATGTATTGT GGCATAATCC TTTTTTTGAG CTCTACAGAG 60  
 AACAGTCTTT TGGTAATAGT GGCAGGTATT TATTCCTTCT GAATATATAC CCCATTATAG 120  
 GAATAACTGT TACTTATTTA GGATTCCATC ATTGAAAATT TTNACCCAAG GCACAGCAGT 180  
 GAANTTTATA GTNCTCANTT TAGTTGNCAT TATTGACAGG CATTGGNATT ATTAGTCATT 240  
 GCTAAGCAAC TAAAACTTCA TCAGTTCAAN TAAGTTTTAN TTGTCANATG GCNGTATAAN 300  
 CACATGANCT TTCTAGGAAA TATTCCTCN N 331

配列番号 : 543

配列の長さ : 330

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00607

配列：

```
GATCGGTGTG CCCCCTGCG AGGGGCCCC CATGGGGCTG NTGGCCNTC CGCAGTCAGG 60
ACATCCCAAC CCCTGGNTGG GACTGAACCA CCCAGAGCGG AGGGCNTCCC TTTNAGCCT 120
TGTNAGTCAC CTGGCAGGCC CCAGCTGGGC TGGCTGTCCG TGTCCTCAG CCTGGNTGGT 180
GATTCCTTGC AGGCCAGAAA TNAAGAGTCC CTGTAGGTTT TGGTTTGTG TGTATTAT 240
TGTTCTTTCA CCTTTTTTCC TCATTAAAAA AAAAANGNCC CTGNGGAGTG TACTNATTNA 300
TTTTTTGATN AAAGGGANGT AAAATGNAAA 330
```

配列番号：544

配列の長さ：329

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00608

配列：

```
GATCCAGACT GTAAGATGTT GTTTTAGGGG CTAAAGGGGA GAAACTGAAA GTNTTTTACT 60
CTTTTTCTAA AGTGTGGTC TTTCTAATGT AGCTATTTTN NTTGTTGCAT CTTTCTACT 120
TCAGTACACT TGGTGTACTG GGTAAATGGC TAGTACTGTA TTGNCNCTGT GAAAACATAT 180
TTNTGAAAAG AGTATGTAGT GGCTTCTTTT GAACTGTTAG ATGCTGAATA TCTGTCCACT 240
TTTCAATCCC AATTCTGTCC CAATCTACC AGATGCTACT GGACTTGAAT GGTTAATAAA 300
ACTGCACAGT GCTGTTGGTG GCAGTNAAA 329
```

配列番号：545

配列の長さ：329

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00609

配列：

```
GATCACTAGA TTTATGGAGG AATTNGTCAC AAATNACTTN TAGAAAAATG CTGTCATATA 60
GTTCAATTCA TCATTTTCTG TTGCAGGAAG CCACTCCACC ACAGAATGCT AATATGCCAG 120
TGGTACCCAG TACCTCTTGT ATATAGGTTA TTGCAAAATAT TGTNCTGAAA TGCTTAACTT 180
CAGAATTACA TTTTTTAAAG TAAATAATTG TTTTAAATCT ATTTTGTAAG GNTATAAAGT 240
ACAATAGAAT TTCTGGAGTA CAGATTAAAC TATTTGCACT AACACACGTG CCGTGCATGA 300
TTTAATAAAA TANCTNNACT CTCNTAAA 329
```

配列番号：546

配列の長さ：328

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00610

配列：

```
GATCACCGTG TGCTCAGGCC AGGTGTGAAT CCTGAGGTCC ATGGAGGTGC AGAGATGAGA 60
TTACTCCTAT TCACGTTGAA GTGATTGCT TTGTTAACA AAAATTGCAG CTATTGTCTA 120
```

GCTTTCATTT TTTTACTGAG AACTTTAAAT TAGTCCCCTA TTAGAATAGG GTTGCTACTC 180  
 ANCTNTTTTN AAAAACCGAA TTTCATCATT TATCTAAAGA GNAAATATGC AGANTAACGT 240  
 GTCTTGTAA GAGTGCAATA TTATATNNNN ANGTAAACT AAAANTNAAT TTGGGGGGAT 300  
 TATTTATNCA GCATGANACC TANTNTGN 328

配列番号 : 547

配列の長さ : 328

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00611

配列 :

GATCCCNGGG ACGTGAGACT TANNCTTCCA GCCAGTGTGA ATCATTGTAT TTTGTCTCAT 60  
 AATCACAGCA CNCCTGCATG ACACAACAAC GTGCAGCATT TTTTACATAA AAATATGGTA 120  
 GANTTAATTT ATGACATGGA AATGCCTTAC GTGGTATCAC ACTTAGTCTT GAAAAAACA 180  
 CCNAGGTGAC GTTTAAATTT TTTAGTACAT ATCCTCAAAT TGGAGCTAAG TTATACTTCT 240  
 TTTATAACCT TTTGGGCATC TGGTCGAGAG AAGACAAGAT TTTNTCTATT TACAGTGATG 300  
 CAATAAATAT GTTTGCCACC TTTGGAAA 328

配列番号 : 548

配列の長さ : 322

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00612

配列 :

GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60  
 GAGGAAACAG TTAATNACCC TNAGGAGGCA GCCACAGAAG TGGCTCCAAG AAAAANAGGA 120  
 ATTNTCCAAA GAGGAGCCGG TCAGCAGTGG NCCTGAAAGA GGCGGCTGGC AAGANCAGCT 180  
 CCAAGAAGAA GAAATGTTC CATAAAGCAT CCCAGGANGA TTAGAATCAA ATGGACANTC 240  
 TCTNGGAGGT GGGNATACCA TAGNCCAAGG TNCATTTCCC ACCNTGTGCC GTGTTCCCAA 300  
 TAAANACAAA TTCACAAGGA AA 322

配列番号 : 549

配列の長さ : 318

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00614

配列 :

GATCCACCTA GCCTCAGCCT CCCAAAGTGC CGCCGGGATT ACAGGCGTNA ACACCATGAC 60  
 TGGCCTTCAT TATCTCTNTT TAAAAATGA AAAAGTTTAT AATTTACATT CAGTAAAATC 120  
 ACCCTTTTTA GTGTCTAGTC TGTGAATTTT GACAAATGCA TGGTTTTGTA ACCAATCGAT 180  
 AGGNCAGTTC TGCCACCCAG GACATTCCCN TCTGTTCCCTC TGTTCCCTCTC TTCTCCTGCC 240  
 CCCTAGCAAC CACTGGTGTT TTCTGTCCNT CTGGTTTCATT TGACATTTAT TTTAAAATAA 300  
 AATATTTTAA AATCTAAA 318

配列番号 : 550



配列の長さ : 318

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00615

配列 :

```
GATCCTCACC GTGGAGGACC ATNATAATNA AGGTGGCATT GGTGAGGCTG TGTCCAGTGC 60
AGTAGTGGGC GAGCCTGGCA TCACTGTCAC CCACCTGGCA GTTAANCGGG TACCAAGAAG 120
TGGGAAGCCG GCTGAGCTGC TGAAGATGTT TGGTATCGAC AGGGATGCCA TTGCACAAGC 180
TGTGAGGGGC CTCATNACCA AGGCCTAGGG CGGTATGAA GTGTGGGGCG GGGGTCTATA 240
CATTCTGAG NTTCTGGGAA AGGTGCTCAA AGATGTACTG AGAGGAGGGG TAAATATATG 300
TTTTGNGNAN AATGCAA 318
```

配列番号 : 551

配列の長さ : 314

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00616

配列 :

```
GATCCCTCT CTGAAGAGAA AGGAGGAAAG AAAAGAAAA AACAGAAACA GAAGCTCCTG 60
TTCAGCACCT CAGTCGTCCA CACCAAGTGA CACTACTGGN CCAGGCTACC TTCTCCATCT 120
GGTTTTNTT TTTNTTTTT TTTCCCCAT GCTTTTGTTT GGNTGCTGTA ATTTAAAGT 180
ATTTGAGTTT GANCAGATTA GCTCTGGGGG GAGGGGGTTT CCACAATGTG AGGGGGAACC 240
AAGAAATTT TAAATACAGT GTATTTTCCA GCTTCCTGTC TTTACACCAA AATAAAGTAT 300
TGACACAAGA GAAA 314
```

配列番号 : 552

配列の長さ : 313

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00617

配列 :

```
GATCCCTACT TGGNAGTTAA CCCTAACTAC TTGCTCGAAG ATTGAGATAG TGAAAGTAAC 60
TGACCAGAGC TGAGGAACTG TGGCACAGCA CCTCGTGGCC TGGAGCCNGG CTGGAGCTCT 120
GCTAGGGACA GAAGTNTTNC TGGAAGNNAT NCTTCCAGGA TTTNTTTTTC AGAAACAAGA 180
ATTGAGTTGA TGGTCCTATG TNTCACATTC ATCACAGGTT TCATACCAAC ACAGGCTTCA 240
GCACTTCCTT NGGTGTGTTC CTNTCCAGT GAAGNTGGAA CCAAATAATG TGTAGTCTCT 300
ATANCCANTA CCN 313
```

配列番号 : 553

配列の長さ : 310

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00618

配列 :

```
GATCTTAGCT AGTTCATCAC TTCCTCAGGG AAACATTCCC TAATTTCTGT CACAGAGTAA 60
```

GACCCGTTGT TATACGTCTC ACCTGACCAT GTACCTCTAC TTAGCATTTA ACACGTGTAA 120  
 TTTTGTATGT ATTGGTTTGA TTAATGTCAG ANCCACTAGA TTGTAAACTC CATGAGGACC 180  
 GGAATTTNGT TTCTGTCATT GTCATTGTTT AACTTTGTAT TTTTATGACC TCATACAGTG 240  
 CCTGGCACAT AGTAGGTGCT CAATTAACCTT NATTGAAAG AATAAAATGA ATGGATGAGG 300  
 TATCAAGAAA 310

配列番号 : 554

配列の長さ : 310

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00619

配列 :

GATCTGGGGG CCACCACCCT GTGCCGGTGG CCTCTGGGCT GCCTCCCGTG GTGTNAGGGC 60  
 GGGGCTGGTG CTCATGGCAC TTCCTCCTTG CTCCACCCC TGGCAGCAGG GAAGGGCTTT 120  
 GCCTGACAAC ACCCAGCTTT ATGTAAATAT TCTGCAGTTG TNACTTAGGA AGCCTGGGGA 180  
 GGGCAGGGGT GCCCCATGGC TCCAGACTC TNTCTGTGCC GAGTGTATTA TAAATCGTG 240  
 GGGNAGATGC CCGGCCTGGN ATGCTGTTTG GAGACGGAAT AAATGNTTTC TCATTCAGTC 300  
 TNCAGTCAAA 310

配列番号 : 555

配列の長さ : 308

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00620

配列 :

GATCCNGTGC TGAAAGAGAA ACCAAGAAAA AAGATGACAT TCCAGAAGAA GACAAAGGAA 60  
 ATGTAAACA ATGTGAAATC AATTATGTAA AGAAATTCA GAGCTTCAA GACCACAAAC 120  
 TAAAATAAG TAAAGANGAC AGTAAATTN TAAAAAGGC TCGGAAAGAT GGATTTTTC 180  
 ATGAGACGCT TCTGGACAGG NGAGCCAAAT TGAAAGCCGA CAGATACTGC AAGTNACTGG 240  
 GATTTTTNTT TCTGCCTTAT CTTNCTGTNG TTTTCTGA NTAAATATT CAGAGGAATG 300  
 CTTTTAAA 308

配列番号 : 556

配列の長さ : 300

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00621

配列 :

GATCTTCTTG AAGTNTCTCC CCGTTTNGTG CAGCTGGCCA TACCCAGGT GGACATNATG 60  
 AGTCAGGCTG ACTTAATTNC TCATGAGCAG ACCATCCCAG TGAATGCAA GGGCATGGGC 120  
 TCCACAGCCT GGACCCTGGC ATGGAGTCCA GCNNCTGCT CACCGGCCAG GAGGCCTGGG 180  
 GGGGGGTCAC TTACCTTNT NAGCCTCANT TTCTNTTCT GGAAGCGGAG ATGGTAATAG 240  
 CTTTACATT NGAGGTGAAT GTNAGAATTA AACTTGGGCA CATGGAGGAA TACACCTAAA 300

配列番号 : 557

配列の長さ : 299

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00622

配列 :

```
GATCACTTGT CCTATTACCC TATACCTAGC ACTTGTGACA CCACCCCTAA ATCACTTTGA 60
GCCTGGGAAA TAAGCCCCCT CAACTACCAT TCCTTCTTTA AACACTCTTC AGAGAAATCT 120
NCATTCTATT TCTNATGTAT AAAACTAGGA ATCCTCCAAC CAGGCTCCTG TGATAGAGTT 180
CTTTTAAGCC CAAGATTTTT TATTTGAGGG TTTTTGTTT TTTAAAAAA AATTGAACAA 240
AGACTACTAA TGACTTTGTT TGAATTATCC ACATGAAAAT AAAGAGCCAT AGTTTCAAA 299
```

配列番号 : 558

配列の長さ : 301

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00623

配列 :

```
GATCTGCTTC TCCAGTTTTT GAGGAGCCAG CCAGGGGTCC AGCACAGCCC TACCCGCCCC 60
CAGTATCATG CGATGGTCCC CCACACCGGT TCCCTGAACC CCTCTTGGAT TAAGGAAGAC 120
TGAAGACTAG CCCCTTTTTT TGGGGAATAA CTTTCCTCCT CCCTGTGTTA ACTGGGGCTG 180
TTGGGGACAG TGC GTGATT CTGAGTGATT TCCTACAGTG TTGTTCCCTC CCTNAAGGCT 240
GGGAGGGTGN TAAACACCAA CCCAGGANTT CTCAATAANT TTTTNATTAC TAAACCTGAA 300
A 301
```

配列番号 : 559

配列の長さ : 297

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00624

配列 :

```
GATCAGATTT TGCTAAATGG AAATAATATA ACAATGCTGG TTCCTGGAGG AGAAGGACCT 60
GAAGTGTGAA TGAGTTTCCT TGACTTACAC TAGATTTTGT TTTGGCTTAT AATGACAAGA 120
AAATGGAATT TTTTTTCCC ACTTTCTAAT GTTTAAATCC CATAAAGCTA AGTTTCCCGT 180
TAAAGGGAAG TGCTTTGAAG ATGTGTACCC ATTTTGTAA GTTAATCATG ATTATCCTGG 240
AAAAAGAAGA AAAGAGCTTC TTCTTTGCAG ATGAAAATAA AGGTGTTTTT GGT TAAA 297
```

配列番号 : 560

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00625

配列 :

```
GATCTATTTG TAGATTAGGA TTAAAATGGA TTTAATCCAT TTTTAAGGCT GTGTGAATTT 60
TTCTAAACAA GAACATTTG CAATATGGAT TTCTTAGAGA TTAAACCAAT TATAACTTAT 120
TAGCAGTCGC GAGCACATGT TCATATAGTC AATGTAAAAA TACACTAATG AGTATTTGGT 180
```

AAATCCCAGT AGGCTTTTAC CATTAGCATA ATTTTGTGTT GTACAATTAA GTTACAATTA 240  
 CATCTCTAAT TTTGGATAAT ATTCATTGGT TAACANTANA GTGACAAAAG CTCATGCCTT 300  
 CAAA 304

配列番号 : 561

配列の長さ : 301

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00626

配列 :

GATCTGGAAC TTTGCACATG TCACTACTGG GGAGGTGTTT CTGCTCTAGC TTCCACGATG 60  
 AGGCGCCCTC TTTACCTATC CTCTCAATCA CTA CTCTTCT TGAAGCACTA TTATTTATTC 120  
 TTCCGCTGTC TGCCTGCAGC AGTACTACTG TCAACATAGT GTAAATGGTT CTCAAAAGCT 180  
 TACCAGTGTG GACTTGGTGT TAGCCACGCT GTTTACTCAT ACAGTACGTG TCCTGTTTTT 240  
 AAAATATACA ATTATTCTTA AAAATAAATT AAAATCTGTA TACTTACATT TCAAAAAGAA 300  
 A 301

配列番号 : 562

配列の長さ : 294

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00627

配列 :

GATCTNAGGA GCTTTAGGGA GAAGACTTGG TGGGGCTGGA GCACACCTTG GGNCTCANTG 60  
 GTTTCTGTGT CCCNGTGGTG CCANTCCTTC TGGGCAGTGC AGGCGGCTGC CAGGCCAGC 120  
 CCTGACTTCC ACTCTGGCTC AGCAACCTGG TTATTTATGT GGGGCCGTGC AGGCATGGGC 180  
 CCACTGCCTG TCCATCCTGT TTCTNTTATA AATTGAACT CACCATTGCC CTATCCTTGT 240  
 GTCTCCACCC GCTTCCATGT GTTGAATAAT AAAAGGTGGG AAAGTGCTGT CAAA 294

配列番号 : 563

配列の長さ : 296

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00628

配列 :

GATCTGCCAT AAGAAAATCT AGTTCAACTC TAATTTTATG TAGTAAATAA ATTGGCAGGT 60  
 AATTGTTTTT ACAAAGAATC CACCTGACTT CCCCTAATGC ATTAAAAATA TTTTATTTA 120  
 AATAACTTTA TTTATAACTT TTAGAAACAT GTAGTATTGT TTAAACATCA TTTGTTCTTC 180  
 AGTATTTTTC ATTTGGAAGT CCAATAGGGC AAATTGAATG AAGTATTATT ATCTGTCTCT 240  
 TGTAAGTACAA TGTATCCAAC AGACACTCAA TAACTTTTTT GGTTGTTAAA CTGAAA 296

配列番号 : 564

配列の長さ : 307

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00629

配列 :

```
GATCGACTAC AGAGTACTTN TTTCTTATGA TGATTGGTGT AGAAATGTGT GATTGCGGTG 60
GGCTTTTACA TCTTGCCTAC CATTGCATGA AACATTGGGG TTTCTTCAAA ATGTGTGTGT 120
CATACTTCTT TTGGGAGGGG GGTTGTTTTC TTCTGTTTAT TTTCTGAGAC TCCTACAGGA 180
GCCAAATTTG TAATTTAGAG AACTNAANT TTGTAAATCC TGTCTGGGAC ACTTAAGTAA 240
CATCTAAAGC ATTATTGCTT TAGAATNNC AAATAAAATT TTCCTGACCA AATTGTTTTG 300
TGGGAAA 307
```

配列番号 : 565

配列の長さ : 296

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00630

配列 :

```
GATCTTGCTC CTTCAGACTC TGACCTGAGT GGAGACCTTT CCACCAGACA CAGCTCGGGC 60
CTGTGTAATT GTAGGAGAAG AACTCAGCA GTGATTGCCA TGGCACAGAG CCGTGGTCAT 120
TGTTGCTGTT ACAAAGAAGA AAACCATCTG AGTTCTAACT CCTGGTTGC TAAAAGTAG 180
TTCCCAAGAG TCTGAGAAGC TATTTCTATT TTAAAGAGTC ATTTTTGTA ATNTTTGIAA 240
NACAAAAGTA CCAATCTGTT TTGTAAATAA AANTCATCCT AAAATTCGAN GTTAAA 296
```

配列番号 : 566

配列の長さ : 288

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00631

配列 :

```
GATCTTTNGC TAGGTGGATG ACTAGTNATA TTCAAAGCCT TTTCTCAAAG CCCTTTCAGT 60
TACAACCACC CCACTATGGA ATCAGTATTT AGTTATACAT TTGTATAAGA NCCTGTATTT 120
TGAAAAACAC ATTCATGTAT ATTTATTCCT GGAATTATTT GCCTGTAAAA CAGTGTCTTT 180
CATGTTCTCT CCCAGATTG TAACTCTGT AAGAAGCTGC TNGTATCTGT ATCCCTTGTT 240
GAAACTCTGA AAACACTGAA TAACTAAANT CTTCTTCTCA TCCNTAAA 288
```

配列番号 : 567

配列の長さ : 292

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00632

配列 :

```
GATCTTGATA TTCTGTACAA GTTGATGTAA TACCCTGATG CGTTTTAGAG GACTTGGCAT 60
AAAATNAAAG NTTGGCAAAG GCCCTTGAGG GGCTTGGGGA TGAGAGTATG GAACTGTCTG 120
CATTGGACCC TAACTGGAC TAGANGAGGC ATCTTCAAGG TTCATACGTT GTCCAGCTGT 180
AAGTTCATTT GAGTAGCAGA GCTAACAAAT ATTTGAGGTC AAAACCCTAC CATGTAAAA 240
CAACAAAAA CTTATCATGT TAATAAAAGT ATTCATTGCT TGANANANA AA 292
```

配列番号 : 568

配列の長さ : 291

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00633

配列 :

```
GATCCTGACA AGAAGAAAAT NAAGCTCAAA GTCAAAAAAT CTCGTGAAAA ACGGAGTTTG 60
GCCTCTCATC TCAGTGGATA TATCCCTNCC AAAAGGAAAC AAGGGCAAGG CTTATCTTTG 120
TGTCAAAACG GAGAGTCACC CAACTGTGTG GAAGACAAGA TGCTCTCGAC AGTTGCAGTA 180
CTTACCCTTG GCTAAGAAGT GCACTGCTTT GTTTAAAGGN CTGCAGACCA AGGAGCGAGC 240
TTTCTCTCAG AGCATGCTTT TCTTTATTAA AATTACTGAT GCAGANAAAA A 291
```

配列番号 : 569

配列の長さ : 285

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00634

配列 :

```
GATCANGCTG GCTGCAAAGA AGGGACTGGA CCCATACAAT GTACTGGCCC CAAAGGGAGC 60
TTCAGGCACC AGGGAAGACC CTAATTTAGT CCCCTCCATC TCCAACAAGA GAATAGTAGG 120
CTGCATCTNT NAAGAGGACA ATACCAGCGT CGTCTGGTTT TGGCTGCACA AAGGCGANGC 180
CCAGCNNTGC CCCCCTNGT GGAGCCCATT ACAAGCTNGT NCCCCAGCAN CCTGGCACAN 240
TGAGGNACCT GCACTAAATT ACTNAAAATG TGCTGTAAAG NTTTN 285
```

配列番号 : 570

配列の長さ : 285

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00635

配列 :

```
GATCACCTT GTAATGTGTT ACGGGTCCAT TTTTCCTGGA ATCGTTTAAT CTAAAGCAGT 60
TTCCCCTGTT TTGGAGATT TTAGTTAAT TTTAATTTG GCTATTGTTT GGAAAAGATG 120
AGCTGTCTGT GTAGATATGA AGTATAGTTT TTNCCATAAA ACAGATGTTT ATTTTGTATT 180
AAAAAATACC ACTGTACTTG TTTTACACCA TTTGTATACA TGTGGTGATA TTAATGCTAA 240
ACTGTAAAAT TCAGGAATTA AAATGTGACC CTGTAATTCC ATAAA 285
```

配列番号 : 571

配列の長さ : 287

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00636

配列 :

```
GATCTAACCA TTTTCATACT CTTAACTGAT TGAAACAGAT TCAAAGAAGT ATCGAGTGCT 60
ATGCATTGAA ACTTGTITTT AAATGTTAGA TGGCACTATG TATATTAATG TAAANCAATG 120
TTAATTTACT CAAGTTTTCA GTTTGTACCG CCTGGTATGT CTGTGTAAGA NGCCAATTTT 180
```

NGTGTATTGT NACAGTTTCA GGTNATTNAT ATTCGATGTT TTGTAAANCT CAAATANCGA 240  
CTATACTNAT GGGNCCAAAT AAATGGGCAT CTGCATTCTN GGTTAAA 287

配列番号 : 572

配列の長さ : 282

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00637

配列 :

GATCTNTGGT GGCAATGNCT GACCAGTAGA CTGGTGGCTC ACTTCTNCCC ACCTGCCGGC 60  
AACACCAGTG CCAGGAAAAG GCCAAAAGAA TGTNTGTTTC TAACAAATCC ACAAATAGCC 120  
CCGAGATTCA CCGTCCTAGA GCTTAGGNCT GTTTTCCACC CCTCCTGACC CGTATAGTGT 180  
GCCACAGGAC CTGGGTCGGT CTAGAACTCT CTCAGGATGC CTTTCTACC CNATCCCTCA 240  
CAGCCTCTTN CTGCTAAAAT AGATGTTTCA TTTTNTGGA AA 282

配列番号 : 573

配列の長さ : 279

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00638

配列 :

GATCTACTGG CGAGCGATGA AAATGTTGCA GGGAGAGTCA GCAGAGGCAT TTGTAGCTAA 60  
ACATGCTATG CATCAGACTG GCCATTTATG AAGATGAAGA ATACAGTCAG CTTTGTGAAA 120  
TAGTATTGCA AGCAAGCCCC GTGGGCAAAT TTGTATTGAG TCCATCTGTA ATTTGCTCAG 180  
TGATGGCAGA CAAGATGGCT GTCTGGTTTT GAGACACACT TTAATTTTAT GTTAACTTGT 240  
TAAATCTTTT TAAAAATTAA AAAATTTTTA TGATTGAAA 279

配列番号 : 574

配列の長さ : 279

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00639

配列 :

GATCATTGCA TTTTCCTGTA TTTTCTAAAA TGGCTCCAAT TTTGTNTTTT AAGCTTCAGC 60  
TTAAGAGGAA GTTTATGTTC TAATTCTTGA CTGAGAATAC AGTATTGAGA TTCTNTGTTT 120  
TACAGATAAC AACTGGTTTT TATTACTCAT TAAGTTCATT TGCATCCCGT AGCCCTCTGT 180  
AAATGTTTCC CCTAGTTGTA TGTACGTAAA TGCACGCTTA TCCAGTNTAT ATTAGACATT 240  
TTTGTGCTAA AATATATTAA GTGGGATTTT TGTAGCAAA 279

配列番号 : 575

配列の長さ : 280

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00640

配列 :

GATCTTTGCA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTNTNA 60  
 CAGGTTTTCA TGTTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG GTGAGAACAC TTGCAACAGT 120  
 TTATTAATGA GGTGACTTTC ACCTTAGGAC AACTGTTGCA TGCCAAGTTT TTTGTGTGTG 180  
 TGAAACACTN TCAAAACTGA TTTAAAAGAT GTAAATTTAA AATTGGTTGT ATCTAATATG 240  
 CCCCAGGTTT GGTAAATAAA CAATTCTTTT TAAAAACAAA 280

配列番号 : 576

配列の長さ : 300

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00641

配列 :

GATCTGCCCTG TCCCTTTTTC CCCTGGGGTT TGACACACAG GCTCCTCTCA GCATGAGGTG 60  
 GAGCAGTGAC CAGGTGGAGC AGTGACCAGG ACGCCTCTGG CCCAGTGCTG CCCAGCCTCC 120  
 CCGNCCGCTC CCAGGCGCCC CATGTCCTCA CAGGCCAGGA CGCCATGNCA GGATGGAGAG 180  
 GACTTGGTGG ATTTTGTGTT CTTGCCTGAC CTCAGTTTCA TGAAAGAAAG TGGAAGCTAC 240  
 AGAATTATTT TCTAAAATAA AGGCTGAATT GTCTGAAAAA TAAAATATAT TTGTATTAAA 300

配列番号 : 577

配列の長さ : 278

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00642

配列 :

GATCTGGGAC GTGGTTCGGC GGANAGTCCC CAGCCCGGCC CCCTGCCTGG GACCACCAGG 60  
 CCCCCAGGAG AAGCCGCCTG AGCCACAACC TTGCGGCATG CAAATNAGAT GGCCGCTCCA 120  
 GGCCTGGAAT GTTCCGTGGC TGGGCCCCAC GGAAGCCTG ATGTTTCAGG TTGGGGTGGG 180  
 ACGGCGAGCG GTGGGGCACA CCCATTCCAC ATGCAAAGGG CAGAAGCAA CCCAGTAAAA 240  
 TGTTAACTGA CTTCCAGCCT CACCCGTGGG CGGTCAAA 278

配列番号 : 578

配列の長さ : 277

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00643

配列 :

GATCAGGGCC CACTGATGAT GGTGAAGAAG AGATGGAAGA AGACACAGTC ACAAACGGGT 60  
 CCTGAGCAGT GAGGCAGATG TATAATAATA GGCCCTCTTG GAACAAGTNT TGCTTTTNGA 120  
 ACATGGTATA ATAGCCTTGT TTGTNTTAGC AAAGTGAAT CTATCAGCAT TGTGAAATG 180  
 CTTAAGGCTG CTGCTGATAA TTTNNTAATA TAAGTTTGA AATCNAAATG TCAATTTNCT 240  
 ACAAATNATA AAAATAAACT CCACTCACNA TGCTAAA 277

配列番号 : 579

配列の長さ : 277

配列の型 : 核酸



トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00644  
配列：

```
GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTGCCC GTNTTCTCAC AGTTATTAAC CAGACTCAGA 60
AAGAAAACCT CAGGAAATTC TACAAGGGCA AGAAGTACAA GCCCCTGGAC CTGCGGCCTA 120
AGAAGACACG TGCCATGCGC CGCCGGCTCA ACAAGCACGA GGAGAACCTG AAGACCAAGA 180
AGCAGCAGCG GAAGGAGCGG CTGTACCCGC TCGGGAAGTA CGCGGTCAAG GCCTGAGGGG 240
CGCATTGTCA ATAAAGCACA GCTGGCTGAG ACTGAAA 277
```

配列番号：580  
配列の長さ：276  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00645  
配列：

```
GATCAGGACC CACCTNCAGT NCTTCTGAAA GTGTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60
CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG GTCTCCACTC TCCGTCTGGC 120
CTAAAGGTGA TGTATTTGGT GTTTGGCCCT GCAGTCCCCA CTCTTGAGGC TTAAGGCGCA 180
TGTGGCAGAN CACTNCTTCC AGCAGTAGTC GCTTTACTGT TACCNGTTTA GGCCTAGAAG 240
TTTTCCNNCA TCTGTAAATG TGATTAAAA TNTAAA 276
```

配列番号：581  
配列の長さ：275  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00646  
配列：

```
GATCTACTTA CTCAAGTCTN ATGAATNCTG NGCCTTTCAT CACATTCCTA GCCCACTCTC 60
ATCATTACTG CAGAAGGGTG TTGTGATGAC CAGTNTTATA CTGTGTTTTG ATATGTCTAG 120
CAATAACTTA AAGAAAAAAA AACCTGGGAA ATCTTCAACA TGNNNTNGGA ACATATATGT 180
ATGTATTAAT GNATATACAT GGCTTAACTT ATACGGTTAT GGCAGCNCCT GTATACAGTT 240
TGAATCATG NACCTGAAAA ANAATTCTTA ANTTN 275
```

配列番号：582  
配列の長さ：307  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00647  
配列：

```
GATCGCCATC ATGAACGACA CCGTAACTAT CCGCACTAGA AAGTTCATGA CCAACCGACT 60
ACTTCAGAGG AAACAAATGG TCATTGATGT CCTTACCCC GGAAGGCGA CAGTGCCTAA 120
GACAGAAATT CGGGAAAAAC TAGCCAAAAT GTACAAGACC ACACCGGATG TCATCTTTGT 180
ATTTGGNTTC AGAACTCATT TTGGTGGTGG CAAGACAACCT GGCTTTGGCA TGATTTATGA 240
TTCCCTGGNT TATGCAAAGA AAANTGGAAC CCNAACATAG NCTTGCAAGT CATGGCCTGT 300
ATGNNGN 307
```

配列番号 : 583

配列の長さ : 272

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00648

配列 :

```
GATCTGAATT TTTTCCTCCT TTTGGTTTTA TTTTGTGGT TTATTTTG TG TTTTCTTTTC 60
TCCTTTTGG GGGGTATTCA GAGTGGGCTG GGCCCTGGG CGAGACACAG CTACCTCTGT 120
TGGCATCTTT TTAATACCAG GAACCCAGCG GCTCTAGCCA CTGAGCGGCT AAATGAAATA 180
AAGTGGAAAA AAAAAANGG GAAAAACCCA AAGGNTTAAA AACCCACNGG AATTTNTTG 240
TNGAAANTNG AAAATAAAGG TTTCCNNGTA AA 272
```

配列番号 : 584

配列の長さ : 279

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00649

配列 :

```
GATCTATACC AATTAAACAT TTTCATAGTT CTGCCTATTG TCCTTCCCTG AGGCTCCATT 60
GCTGCTTGGT GGCCATTCTC TGCCTTTTTA CAGTCACCTG AACAATGACC CATCATCTCT 120
TGCTTGCTTG AAATCTTGCT GAAATGTTCT CATTTCCTGT TTGCTGTATG GGCTCGGGTG 180
GGATGTTTGT TGGCTCTGTT GTGTTTATTC ACCAATTTGT ACATTATTG TTGTCCTTTA 240
CTACTGTAAA CAGTAAATAT AGTTTGGTAT TCTGTCAAA 279
```

配列番号 : 585

配列の長さ : 273

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00650

配列 :

```
GATCCCAGAC TGGTTCTTGA ACAGACAGAA GGATGTAAAG NATGGAAAAT ACAGCCAGGT 60
CCTAGCCAAT GGTCTGGACA ACAAGCTCCG TGAAGACCTG GAGCGACTGA AGAAGATTCTG 120
GGCCCATAGA GGGCTGCGTC ACTTCTGGGG CCTTCGTGTC CGAGGCCAGC ACACCAAGAC 180
CACTGGCCGC CGTGGCCGNA CCGTGGGTGT GTCCAGNAAG AAATAAGTCT GTAGGCCTTT 240
GTCTGTTAAT AAATAGTTTT ATATACCTNN AAA 273
```

配列番号 : 586

配列の長さ : 275

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00651

配列 :

```
GATCTNCCAC GTCTCCATCT CAGTACACAA TCATTTAATA TTNCCCTGTC TTACCCCTAT 60
TCAAGCAACT AGAGGCCAGA AAATGGGCAA ATTATCACTA ACAGGTCTTT GACTCAGGT 120
```

CCAGTAGTTC ATTCTAATGC CTAGATTCTT TTGTGGTTGT NGCTGGCCCA ATGAGTCCCT 180  
 AGTCACATCC CCTGCCAGAG GGAGTTCTTC TTTTGTGAGA GACACTGTAA ACGACACANG 240  
 AGAACAAGNN TAAACAATA ACTGTGTGTG TTAAA 275

配列番号 : 587

配列の長さ : 269

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00652

配列 :

GATCTTATGG ATAAACTCA GAAAGTGAAG GTGAAGAAAG AAACGGTGAA CTCCCAGCT 60  
 ATTTATAAAT TTCAGAGTCG TCGAAAACGT TGACGTGTTA TAGATAAGCC TTGTCATTNT 120  
 GTATCAAAAA TCTGTTGTCG TTTTCTAGTA ACTTCAAATT CCATTACTCC AAATGGCATG 180  
 GTTTTCCGGT TTGTAACCAT AACTAAATTG TCAGTCTGAC ATTTAATGTC TTTCTATGGA 240  
 CAACATTAAA TCNCCCTCCC TTCTGTAAA 269

配列番号 : 588

配列の長さ : 272

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00653

配列 :

GATCAAGTGG CTTTCCCTGG GACCTGCCCA GCTTTGAGAA TCTCTNCTCA TCCACCCTCT 60  
 GGCACCCAGC CTCTNAGGGA AGGAGGGATG GGCATAGTG GGAGACCCAG CCAAGAGCTG 120  
 AGGGTAAGGG CAGGTAGGCG TGAGGCTGTG GACATTTTCG GAATGTTTTG GTTTTNTTTT 180  
 TTTTAAACCG GGCAATATTG TGTTCAGTTC AAGCTGTGAA GNAAAATATA TATCANTGTT 240  
 NNCCAATANA ATACAGTGAC TANCTGAACA AA 272

配列番号 : 589

配列の長さ : 268

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00654

配列 :

GATCGTCAAA TCTTTTNCAA ATTTAATNTA TATGTGTATA TAAGGNAGTA TTCAGTGAAT 60  
 ACTTGAGANA TGTACAAATC CTTTCATCCAT ACCTGTGCAT GAGCTGTATT CTTACAGCA 120  
 ACAGAGCTCA GTTAAATGCA ACTGCAAGTA GGTTACTGTA AGATGTTTAA GATAAAAGTT 180  
 CTTCCAGTCA GTTTTCTCT TAAGTGCCTG TTTGAGTTTA CTGAAACAGT TTACTTTTGT 240  
 NCAATAAAGT TTGTATGTTG CATTTAAA 268

配列番号 : 590

配列の長さ : 267

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00656

配列：

GATCAAAAAT AAAATGTTAT TTTTAAAGTT TCTNTTTGAG ATTTTNCTTA AGTTTTGGTA 60  
GATATTCTTA AGTTTTAGTG ACCTCAGTTT GGAATTAAG TAAGCTAAAC ATTGTGTCCT 120  
TATTATNAGT TATATAAAAC TATGCTTTAG ACTTTGTNAG AAACCTCTGC CCCACCTGA 180  
CTGACTGCTT TNCCATTTNT GGTGTACAA AATGAATTCA CACTTTAATG CTATGGCCAC 240  
CTTTAAATAA AGTACAGCGT GACTAAA 267

配列番号：591

配列の長さ：265

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00657

配列：

GATCTAGATT CTACATGTTA CCATTGGTTT ATTCTGTGC TTTCTGTATT TAAAACTTTG 60  
GCTGTACTAA GCAATGCAA GGTATAATT TAGCTAATAG TAGTTTACAG ACAATTCTGA 120  
TGATTATGAT TTCATTTGGT TTAATAAGC TGTACTAGTT CATTTCATAA GGAAATGATA 180  
CTGTAGACAA ATGTAAATAA AGCCTGTGAG TCAAGCATCA AGTGGTGTTC GTTAGAAATA 240  
ANCTAGAGAT TTTAANCTC TGAAA 265

配列番号：592

配列の長さ：264

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00658

配列：

GATCTGGGGC CAGCTCACCG CTCACGTCCC CGTCATCGAC AACTCCACCC TNTACATCAG 60  
TAGAGCATGC ACCATTTTGA ACGTGACATT TNCGGTAAAG TAAACTATGC TGATTTCTCA 120  
GACTTTAAAG ATGCTCTNNT TCTGTGTGN AAATAGGACC CAAAGTGTCT CGATTGCTGA 180  
AGTGATGAAC AAGTGGGAAA GCAGATTGTA GACTATTTCC TTATCTGAAT ATTTAAATGA 240  
AATACAGCAT CTTTAAAANG CAAA 264

配列番号：593

配列の長さ：262

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00659

配列：

GATCTTTTAA AAAGATGATG CAGTTCCTGTA TTTATTGTGC TGTGTCTGGT CCTAAGTGGA 60  
GCCAATTAAN CAGGTTTCAT ATGTATTTN CCAGTGTTGA ATCTCACACA CTGTACTTTG 120  
AAAATTTCTT TCCATCTGA ATAACGAATA GAAGAGGCCA TATATATTGC CTCCTTATCC 180  
TTGAGATTTT ACTACCTTTA TGTTAAAAGT TGTGTATAAT TGTTAAAATC TGTGAAAGAA 240  
TAAAAAGTGG ATTTAAATTA AA 262

配列番号：594

配列の長さ：260

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00661

配列：

```
GATCCATCCA AAAACAAGGA CTGCAGCCTA AATTCCAAAT ACCAGAGACT GAAATTTTCA 60
GCCTTGCTAA GGGAACATCT CGATGTTTGA ACCTTTGTTG TGT TTTGTAC AGGGCATTCT 120
CTGTACTAGT TTGTCGTGGT TATAAAACAA TTAGCAGAAT AGCCTACATT TGTATTTATT 180
TTCTATTCCA TACTTCTGCC CACGTTGTTT TCTCTCAAAA TCCATTCCTT TAAAAAATAA 240
ATCTGATGCA GATGTGTAAA 260
```

配列番号：595

配列の長さ：259

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00662

配列：

```
GATCCCTTTA TGAAACCTTG TGAATAGATG AATGTNTGGA GATGGCGACT AGTGGACAAC 60
AGAACAATAT TGGAATGGTG GTAATACGAG GAAATAGTAT CATCATGTTA GAAGCCTTGG 120
AACGAGTATA AATAATGGCT GTTCAGCAGA GAAACCCATG TCCTCTCTCC ATAGGGCCTG 180
NTTTACTATG ATGTAAAAAT TAGGTCATGT ACATTTTCAT ATTAGANTTT TTGTAAATA 240
NNCTTTTGTA ATAGTCAAA 259
```

配列番号：596

配列の長さ：257

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00663

配列：

```
GATCNNGGCT AAGCCAGCCA GCCCNCCC GC GCCAGGNAAA ACAGGGCTGC AGGTGTCCTG 60
TCTCCAGCC TCATCTGGCC GGCCTCCCCA AACATTTGCC TGTCCATCAG CTCTTCTCTC 120
TTTCGAGTCA TGTGGAAAGG GACAGGNCCA AGTGGCCTTG GTGTTTAAAT CTTGCCCTAA 180
ATTGTAATC ACATGATTAT TTAAAGTCAC TAGANATAAG TAAGCACAGC AATAAAGNTT 240
TAATGGAATA AAAGAAA 257
```

配列番号：597

配列の長さ：252

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00664

配列：

```
GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAAAT GTATAATGTA TTTAGCTACT TTTTGGTTTA 60
AATGAACCTG TTGGGTTAGC TTGGTAAATG TTATAATTTT NACTATTTTC TACAAAAGAAA 120
ATATTTTCTA ATTTAAGTTG GAGCTATCTG TGCAGCAGTT TCTCTACAGT TGTGCATAAA 180
TGTTTTTNC TAAAAATGAG CTAATGTATA ANATACTGCT GTATACCATA ATAANGATAG 240
TAATACTTGA AA 252
```

配列番号 : 598

配列の長さ : 250

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00665

配列 :

```
GATCATTAGT TGAATCGGTA TCATCTTCAC CAAATAAAGA AAGTAATGAA GAAGAGCAAG 60
TGTTGGCACTT CCTTGGCAAG TGATTGAAAC ATCTGAAATT CTGCTGTCAA GATTCCTATC 120
TCTAAGGACT CCAAGTGCTA GAGACAAGGG GGTCTATGAG CATTACTGA CTCCTGTTA 180
AAACTTCATT TTTTCAAAC TTTTGAGCTA TGCAATATAT AANTAAACAG TAAGAATTTT 240
AAATTACAAA 250
```

配列番号 : 599

配列の長さ : 250

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00666

配列 :

```
GATCCTTCTT CCTTCACTG GTCGTGCCTC CCANNAGGTG CAGAGATTCT TAGAAGAGGA 60
GGTGTATCCC CTGTAAAAC CATATGAAAG CGTGATGAAG GTGAAAGCAG AATTATGTCT 120
GTAGAGTTGG AAGAGAATTA AACGAAAATC ATTGTAAAT GCTGAGGCAT GAAAATTGTG 180
TTACTATAAT GCCTTATTTT ACCTCGAGAA TTGTACCTT AAATTAGTAC AGCACTTTCT 240
TCTTCCCAAA 250
```

配列番号 : 600

配列の長さ : 247

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00667

配列 :

```
GATCCTTCAG TTACATACAA TTTGTTAAT GAAATGTCAT GGCTCTGTTT ATATTTTNT 60
NTTGTNCTC CAATTGGTAT ATACAACTTT CAGAGCCTCT TGTATTGGA AGGCTGGAAG 120
GGCCCAGACT TTGGAATAGT GTCTTGTTTT CACTGTTTTN GTTTTGATT TTTTTTGT 180
TNGATTTTTT TAAACTAAA GCTATATAAA GCTTGNGGAT TAANCAGANT AAATTCCTAA 240
ATTAAA 247
```

配列番号 : 601

配列の長さ : 246

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00668

配列 :

```
GATCCAGGGT GTGTGTGAGT TGAGGGTGGG TGGAGGGGTT TGCAGTGTGG GAATGTGGCC 60
CTGCAGTTGA CCTGAGCTGC TTCACATGGT TGTCCATTCT GGGGCTTAAA GAACTGGGAC 120
```

CAGACCAAGT AGAGGCCTTG GTGCTGNTTG GGGTGGGGCC TGCAGANTCT TAGTTACTGA 180  
 TTTCATTTTC AATAAATGTA GGTGTGTAC ATGAGTTTCC CAATTAAAAA AAAAATGACT 240  
 TCTAAA 246

配列番号：602

配列の長さ：284

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00669

配列：

GATCAGAATT TCACCAGGGA GTAAAATTAC CTGAAAACGT AAGANGTTTT AAACAGCTTT 60  
 TCACACAAAT TAGATGCAAC TGTTCCCATG TCTGAGTACT TATTTAAAAG AAAGGTAAAG 120  
 ATTTGGCCTGT TAGAAAAAGC ATAATGTGAG CTTTGGATTA CTGGATTTT TTTTTTTNA 180  
 AACACACCTG GNGNGNCAT TTGAAAACAC TTTTCTTACC CTCGANCCCT GATGTGGTNC 240  
 CATTATGTAA ATATTTCAA TNTTAAAAAT GTATATATTT GAAA 284

配列番号：603

配列の長さ：249

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00670

配列：

GATCGAGGTG GAGAAGCCCT TTGCCATCGC CAAGNAGTAG GGCACAGGGA CATCTTTCTT 60  
 TNAGTGACCG TCTGTGCAGG CCCTGTAGTC CGCCACAGGG CTCTGAGCTG CACTNGCCCC 120  
 GGTGCTGGCA TCTGGTGGAG CGGACCCACT CCCCTCACAT TCCACAGGCC CATGGACTCA 180  
 CTTTGTAAAC AAACCTCTAC CAACACTGAC CAATAAAAAA AAATGTGGGT TTTTTTTTTT 240  
 TTAAATAAA 249

配列番号：604

配列の長さ：244

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00671

配列：

GATCGGAATG GTGGAGAACT TCAACCAGGC ACTCAAGGAA ATTGGGGATG TGGAGAACTG 60  
 GGCTCGGAGC ATCGAGCTGG ACATGCGCAC CATTGCCACT GCACTGGAAT ATGTCTACAA 120  
 AGGGCAGCTG CAGTCTGCCC CTCCTAGCC CCTGTTCCCT CCCCCAACC TATCCCTCCT 180  
 ACCTCACCCG CAGGGGAAAG GAGGNAGGCT GACAAGCTTG AATAAAACAC AAGCCTCCGT 240  
 TAAA 244

配列番号：605

配列の長さ：244

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00672

配列：

GATCCCCTTT CCGTAAAAGC GTGTAACAAG GGTGTAAATA TTTATAATTT TTAATACCTG 60  
 TTGTGAGACC CGAGGGGCGG CGGCGCGGTT TTTNATGGTG ACACAAATGT ATATTTNCT 120  
 AACAGCAATT CCAGGCTCAG TATTGTGACC GCGGANCACA GGGGACCCA CGCACATTCC 180  
 GTTGCCTTAC CCGATGGCTT GTGACGCGGA GAGAACCGAT TAAAACCGTT TGAGAAGCTC 240  
 CAAA 244

配列番号：606

配列の長さ：242

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00673

配列：

GATCTTTCCC ATNTCTACCT AAGTCAGCTT TCATCTTTGT GGATGGTGTG TCCTTTACTA 60  
 AATAAGAAAA TAACAAAGCC CTTATTCTCT TTTTTNTTG TCCTCATTCT TGCCTTGAGT 120  
 TCCAGTTCCT CTTTGGTGTA CAGACTTCTT GGTACCCAGT CACCTCTGTN TTCAGCACCC 180  
 TCATAAGTCG TACTAATAC ACAGTTTTGT ACATGTAACA TTAAAGGCAT AAATGACTCA 240  
 AA 242

配列番号：607

配列の長さ：245

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00674

配列：

GATCCGGGTG GATGCACAGC CCGTCAAGGT CTATGCTGAC GNCTCCCTGG TCTTCCCCCT 60  
 GCTTGTGGCT GAAACCTTTG CCCAGAAGAT GGATGCCTTC ATGCATGAGA AGAACGAGGA 120  
 CTGAGCGGCT GCGGTCCCAG GAAGGTCTTA CCCCTCTNC TATTTATNAA TTTGCAGACC 180  
 CAGCCNTCC CTACTTTTTT GGTCAGCTAC GNCTCTAGAA TAACNCCCGG TATCTGAAGT 240  
 CAAA 245

配列番号：608

配列の長さ：245

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00675

配列：

GATCTCTACC ATTTAATTAA GAAAGCAGTT GCTGTTCGAA AGCATCTTGA GAGGAACAGA 60  
 AAGGATAAGG ATGCTAAATT CCGTCTGATT CTAATAGAGA GCCGGATTCA CCGTTTGGCT 120  
 CGATATTATA AGACCAAGCG AGTCCTCCCT CCAATTGGA AATATGAATC ATCTACAGCC 180  
 TCTGCCCTGG TCGCATAAAT TTGTCTGTGT ACTCAAGCAA TAAATGATT GTTTAACTAA 240  
 ACAA 245

配列番号：609

配列の長さ：241



配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00676

配列：

```
GATCTAAAAT GTCACATTCA GATTTTNAGG AAGAAAATCT TCATTACAGT GGAGCACAAA 60
TNTTCCATAC AAGACATCAT TGAGGNAGCA TGCTGTCCCC TTCTAACCTG AAACACATTG 120
TTTCCCATCC NGGTTGGGCT TCTNTACCNC CTTATTAATT TATGAACCNG AAGTTGCTTG 180
AAGTGTTTTG GGCTTAATAA ATGGGGTGAA AGTATAGGTA GCAGTAACAC CTACATGNAA 240
A 241
```

配列番号：610

配列の長さ：240

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00677

配列：

```
GATCTTCTGA GGTGAGGAGT TTGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCAGTCTCTA 60
CTGAAAATAC AAAATTAGCC GGGCATGGTG GTGCACGCNT GTAGTCCCAG CTACTTGGGA 120
GGCTGAGGCA GGAGAATCGC TTGAACCCAG GAGGCGGAGG TTGCGGTGAC CCTCCAGCTT 180
GGGCAACATG TTATGANTGA AACTCCATCT CAAAAAATAA AAAAAAAAAA GGGNNGCAAA 240
```

配列番号：611

配列の長さ：240

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00678

配列：

```
GATCTGTGAA GGCTTCCCTG ACCNNTGCCC AGGAAGAGTT CACTGGTCGC TCTGTTGTGC 60
CCCACAGCAC TTTGTTATAC CTCTGCCACA CACTTCACGC AGCGCGTTGT AACTCATGTG 120
TTTACATGTC TGTCCCNCCA GACTGTNAGC TCCTTGAGGG CAGGGACTGT ACATTCTCCA 180
GCTCTGTGTC CCCAGGGCCT GGCACATTGT AGACGCTTAA TAAATTTCTG TTAAATGAAA 240
```

配列番号：612

配列の長さ：242

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00679

配列：

```
GATCAGCTCC TTGACCTCTG AGGGGCAGGN GTGCTTCCTG GTGTGTGTAT TAGAATCCCT 60
TCCTGCCTTG TTTCATGGCA GTGAAATGCC TCTTGGTCCT GTCCAAGTGT ATCTTTCACT 120
GATTTCCTGNA TCATGNTCTA GTTGCTTGAC CCTGCCANAT GGGTCCAGTG TTCATCTGAG 180
CATAACTGTA CTAAATCCTT TTTCCATATC AGTATAATAA AGGAGTGATG TGCAATAGCA 240
AA 242
```

配列番号：613

配列の長さ : 239

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00680

配列 :

```
GATCGCAACA ATNAGCCATC CACATNCGTT TTTCAGGGTC ACACCCAAGT AATTGAAAAG 60
ACACTCCTCC ACTTATCCCC TCCNTAATAT GGCTCTNCGC ATGCTGAGTA CTGGACCTCG 120
GACCAGAGCC ATGTAAGAAA AGGCCTGTCN CCTGGAAGCC AAAGGACTCT GCATTGAGGG 180
TGGGGGTAAT TTTTCTTGG NGGGCCCAGT TAGTGGGCTT NCGNANTGTN TGTATGNGN 239
```

配列番号 : 614

配列の長さ : 238

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00681

配列 :

```
GATCCAAATA AACAGACCCC GTCTGGCAAG AAATGCATTG CAGCCAAAAA AATTAAACAG 60
TCGGTGGGAA ACAAAGCAT GTCCTTTCCA ACTGGAAAGT CAGACAGAGG CTTCAGGTAC 120
AACTGGCCAC AGAGATAGTC CTGGAAGACA CGTGGCGCCT GTGGACCGGA AGCACCAAAT 180
GCTGGTGTG CTTTTGTACA TACATATTTT TAAACCATTAA AAATCTTCC TGAAGAAA 238
```

配列番号 : 615

配列の長さ : 254

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00682

配列 :

```
GATCCATAGT CAGAAAAGTT ACTGCAGCTT AAACAGGAAA CCCTTCTTGT TCAGGACTGT 60
CATAGCCACA GTTTGCAAAA AGTGCAGCTA TTGATTAATG CAATGTAGTG TCAATTAGAT 120
GTACATTCTT GAGGTCTTTT ATCTGTTGTA GCTTTGTCTT TTTCTTTTTC TTTTCATTAC 180
ATCAGGTATA TTGCCCTGTA AATTGTGGTA GTGGTACCAG GAATAAAAAA TTAAGGAATT 240
TTTAACTTTT CAAA 254
```

配列番号 : 616

配列の長さ : 247

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00683

配列 :

```
GATCAAAGAA AGAAGGCATA CGCNGATTTT TACAGAACT ATGATGTCAT GAAAGATTTT 60
NAGGAGATGA GGAAGGCTGG TATCTTTCAG AGTGTAAGT AATCTTGGAA TATAAGAAT 120
TNCTTCAGGT TGAATTACCT AGAAGTTTGT CACTGACTTG TGTTCTTGAA CTATGACACA 180
TGAATATGTG GGCTAAGAA TAGTTCCTCT TGATAAATAA CCANTTAACA AATNCTTTNG 240
ACAGAAA 247
```

配列番号：617

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00684

配列：

```
GATCTGCACC TGAGCCAAAG AAACCTGAGG AAAATCCAGC TTCTAAGTTC AGTTCTGCAA 60
GCAAGTATGC TGCTCTCTCT GTTGATGGTG AAGATGAAAA TGAGGGAGAA GATTATGCCG 120
AATAGACCTC TACATCCTGT GCTTTTNTCC TAGTTTCTCT CCACCCTGGA ACATTCGAGA 180
GCAAAATCAA ACCTCTATCC AGACAAGACA AAATAAACT CAACATCTCC TGAAA 235
```

配列番号：618

配列の長さ：238

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00685

配列：

```
GATCTGTTCC TTGGCAGTGG ACTCAGAAAG CCAACATGTG GCTCCTCCCA GCCCATAACC 60
AGTATTTTTT CTGCTTCTAA ATACAAATNG GTTGGTTTAA ACTTCANATT GANCTTACTG 120
TAGCCTCAAA TGATTTCCTC CCTCCGCCTC CAGGAAGAAA GAATGTNACT GCCTTAATAA 180
AAAATGAAAA GAGAATGATG CTCAAAATCT TTCCAAATAA AATGTTCCCT ATATTAAA 238
```

配列番号：619

配列の長さ：234

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00686

配列：

```
GATCCGCCCT CGAATGGACA CATTACCAGT GAAGGGGCAT TTNTNGTCAA TGTAGGTGCC 60
CTCAATAGCC TCCTTGGGTG TTTGAAGCC CAGACCGATG TTCTTGTAGT ACCGCGGGAG 120
CTTCTCCTTG CCAGTTTCTC CCAGCAGGAC CCTCTTCTNG TTTTGAAAGA TGGTCGGCTG 180
CTTTTGGTAG GCACGCTCAG TCTGAATGTC CGCCATCTTC CCGGCCGGCT GAAA 234
```

配列番号：620

配列の長さ：251

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00687

配列：

```
GATCCCCAAG CCTGGCAAGG GAATTTNTTC AACTCCCTGC CCCCCAGCCC TCCTTATCAA 60
AGGACACCAT TTTGGCAAGC TCTATCACCA AGGAGCCAAA CATCCTACAA GACACAGTGA 120
CCATACTAAT TATACCCCTT GCAAAGCCCA GCTTGAAACC TTCCTTAGG AACGTAATCG 180
TGTCCCTAT CCTACTTCCC CTTCCCTAATT CCACAGCTGC TCAATAAAGT ACAAGAGCTT 240
AACAGTNNA A 251
```

配列番号 : 621

配列の長さ : 241

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00689

配列 :

```
GATCCATCAT CCGNCAATGT TAAAAGGCCC CGTGC GCGAG GCGACGTGC TCACCCTTTT 60
GGAGTCAGAG CGAGAAGCCC GGAGGTTGCG CTGAGCTTGG CTGCTCGCTG GGTCTTGGAT 120
GTCGGGTTTC ACCACTTGGC CGAGGGGAAT GGTCTGTCAC AGTCTGCTCC TTTTTTTTGT 180
CCGCCACACG TAACTGAGAT GCTCCTTTAA ATAAAGCGTT TGTGTTTCAA GTTAACTCAA 240
A 241
```

配列番号 : 622

配列の長さ : 231

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00690

配列 :

```
GATCCTCCTG CCTNGGCCTC CAAAAGTGCT GGGATTACAT GCATACCTGA NCTACTGAGC 60
ACTTTNATCT TGAATGAGTG TTGGATTTTG TCAAATGCTT TTCCTGTACC TATTAATACA 120
ATCATGATTT TNNCTCTTT AGTATGTTGA TATGATGGGT TACATTAATT GATNNTCAAA 180
TGTGAATCA GTCTNGCATA CCTGGAATAA ATCCCACTTG GTCATAATAA A 231
```

配列番号 : 623

配列の長さ : 231

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00691

配列 :

```
GATCTATGAA ATCTGTGTAG GTTTTAAATA TTTTAAAAAT TATAATACAA ATCATCAGTG 60
CTTTTAGTAC TTCAGTGTTT AAAGAAATAC CATGAAATTT ATAGGTAGAT AACCAGNTTG 120
TCNCTTTTTG TTAAACCAA GCAGTTGANA TGGCTATAAA GACTGACTCT AAACCAAGAT 180
TCTGCAAATN NTGATTGGNA TTGCACAATA AACATTGCTT GNTGTTTTAA A 231
```

配列番号 : 624

配列の長さ : 231

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00692

配列 :

```
GATCCCATT AGGAANCGGC ATTCATTCA GAAGGTACTT TTAACTGCT CAGTTTTTGA 60
CTATTTTAAA TAGTTTGCTG AAAACTCCTG ATAACACTTG CTACATATCA TGTTTTAAPT 120
GCTGTACAG TTAACCTTTA ATTTTATTTA GTAAAGTGTA TCAAAGTAGG ACTTTTTTGA 180
ATTGTAAATA GGTGGTTTTA TTAAATAAAA GTCAATGTAA AAATTGTAA A 231
```

配列番号：625

配列の長さ：230

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00693

配列：

```
GATCCGGAGG GAAATGTGTT AGAGGGTCTG GAAAATTCAG TGCTTTTGAG TTACTTGTTT 60
TTATTAAAAA TTTCCTCACA AAAGAGAGTC CTCAAGTTGT GGCTGTTCTT GGGAAAGGGG 120
TCACCGTGTC TGACAAAGTG TAACTTTAAA AAGCACGTTG ATTTTTTACA AATGTAAGTG 180
TGCTTGGGAA TTCCTTAAAT TTTGTGCAAT AAACATTTTT TTGGAAGAAA 230
```

配列番号：626

配列の長さ：202

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00694

配列：

```
GATCCAATCA TATTTNCTGT AGGGTGGAGG AGGTTTCAGA CCATCCCGCT CTGTTATATC 60
GAAGACCACA ATGGAAGACA AAGGCTTCTA AAGTATACCC CACAGCACGT GCATCGCGGA 120
NAGCCTNCTT GGGATAAAAT ATGTTTACAA TAACTTGCCT ATTGCTGAGA TTAAACCTTA 180
CAGGCTGCGT TATTTTAGCA AA 202
```

配列番号：627

配列の長さ：226

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00695

配列：

```
GATCCATTGT ATCAGTACCT CACAATCAGA GTTGGCAAAT GATGGATGAG TGATTCAAGC 60
AGTGCACCCG GTGGAAGCTG AAATCCATCT GTGAATGGAA CTGAAGTGAA CGTGAATATG 120
CTGACTATAT CCTGGAAGCA TTTTATACC ATCTTGAAAT TTCAACANAC TGGCTTTTGC 180
CAGTTAATCC AGCTGTCTTT CAAGAATAAA AGTTGGGGTT TTCAAA 226
```

配列番号：628

配列の長さ：226

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00696

配列：

```
GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGANACCAG CCTGGCCAAC AGGGTGAACC CCGTCTCTAC 60
TAAAAGTACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCGGACGCTG TAATCTCAGC TACTTGGNAG 120
GCTGAAGCAG GAGAGGTGCT GGAACCTGGN AGGCGGAGGT TGAAGTNAGC CGAGATTGCC 180
CTATTGCACT CCAGCTCGGG CGNCAACTGC AAGACTCCAT CTCAAA 226
```

配列番号：629

配列の長さ : 226

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00697

配列 :

```
GATCTGTAA TTTCCTATCT AATAAATGCC TTNAATTGTN CTCATAATNA AGAATAAGTA 60
GGTATCCCTC CATGCCCTTC TGTAATAAAT ATCTGGAAAA AACATTAAAC AATAGGCANA 120
TATATGTNAT GTGCATTTCT AGAAATACAT AACACATATA TATGTCTGTA TCTTATATTC 180
AATTGCAAGT ATATAATAAA TAAACCTGCT TCCAAACAAC AATAAA 226
```

配列番号 : 630

配列の長さ : 226

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00698

配列 :

```
GATCAGAGTA ATTCTTTTGT ACATTGAAAT NAGGGGCTTG GTTTAAAAAA AGACCTTTCC 60
CTCTCCCTGC CCCTAGAACA ACCAGTATTA GAAGGTGCCA CCATTGGTGC TGCCTTCTNT 120
TCCCACAGCC TGTAACCTCAG TGTTTTGTAC TTCCTGAAT TGTGATGGNT AGAACTTCG 180
TGGGTAGNNN NTGGGAATCA TCCNGTTAAA CAANACGGGN TTAAAA 226
```

配列番号 : 631

配列の長さ : 222

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00699

配列 :

```
GATCCTTGGT GTACTGAGCA GTTCTTTTGG GGCTTTTTCT TTCTGGGAAG CGGGAGGGAA 60
AGGAGCAAGG TGTCATCCTG CTCTTCATTT GTATTTTGGT CCCAAAATGT AAATACAATT 120
TNTTATGTTA CTTTTTTGTG GTAACACCG AGATGAATAT TTAAATTAGA TAAGTTATAT 180
GAAAAGGAAA ATTCCATGTC TAAATAAAAA ACAAACTCCA AA 222
```

配列番号 : 632

配列の長さ : 222

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00700

配列 :

```
GATCTTCTGG ACAAACCTTCT GCGATACGAC CATCAACAGA GACTGACTGC CAAANAGGCC 60
ATGGAGCACC CATACTTCTA CCCTGTGGTG AAGGAGCAGT CCCAGCCTTG TGCAGACAAT 120
GCTGTGCTTT CCAGTGGTCT CACGGCAGCA CGATGAAGAC TGGAAAGCGA CGGGTAATGC 180
GGCATTGATG CTTNCCAATA AAACCAACCA ACCAAACACA AA 222
```

配列番号 : 633

配列の長さ : 221

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00701

配列：

```
GATCCACCCA GTTCTTTAGG CAACCACTGA TAGCATTTTC TTAAGTATTC TTCCAGATAT 60
CGTCTATGCA TATGTAAAAG TATCTGNCTT TCTCCNTTTA AAAACACAAT TGGNAATATA 120
TCATACTNGC TGGTTTGCAC CTNGCTTTTT TTGCTTAATA TATCTAGTTT ATAATGNCCN 180
AATGNGCAAA TTTTNGCATC NGCCCTAAAT ATCTACTGGN N 221
```

配列番号：634

配列の長さ：220

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00702

配列：

```
GATCACTCGT TTAAGTCCTT AGTTGTATGT NATCTCTTCT CTAGCAGGAA TTGGCAAAC 60
TTTTTGTAAG GGGGTAGAAA GTGAAGATTT TAAGGCTTTG CAGGCCATAT ATCCTCTNCT 120
GCAAAATNCTC AGCCCTGCTG TTGTAATGTA AAANCTNCCA CAGACACTAC ATGAACACGA 180
ATGAGTGTGG CTGGTGTTC AATAAACTT TATTACAAA 220
```

配列番号：635

配列の長さ：220

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00703

配列：

```
GATCATCAAA CCAGTCCACA AGCACAGGGA GATGCGTGGG CTGACATCTG CAGGCCGAAA 60
GAGCCGTGGC CTTGGAAAGG GCCACAAGTT CCACCACACT ATTGGTGGCT CTCGCCGGGC 120
AGCTTGGAGA AGGCGCAATA CTCTCCAGCT CCACCGTTAC CGCTAATATA NGTAAAGTTT 180
NGTAAATTC ATACTTAATA AACAATTTAG GACAGTCAAA 220
```

配列番号：636

配列の長さ：219

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00704

配列：

```
GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGGCTTCAC CAAGTTCAAT GCTGATGAAT TTGAAGACAT 60
GGTGGCTGAA AAGCGGCTCA TCCCAGATGG CTGTGGGGTC AAGTACATCC CCAGTCGTGG 120
CCCTCTGGAC AAGTGGCGGG CCCTGCACTC ATGAGGGCTT CCAATGTGCT GCCCCCTCT 180
TAATACTCAC CAATAAATTC TACTTCTGT CCACCTAAA 219
```

配列番号：637

配列の長さ：215

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00705

配列：

```
GATCCTCTCT CGACTNGCCA TACATTTCTT TCACAGCATT TACATAGTCC ATGATAGTTT 60
ACTTGTGGGA TTATTTGGTT AATCTTTGCC TTAAACACCA GGGTTCCTTG GGTGAAGGAG 120
CTTCTTTATC TNGGTAACAG CATTATTTCA AGCATAACTN GTAATATAGT NATATTACAT 180
ATATANCATA TATATATATN NCANANCANA TATAN 215
```

配列番号：638

配列の長さ：214

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00706

配列：

```
GATCTGGTTT CTTAGCAAAT TTCCCAGTAG GATGTCATGT AAGTNCCTTC CCCCTCTTAG 60
AGATTGAAGG CTGTAAGAGT CCAGATGGTG GAGCCAGGCT GTCTGGGTTC AAATGCCATC 120
TTTGACACTT GCAAGCTAAA TNACATTACT CAAATTAATC GTTCTGCACT TCAGCTTCCN 180
TGTCTATCAA ATAAAAAGAA TAGTACCNGC CAAA 214
```

配列番号：639

配列の長さ：215

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00707

配列：

```
GATCATTGTA GATGANCTGA AGCAAGANGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGAACCACC 60
CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGNCTGCTGA TGGCCAGACT CTGTTTGCTG GCTACACGGA 120
CAACCTGGTG CGAGTGTGGC AGGTGACCAT TGGCACACGC TAGACGTTTA TGGCAGNGCT 180
TTACATGTGG GGAATAACN TGGCTTTTCT GTAAA 215
```

配列番号：640

配列の長さ：220

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00708

配列：

```
GATCAAACCA AGGCCCAGGC TGCAGCCCCA GCTTCAGTTC CAGCTCAGGC TCCCAAACGT 60
ACCCAGGCCC CTACAAAGGC TTCAGAGTAG ATATCTCTGC CAACATGAGG ACAGAAGGAC 120
TGGTGCGACC CCCCACCCCC GCCCCTGGGC TACCATCTGC ATGGGGCTGG GGTCTCTCTG 180
TGCTATTTGT ACAAATAAAC CTGAGGCAGG ATTTGTTAAA 220
```

配列番号：641

配列の長さ：210

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状



クローン名：HUMGS00710

配列：

```
GATCGAGAAC CACATCCTCA AGCTCTTCGA GAGCAACCTG GTGCCCCTA AACCCTGAGT 60
GAAGGCCGCC TGCCGGGGAC TCAGACACTC AGGGAACAAA ATGGTCAGCC AGAGCTGGGG 120
AAACCCAGAA CTGACTTCAA AGGCAGCTTC TGGACAGGTG GTGGGAGGGG ACCCTTCCCA 180
AGAGGAACCA ATAAACCTTC TGTGCAGAAA 210
```

配列番号：642

配列の長さ：208

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00711

配列：

```
GATCTGGTTT TATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTTGT GAGGGGGGGG AATAATATGT 60
GGTTTTTGTA CAAACATGTT TCTCAGTGTG TTGTNATTTT GGAAAAATG AGGGGAGGGA 120
GTTTGGCAAG AATGGAGAAA ATGAATGAAG AAGGCCTAAT CTCTCTCTT TTCAGTNAAT 180
AAATGGAACA CCATTCTGG ATTCTAAA 208
```

配列番号：643

配列の長さ：206

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00712

配列：

```
GATCTGTACA TTGTAAACA CCATTCAAGT GTCAGAATCA TTATTTTCCA CCACTTATCA 60
TGGTGCTTGA CAAGTCTTCC CAATAAATAC TGAATGAACA AATGAATGGC AGAAACATTA 120
AAATGAACAC TATGGGGAAA GGGGAAGAGA GGCAGAATCA GAAATTATCC NGAATAAATA 180
TTTATNCCAT TTGTCATCCN NCNAAA 206
```

配列番号：644

配列の長さ：244

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00713

配列：

```
GATCTATGTG GTGAAAATGC ACAGGAGCTT GGTAGACTGC GGGGGAAAGA GAGAGCTCCT 60
TTCGCCATGT TTTACCAGTN TGCTGTTATA ACCTCTTAGG TTGTATCCTT TAATTTCCAG 120
CCTTTTAGGT TAGTTTCTGT AACAGAACAA GTGAGTCTGG GATGAAGTCC TCAAAGTACT 180
TCAAATGGTA ATTTTTTTGT TTTTGTAAATA GCTNAACAAA TAAACCNAGG GTTCTATAT 240
TAAA 244
```

配列番号：645

配列の長さ：231

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名 : HUMGS00714

配列 :

```
GATCTATGAA TGANAGGAGG GCAGACCACA TTGCTTTTNA CATCCATTTC CCCTCCTTCC 60
CATGGGCAGA GGACCAGGCT GTAGGAAATC TAGTTATTTA CAGGAACTTC ATCATAATTT 120
GGAGGGAAGC TCTTGAGCT GTGAGTTCTC CCTGTACAGT GTTACCATCC CCGACCATCT 180
GATTAAATG CTTCCTCCCA GCATAGGATT CATTGAGTTG GTTACTTCAA A 231
```

配列番号 : 646

配列の長さ : 200

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00715

配列 :

```
GATCTACATC TTTTCTAAA GAAAAGTGA GCTTGCCTCC AGTTCAATTC ACAAGAGCAT 60
TTTCCCTCCC ATGCCACCT TTTCTTGTGG CTGTCGCTAG GAAGGATGCA GAGGCTGTGT 120
GGTTTACCAA ATGCCTTAAC TTAGCAGTGA ATGACAAC TG TCAAACACAT GTTGAGGGGA 180
AATTTTACT GATTCACAAA 200
```

配列番号 : 647

配列の長さ : 200

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00716

配列 :

```
GATCTGCCGC AAGTGCTATG CTCGCCITCA CCCTCGTGCT GTCAACTGCC GCAAGAAGNA 60
GTGTGGTCAC ACCAACAACC TGCGTCCCAA GAAGNNGGTC AAATAAGGTT GTTCTTTCCT 120
TGAAGGGCAG CCTCCTGCCC AGGCCCGGTG GCCCTGGAGC NTCAATAAAG TGTCCTTTN 180
ATTGACTGGG GNNGNANAAA 200
```

配列番号 : 648

配列の長さ : 199

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00717

配列 :

```
GATCCAGAAG GGGTTTGGTC TGGGACTTCC TTGCTCTCCC TCTTCTCAAG TGCCTTAATA 60
GTAGGGTAAG TTGTTAAGAG TGGGNAGAG CAGGCTGGCA GCTCTCCAGT CAGGAGGCAT 120
AGTTTTTACT GAACAATCAA AGCACTTGGA CTCTTGCTCT TTCTACTCTG AACTAATAAA 180
TCTGTTGCCA AGCTGGAAA 199
```

配列番号 : 649

配列の長さ : 206

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00718

配列：

GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTCCCTGT CCCCACAGCA 60  
GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA AACCAAGTGN NAGAGCCCCT 120  
TCCCCTTGTT TTTATTTTAC TGTTATAATA ATTATTAAC TCTTGTAAT AGAAATAAAG 180  
TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA 206

配列番号：650

配列の長さ：201

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00719

配列：

GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60  
TTCCITTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120  
ATAATNATTT AGCAGTGTA CTTTAAACC TCGGTGACAT CTACANNNG CCCAATAAAG 180  
AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201

配列番号：651

配列の長さ：198

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00720

配列：

GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60  
GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120  
TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180  
CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198

配列番号：652

配列の長さ：197

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00721

配列：

GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTATATA CATGTATACA 60  
CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AACTATTAC AAGCTGTTGT 120  
CTAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180  
AATGCGTAAT TAAGAAA 197

配列番号：653

配列の長さ：197

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00722

配列：

GATCTGGACT GTCCTGGCAT CGAACTCTCC CTCTGTGTGT AATTGGAGGA GACCACAAGC 60  
 TGTGTTTTTG GGTGACTGAA GTATAAAGTG TTTNCTGTAC CTTAGATTCA CAAACTTTGT 120  
 ATTTNAGTA CATATTTNNA AGAATTTCTA TAGTACATAT NTNNAAGAAT TTTNATATCA 180  
 AATATACCGT ATACTNN 197

配列番号 : 654

配列の長さ : 201

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00723

配列 :

GATCACCGCC GCGAGTAAAA AAGGCTCCAG CCCAGAAGGT TCCTGCCCAG AAAGCCACAG 60  
 GCCAGAAAGC AGCGCCTGCT CCAAAAGCTC AGAAGGGTCA AAAAGCTCCA GCCCAGGNNN 120  
 GCACCTGCTC CAAAGGCATC TGGCAAGAAA GCATAAGTGG CAATCATAAA AAGTAATAAA 180  
 GGTTCCTTTT GACCTGTAA A 201

配列番号 : 655

配列の長さ : 199

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00725

配列 :

GATCTGCAGT TTAAGTTGCC ATGCTGCTAG GAAATTGTCC TTTNCTTTC TAGCTGTAA 60  
 CCTACTTCCT GGAAAAAGTA GTAGCTCTCT GTAGCATTAT GGAGTTTCAG TGGAACCAAA 120  
 TNTTTGCCAT TAAAACTGG CATTATACTG AACTATACAT TGAGAAATCA ATCAAAATAA 180  
 AANTTTTAC TTTCACAAA 199

配列番号 : 656

配列の長さ : 196

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00726

配列 :

GATCTGGTTT CTAGCAAATT CCCAGTAGGA TGTCATGTAA GTCCTTCCCC CTCTTAGAGA 60  
 TTGAAGNTGT AAGAGCCAGA TGGTGGAGCA GGCTGTCTGG GTTCAAATGC ATCTTTGCAC 120  
 TTNAAGCTAA ATGACATACT CAAATTAATC GTCTGACTCA GTTCCTTGCT ATCAAATAAA 180  
 AAGATAGACC TGCAAA 196

配列番号 : 657

配列の長さ : 201

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00727

配列 :

GATCTGCCTG CCTCAGCCTC TCAAAGTGTT GAGATTACAG GCGTGAGCAN CCGCTCCCTG 60

CCCAACACAT ATACCATCTG AAAATGTTAG AATTCTGAGT TGTGATTTTA TTGACTTGTT 120  
 GCTTGCTTTT CCTNAGGCTT TGTAACCTGT AATATGTTAA AGTGTACTAT CCTAATAAAC 180  
 TGAATACTTT GGTATCTTAA A 201

配列番号 : 658

配列の長さ : 197

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00728

配列 :

GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAAATCTTTC CATCTAGGGC AAGTCCTGAA AGGCCCAAGG 60  
 CCCCCCTCCC AGTCTGGCCT TGGCCNCCAG CCTGGAGAAG GGCTAACATC AGCTCATTGT 120  
 CAAGGCCACC CCCACCCAG AACAGAACCG TGTCTCTGAT AAAGGCTNTT GAAGTGAATA 180  
 AAGTTTAAAA ANCTAAA 197

配列番号 : 659

配列の長さ : 195

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00729

配列 :

GATCGTNTTT GTTTTGT TAAAGAAAGG TGAGATTGGC TTGGTTCTTC ATGAGCACAT 60  
 TTNATATAGC TCTTTTCCTG TTTTNCCTTG CTCATTTTCGT TTTGGGGAAG AAATCTGTAC 120  
 TGTATTGGGA TTGTAAAGAA CATCTCTGCA CTCAGACAGT TTACAGAAAT AAATGTTTTT 180  
 TTTGTTTNNC AGAAA 195

配列番号 : 660

配列の長さ : 196

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00730

配列 :

GATCTCAAAC TCCAGGCTCA GAACTGTGAA GACTGTTTCC AGCCTGGCTG TGAGCCAAGA 60  
 CCTGGTTCCT GGTGGACCCT GAGGACAAAG TGTGATAAAA CCTCTGGCTC AGACTTGCTC 120  
 TACTGAAGGC TTCTTGGTTA TAAGATGCAT AAAGTCACTG GGGCTAGCTA AACAATAAAG 180  
 AGTTTATTGT GAGAAA 196

配列番号 : 661

配列の長さ : 194

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00731

配列 :

GATCTAATGT ACTGTAACCT TATCAGTGAA AGGTAAAATC TCAAATAACA AGTACAAACA 60  
 TTGAACAATT ACCTATAAAG ATTTNTAAAA GTAAAATTTT TCCAATAGAT TTCATTCTTG 120

TCATTTTGTA AGACGACCCT GCAGTCCACC NGTTTGTAAC TTTTAAATA AAATAGACAT 180  
CTGTATTACT GAAA 194

配列番号 : 662

配列の長さ : 246

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00732

配列 :

GATCAAGAAA ATAAGGACAA CGTGAAGTTT AAAGTTCGAT GCAGCAGATA CCTTTACACC 60  
CTGGTCATCA CTGACAAAGA GAAGGCAGAG AAAGTGAAGC AGTCCCTGCC CCCCAGTTTG 120  
GCAGTGAAGG AACTNAATAA ACCAGACACA CACAGAACAG GCGATTATTT ATTTGTTTTT 180  
AATTTATTTT GTCATATTTT TGTAACACGG CAGAAATGCA ATAAACCTA TATTCAACA 240  
GTGAAA 246

配列番号 : 663

配列の長さ : 192

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00733

配列 :

GATCATATTT TATACATGTG TAATAGATAA AAATAAACCA GATTGCAAAT CCTTTTTTAA 60  
AATCCTAAAC CATGTACCAA GTTTTGGTC CAAATTATGT AGGATAAGTT AACTTAAAT 120  
TGCATTCTAT TAACCAATAT GAGTGTATTT CTGTAAGCAT AGTTATGTTG AAATAAAGTT 180  
TTAAAAACCA AA 192

配列番号 : 664

配列の長さ : 191

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00734

配列 :

GATCTTCACA CTAATGATGA GTGTGTGGCT ACATACAAAG GAGTCCCTT TGAGGTGAAA 60  
GGGAAGGGAG TATGTAAGGG CTCAAACCAT GAGCAACAAG TGGAATCAA TAAATGCTT 120  
CCACNACCAA AAGACATTAG AGAAACCTT AAAAGTAATA AAGNGAATA TATTNTCAC 180  
TTATACCTAA A 191

配列番号 : 665

配列の長さ : 188

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00735

配列 :

GATCTGAATC TNCCGGGGCC CCAGCCCACT CCACCCTGCC AGCAGCTTCC AGCCAGTCCC 60  
CACAGCCTCA TCAGCTCTCT TCACCGTTTT TTGATACTAT CTCCCCCAC CCCCAGCTAC 120

CCATAGGGGC TGCAGAGTTA TAAGCCCCAA ACAGGTCATG CTCCAATAAA AATGATTCTA 180  
CCTACAAA 188

配列番号：666

配列の長さ：186

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00736

配列：

GATCTNAAAC CCAAGGGTCT GAGGCCAGGG CCGACTGCCG TAAGATGGGT GCTGAGAAGT 60  
GAGTCAGGGC AGGGCAGCTG GTATCGAGGT GCGCCATGGN AGTAAGGGGA CGNCTTCCGG 120  
GCGGATGCAG GGCTGGGGTC ATCTGTATCT AAAGCCCCTC GGAATAAAGC GCGTTGACCG 180  
NCGAAA 186

配列番号：667

配列の長さ：184

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00737

配列：

GATCTGTAAA TAATCATTGC CAGTNTGACT TTTGTTCAAC AAAAGGATTG TACTGTATTA 60  
AGAACCGATG AAAAAAATTN TCCTGTAACA TTTTTTAAAG AAAACTTTGT TTGTTTAAAG 120  
AAAAAGTATT GTATAANTNA TAATTTTAAT TTAAATAAAC CTAAAATGCT TTGTGCTAAG 180  
GAAA 184

配列番号：668

配列の長さ：180

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00738

配列：

GATCCCAGAA AAGTTCTAAT TTTCATTAGC AATTAATAAA GCTATACATG CAGAAATGAA 60  
TACAACAGAA CACTGCTCTT TTTGATTTTA TTTGTACTTT TTGGCCTGGG ATATGGGTTT 120  
TAAATGGACA TTGTCTGTAC CAGCTTCATT AAAATAAACA ATATTTGTAA AAATCATAAA 180

配列番号：669

配列の長さ：179

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00739

配列：

GATCTATCCA AGGTTTTGAC ATGTATCGAG AGTTTATTCC TTTTATTGC TGAATAGTAT 60  
TAATATTCTA TAGTATGGAT GTAACATAGT GTGTTTAAAC ATTGCCTGT TGAAGGACAC 120  
TTGGGTTGTT TCCAGTTTCA GGTTCTTACA AATAAAGCTA CTCTGTGTGT TCATGTAA 179

配列番号：670

配列の長さ：179

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00740

配列：

GATCAAATGC CAGTGTCATT TTGTACTTAA GTTCCAAAGT AGGAACATTN TATACTTTTT 60  
NCTGTATTGT AATAGGTAGT TTTGTATGAA ATCTTTTCTC CTCTCCCGTT GTACCGCATT 120  
CTTTCAGCA TTGTGCTTTT TCCCTGGNCT TATTTGAAAA TTTTACTGTT TTATACAAA 179

配列番号：671

配列の長さ：177

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00741

配列：

GATCCAAGAA ACCAGGGCCA TGACCAGGTC CACTGTGGAG CAGCCATCTA TCTACCTGAC 60  
TCCTGAGCCA GGCTGCCGTG GTGTCATTTT TGTCATCCGT GCTCTGTTTC CTATTGGAGT 120  
TTCTTCTCCA CATTATNTTT GTTCCTGGGG AATAAAACT ACCATTGGAC CTAGAAA 177

配列番号：672

配列の長さ：175

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00742

配列：

GATCTGCAAG TCCCGGAGAG CAACAGCACA GCTCTGCCTG ACGCTCTCAT TAAAATCTAT 60  
GCAGCCAAGC TCGGCACTTT GTAGCAGCCG GCCTTGCGAA GCCTCCTCAG CTCGGGGGGC 120  
CGGGGACCCA GTGAGCCGAG AGCCCTCTGG NCTCCACTTA TGCATATGCA CCAA 175

配列番号：673

配列の長さ：180

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00743

配列：

GATCCGGAGA ATAGGGCINN AATATGTGCC GCCAGTGTTT CCGTCAGTAC GCGAAGGATA 60  
TCGGTTTCAT TAAGTTGGAC TAAATGCTCT TCCTTCAGAG GATTATCCGG GGCATCTACT 120  
CAATGAAAAA CCATGATAAT TCTTTGTATA TAAATAAAC ATTTGAAAAA ACCCTTCAAA 180

配列番号：674

配列の長さ：176

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00745



配列：

GATCTATTCA GATGGTTCTG ATGAAGTGAA ACGNGCCATG AACAAATCCT TTATCANNNGT 60  
CGGGTGGTAC AGTTTTGAGT ACCAACTGGT CTGATGTAGG TAAAAGGAAA GTTGAAATCA 120  
ATCCTCCTGA TGATATGGNN NGGAAAAAGT ACTAAATAAA TTAATTTGCT CTCAAA 176

配列番号：675

配列の長さ：173

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00746

配列：

GATCAAAACC AGTTTGATTT GGGAATCTTC CCCTTTCCAA ATGAAATAGA GATGCAGTAC 60  
TTAACTTTCC TTGGTGTTTG TAGATATTGC CTTGTGTATT CCACTTAAAA CCGTAATCTA 120  
GTTTGTAATA GAGATGGTGA CGCATGTAAA TAAAGCATCA GTGACACTCT AAA 173

配列番号：676

配列の長さ：173

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00747

配列：

GATCCTAGCA TCCCTTTTCA CATGGTTTCT CCATGTATAT AACAGAATCA AGAAACAAAT 60  
TTNAATTAAA CAATCTGTAA CAGAATCAAG AAACAAATAC ATTTTAATTA AACAATCTAT 120  
ATGGAACAAA CATTCCCAAA TNCTAAGAAT AANTNTTCNT NTAAGTTTTT AAA 173

配列番号：677

配列の長さ：182

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00748

配列：

GATCCAAATA ATTTATTAAA TGA CTGGTCT CAGAACTGA ACTCATTAAT GTCTCTGGTT 60  
AACAAACTA CGCATCTCAT AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGGTCT 120  
TAGTGCTTTA GAAAAAAGTT AAAATTGGAA GTCATTAAAA AAAGACTGTT ATAATGGTGA 180  
AA 182

配列番号：678

配列の長さ：173

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00749

配列：

GATCTTATGA GAAGAGGAAG GAGAGANGTC TCTNCCTATG CTCACACACA AAGGAAAGTC 60  
CACATGAGGA CACAAGGAGA AGCCAAGAGN GCCCTTACCA GGANTTAAAC CTGCTAATCC 120  
CTATTTTAAT TAGAACAGTG AGAAANTAAA TATCTGTATT TAAGCCTCAC AAA 173

配列番号 : 679

配列の長さ : 173

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00750

配列 :

```
GATCCAGAGA AAGCCAAAGC TCTTAGTAAA CACTTGCCAT CGTCAGTNTN ATGTCTCTAA 60
AAGTAGATGT TGAGGCTCTT NAAAATNCTC CTGGTGCTAC ATACATTCGG AAGAAGGGTG 120
GAAAAGTTAC TGGAGATAGT CAACCAAAGG AACAAGGACA GGNAGATTG AAA 173
```

配列番号 : 680

配列の長さ : 172

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00751

配列 :

```
GATCCAATCC ATTCAGCAGT CCATTGAAAG GCTCTTAGTC TAAACCTGTG GCCTCTGCCA 60
CGTNGCTCCC TGCCAGCTTC CCCCTGAGG TTGTGTATCA TATTATCTGT GTTAGCATGT 120
AGTATTTTCA GCTACTCTCT ATTGTTATAA AATGTAGTAC TAAATCTGGA AA 172
```

配列番号 : 681

配列の長さ : 170

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00752

配列 :

```
GATCAAATTT AAACCTCATT TTGGGGGGTA TTTTGGTACT GTAATGGGGT CATCAAATNA 60
TTAATCTGAA AANAGCAACC CAGAATGTAA AAAAGAAAAA ATTGGGGGGA AAAAGACCAG 120
GTCTACAGTG ATAGAGCAAA GCATCAAAGA ATCTTTAAGG GAGGTTTAAA 170
```

配列番号 : 682

配列の長さ : 239

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00753

配列 :

```
GATCGGAACA GTCCTTACT CTGAGGAAGT TGATTCTTAT TTGATGGTGG TATTGTGACC 60
ACTGAATTCA CTCCAGTCAA CAGATTCAGA ATGAGAATGG ACGTTTGTT TTTTTTGTT 120
TTTGTTTTTG TTTTTCCTT TATAAGGTTG TCTGTTTTTT TTTTNAAAA AATNGCANCA 180
GTNCATGGCC CCCATCATT ANANGNGAGG ANTNCANCAG AAAATAAAAT ATNCACTCN 239
```

配列番号 : 683

配列の長さ : 170

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00754

配列：

GATCCAGACA GCCATCAGGG AAAGCTTGTN TTTAACCGAA CTGTCACACT GAAGGAAGAC 60  
CCAGGAAAGG TGTGAGCTGG AAGCACTGAA CCTACCTCAT CCTCCTGGAG GGTGTGGCTA 120  
CCCTCGCCAC CCCAAATTCC ATGTCAATAA AGAACAGCTA AATTCTCAA 170

配列番号：684

配列の長さ：168

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00755

配列：

GATCTTTCCA TTGGAAATAA CTGGAAGTGA AGAGGTTTTG TTGCTTGAC AGTGTGAGAT 60  
GAGGAACACC ACTATCTTAA TTTTGTGATA CACTGCATTT GCTGGTGCTA TTTNATACA 120  
GTGAAGCAAC AGCTTTCAG CAAAATAATA AAATACTTCT ANGTTAA 168

配列番号：685

配列の長さ：169

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00757

配列：

GATCCATCGT NATGTCTTAT TTAAGGGGAA CGTGTGGNCT ATTTAGGCTT TATGGCCCTG 60  
AAGTAGGAAC CAGATGTCGG ATACAGTTCA CTTTAGCTAC CCCCAAGTNT TATGGGCCCC 120  
GAGCGAGGAG AGTAGCACTC TTGTNCGGGA TATTGATTTC ACGGAGAAA 169

配列番号：686

配列の長さ：171

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00758

配列：

GATCTGCTAC TAAACAGAGT TCAAAAACCT TCCAGAGTAA TTAATATGTA AAGCCANGTA 60  
ACTAACAAAN GATTTGCTTT AGAGATAATT ATTTGGAATT TTTATAGCTN ACTTCACAAT 120  
GTGCCCAGGT CAGCTGTATA AAATAAATAC TGCATTNTNG TTTCTTTCAA A 171

配列番号：687

配列の長さ：167

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00759

配列：

GATCCTGACA CTAAGGAAAT GCTGAAGCTT TTGGACTTCG GCAGTCTGTC CAACCTTCAG 60  
GTCACCTCAGC CTACAGTTGG GATGAATTTT AAAACGCCTC GGGGACCTGT TTGAATTTTT 120

NCTGTAGTGC TGTATTATTT TCAATAAATC TGGGACAACA GCAGAAA

167

配列番号 : 688

配列の長さ : 166

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00760

配列 :

GATCAGCGAT GAAGAGGAAG AAGATGATGA TTGAAGTATG AAATATGAAA ACATTTTATA 60  
TATTTNATTG TACAGTTATA AATATGTAAA CATGAGTTAT TTTGATTGAA ATGAATCGAT 120  
TTGCTTTTGT GTAATTTTAA TTGTAATAAA ACANTTTAAA AGCAAA 166

配列番号 : 689

配列の長さ : 175

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00761

配列 :

GATCTATTTG GTCTTTCTCA TGTCCCCAC TGGTCTGTAC CCCAGGGAGC GGGTGCTTGT 60  
ACTGTGTGAA TCCAGTGTTT ACATTCACAC TTAATGACTT CCTTGGCACC AATCATGTAT 120  
TTCACCGTTT GCACTTNTTG TATTTCAATA AAAATGTTGA TGCAAACTG CTAAA 175

配列番号 : 690

配列の長さ : 165

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00762

配列 :

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAGCCCATGT CCCACCCCN GNGACCCGGA 60  
CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGANGGGCT GCCCGGNGCT NCTCAGCTGC CCACACCCAC 120  
ACTGTCCAGC ATCTGGCACA ATAAACATNC TCTGTTTTGT AGAAA 165

配列番号 : 691

配列の長さ : 164

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00763

配列 :

GATCAAGAAA TAAACATAAA CATCTCAGAA TGCTCCTTCA TTACCAGAGT CACTACCTGA 60  
TTATGTCTTA ATGGGTTACA TAATGACAGA GGGTATCTCA TATATGTNCT TTTCCAAACA 120  
TAAATAACT TTTTGTGTTG TTTGATTGAA AAAAAATTTA GAAA 164

配列番号 : 692

配列の長さ : 171

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00764

配列：  
GATCCAGATT CTCACCTAAT GGGGTTTATA TGGACTTTCT TCTCATAAAT GGCCTGCCGT 60  
CTCCCTTCCT TTGAAGAGGA TATGGGGATT CTGCTCTCTT TTCTTATTTA CATGTAAATA 120  
ATACATTGTT CTAAGTCTTT TNCATTAAAA ATTTAAACT TTTCCCATAA A 171

配列番号：693  
配列の長さ：164  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00765

配列：  
GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAACCCNTGT CCCCACCCC GGGACCCGGA 60  
CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGAAGGGCT GCCCGGNTCA CCTCAGGGGG NCACANTTTA 120  
CACTCTCCAG CATCTGGCAC AATAACATN CTCTGTTTTG TAAA 164

配列番号：694  
配列の長さ：168  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00766

配列：  
GATCTAATGG TCTAAAACT GGAGTTCCG GACACAAGCT CTCCCTTTNC CTGCAACCAT 60  
CCATGCAAGA TGTNACTTGC TCCTCTNTGC TTTCTGCCAT GATTGTAAGG CCTCCCCAGC 120  
TACATGGAAC TNTAACTCCA TTAAACCTCT TTNTTTTGTA AATTGAAA 168

配列番号：695  
配列の長さ：160  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00768

配列：  
GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CTAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTGAGCCA CCCTGCCCGG 60  
CCACTTTTGT ATGATTTCTA ATGTATTTGT AATTTACCTA ACAAATTGCC TAATCTGCTA 120  
TGTTAATGTA TTTATGAATT AAAATAAATA CGACTGCAAA 160

配列番号：696  
配列の長さ：161  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS00769

配列：  
GATCCGTAGC GGCATGTTCT GGCTGCGCTT CTAGGCGGGA AGCCTATGTA AGCAAGAGGG 60  
CAGGGCCGGG GTTTGTGGTC CCCCCCCAC CACAAACACA GCACTTCGGC TCCTCTAACC 120

TGTGCCACAG GTGACCACCA ATAAAATCCT CTGCTGAGAA A

161

配列番号 : 697

配列の長さ : 159

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00770

配列 :

GATCTCCCTG CCCCCACCCC AGTTCCCCAA CCCACTCCCT TCCAACAACA ACCAGCTCCA 60  
ACTGACTCTG GTCTTGGGAG GTGAGGCTTC CCAACCACGG AAGACTACTT TAAATGAAAA 120  
AANGAAATTG AATAATAAAA TCAGGAGTCA AAATTCAAA 159

配列番号 : 698

配列の長さ : 159

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00771

配列 :

GATCTTTTNN TTTTTTTTAA GTCTCACAAG ACATGGGGCA TCTCCACAAA TTAAAGTTCC 60  
TGTCCATTG GAAATTTGTT TCTATGTGTA CAGTTTGTCA GAGAAAAACA AAGTTTTTGT 120  
ATGANTACAG AATGTGATTT ACGCAAGATT TGACAGAAA 159

配列番号 : 699

配列の長さ : 161

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00772

配列 :

GATCTACCTA TCTTCAGGAT GGAACCTTGG GGAAAAATAA AATTGAGGGG AAGTAAAAAG 60  
TATGTAACAC TTCCAGTTGT GAGCCAAGAT TGTAACCAGA GAGCAGCCAG GAGCTTCCTG 120  
TCAGTAACCA TTTTTTCAAT AAATACTCTT TCATGTACAA A 161

配列番号 : 700

配列の長さ : 157

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00773

配列 :

GATCCTCTCA CCTCAGATTT CCAAAGTGTT GGATTATAGG TGTAAGCCAC TGAGCCCAGT 60  
TTGAATGCTT TTTTATATAT TTTTGGCCA TTTGTATGTC ATCTTTGGAG AAATGTCTAT 120  
NCAAATCCNT TGCTCATTA AATNATTNC TGATAAA 157

配列番号 : 701

配列の長さ : 160

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00774

配列：

GATCTGGCCG TNAGCCGCGA NCCGCTGNGA ACTCCACTCG GGGAACTCCT TTCCAAGCTG 60  
ACCTCAGTTT TCTCACAAGA ACCCAGTTAG CTGATGTTTT ATTGTAATTG TCTTAATTG 120  
CTAAGAACAA GTAATAAGTA AATTTTAAA AAGCCTTAAA 160

配列番号：702

配列の長さ：161

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00775

配列：

GATCAAATTG TGCAGTACTT TGTGCATTCT GGATTTTAAA AGTTTTTNAT TATGCATTAT 60  
ATCAAATCTA CCACTGTATG AGTGGAAATT AAGACTTTAT GTAGTTTNA TATGTTGTAA 120  
TATTNCTCCA AATAANTCTC TCCTATAANC CACCAGGGAA A 161

配列番号：703

配列の長さ：154

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00777

配列：

GATCAGAGCT TATACTTAAT TAAGGTTTAA TACACACCAG TTCCCCAGTA AATNCAAATT 60  
TAACAAGAAA ATCAGACATG TCATATGTNC AAAATGCTCA TGGCAAACAA TCATTTTGCA 120  
TTCTGCAAA TAAAATTGTT TTATACTGTA GAAA 154

配列番号：704

配列の長さ：153

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00778

配列：

GATCTGTTTG TTCCCTGAGC TTTTAAATA CCCTGTGAAA ATTTNNTTTC CTCCCTTGGT 60  
CATCATGCAT CTAATTGTGG GGAAATGTTT GTCAAACCAA CCTGCAAAGC AGCATGGTGT 120  
AGTTGAGAAG AATAAACAGA GAAGACTGGG AAA 153

配列番号：705

配列の長さ：152

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00779

配列：

GATCTTTGGA CAGAAGCAGC TCTTTCCCGA ACACTTGTGG CGTCTGGNAC GGCCCCACCC 60  
NTCCCCCAC ACTCCCTCCC ACGGGGCTCC GGGAGACAGG CCGGCCCTGC ACCTNACCCC 120

ACCGTGACCT CAATAAACGT TGAAACTNCA AA

152

配列番号 : 706

配列の長さ : 152

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00780

配列 :

GATCTATCCT TTA CTGAAA GCTTTTGAAA AGTGGAAGG TCATTTTGTT GCATTTCCCC 60  
ATTTCTTGTT TTTAAAAGAC CAACAAATCT CAAGCCCTAT AAATGGCTTG TATTGAACTT 120  
TTACATTTGA ATTAAAGATG TTAACATGA AA 152

配列番号 : 707

配列の長さ : 151

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00781

配列 :

GATCTAGTAT GCTCCTGGTC TAATGCATTT ACATTGTTTA GGTAAGTGGT TCCTAATAAA 60  
AAGAATTATA AAATACCCTC AAATTAACAA TTCAATNGCA TATAATAGCC TAACTCAGTA 120  
AGANTATTAA AACTTACTAT TATNCTTCAA A 151

配列番号 : 708

配列の長さ : 152

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00782

配列 :

GATCTANTCT GTGCTACCTG ATTAAGTCAC AGCAGGCTTA CTGANTGGCT TCATTTTCTG 60  
TTTAGTTGAT TTCTCCACCA AATNCATGTC ATGTATTCTC AATAGGCTGT ATTCCAGCA 120  
GNCAATAAAT GGAACACCCG TANAANCNCA AA 152

配列番号 : 709

配列の長さ : 147

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00783

配列 :

GATCCCCAGG GTTCTTTTGT CTTATTTATG GAGAAAAACC GGTCACCTTG TCCAGCGCAC 60  
TGTGAGGCCC CCACTCAGGC CAGCCCTGGC CCCCCCTTGG TACTTGGAAC CGAAGTTACA 120  
GATTATATTA AAATAATAAT GTACAAA 147

配列番号 : 710

配列の長さ : 146

配列の型 : 核酸



トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00784

配列：

GATCTTATAA AAGGAAATTC TAGCAGTTTT AGAAATAGGT GGGAAAACT CAAATATTCC 60  
TCCTATCTGC ACCAAAAAGT TTATTTGTGG TATATAAAT GAATATTGTT TTATAATAAC 120  
TTGTTAATAA AGTACTTTCT AATAAA 146

配列番号：711

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00785

配列：

GATCAATGAA GTGAGAAATT GTTGAGAAGG ATACAGTTTG TTTTAGATG TCCTTTGTCC 60  
AATGTGAACA TTTATTCATA TTGTTTGTAT TACCCTCGTG TTACTACAAG ATGGCAATAA 120  
ATACTATGGG ATTGTTTGT TTAAT 145

配列番号：712

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00786

配列：

GATCTCCCTT CAGCAACTTA TTTTGCTTAA ATTGCTTTAA ATCTTAAGCA ATATTTTAA 60  
TTCAGTAAAC AAATCTTTC ACAAGGTACA AAATCTTGCA TAAGCTGAAC TAAAATAAAA 120  
NTGAAAAGGA GAGATTAANG GTAAA 145

配列番号：713

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00787

配列：

GATCTAGAAG CAGAGGAATC CCAGCGCCTT TAAAAAGTTG TTATGTGGTT TTCTTTTAAA 60  
AAGCTCCTGT TTTTGAAAAG TAGAATTTAT GGGTACAACG TATGTTTATT ATTTGTACAT 120  
AAAATAAAAC CATTTAATAA GTAAA 145

配列番号：714

配列の長さ：154

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00788

配列：

GATCTATGCC TAACAGAGCC CCACTACAAC TATTTTNCAG AATGGCTGTT ACCCTAGAAT 60  
TACTATAGCA CATATTGAGA TATAGTTGTA CTCCTAGTA GATAGGAACT GACCCCAACA 120

ATAAACTTTG ATAATAAAGA AAAAAAANCG NAAA

154

配列番号 : 715

配列の長さ : 144

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00789

配列 :

GATCAACCTT AAAGGAAACT GCTATCCGAA CTTGGCTATC TCACAGCAGA GCCAGTTTGA 60  
CGAATGGGTA AAACCTAAGG ACATGCTGGG TCCAAAGTGA TTTACATAAA TNTATAATGA 120  
AAATAAACAT GTATAANATT TAAA 144

配列番号 : 716

配列の長さ : 149

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00790

配列 :

GATCCGTGAT GCCACTTACC TGTGTGTTTG GTAACAACAA ACCAACATCA TGGAGGTCCC 60  
TGGATTGAAA AAGGAGCCTC TCCCACTCCT CCTACCACCA AAGTGGTTAG GACNCTATAT 120  
AANTAAAAAC AAGGCTTTTG GAAAATAAA 149

配列番号 : 717

配列の長さ : 147

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00791

配列 :

GATCTGGCTG AACCAGTTCC ACAAGGTTAC TGTATACATA GCCTGAGTTT AAAAGGCTGT 60  
GCCCCTTCA AGAATGTCAT TGTTAGACTT TGAAATTTCT AACTGCCTAC CTGCATAAAG 120  
AAAATAAAAT CGTTTTAAAT CAAGAAA 147

配列番号 : 718

配列の長さ : 115

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00792

配列 :

GATCTGGGGC AGCCACCTTG CTACCATGAA GGAAAGGCCA AGACAATCAT CCACAGCTAT 60  
TCCCTCCAGC ATCTGGTTCT GTACAAAAAT TAAATGCTTA TTTNTTTAAG TCAAA 115

配列番号 : 719

配列の長さ : 142

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS00793

配列：

GATCGCCACT GTAAAGGTCC TAGAGTTGCC TGTTTGCTC TGGAGATGGA ATTAAACCAA 60  
ATAAGAGCT TCCACTGGAG GCTTGTATTG ACCTTGTAAC TATATGTAA TCTCNTGTTA 120  
AAATAAAATA TAGCTTGTGA AA 142

配列番号：720

配列の長さ：142

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00794

配列：

GATCTGTGCC TACNTTTTAC CACCCTCTTG ATTGGAGCTT TTGTNATGCA GCTACCATNN 60  
TTCAAAAAA TTAAAAATTA AAAAAAAAAA ATCTGCCACT TATCCAAGTC CACTAGAGGC 120  
CACTGTCTTC AAAGNTTNTN TN 142

配列番号：721

配列の長さ：147

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00795

配列：

GATCCAGGTG ACTCTGAACA TCATTAGAAG CATGCCAGAA CAGACTGGTG AAAAGTAAAC 60  
CTTTTCACCT ACAAATTTT ACCTGCAAAC CTAAACCTG CAAAATTTTC CTTTAATAAA 120  
ATTTGCTTGT TTTAANAACA NNNGAAA 147

配列番号：722

配列の長さ：140

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00796

配列：

GATCCAGAGC CTCCCGGCCC TTCTCCGGTG TCCTGTACCA ACTCTTCTAT TTAAGAGAAC 60  
CTCAGATGAT GTACCTGAGC CTCAGGGTTT TGTTTCAGAG GGATATAAAT NATTTAAAAA 120  
TTAAATGAAA ACGTTGCAAA 140

配列番号：723

配列の長さ：150

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00797

配列：

GATCGGCCAC TACCTGGGCG AGTTCTCCAT CACCTACAAG CCCGTAAAGC ATGGCCGGCC 60  
CGGCATCGGG GCCACCCACT CCTCCGCTT CATCCCTCTC AAGTAATGGC TCAGCTAATA 120  
AAGGCGCACA TGA CTCCAAA AAAAAATAAA 150

配列番号：724

配列の長さ：140

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00798

配列：

```
GATCAGGGTA AGGCAGTCAG GCGGGTGTTT ACCACTGCCT TTCCTTCCTC TGAGCGTGAG 60
AACACTGAAC CCAGCCACTG CCCCTGGGTC CCTGTCCTGG AAATNGTCTA ATAAATCCTT 120
TNCCCTTCTT GAGCTACAAA 140
```

配列番号：725

配列の長さ：141

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00799

配列：

```
GATCCGAATC GAGGCCAACG AGGCCCGGGA TGAAGGCCCN GGAGTAGGCG AGCCAGACGA 60
CAAGGTTGAC CTCAGCTTCG GAGCCACCTC TGGATGAACT GCGCCAGCC CACGNCCNAT 120
TAAAGACCCG GAAGCCTGAA A 141
```

配列番号：726

配列の長さ：136

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00800

配列：

```
GATCAGCTTT ACCTATGGTG CTTTGCCTTT AACTAGAGTG TGTGATGGTA GATTATTTCA 60
NATATGTATG TAAAACTNTT TCCTGAACAA TAAGATGTAT GACCCGGAGC AGAAATAAAT 120
NCTTTTCCTA ATTAAA 136
```

配列番号：727

配列の長さ：135

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00801

配列：

```
GATCATGTCA TTCAATTCCA GTCACCTCTT CTGCAATCAT GACCTCTTGA TGTCTCCATG 60
GTGACCTCCT TGGGGGTCAC TGACCCTGCT TGGTGGGGTC CCCCTTGTA CAATAAAATC 120
TATTTAAACT TTAAA 135
```

配列番号：728

配列の長さ：135

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00802

配列：

GATCTTAAAC ATTGTTTTGT AGTGTATATT ACTTGTCAT TCCTTTAAGG GGAGCAGCCT 60  
GCACTCTTTT GTAGATTACT TTTGGGGGAT ATATTNNAG AATNATGAAA CGGAATAAAA 120  
TTGTAAAAAA CTAAA 135

配列番号：729

配列の長さ：134

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00803

配列：

GATCATGTTA CCATATCAAG CTGAAAATGT CACCACTATC TGGAGATTTC GACGTGTTTT 60  
CCTCTCTGAA TCTGTTATGA ACACGTTGGT TGGCTGGNTT CAGTAGGGGG NTATTTNAGG 120  
CCTTTCTTTT TAAA 134

配列番号：730

配列の長さ：134

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00804

配列：

GATCTANGTT GCCTACCTTG AATTTTTTTT TAAATATATT TGATGACATA ATTTTGTGT 60  
AGTTTATTTA TCTTGACAT ATGTATTTTG AAATCTTTTA AACCTGAAAA ATAAATAGTC 120  
ATTTAATGTT GAAA 134

配列番号：731

配列の長さ：134

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00805

配列：

GATCTCACTA AAGGATTTCT ATTTGCTGTC AGTTAAAAAT AAAGCCCTAA ATACATTTTT 60  
ATTCTTTCTA CTGAGGGCAT TGTCTGTTTT CTTGTAAAT GCCGTACAAT AAACAAATTA 120  
TTTAATAACC TAAA 134

配列番号：732

配列の長さ：137

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00806

配列：

GATCTTGGCA CTCTCCATGT TCTCTACAAG AAGCTGTGGT GATTGGCCCT GTGGTCTATC 60  
AGGCGAAAAC CACAGATTCT CCTTCTAGTT AGTATAGCGG ACTTAATAAA AGAGGAAAAA 120  
ACTCTTGCTT CAGTAAA 137

配列番号 : 733

配列の長さ : 134

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00807

配列 :

```
GATCCTCGAA CGGAAAGCCA AATCTCGCCA AGTAAGGAAA GGAAAAGGGC AAATACAAGG 60
AAGAAACCAT TGAGAAGATG CAGGAATAAA GTAATCTTAT ATACAAGCTT TGATTAAAC 120
TTGAAACAAA GAAA 134
```

配列番号 : 734

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00808

配列 :

```
GATCAGTGGC TTTGAATGAA ATACAGATGC ATTATCCAGA ACTGAAGTTG CCCTACTTTT 60
AACTTTGAAC TTGGCTAGTT CAAAGATAGA CTCTTCTTTT GTAAAGTAAA TAAATTCTTC 120
AAAATGCTTA AA 132
```

配列番号 : 735

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00809

配列 :

```
GATCNNAACC TTTTCAATAA AAGGCAAAAC AAACCAATNT CCNAACATAG CATTACAGCC 60
TTTAAAACCA TTCACTNCTC ATAGTGATTC ACAGAGGACA AGAGATTAAA GTGCTGGATT 120
TTAAATGTCA AA 132
```

配列番号 : 736

配列の長さ : 131

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00810

配列 :

```
GATCANATGC AACCNACAA CCTCGGCTGA GTCTTGAGAC TGAAAGATTA AGCCATAATG 60
TAAACTGCCT CAAATTGGAC TTTGGGCATA AAAGAACTTT TTTATGCTTA CCATCTNTTT 120
TTTTTCTTAA N 131
```

配列番号 : 737

配列の長さ : 383

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00811

配列 :

```
GATCATACAC CTGCTCACAG GCGAGAACCC TCTGCAGGTC CTGGTGAACG CCATCATCAA 60
CAGTGGTCCC CGGGAGGACT CCACACGCAT TGGGCGCGCC GGGACTGTGA GACGACAGGC 120
TGTGGATGTG TCCCCCTGC GCCGTGTGAA CCAGGNCANN TGGCTGCTGT GCACAGGCGC 180
TCGTNAGGCT GCCTTCCGGA ACATTAAGAC CATTGCTGAG TGCCTGGCAG ATGAGCTCAT 240
CAATGCTGCC AAGGGCTCCT CGAACTCCTA TGCCATTAAG AAGAAGGACG AGCTGGAGCG 300
TGTGGCCAAG TCCAACCGCT GATTTTCCCA GCTGNTGCCC AATAAACCTN GTCTGCCCCT 360
TTTGGGGGAA GCCCCGAAGC AAA 383
```

配列番号 : 738

配列の長さ : 128

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00813

配列 :

```
GATCCAGCTG CCAGAGGATG AGTGACCAGT TGCTAAGTGG GGCTCAAGAA GCACCGCCTT 60
CCCCACCCCC TGCCTGCCAT TCTAACCTCT TCTCAGAGCA CCTAATTAAA GGGGCTGAAA 120
GTCTGAAA 128
```

配列番号 : 739

配列の長さ : 128

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00814

配列 :

```
GATCTGGATT ACNATGTAAA TTCACAGCAG TAAGATAATA TAAATTTTGT TGAATGTATT 60
AACATCATAT GGTCTGAAAA TGTGGGTTTT NATTTGGCAC ATTTAAATAA AATGTTTCTA 120
ACTAGAAA 128
```

配列番号 : 740

配列の長さ : 128

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00815

配列 :

```
GATCAAGAAT GAAAAAGACA TCATATGAAN NGGGAGAAAC TATTTGCACA CCATCTATCT 60
CATGGTTTGG TTAATATTCA AACTATATNA GCAGAAATGTG TAAGGATATC CTACAACCTA 120
ATAGCAAA 128
```

配列番号 : 741

配列の長さ : 138

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00816

配列：

GATCCAAGGG GAAACTGCAG GTCAAGGGCT GATAACGGCC ATGCAGGATG CTTGATGCTG 60  
CGTCCCCCGC TGCTTGCCGC CCCCCACCCC GCCATTTTGT ATAATAAAGC TCCCTGTGTA 120  
TTCTCAAAAA AAANCAAA 138

配列番号：742

配列の長さ：127

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00817

配列：

GATCCCTGAG ACTGAGGGGT TTACGGGCTG TGAATGGACC TTCAGCCCTN CCCACCCTCC 60  
CTCCCCACTG CTGCTGAGTC TGTCTGATGT TTTGGTTGTG TGAATAAATA TAATTCCCCT 120  
CTGGAAA 127

配列番号：743

配列の長さ：124

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00818

配列：

GATCGGGTAG CTCAAAGAA GGCAAGCTTC CTCAGAGCTC AGGAGCGGGC TGCTGAGAGC 60  
TAAACCCAGC AATTTTCTAT GATTTTTTCA GATATAGATA ATAACTTAT GAACAGCAAC 120  
TAAA 124

配列番号：744

配列の長さ：124

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00819

配列：

GATCAGAAAT TCTCTTGCTT GAGAGATTTT TTTTGTCTT CTGTTGACTA CATAGTTTCA 60  
AATCTCTCTN TATTTTCATGA TGATATATAA ATNGCTTTTA ATTATATNAA ATNTTAATTN 120  
NCCN 124

配列番号：745

配列の長さ：125

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00820

配列：

GATCTCATT A CCTGTTTCC GAATTCTGCC GTGTGTATCC CCAACCCTTG ACCCAATGAC 60  
ACCAACACA GTGTTTTTNA GCTCGGTATT ATATATNTT TTCTCATTA AGGTTTAAAA 120  
CCAAA 125



配列番号 : 746

配列の長さ : 123

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00821

配列 :

```
GATCCGTGGC TTAAGACAGG AGATTATCTC TNTACTCCAG TGGCATCTCC TTAGCCAAGA 60
TGTGAAATTA AAATCATAGT TCGCCTCATT TAAAAATNCT AATAAAGCAC TCAAACTTTG 120
AAA 123
```

配列番号 : 747

配列の長さ : 122

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00822

配列 :

```
GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAAAC TCAAAGATAA TTCATCTTTC AGCTAATGCT 60
TGTGGTTCTG TTGTTCCCTT GAAAAAAAT AAAACAGTT GCCTTCNGGG AAAANTNNA 120
AA 122
```

配列番号 : 748

配列の長さ : 122

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00823

配列 :

```
GATCTTGTGT TTTAGGNTGG GCATTTTCAC TCTTCTGCCT TAAATCCCTA ACCCCATGGA 60
GCTGACATTC TAGTGCGGCT GAGGGGAGGG GAAACATTGT AAAATAAATC ATAAAAATTA 120
AA 122
```

配列番号 : 749

配列の長さ : 122

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00824

配列 :

```
GATCTCTGGG CTGGGGACTG AATTCCTGAT GTCTGAGTCC TCAAGGTGAC TGGGGACTTG 60
GAACCCCTAG GACCTGAACA ANCAAGACTT TAAATAAATT TAAAATGCA AAAACTCGGA 120
AA 122
```

配列番号 : 750

配列の長さ : 122

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00825

配列：

GATCNTAGAA GGGCTTCCCA ACCNNATTG CAACATCCAA ATGTCTTCA ATTNAAGGAA 60  
GGCCTTATCA GTTCATAGAT GANCTTCATT GTAAAAATAA ATGTACTTG CACCACTTCA 120  
AA 122

配列番号：751

配列の長さ：273

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00826

配列：

GATCCACTTC TGTNATTANG TAAATGGATG TNTCGTGATG CGTCTACAGT TATTTATTGT 60  
TACATCCTTT TCCAGACACT GTAGATGCTA TAATAAAAAT AGCTGTTTGG TAACCATAGT 120  
TTCACCTGTN CAAAGCTGTG TAATCGTGGG GGTACTATCT CAACTGCTTT CGTATTCATT 180  
GTATTAAGAAG AATCTGTTTA AACAACCTTT ATCTTCTCTN CGGGTTTAAG AAACGTTTAT 240  
TGTAACAGTA ATTAAATGCT GCCTTAATTG AAA 273

配列番号：752

配列の長さ：144

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00827

配列：

GATCAAAAAG AAACCTTTGTT TTTCCGCAAT TGAAGGTTGT ATGTAAATCT GCTTTGTGGT 60  
GACCTGATGT AAACAGTGTC TTCTTAAAT CAAATGTAAA TCAATTACAG ATTAAAAAAA 120  
AAAGCCTGTA TTAAAGAAC GAAA 144

配列番号：753

配列の長さ：132

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00828

配列：

GATCAGAGGA AAAATCCAGT GTGACAGAGT GCAAGTNAGA AGACCTGGCT TTNATCCCA 60  
GCTTTGAAAC TTGGAACCTT TTGATTGACA AATTAATAAA CCTCTCTATG CCTCAGGCTC 120  
CTCATCTGTA AA 132

配列番号：754

配列の長さ：117

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00829

配列：

GATCTAGGCT TGAGCTTGGT TGGGATTGCT NTTTTCTTCT TCTTCTTTAT AAACGATTCT 60  
NTGTAACTNT TTGTATTGAC AGTTTCAAAC TTACAGTAAA ATTGCAACAC GAGTAAA 117

配列番号：755

配列の長さ：117

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00830

配列：

```
GATCAGTACA TAGCATTGG CTCNTGAACN NAATTNTAAA CTTTCAGGTA TTTTGTACA 60
AATAAGGGAC TGATGTTCTG TTTCTTGTA TTAGAAATAA ACATTAATAC AGTGAAA 117
```

配列番号：756

配列の長さ：119

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00831

配列：

```
GATCTATCAT TACTGCAAAA ACCTGCTCTG TTGTGCTGGC TGGNAGGCC TGTGGCTGCT 60
GGCTGAGGGT TCTGCTGTCC TGTGGCACCC CATTAAAGTG CAGTTCCTC CGGGCCAAA 119
```

配列番号：757

配列の長さ：167

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00832

配列：

```
GATCTGAAAT TAAATACTCA ACAGACTCCT CCTTTTTTAG CTGTATTTTT CAGGTACTGT 60
GTGGTGACCG CCCCACTGGT GTCTATTACA GGCCACTTTG GTAGTTGTGT ATCTGNTCAT 120
GTATGTGATT TGACAAACCA GTTTTTTAAA ATAAATGGCT TTTTAAA 167
```

配列番号：758

配列の長さ：379

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00833

配列：

```
GATCCAATA GAAATGAATG GAAGATGATG GGAAATATGA CTTACCAAG GAGCAATGCT 60
GGGATTGCAA CTGTAGGGAA CACCATTAT GCAGTGGGAG GATTCGATGG CAATGAATTT 120
CTGAATACGG TGGAAGTCTA TAACCTTGAG TCAAATGAAT GGAGCCCCTA TACAAAGATT 180
TTCCAGTTTT ANCAAAATTA AGACCCTCTC AAACANCAG GCTTAGTGAT GTAATTATGG 240
TTAGCAGAGG TACACTTGTG AATAAAGNGG GTGGGTGGGT ATAGATGTTG CTANCAGCAC 300
CACAANGCTT TTCCATATTN GCNTCCTNTT AACCATGCNT GTCCATAAAC CCNGGGGANGN 360
NNANTTGNGG GGTTNAANN 379
```

配列番号：759

配列の長さ：121

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00834

配列：

```
GATCTACTAC TNGGCCTTCA GTGCGAAGAG CCACATCCAG GCCTGAGGGC GGCACCCCAG 60
CCCTGCCCTT GCTTCCTTCA ATAAACATCA CAGGACCTGG GACTGCACAG GNCCTGGGAA 120
A 121
```

配列番号：760

配列の長さ：303

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00835

配列：

```
GATCGAAGCA ATTGANGTAT CATGGATTGG ATTGTTACTG ATTCAGTAA AGTATGTTTT 60
GCCAATTAGA TACATATATA CAAGATAAAG GAATAGGATG GTAATATATT TGTNTGAAAT 120
TAAATTACTG TTTTNATTAA AAAATACTGC TTCATTGGGC TGATTTTGTA AAATGTAATG 180
AGTAAATGA ATTACTGTAT TTNCCCTTTT ATGTCCACAG AATGAGAGTC ATATGTNGTN 240
ATATNCTAAA TNTNCATTAA ATATTCATGT CACCTTGAGT TGTCATGATA AGTATGTTTT 300
AAA 303
```

配列番号：761

配列の長さ：373

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00836

配列：

```
GATCTACTAT GTNATGTCAG GGCCTGCGTG GCAACTCATG CAGCAATTCC AGAACCCCTGA 60
CTTCCCACNC GAAGTAGAGG AACAGGATGC CAGCACCCTG CCTGTGTCCT GTGCCTGGAA 120
GAGTGGGATG AAACGCCACA GAGCAGCCTG TGCTTCGGCT AGTATTAATG TGTAGATAGC 180
ACTCTGGTAG CTGTTAACTG CAAGTTTAGC TTGAATTAAG GGATTTGGGG GGACCATGTA 240
ACTTAATTAC TGCTAGNNNN GGAATGTCTT TGTAAGAGTA GGGTCGCCAT GATGCAGCCA 300
TATGGAAGNC TAGGGTATGG GTCACACTTT ATCTGTGTTC CTATGGAAAC TNATTTNGNA 360
TATTTNGNTT TGN 373
```

配列番号：762

配列の長さ：406

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00837

配列：

```
GATCTAGGGA GATGTGGAAG AACTGTGAC TACTATAGAA ATTGATGAAG AAACATATGA 60
AGAGATATAT AAATCAACGN AACGGAATAT TCCAATGCTC TTTGTCCGGG GAGATGGCGT 120
TGTCCTGGTT GCCCTCCAC TGAGAGTTGG CTGAAACAAA GAATTTGTCC TGTATGGAAA 180
NCGNNNNNNN GGTGTACAGT GGCCTCTCTA AAAGTACAAA ACATTCATAA GAGAAACCCG 240
```

CATACATTTT GATATTAAGA AATAATTCCG GGGATTCTTC CACTCCTGAA ATGAGTTGAT 300  
TTGCAGATAA CTCACAACTT CTTAAGCTAA ATGGTATTTT CATTTTTCTC AAGCTCTCCN 360  
ATAANTATGG CCACCNNGG NNANNGNGTG GGGAAAAAA NAATTN 406

配列番号 : 763

配列の長さ : 120

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00839

配列 :

GATCCCCACG CCACAGCCCT TTTGTCTCTG CAACTGCCT TCTTCGAAA GAAGAAGGTG 60  
GGAGGNTGTN AATTGTTAGT TTCTGAGTTT TACCAATAA AGTAGAATAT AAGACGNAAA 120

配列番号 : 764

配列の長さ : 115

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00840

配列 :

GATCTTGATG GTGTTTCTTT CCCCAAAAAT TGACTTAGAT ATTAAAATTT GGTGCTTATA 60  
AGAGAGAGTT AAAAAAAAT AGGATTGCTT CAATTAAAT TACAAAAGAG NCAAA 115

配列番号 : 765

配列の長さ : 113

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00841

配列 :

GATCCAGTGA CAGCAGGTGT CATGGGTCAA GCATAATCA TATATAGCAT TTTCAGGCAT 60  
GTTCTGGTA GTTCTTTTGA GTCTGACATT CTAATAAAAT AATTGTAGG AAA 113

配列番号 : 766

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00842

配列 :

GATCTTTGTG AGGATTAGGA ATTAGGTAA AAGAAATTAA GAACCATCTT CAAGCAAAAN 60  
TTAAACTTAA TTTCTNCTTA ANCAATAAAT ACACCTGANT TAGTTTTCCA AA 112

配列番号 : 767

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00843

配列：

GATCAAAGAC CCAAAGGAAT GCAACANTTT ATCTNTTATC TACCTATNAC CTGCGAGCTG 60  
CCCACCACCC CCANGTTGTN GCGCCTTTCC AGACAGAACC AGTGATACATC TN 112

配列番号：768

配列の長さ：130

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00844

配列：

GATCCAAAAC TTAAATACAT CTATGAATTT CCTGGGGCTA TTGTGAGTAC TGTGTATGTA 60  
TTTAGCAAAT ATTTAAGACC TAGTAAGTGC TCAATAAATT GTAGCTGTGA TTGCTGTTGT 120  
NGTTTGTA 130

配列番号：769

配列の長さ：111

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00845

配列：

GATCGTGCCA CTGCTCTCCA GCCTGCATGA CGGGAGTNAG ACACCATCTC AAAAAATACA 60  
TATAATAATA TAAATAAAAA TATCTTTTTN GAAAATAATT TAATATNNCN N 111

配列番号：770

配列の長さ：110

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00846

配列：

GATCNAGTAN TGNAGGGGCT GTTAGGAGCT TCCTGCAAAT CCCTGAGAGG GCAGAAGATA 60  
GCTTCTGTGA ATTCATTATT CTTCCAATAA ATGTTGATTG AGTACCTAAA 110

配列番号：771

配列の長さ：109

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00847

配列：

GATCACCGNC CAGTAATGGG CTCAGAGCAG GTCTTCATCA TGCCTTGTC TTTTAACT 60  
GAGAAAGGAG ATTTTTTGAA AAGAGTACAA TTAAGAGGAC ATTGTCAA 109

配列番号：772

配列の長さ：109

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名 : HUMGS00848

配列 :

GATCTTCTTC AATATGTGAA TTTGGGCTCA CAGAATCAAA GCCTATGCTT GGTTTAATGC 60  
TTGCAATCTG AGCTCTTGAA CAAATAAAAT TAACTATTGT AGTGTGAAA 109

配列番号 : 773

配列の長さ : 109

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00849

配列 :

GATCAACAAG GTTGGCCACT GCTTGTATTA CCAGGGACTG GTTACAACCA TTATTTCTNT 60  
TCATTTGCTT GGCTTATCTC ATATTAAAGT GAGTTTGGAG TTCTCCAAA 109

配列番号 : 774

配列の長さ : 110

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00850

配列 :

GATCCAGTTC TAAACTTTGG GATATTTTTT TTCAATTTTG AAGAGAAAAT GGTGAAGCCA 60  
TANGAAAAGT TACCCGAGGG AAAATAAATA CAGTGATATT CTTACGCAAA 110

配列番号 : 775

配列の長さ : 108

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00851

配列 :

GATCTGTGTG CTCTTATCAC CAATCAGTTC AGACCTGGTT GATTTTGTAC TTTGGAAGTG 60  
TACCTTGGAT GGTTTTGTTC ATTTAAAGAG AACCTGAAG TACTCAAA 108

配列番号 : 776

配列の長さ : 108

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00852

配列 :

GATCACCATC TTAAATTTA CTTCAAAATA AAAGCATGTA AGTNACTGTT TTTCAAGAAG 60  
AAATGTGTTT CATAAAAGGA TATTTATATC TCTNTNGCTT TGACTIONN 108

配列番号 : 777

配列の長さ : 106

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS00853

配列：

GATCCCCCTC GGAAGAGGGA CTCCAATGGG CATGTCCCCT CCGGAAATNC GGCCTCCTCC 60  
CCCTGGAATG CNAGGNCCCC CTCCCCGGN AATNCGCCCA CCAAGN 106

配列番号：778

配列の長さ：130

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00854

配列：

GATCCCATCA TGAATTCATT GGAATTTGTG TTGCATGTAA GGCAATCTTT TCCNTGTTGT 60  
AAATCTTCCG TTTTAAATG TACATATATT TTGAAAAATA TGAATAAACA TGAAATTTTA 120  
AAAGCTGAAA 130

配列番号：779

配列の長さ：104

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00855

配列：

GATCATGGTG GGTGAGCTGT ACTGATTGTN ATCCTGACTT TGGCATTGGC AGCTCTTATA 60  
TNCCGACGAA TATATCTGGC AAACNNATAC ATATNTAACT TTAN 104

配列番号：780

配列の長さ：107

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00856

配列：

GATCTTTTGA CAGTATCCAT TTATTATGTA ATNCTTNTNA GAAAAGAATC TTATAGTACA 60  
TNTTANTATA TGCAACCAAT TAAAATGTAT AAATTAGTGT AAGCAAA 107

配列番号：781

配列の長さ：109

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00857

配列：

GATCAAAATG AAAGAAAATC ACAGAAATTA TCCTATGTGT ACTCCTCATC CCTCCTGCTG 60  
TATATNTTCT NATTTTTTGC GTAATAAATN ATGTTAATTA CCAAATAAA 109

配列番号：782

配列の長さ：125

配列の型：核酸



トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00858

配列：

GATCTCCAAT GTTTTGGGGA TGCTTTGAGT CTCAAAAAA ATTGATAATC AGAAAAGTAA 60  
TTTTTGTGTTG TTTGTTTAAT GTATCCCTGT TCTGTTTTTA ATTAACTCC AAGTCTCATT 120  
TTAAA 125

配列番号：783

配列の長さ：103

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00859

配列：

GATCGAGGTG ACAAATANTC AGTCCNTANG TCCCCACAAT GACCTCACCA NNATGGCTTT 60  
GGGGAGCTCT TCACCCTAAA GATTCGGTCT GGTGCTGCTAA TGN 103

配列番号：784

配列の長さ：102

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00860

配列：

GATCTGGAGG CAAGATGCCA GGCCCCACAG GTGTTCTCAG GGCAGTTCTT GGTGTCTGCT 60  
TCTCAGATAC CAAGGACTGG AATTAAAACC TTTCCTGGGA AA 102

配列番号：785

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00861

配列：

GATCACAGCC GAAGAGTGAA AGGTGCTGCA ATGAATGTTA GCTGTGGCCA CTGTGGATT 60  
TTCGCAAGAA CATTAAATAA CTAATAACTT CATGTGAAA 99

配列番号：786

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00862

配列：

GATCAAGTTA TTTTNAATTT GGTTTTCACA TTGGAAACAA GTCAGTCATT CAGATATGAT 60  
TCAAATGTCT ATAAACCGAA CTGATGTAAG TAAA 94

配列番号：787

配列の長さ：102

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00863

配列：

```
GATCTCTTCT TCTCCCTGTG GCCCCTGCGC TGTGCCCCG TCCCCGTCAC CCCGCCGNN 60
ACTGAAATNT ATAATCTGAC TTCCTGTACA GAAACCTGCA AA 102
```

配列番号：788

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00864

配列：

```
GATCTTGTTA GCAATGCTGT TTTTNCCTGT AGTCGGGTTA GAGTTGGCTC TACGCGAGGT 60
TTGTTAATAA AAGTTTGTTA AAAGTTTAAT AAA 93
```

配列番号：789

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00865

配列：

```
GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCATCAC CTAGCTGCCT GCACCTGCCC TTCAGGGAGA 60
TGGGGGTCAT TAAAGGAAAC TGAACATTGA ACCCTTTAAA 100
```

配列番号：790

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00866

配列：

```
GATCAGAATT TAAAAATGTG GATTCTTTTT CTTTCTGTAA GTATGTATTG CTATGATAAA 60
TAAAAAATGG CAGGACCATT NTTTTATNA AA 92
```

配列番号：791

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00867

配列：

```
GATCTCCAAC CAGGCCAGAG AAGATTCTCA CAGAAGGTTT TGAACCTCTAA GAAATAAATT 60
GGTTTGGTAA TAAATGGCTT CTGGTCAGAT AAA 93
```

配列番号：792

配列の長さ：114

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00868

配列：

GATCTTGTAT CTTTGTATAA CGGATGTNAT TTGTACGAAG GGCAGTTCGT AAACAGCACT 60  
TGTNCTTTTA ATAAAAGAAT GTTTGC AAAA AAAANCCNAG GAAA 114

配列番号：793

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00869

配列：

GATCTGTTTT GTACTTTT TACTGTTGGA TACTTATAAT CAAACTTTT ACTAGGGTAT 60  
TGAATAAATC TAGTCTTACT AGAAAATAAA 90

配列番号：794

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00870

配列：

GATCCATTTC ATAAAGTATG ATTTGCCCAA ACCTGTACCA TTTCCGTATT TCTCCTGTAG 60  
AAGTAAGAAA TAAATTCCT TAAATAAA 88

配列番号：795

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00871

配列：

GATCTGGCGC TTGGGGGTAA GTGGNATGAT TTGCTAATAT TGAGNATCTG TTGTATCAAA 60  
CATAATAAAC TTTTTTTTGA GATGTGAAA 89

配列番号：796

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00872

配列：

GATCAGGGTG TCTCCTTGT CTTCTNAGAT GTGGAGAAGA GGCTGCTGGC TACCCTAAAA 60  
NTTGAAATAA AAGATTTTTG CCTTTGAAA 89

配列番号：797

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00873

配列：

GATCCATTGA GCCCAGCAGT CCAACCTGGG CAAAATAAGT GAGAGACCCT GTATCTGAAA 60

GTAATAATAA AAATAAAAAA TATAAA 86

配列番号：798

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00874

配列：

GATCCTTTTT GATAATCTCA TTCCTAGAAA TTAACTTA ATGAAATCCC TAATAAACT 60

CAGTGCTGTG TTATTTGTGC CTCAAA 86

配列番号：799

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00875

配列：

GATCGAACAT TTCACCTCTC ATATTAAGTC TGGCAATGAT GACTATATGT ATTCCTGCCT 60

AAATAAATCA TCTATTAATC ATTAAAA 87

配列番号：800

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00876

配列：

GATCTCCGAG TCAGGACGGT CGGCCAGACC CACGGGGTAA CGGGTCTAAT CGTGTAGGAA 60

TAAAGCTGTA TTCCAGTGCT TCCAAA 86

配列番号：801

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00877

配列：

GATCCCCGCG ATACTTCAAC GCCTTCTGAC TTCCAGGTGA TGACTGGGCC CCAATAAAAT 60

CCCGTCTTTG GGTCTCTCTG CAAA 84

配列番号：802

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00878

配列：

GATCCCTCAA AACCTCACTA ACTGGAAGGA TGATTTTGTG TCAGTTTGTA CTCCTAAATA 60  
AAAAGTAAAC ATGACACCTC TAAA 84

配列番号：803

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00879

配列：

GATCTGTGAA GAAATGAAAT AAAATGGTAT TTAGTAAGAA ATCTCTATTT TAAGAAAAAA 60  
AGTAAACCT GTTATAAACA CATGCAAA 88

配列番号：804

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00880

配列：

GATCGTGCCA TTGTGATATG AATATGCCTT ATATGCTGAT ATGAATATGC CTTAAATATA 60  
AGTGTCCCC ACCCCTGCCA AA 82

配列番号：805

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00882

配列：

GATCTTAAGT CATACTTN AATTGTNTAG AGGTTGTTCA ACTGAAGGAA TAAATGTCTA 60  
TNAANCTAAA ACAAATGGAA A 81

配列番号：806

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00883

配列：

GATCAAGTTT GTACATAACA CTAGTGGCAT TTCTTATCAA AAGGATTGGA TAATAAAAAT 60  
AAGTTTCTAC TGGGTAAA 78

配列番号：807

配列の長さ：78

配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS00884  
 配列：  
 GATCCCCCA GCAAGGATAN CATTCAAAGG AGCTCACATT TATGGAATGG ATGAATCAAT 60  
 AAATTAATTC ACTTTAAA 78

配列番号：808  
 配列の長さ：77  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS00885  
 配列：  
 GATCCCATTT CTGATGGATG TGTCACACCT TTTCTGTCAA AATAAAATGT CTTGGAGGTT 60  
 ATGACTCCTT GGTGAAA 77

配列番号：809  
 配列の長さ：77  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS00886  
 配列：  
 GATCTGTGTT AATCTGAGTA ACTTATTGCC TAGCCTATAA ATAAATTCCA AAATATCCAA 60  
 TTCATTCTT CTTGAAA 77

配列番号：810  
 配列の長さ：75  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS00887  
 配列：  
 GATCATCCTT CCTGGCAAAT AAATTCCCGT TTCTATCCAA AAGAGCAATA AAAAGTTTTT 60  
 AGTGAAATGT GCAAA 75

配列番号：811  
 配列の長さ：76  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS00889  
 配列：  
 GATCTGAAAG CCTGAGTGTG TGTACGTGCG CGCGTGCCTG AAGGCCCTGC CACGATTAAA 60  
 GACTGANACC GGCAAA 76

配列番号：812  
 配列の長さ：129

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00890

配列：

GATCTTTAAT ACAATATAGA AATTGTGTAA TAGTTATTAT AAATGTTAAT ACACAACTTT 60  
CAGGTAATTT TAACTGATTA TTTCTTTTGC TCTTTTAACT TAAGTTATTA AAGTTTAAAA 120  
GTTCGTAAA 129

配列番号：813

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00891

配列：

GATCTGGTCT CGGTGGTCCT TCCCCGCAGG CAGGTGTCAG GACCGGCCTA ATAAACATGT 60  
GTGGCCTCCT CAAA 74

配列番号：814

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00892

配列：

GATCCAAATC CCATTACAGT TGTATAAAGA AATAAAATTT TGTACTNATA TTATTAAAAA 60  
TCACATTTTT AATATTTGTA AA 82

配列番号：815

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00894

配列：

GATCCCCAGA GACCCCATTT GCCTCTCAAC ACTCAGACCT TCAACTGTTT TTNAATAAAT 60  
CTACTTTTTA AA 72

配列番号：816

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00895

配列：

GATCCTACAC CCNGAGCCTC AGAGCACTGC TACTTTTTAA AATACTTCTT TCTCTTAAAA 60  
GTCTTTACCA AA 72

配列番号：817

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00896

配列：

GATCAGATGT TAAGACTGAC ATTTCCAAGG TTGGCTACTA TGTAATAA AAATTACACA 60  
AATTGTGCAA A 71

配列番号：818

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00897

配列：

GATCTGAAGT AATTGTGCTG TATTTATGTT TATTCACCAG TCTTTGATTA AATAAAAAGG 60  
AAAACCAGAA A 71

配列番号：819

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00898

配列：

GATCTAGCTC TCTGATTCCA TACATTCCAG ACTTCTCAGT GGATTTGTAA TAACTATAA 60  
ATAAAAATAG CTCTCATTTA TAAA 84

配列番号：820

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00900

配列：

GATCATGTCT TTTCCATGTG TACCTGTAAT ATTTTCCAT CATATCTCAA AGTAAAGTCA 60  
TTAACATCAG AAA 73

配列番号：821

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00903

配列：

GATCTGATTA TTTACTTTGT TTATTGTCTA TATGCCTTTT AAAAAATAA ACTTGTTATG 60  
CAAAATAAA 69

配列番号：822





CTATACTGAT GNTTGTNTAC TCAAAAACCT CNGNTNAACN GTATGTAATC TNAGTTCACT 300  
GCACTTAAGT TCACCNAACA TNNATNAATG TCAATGNAGA AA 342

配列番号 : 827

配列の長さ : 72

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00911

配列 :

GATCTAAGAA GTTGTGAATG TTGTTAATCA TTTAGCCGTT GCAATAAATG TAGAGGAAAT 60  
GCAGTGTGCA AA 72

配列番号 : 828

配列の長さ : 65

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00912

配列 :

GATCACCTGA GGCCATGAGT TTNAGACCAG TCCTGGTAAC ATAGCAAGAC CTCCATCTCT 60  
ACAAA 65

配列番号 : 829

配列の長さ : 65

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00913

配列 :

GATCCTAGAC AGCGCCTTAT CTATGATTGA GTGTCCGTGT AAATAAATTC CTACTTAGAC 60  
TTAAA 65

配列番号 : 830

配列の長さ : 65

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00914

配列 :

GATCTGGGAA CTTTTNCTG TACAAATCTG TTAAAAAAA AAAAAAGGNA CCNCATTGAT 60  
TTAAA 65

配列番号 : 831

配列の長さ : 63

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00915

配列 :

GATCCAAATT AAAACCTGGT AGAATCTAAT ACATTGACTG CAATTAAAAT GTTTCCTGG 60  
AAA 63

配列番号 : 832

配列の長さ : 68

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00917

配列 :

GATCCAGTTC TAAGTGTCAT CTTTATNAT NAAGACAATA AAATCTTGAG TTTATGCTTC 60  
ACTTNAAT 68

配列番号 : 833

配列の長さ : 63

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00918

配列 :

GATCCACGGT TGTNACCATG TATTACCACA AATTAAACAA TAAAAAATTG TTTTAAGAGT 60  
AAA 63

配列番号 : 834

配列の長さ : 109

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00919

配列 :

GATCTACTGT CATTGATG CAATTCCTG TTACCTTGAA AAAATAAAAA TGTTAACAGG 60  
AATGCAGTGT GCTCATTCTC CCNAAATAGT AAANCCCACT GTATACAAA 109

配列番号 : 835

配列の長さ : 62

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00920

配列 :

GATCCAATTA CACACATTCG TTCACAAC TC AACACAAATT CCTATTAAAT ATTAAAAGTA 60  
AA 62

配列番号 : 836

配列の長さ : 61

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00922

配列 :

GATCTTAAAC ATAGGAAAAC CATACGTGTT CATGATAATA AAATGCTTTC TATGAAATAA 60  
A 61

配列番号 : 837

配列の長さ : 56

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00924

配列 :

GATCATACCA CTGCTCTCCA GCCTGGCTAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA CAGAAA 56

配列番号 : 838

配列の長さ : 56

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00925

配列 :

GATCAGACAC TTAACCCTTA TAANTTAAAG TCAATAAAGC ACCTTTTAA AGGAAA 56

配列番号 : 839

配列の長さ : 57

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00926

配列 :

GATCAAAGTG AAACAATGTT TGGATGCAAC GCAGAATAAA AGAATATAAG AAATAAA 57

配列番号 : 840

配列の長さ : 52

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00929

配列 :

GATCTAATTA AAAGACCTTC TGCACAGCAA AAGAACTAA CAACAGAGTA AA 52

配列番号 : 841

配列の長さ : 52

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00930

配列 :

GATCCCGCA GAAGCTATGA AAGGGAATAA AGAGAAAAGA AGTACCCAGA AA 52

配列番号 : 842

配列の長さ : 52

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00931

配列：

GATCTTTTAG TTTCAACTCA GCTTTTACAA TAAAANGGAT TTGTATTGCA AA 52

配列番号：843

配列の長さ：58

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00932

配列：

GATCTCTTTT CAGAAGTGTC TATAGAACAA TAAAAATCTT TNACTTCTGA CCTTGAAA 58

配列番号：844

配列の長さ：53

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00934

配列：

GATCCTAAAT CATGACTTAC CTGCTAATAA AAATCATTG GAAAAGTGAG AAA 53

配列番号：845

配列の長さ：52

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00935

配列：

GATCAAGCTG TAAAAAACN AAAAAATTAA TAAAAATTTC GAGAAATANA AA 52

配列番号：846

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00936

配列：

GATCAGCATT GTGACTTGGA GATAATAAAA TTAGACTAT AAATTTGGAA A 51

配列番号：847

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00937

配列：

GATCTGAGGT AAATTTTGAA GTAAATAAAA AGCTGTGTTT GAGCATCATT TGTATTTTGA 60

AA

62

配列番号 : 848

配列の長さ : 59

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00938

配列 :

GATCCTCCCT CCCCTAATTA AAGTCTCTTT TTGCCCTTT GGGCTGNCAT GAGGTCAAA 59

配列番号 : 849

配列の長さ : 71

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00955

配列 :

GATCAGAATT TTAAATNAAA GGTTTTTCTT TTAAATNATT TGTATTACTT TATTAAAACT 60  
CTGATATTAA A 71

配列番号 : 850

配列の長さ : 661

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00972

配列 :

GATCCGGTTC TGGGACAGCA GGGGGCCCCA CTGCACCCAG GTCATCCCTG TGCAGGGCCG 60  
GGTCACCTCC CTGAGCCTCA GCCACGACCA ACTGCACCTG CTCAGCTGTT CCCGAGACAA 120  
CACACTCAAG GTCATCGACC TGCCTGTCTAG CAACATCCGC CAGGTGTTCA GGGCCGATGG 180  
CTTCAAGTGT GGTTCGACT GGACCAAAGC TGTGTTTCTAG CCGGACAGAA GCTATGCACT 240  
GGCAGGCTCC TGTNATGGGG CCCTTTACAT CTGGGATGTG GACACCGGGA AACTGGAGAG 300  
CAGACTACAG GGACCCCAT TGCCTGCCGT CAACGCCGTG GCCTGGTGCT ACTCCGGGAG 360  
CCACATGGTG AGCGTGGACC AGGGCAAGGA AGGTTGTGCT TTTGGCAGTA GGGCCACGAC 420  
CTGCCTGCTT GGGNTGGAGN TTTTNNCCCG AAGCTNAAAG TTTCTTNNGG GGCAATGAAG 480  
GGGTTTGGGG TTTGGGATTN GAGNTTNGNC TTGGGATTTA ATTGGGNAAG AAGGCTTGGA 540  
AAGACCTTGN CTTTTTTNTT TAAAANTNAA GTATTGGTTT GGGGGNTTAA GGTAATTTTT 600  
TTTTNGAATT TTAANTTNAT NTCTAAATTT TTTCCAAAT TTTGAAAAAT TTTTTTTNAA 660  
A 661

配列番号 : 851

配列の長さ : 641

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00973

配列 :

GATCTTGGAT GTCTATTATA GGAGAAGTAT GTCCTGCCAA TGTACAAGAA GGCAGCATTG 60

TAGGATTAACTTCTTGTCTACTGTATATTATCTTGAAGGCTCTTGTTAATATGTTACA 120  
 CTTAATATTC TCCACAGTTA CTTTAGAGA GAATTTATGA GAAGTTAGTT TCTGATGCAG 180  
 AGGTTTTTAG GCTGTGATTT CATCAAAAGT CCTAATAGCA TTCTACCTCA AAGGGACACT 240  
 TAGNATGCCT AAAATTTATT CACTTAGTTT TCCTTTTTTA TTTGAAAAA TACATGACAT 300  
 GTAATCTTTT TTTCTTGAAT TCTTTCTCAG ATTTTAAAGT ACTATATTAA AGAAAAAAT 360  
 TAATGTCTAA AGGCCTAGCA TTCCTGCAG GACCCCTATA CTAACCATGG TAATGGGGGA 420  
 GAGGGGTGGG GCAGNTNNGT AGGGGNACCA GGTTCAGGC CTCAAGCTTC CCAAAGCCAT 480  
 TTTTNTTAAA TGGGAAATCC NTNAANTTNT GGAACCCGCT TTGNTATNGG NGCCCTTTT 540  
 TTTAAATTC CNGGCCTTTT TTTNNTTGGT AATGGGGGT NCTGTTTGNG GTTTTAACT 600  
 NANCCTGGNC CGGGGGGTT TAAAGGAATG CTGNCTGCAA A 641

配列番号 : 852

配列の長さ : 627

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00974

配列 :

GATCTGCTNC AGTGCTCTGA GCCCTAGGAT TCATCTNTCT TTTACCGTA GNGCGCNNGA 60  
 CTGGCATTGT ATTAGCAAAC TCATCACTAG ACATCGTACT ACACGACACG TACTACGTTG 120  
 TAGNTCACTT CCACTATGTC CTATCAATAG GAGCTGTATT TGCCATCATA GGAGGCAACA 180  
 TTCCTGATT TCCCTATTTC TCAGGCTACA CCCTAGACCA AACCTACGNC AAAATCCATT 240  
 TCACTATCAT ATTCATCGGC GTAAATCTAA CTTTNTTCCC ACAACACTTT CTCGGCCTAT 300  
 CCGGAATGCC CCGACGTTAC TCGGACTACC CCGATGCATA CACCACATGA AACATCCTAT 360  
 CATCTGTAGG CTCATTCACT TCTCTAACAG CAGTAATATT ANATAATTTT CATGATTTGA 420  
 GAAGCCTTCG GTTTCGAAGC GAAAAGTCCT AAATAGGTAG GANGAACCT TCCATTAAAC 480  
 CTGGAGTGAC TATATGGNTT GCCCNTACCC TTACCANACA TTCNGAGGAN CCCGTATACA 540  
 TAAATTTNTN GNNAAAAAAN GGANGGNTTC GNACCCCCCA AAGGTTGGTT TNANGNCAAC 600  
 CCCCNTGGGC TCNATGGTTT TTTTAAA 627

配列番号 : 853

配列の長さ : 617

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00976

配列 :

GATCAGANTG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60  
 GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120  
 TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA NCCNCTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180  
 GCATAGGTTA TTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240  
 GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTTTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300  
 CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAAACAG CACTCAGTAA 360  
 TCCTAAATG GATTTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGNCCTG CAAAGTCTTA TTTAAATTTA 420  
 AAAGGCCTTT CTCATTACC AGGGGTTTAG GTCAACGNNG GCAAACCCCT GGGGGAATTT 480  
 AAATTGGGAA GGTANTTNC CTTTNGTAAA TTCATAGGNG CCAAANGGCN GGGNAGTTAA 540  
 TTTTCCATN GGGTTGGTGG CNCCCGGNT TCATTGGTNT TNGGCCCCAN GGAATTTAAT 600

TTTTTTAAAN CCTTAAA

617

配列番号 : 854

配列の長さ : 602

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00977

配列 :

```
GATCCCGTGC GCGCGCTGC CCGAGGGGAG CAAGGACAGC TTTGCAGTTC TCCTGGAGTT 60
CGCTGAGGAG CAGCTGCGAG CCGACCATGT CTTCAATTGC TTCCACAAGA ACCGCGAGGA 120
CAGAGCCGCC TTGCTCCGAA CCTTCAGCTT TTTGGGCTTT GAGATTGTNA GACCGGGGCA 180
TCCCCTTGTC CCCAAGAGAC CCGACGCTTG CTTTCATGGCC TACACGTTCG AGAGAGAGTC 240
TTCGGGAGAG GAGGAGGAGT AGGGCCGCCT CGGGGCTGGG CATCCGGCCC CTGGGGCCAC 300
CCCTTTTNGAG CCGGGTGGGT AGGAACCGTA GACTCGCTCA TCTCGCCTGG NTTTGTCCGC 360
ATGTTGTAAT CGTGCAAATA AACGNTCACT TCCGAATTAA GCGGTNTATT TNTTGAANGT 420
TTAATAATTG TGTTTTNTGA ATACTGAAGT ATTTGGCTTT AAATTCTTAA NTTAAAAATT 480
TAATNTTTTA CTTTTTTAAT TGCTGGGTTT AAGATNGTTN AAGATTATCC TTGNAACTTT 540
NNGGGGGANG TTNTTATTTT NGAGTCTTTT NGGAANAGNC TTNAGGCTTT TNNACTTNGA 600
AN 602
```

配列番号 : 855

配列の長さ : 595

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00978

配列 :

```
GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GGCAACAATT TTATGTACAG GTGTATATAC CTCTATATTA TATATCGACA TACATATATA 120
TTTTNNGGGG GGGGCGGACA GGAGATGGGT GCAACTCCCT CCCATCCTAC TCTCACAGAA 180
GGGCCTGGAT GCAAGGTTAC CCTTGAGCTG TGTGCCACAG TCTGGTGCCC AGTCTGGCAT 240
GCAGCTACCC AGGCCCACCC ATCACGTGTG ATTGACATGT AGGTACCCTG CCACGGCCTA 300
TGCCACCTG CCCTGCTTCC TGGCTCCTTA TCAGTGCCAT GAGGGCAGAG GTGCTACCTG 360
GCCTTCCTGC CAGGAGCTTT NCACCCACTN ACATTCCGTC CCCGCGGCTT AACTGNAGCA 420
AGCGTGGNCC TAGGACAGNA GGAGCTTCGG GCCCNGTTN ACCTTGCGGT GGGGCTNANG 480
GGTTGGCATT TCTTGCTGG GGCCACTGGG TTNAAATTTT GGGNTGATNA TTGGGGNGAG 540
GGGTGGGGTA ACAAACCAN TTTTGGNNAA GNTTGGGANG NTTTTGNCTT TAAA 595
```

配列番号 : 856

配列の長さ : 581

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00979

配列 :

```
GATCTGGAAT TGCAGCCCAC ATAAACATAA AGGAGGATGT CCCTGGTCTG TTCCATCCCC 60
ACGGATGGTG TTGCTGCTGG GCAACAGTGT TGGCTTCTTT NAAGTACCCC CTTTCCTCCT 120
```



CACCCACCTC CAAACTGACT AGCACTCAGA GGGACTTATG ATAAAGGTTC AGCTCCAGGG 180  
 GTAGTACCTG AGTGTGTGCC ATGCCCCCTC AGACCAGCTG CTCCATCAG AATTCCAGGG 240  
 TCACAGCCCC AACAGAAGCA GCAGTGCCTC TGTAGGAGGG GTGCTGGGCT CTGGNCTTCT 300  
 NATGCAGAGA GGTCCGGGAC AGGGTCAGTA TCGTGGGCAT GTNTATAGCT TCCCAAGTTC 360  
 TTTTACAAGT CCCNTGCTGG GACTCCCTGA NTTTACTTTT GGTNGGNTTC CTAGGTNCTA 420  
 ATTGGTTTTA CAAACTTACA NTTTTNTAGG AATTGANTT ANGATTANCT TGNTTTAATT 480  
 TAATTGTAGA NTTTNGGGGC CTTTTTGGGN CTCAAATTTT NCCATTACAA GGNNTTATTN 540  
 GGGAAANAAA GNNGTTTNA TNAAAATCCT TGGCCAGGAA A 581

配列番号 : 857

配列の長さ : 569

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00980

配列 :

GATCTAAATC AGACAGGAGT TGGTCTACAT AGTAGTAATC CATTGTTGGA ATGGAACCTT 60  
 TGCTATAGTA GTGACAAAGT GAAAGGAAAT TTAGGAGGCA TAGGCCATTT CAGGCAGCAT 120  
 AAGTAATCTC CTGTCTTTTG GCAGAAGCTC CTTTAGATTG GGATAGATTC CAAATAAAGA 180  
 ATCTAGAAAT AGGAGAAGAT TTAATTATGA GGCCTTGAAC ACGGATTATC CCCAAACCTT 240  
 TGTCAATTC CCCAGTGAGC TCTGATTCT AGACTGCTTT GAAAATGCTG TATTCATTN 300  
 GCTAACTTAG TATTTGGGGT ACCCTGCTCT TNTGGCTGTN CTTTTTTTGG AGCCCTTCTC 360  
 AGTCAAGCT GCCGGATGTC TTTTTTACC TACCCCTCAG TTTTCCTTAA AACGGGNACA 420  
 CAANCTCTAG NGNGGTGTTA NGANTAATNG TTAGTNGGGT TANTGGGGTA NTTNNTGGGG 480  
 TNTNGGTTTG GGGCTAGGCA TTGTGGTAGG TTTTNAANAA TTAGNNGGTT GGNCCCCNTT 540  
 NGNTGGGGTG NTTTCANGGT NGAAATNAAN 569

配列番号 : 858

配列の長さ : 566

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00981

配列 :

GATCCCACCC NGGCCTCTCC TGGAACCTCTG AACCTGCTGT GGAAGGAATT GGCCATGACC 60  
 TTCACCTCTG GAGAGTAGGG TCTATGGCGA GGGAAAAGGG NNTTCACCAT GATAACCTAG 120  
 TGCCCTCCATA GAGGGGTTTG GAAAAATTCC AGTCCGATTT CTTTGTGTGT CAGCTGACTT 180  
 CCTTAGCTGA TTGTTCCAC TTGCACCTCT CCACCTTTGG CACTAGAACT CCTGAGACAC 240  
 CACTTCTCAT GCTTCTCCCT CCCTACCAGC GGTCAAGGCT TTGGAGCCAC TCTTTTGTA 300  
 CTCCAGATTA TTAAAGAGA AAAGTACAAG ACAGAAATCT TCTAGCACTT TGAAACACA 360  
 GTTGATTAAC CCTCTTGGGN GTATTTTTTG GGCTTTATAT AAAANCANGG TTTTTTAATT 420  
 NGTAAAGTNT AAGTGCCATT AGGAANATGC ACCAGGGCAT ATTTTGGTT NAAGGTGGTT 480  
 TTTTCAATGG TTTTNCAGGN TTNCATTTT CAAAAAANGG TTTTTTAAT GGAGGTTGTT 540  
 NTTNAAANNT TCNTGANTGG TGAAA 566

配列番号 : 859

配列の長さ : 556

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00982

配列：

```
GATCTACAAT TACTAATTAA AGCTGTGAAT CTNTTCCCTG CTGGAACAAA TTCAAGATGG 60
GAAGTTATTG CTAATTACAT GAACATACAT TCTTCCTCTG GAGTCAAAAG AACTGCCAAA 120
GATGTTATTG GCAAAGCAAA GAGTCTCCAA AAACCTTGACC CTCATCAAAA AGATGACATA 180
AATAAAAAGG CATTTGATAA GTTCAAAAAA GAACATGGNG TGGTACCTCA AGCAGACAAC 240
GCAACGCCCT CAGAACGATT TGANGGTCCA TATACAGACT TCACCCCTTN GACAACAGAA 300
GNACAGAAGC TTTTNGAACA AGCTTTGAAT ACATACCCAG TAAATACANC TGAAAGATGG 360
GNANAAATAG CAGTAGCGGT GCCTGGCAGG NCAAGGAGG GNCTGCATNN ANCCGGTTNC 420
AGGGGACTTT GTCGNGNTGG GTAAAGCCAA AGGAAGCTTG TTCCAGGTCN ANGTGCTGGA 480
TGCAAGTTGG GGCNTGGNAT TNNCATTITT TTGTTGGGGT GTTCCTTTTT TTANTAAACC 540
TGNANTTCTT TTTAAA 556
```

配列番号：860

配列の長さ：555

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00983

配列：

```
GATCTGGATT ATTTGTCTAA GTGAGAGATT GCGAATATCA AAATATCTGT CTCACTTCTT 60
CTGTGAATNA CACAGAGTAG AAATAAATTC ACTTTAAAAA TATGACTGAA TTTTGAAAAT 120
CAAGACTGAA TCTCACATAG CTGCAGACAG GAACTAAGCC AGCCTCTTTG TATGTGGTAA 180
CAAGTACAGT ATAAGANTGA AAGATTTACC ATCCTTGAAA GCTCTAATGA AAATCAAATC 240
CAGCAATATA TATTCAACTG TGTACAGGAT TTAAGAACTT ATTTTATGAA GGAGTAATAG 300
TGTGTAGATA TAGATTCTGA AGTCTTTAAA CGTGCCTTAA TAAATNAAGT TCNCTGGCAT 360
TGAGNTGANN ACCAGGTGAC CNTTGGGGNC AAAAACCNC ACAAGTGATT NGCACACCAG 420
TATACNTTCA CCANTATACT NTNTGCACAC ACANCNTTGT TTTNGGTTCA GGGTTTTGCA 480
AATNGGTCCN ATGTATTGGC ACTGGCGTCT TTGNATTGTG TAAGTGGNTA TTTTNTGAGG 540
NTAGCGTGGT NNCNN 555
```

配列番号：861

配列の長さ：554

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00984

配列：

```
GATCCATGTC TCAGCCTCCA CCCCGCCACA CCTGTCTGTG CAGCCCACCG GCCTTACCTT 60
CTACCCTGCC GTGGATGTCC AGGCCCTTTGC CGTCCTCCCC AACTCCTCCC TGGCTTCCTT 120
CTTCCTGATT GGCATGGTAA GCAGTTCCTG GGTGGACAG ATGAGGAGCC CCAGACAGTC 180
CCAACAGCAC TGTCTTTGGA GTCAGGAGAC CATGTGAATC CTGTCTGGAT TCAAACCTGG 240
ACTGTGTCAC TCCGGAGCCT GAGGCTTGAG TCACTGTACT CAATGGTGCC GACTCCTGGA 300
GGTATTCATT CACCCAGCCA TTCACTAGTG CGTTTGTTTA CTTATTCATT CAATTATTCA 360
TTCAGTCAAT TTCTATTCA TTCANTTATT CATTCCATGT TGGCTTGAAA TATGTGTACT 420
```

GTNCCAATTN ATCCATTAT ATCTTTAGTC ATTCAATTAT GCATTNGTGG TATTTGTTCA 480  
TTNATTCANT TNTTAATTTN ATTNAGTTAN TNNNTNGGTT GGTGNCTTGG NGTANNGTNA 540  
TACATTTGNG GAAA 554

配列番号 : 862

配列の長さ : 549

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00985

配列 :

GATCCTATGG TTCAGGAGGC CAGAAATTTT CACCTCTAGG AGGTGGTGGT GGCATAGGTT 60  
ATGAAGCTAA TCCTGGCGTT CCACCAGCAA CCATGAGTGG TTCCATGATG GGAAGTGACA 120  
TGCCTACTGA GCGCTTTGGG CAGGGAGGTG CGGGNCTGTG GGTGGCAGGG TCCTAGAGGA 180  
ATGGGNCTGG AACTCCANCA GGAATATGGT AGAGGGAGAT AAGAGTACGA AGNCCAAACA 240  
AAAAACCCCG ATTTTAGATG TGATATTTAG GCTTTCATTC CAGTTTTGTT TTGTTTTTTT 300  
GTTTAGATAC CAATCTTTTA AATCNTTGCA TTTTAGNAAG AAGCTATCTT TTAATGGTTG 360  
TAGCAGTTAT TGACCTAATA TTTGAAATGG CTGTTGGCAG TAAATTATGA ATCAGTTTTT 420  
GACCAGNGA TTTTTTNCN TNTATTCCTT ANTTTCCTGT TNCTGATATN CCCCCAAGTA 480  
TGCAGTTNCT NNNCCTNAA TTCCANGGNN CCATTTTTTT TTCNNGGTTT AANAATNGAA 540  
TNGNTTAAA 549

配列番号 : 863

配列の長さ : 543

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00986

配列 :

GATCAGCAGT CTTCTGCTGC CTTCTTAATG TTTACCTAA GTTCCCATAG TTGCTCTCAA 60  
AAAGTTTCTT GGCCCTCGTG GGCCAGTNTG GAGGGGCTGT ATCATCATTC ATNAGGAGCG 120  
TCACTTGGTG GTTTAGGGGG AAATAATCTA TTCTNAAGAT TGAAGAGAGT GCAGGATTTG 180  
GGGGGTTGAC TCTACATCCT TCAGTATCAG GGCTTATCTC CTTGTNTTAC CTCCTAGGAG 240  
ACCCTCCTGT TCTTAAGTGT GGGCGATGAG AAAGGTGGTG GACTCTTCTT ACTGGCAGGG 300  
CCACCTGCGT CTGTGGAGAC CCTGGGGCCC AGGGTGGCTG AGGTCCTGGA AGGCAAAGGA 360  
GCAGGGAAGA AAAGGCCGTT TTTCAAGGCA AGGCCACCAA GATGAGCCGG CGGATGGAGG 420  
GCGCAGGCGG TTCTCCAGGN CTACATCAGC AACGNAGAGT NCTAAGNANT TANGGCTTTA 480  
GGGCACTTAN CTNCTGGTTT CCACAGGAAT CTTTTNGTCA ATNAAATTAG TTTGCCTCAG 540  
AAA 543

配列番号 : 864

配列の長さ : 538

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00987

配列 :

GATCATTTCT ATAAAAGAAA TGGTCATTTT ACTTAGATGC CAGTCTACTT TATAAAGACA 60

AATGGATTAT AGACTTAAAA ATAGTCATTT TTCTTATTCA TAAATCTGAC AGGCATAAAC 120  
 CCAAATCAAA GATAATTTGG TGCCCATAT GAATTTGAAG TTAAGTGATA GCTCACTTGT 180  
 AAAGTGACTA CCTTAATGTG TATAGAGACC CCAGTCTACT ATTATTTGGG AAAATTGTTT 240  
 AGGTTATATG GGAAAAGTAG CTCTTTAAAA ATCATATTGC CCAACAGAAA CCTTAGGCTG 300  
 AATTTACAGG TATGATAATT TTTGTAATTA ATTTTCTTAG AATTGTGCAG GCTGGGATGG 360  
 GGATAATGNC ATACTCTTTT ACACTGTACC AGCAGCATTT ATTNNCCTNG GACCTTTTAA 420  
 CCNTTTTAGG GGTTAGGGTN CTNGGGGAAC CAACCTTAAT TNGGNCATCC TCCATTTNNC 480  
 TTNTNTNCCN NNNNCCNNT TTTTTTTTG GNCCCNNTN GGNCCCCTTA AACNACCN 538

配列番号 : 865

配列の長さ : 533

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00988

配列 :

GATCAAACT ATANGTGGCT ATGGCGGATA TGATTATACT GGGTATACT ATGGGAACTA 60  
 TGGATATGGA CAGGGATATG CAGACTACAG TGGCCAACAG AGCACTTATG GCAAGGCATC 120  
 TCGAGGGGGT GGCAATCACC AAAACAATTC CCAGCCTTTC CACATTGGCT TTCCCATGTA 180  
 GTCCTTAGTG TGTCTGCTNC TCCTCTCTCT CCTCATCACA GTTCCCAGCC CCCACCTTCA 240  
 ACTGAACCTA ACAAATCTT CAACTTCATA CAGTAGTCAC ATTGTTAGTA ATAACACTGG 300  
 GCATTTTTAT TTTGATANAN TAGACCGTTT AAATTTTGA GATTCTACCT TATATTTTTT 360  
 GAATTATATA CTAAAGCANA TAAGTAGGTG NTGTAATGTC CATTGGGGNC CAAGNTTTTT 420  
 AGGTGTAAAT GGNAAGGG TANCAAATTT NAANCTCAAG TAAACACCCT GTAGGCTTTC 480  
 CCCATGGNTT GGGGNATNTC CGGATTAAG NCAGGGTTTT CCNTTTTCTN AAA 533

配列番号 : 866

配列の長さ : 532

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00989

配列 :

GATCTGAAGT GGTGGATTCC TTGTTTTGC TAGTATCTCA TTTAGAGTTG AGATGGACCT 60  
 TAAACTCAT CTGTTTAAAC TCACTTTTAA ATAGATGAGT TAACTTAAT TTAATAAGG 120  
 ANNNCAGTT AGAGCCTGGA ACTTCAACCA TTATTCATC CCCATGCCCT GTTCCCCC 180  
 ACTCGAAAT TAAATGCGGT TAGCATCATA TAGTTCATTT TCCCCCTCCA TGCTGCTGTG 240  
 TGATTCTTGA CCTTGGGTAT GAGTTTTTCA TCCTTCATGC AGGGTTCTGT CAGTTCATGG 300  
 TATAGTGATT CAGTGTTAAA ATGGTGGTGT CTCAGCTGTG CTGTGCACAT TTCCAACCTT 360  
 GTCAAATTAA TAGTCCTGAG CAAGCAAGAA AAAGAGGTAA TAACATACCC ATTTTCTTTT 420  
 ATGGANTATA AGCTTAATAA TATTTTTTTC NATGNGCCTA TTTTACCT GNGCAAATTN 480  
 GTATGGNCTC ACATGGTTAA CCCCAATNAA TTANTCTTGG NCAATTTTAA AA 532

配列番号 : 867

配列の長さ : 528

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00990

配列 :

```
GATCGCAAAT NCACCTAAAC AATACATTTA CAAAGCCATC TTTACATGCA TTAAACGAGG 60
GCTACAACAA TATTGTTTTA CAAATACTAG CACTTTTTTC CTGTTATGTA CTTAGTGTTA 120
GAGGGTCAAA ATAATCTTTC TGCTTAGCAT CTCTTAAACC ATACCTGCAA ATATAGCAGG 180
ATTNTTACAT TTACAGTACT TTAATACTTG TATAANCTAT GCAGAAATTT TTAATAAAGT 240
GTAATATATT TNATAAGCTA ATAAGACTGA ATGGGTAAAG GTTTTTNGCA TGC GTTAGTA 300
TACTTGCAGA TACTGAAACA TTTTGGTAAT CTTTCTTACT AAAGGATGTG AATGTTTAAT 360
GTACCTTCTC TGTTTCTACT CTGTAGTCCA ATGGGAATTC AGTAATGNCA TTTTGNCATG 420
TCAACCTGGG GACCATAAAN TTGGTCCTGG TCCAGGCCCT CATNTCCTAT ATCCAGTATG 480
CAATNTTATN TNNTNTNCCT GGTNAATNAA CCCCTCCGGG NTTTTAAA 528
```

配列番号 : 868

配列の長さ : 526

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00991

配列 :

```
GATCTTTCCT CAGTATGTGC TGATGTTTGG GTTGCTTGTG GAATCACAGA CACTCCTAGA 60
GGAGAATGCT GTTCAAGGAA CAGAACGTAC TCTTGGATTA AATATAGCAC CTTNATTAA 120
CCAGTTTCAG GTACCTATAC GTGTATTTT GGACCTATCC TCATTGCCCT GTATACCTTT 180
AAGCAAGCCA GTGGAACCTT TAAGACTAGA TTTAATGACT CCGTATTTGA ACACCTCTAA 240
CAGAGANGTA AAGGTATACG TTTGTAAATC TGGAAAGACTG ACTGCTATTC CATTNGGTA 300
TCATATGTAC CTTGATGAAG GGGATTAGGT TGGATACTTC ANGTGAGGCC TCCCNCTGGA 360
AACAAGCTGC AGTTGTTTTA GNTANTCCCA TCCNGGTTGA NATGGGNGN GGCCTTGNN 420
CCTAGCATTN CGCATCACNA AGGCAATGTC NGCNTCACAG TTANGGCATT GNGGGGCCGT 480
TTNCCATGN GNACTGGGTT ATTGGGGNCT NACCAGGTCC AANTTN 526
```

配列番号 : 869

配列の長さ : 526

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00992

配列 :

```
GATCCTGTTG CTTCTGCAGG CCATTTTCTG AAAACCCCTG TTAGGAAGGT TGGATTGGC 60
GTGACTTGCT TGAGCAAGAG TCCTGGGGAG AGATTTTNGA GTTAATTTA ACGGTATATC 120
CAGAGCTAAC AGTGAACAA CTCGTCTAGT TCTGCAAGTC AGATGTACAC TTAGAGTCTC 180
TCTGTGAAGG GTTTGGGTCT GAGCTGTATA GTATGTCAA CTGCCAGTAA GCCAGCCCCT 240
CACCNTCTGA TAGATATTC TTTAATGCAC CAGACTTCAT GTTTGATAAA TGATTAATGG 300
TTGAAATTGT TTCTCTTCTT TTGTGTTTTC CCAGTTAATA GATGGTCACT GTTCCACAA 360
TGTTTTATAC TTTCCAGCTT TTNGTAACTN AACCTATAAT TACTTNAATT TTAATTTTTT 420
TTAAAGCTTN GTTGGTGGNC CTAATGNAA GGTNTTTTTC CAGTGCATNA ATGGTTTTTT 480
NTGGNGCTTC TGNNAATGN CCNTCCCAAT TGTGGGTTGG GTTTTN 526
```

配列番号 : 870

配列の長さ : 520

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00993

配列 :

```
GATCAGGACG GCTGGATTCA GGTGTCGTAC GAACAGTACC TGTCCATGGT CTTCAGTATC 60
GTATGACCCT GGCCTCTCGT GAAGAGCAGC ACAACATGGA AAGAGCCAAA ATGTCACAGT 120
TCCTATCTGT GAGGGAATGG AGCACAGGTG CAGTTAGATG CTGTTCTTCC TTTAGATTTT 180
GTCACGTGGG GACCCAGCTG TACATATGTG GATAAGCTGA TTAATGGTTT TGCAACTGTA 240
ATAGTAGCTG TATCGTTCTA ATGCAGACAT TGGATTTGGT GACTGTCTCA TTGTGCCATG 300
AGGTAAATGT AATGTTTCAG GCATTCTGCT TGCAAAAAAA TCTATCATGT GCTTTTCTAG 360
ATGTCTCTGG CTCTATAGTG CAAATGCTTT TATTAGCCAA TAGGAATNTT AAAATACCAT 420
GGACCTTACA CAAAAGGCTT TCATGNCCTT ACTTTNTNAA AAGGGGTTAT TGTATTCAAT 480
GGATATGTGC CGTAGCAATN NNGGGNTGTT AGCGGNTAAA 520
```

配列番号 : 871

配列の長さ : 517

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00994

配列 :

```
GATCTCCGTG GCTTTGGGTT AAAAGACACA CTTGTCCACA TAGGTTTAGA GATAAGAGTT 60
GGCTGGTCAA CTTGAGCATG TTAGTGACAG AGGGGGTATT GGGGTTATTT TCTGGTAGGA 120
ATAGCATGTC ACTAAAGCAG GCCTTTTGAT ATTAATTTT TNAAAAAGCA AAATTATAGA 180
AGTTTAGATT TTAATCAAAT TTGTAGGGTT TCTAGGTAAT TTTTACAGAN TTGCTTGTTT 240
GCTTCAACTG TCTCCTACCT CTGCTCTTGG AGGAGATGGG NACAGGGCTG GAGTCAAAAC 300
ACTTGNANTT TTGTATCTTG ATGTCTTTGT TAAGACTGCT GAAGATTAT TTTTTCCNN 360
TTATAATANG GGGNTAANCC CCACCTTNAT TCCTTCAATT CANCEACCA TTTTCNNGG 420
TTCTTNGTGT TGGGCTTGTG GCAGGNCCAG CTTNTGGGTT TTCCTTTTNN CCATGCCAAN 480
NTNTNAATT NCCCATGTAC CAGTTTGNTN CAAAGGN 517
```

配列番号 : 872

配列の長さ : 517

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00995

配列 :

```
GATCAGAAAT ACAGATTTTG ATAGCAAAGC GACGTTAGNT NGANGCTCTT GTGAGGAAAAG 60
TCATTGGCTT TATCCTCTTT AGAGTTAGAC TGTGGGGTG GGTATAAAAG ATGGGGTCTG 120
TAAATCTTT CTTTCTTAGA AATTTATTTT CTAGTTCTGT AGAAATGGTT GTATTAGATG 180
TTCTCTATCA TTTAATAATA TACTTGTTGA CTAAAGATA TAAGTNCTGT ATAAANNCNN 240
CCAATTATGT TAAACTAGCA TATCTGCCCT TATTGTGTTT GTCATTAGCC TGAGTAGAAA 300
GGCCTTTAAA ATTTTTTTAG AAAGCATTG AATGCATTTT GTTGGTATT GTATTTATTC 360
AATAAAGTAT TTAATTAGTG CTAAGTGTGA ACTGGACCCT GTTGCTAAGC CCCAGCAAGC 420
AATCCTAGGT AGGGTTTAAT CCCCAGTAAA ATTGCCATAT TGCACATGGT CTTAATGGAN 480
```

GTTTGAATCT TAAATAAATT GGATATTCAC TTTTAAA

517

配列番号 : 873

配列の長さ : 515

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00996

配列 :

```
GATCTGCGAA AGACCAACTT TTAGGCAGTG ATACTTTTCT CCCATTCCCT GGGGTGGGGG 60
GAGTATGCAG TTGGTGCTTT CTGTAATTCC CTGTNCTGT TTTGTTTCTG TAAGCTTTTC 120
CCCTGGTGTC ATGGAAAGGA CTTCTTAAAT AACACATTG TGGGTGGCTG TATCCAAAGT 180
TTAAATAATT GGCCAGAAGT GCAGAGTATC CTTTCTGGA TTCGTGTCAG AAAAGGGCTC 240
CTTGCCACAA CTGAACTTAC TGTATAAAAA CCTGGCTAGG GAGATTTAAT TTTACTAAAA 300
TTACAGTTTA ATGTTACCGT CTAGCCACAA ATCAAGCAGC AAAAGCTATT TTGATGATGA 360
AAGGGGGTCC CGTTGAGCTG GCCATCTAGT GCAGTGTGCT CTCAGATNCC ATGTTTGTG 420
ATTGTGTGCT TCACAAGNCC NTCTCTGGTG CTTGAATTGG ATTTGAATTC TTGGTNAGAA 480
GNCTCAGCAT CTCCTTGGGG TNGGCTTGGG CCAAA 515
```

配列番号 : 874

配列の長さ : 514

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00997

配列 :

```
GATCAGNNA TNAAGTGCAG CAATATCATG AATTCTCAGA AGCCCTTTCA GGGAGCCAGT 60
NAGTCATACA GTATCCACAG TTGAGTCACT TAAAGATGTC AGTATACGAA ACATTATTCA 120
CAATCCTTGG GCAATCTCAT TTTTTTTTCC TTCTCCCCTC CTCCCCTGCC CCCCATACAT 180
TTNTATCCTT GAGTTAGTTT TGGNGGGGCA GGAAGTACTT AACATCTCAG AAGCTAGATT 240
GGGAAACATG CTCAGCTATA AGAACTGAGC TTTAAATTTT GAGTTAAAA ATGTACATCA 300
GGAGCAGNTG GGGAGGGTCT TTTTTTTNAA AAAAATCTTT CCAATTTTGG GTTTTCTNTG 360
CCATATGGCC GTTTTGTAAA TNCTTTNGGG GTTTTNNATT NTTTTNGAAA GTGGNTGAAA 420
TCTTGTTNTG GGNTTTTTTT CCCCAGAAACA TTTNNAATAT AACCCNGTTT ATTTTNNAT 480
GNAAATTAAA CCTTNTTTGG GTAAAAAGGT TAAA 514
```

配列番号 : 875

配列の長さ : 513

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00998

配列 :

```
GATCTTCTAT TAAANTGATT CCTCTTTATT AGAGAAGGAA AATTTAGTTG CTATACATCT 60
TATATTTNCA CAGTTTATTA AAGTCAGTNC CCTAAAGGTA CCTNCTTNC TTTGTGGCAT 120
ATATGGCATC TNCTGTCTTC AGATTTNCTT ACACTTTTGT GATTTATAAT GTTAGTGATT 180
GGTGCCTTAT TCTCTGAGGA AAGATGGAGG GTTCATAAAG CAATGCCTTA TCCACAGCAG 240
ATTTNCTTGT ATATTAAGTT AAACAGAATT CTGTAAATTA TTATGAAGGG TTCAAGCTCT 300
```

TTAGGGGGAG TTTTTTTTC TTGTTGGTTA ACAAATTGGT TGCAATCTNT TATATTCGC 360  
 AATTGGNTTA GATATTACAG TCTACTTATT TTTNCANGNG TAAATTAATT GTNTAAGGTT 420  
 TGGGTTNGGT ATAAATGGNT AAAATATTAA TATNGTGGGG GGTAATTTT GATTNGGNGT 480  
 TTTTTTTTT NAAGGCCNNN GGNTTTANGG AAN 513

配列番号 : 876

配列の長さ : 510

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS00999

配列 :

GATCAGTATG AGANGCAATA CCTAATCCTA TGTGCTATT GTATTTTNC CTAGTTGGTG 60  
 TGCCTGCTCA GAAAAACATA TACTGTATGT GTATACATAC CTGTGTATAT ATAAAAGGTC 120  
 AATTTATATA TNTNCCTATA GGAAATGGA GTAACAAGTT CCCTATCTCC CATATTTATT 180  
 TGTCCATAGT AAAATGGCCA CATTGATGAT AATTTCTAGA ACTAGTTTCT GAGATTGTCA 240  
 GCCCTTTGTC TAAATAATG GCAGTATTAA TGATTGACTT CTGTCACTGC CATAGTTACC 300  
 TGGATTGTCA GCCTNGGTAG CTTTGTCTA AAGTCCTAAA GAGTTCCAAA AAAATGTGT 360  
 TGAAATAATT GCTAAATAGT GGTGGGTGAT TCTTNCAGTA GGNATTGTGA ATAATTCNT 420  
 GGCAAANAAG GTTATTNCCT GCTATTGGTA TTGGATNATT NGNCTTNTAT NCNGGTATTT 480  
 TNNAAGGC AGGNNTATAN GGNTNNCCN 510

配列番号 : 877

配列の長さ : 504

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01000

配列 :

GATCTTCCAT CCTCAATGA CTCTTTTTC TTTATATGTT AACATATATA AAATGGCAAC 60  
 TGATAGTCAA TTTTGATTTT TATTCAGGAA CTATCTGAAA TCTGCTCAGA GCCTATGTGC 120  
 ATAGATGAAA CTTTTTTTA AAAAAAGTTA TTTAACAGTA ATCTATTAC TAATTATAGT 180  
 ACCTATCTTT AAAGTATAGT ACATTTTACA TATGTAAATG GTATGTTTCA ATAATTTAAG 240  
 ACCTCTGAAA CANTCTACAT ATAATTATTA CCCAGTACAG TTTTTTCCC CCTGAAAAGC 300  
 TGTGTATAAN ATTTATGGTG GATAACCTTT TATGGTTTCC CTTTCAAAG GCCCAGGGTG 360  
 GGAGGGGGGA TTAAGGGGGC CTAAGGTNTA TGCCTCCNNG GTTTTAAANT TAAATNCCT 420  
 CNNGGTATTT AAATTANNTT TTNCCNANGG TTTNTNGGGG GANTGGGGGG GTTTANANTT 480  
 GCCTTNTTN GGGGTTTGGG GAAA 504

配列番号 : 878

配列の長さ : 500

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01001

配列 :

GATCTGGGCT CTGAGCACAA GTCAGGAAAC ACCAACATAT TCACACTCTC CCAGTAGGTT 60  
 CCTCAGTCCG ATGGTGAATG GCTATTCGTA AATGGCTGGT CTGGCTCTTT GGTGTTGGAG 120



CCTTTCCAAT AGCCCCATGA AAAGAAGCAT CACCCAAGGA TATTGTAAAA AGGATGTAAC 180  
 AAGGAGATAG GGTAGACATT GTACTCAGTG GGCCTTGGGG CCTAGCCCAG CTCTGAGCAG 240  
 AGGACTGTGG CATTCACTGT CCTTGAGTGT TTCACCTTCT TGGATAACAC ACGGGCCTTC 300  
 TCTTCTGGAT TTCATCAGAG ATTACAGCCA GATGGGGGCT GAAGACCATC CTCTTTGACC 360  
 ACAGAGGGTG TGA CTGTGGG GAATTCCTCC CAATTTATGG TTTCCNAGGA AAATCTTAGT 420  
 TCCTTTTATT TATAGGAATG CATGNCNTTT TGGTGTAAAG GAAACCCAAG GGGNANTTAA 480  
 NGGGACCANT CCTANTNAAA 500

配列番号：879

配列の長さ：500

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01002

配列：

GATCTCCAGC CTCCCAGAAG CCTGCTGTGC TTTCGTCCCA CAGCTTTCTG CCCATTGTTT 60  
 CTTACTAGTT TCTTGAATTG TNCTTGTTGA CTTTNCCTCA GGGATACATT GGCCTGCAGG 120  
 TCCCAGTTCA CATGTAGTCC CCTGCTCACC ATTGGAGAAT CAGCTCACTG CTCTCTAGAA 180  
 ACGTGGCGTT GGTGAACGGA CCATGCTTCC GTAGCTCTGA CCTGGGCAGC TTGGACCTGG 240  
 TCATCCTCTA CTGCCATACC TTTCCCTGGG GGCTTGAACA CAGAACAGGG AGATGGACAA 300  
 CCACTTCAAA GAAAGACCCA CCGAATGCAG TTTCTGCTTG ANTGACTGGG NCTGCAGTTC 360  
 CNTTNTCCTG GGA CTTAGAG GTGGNCAGAT NTANGGCCCC TTTACTCATC CANCTTNGTN 420  
 TTCAACTGGN ACTNCCNAAT NANTNAAAGA GCCTNAAATT TTAAACTNGN TGTGGATNGG 480  
 GNATATGGGA NTAGGGTTGN 500

配列番号：880

配列の長さ：500

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01003

配列：

GATCGTCAGC AAGTACTGTA NCTGTAAAGG AAAATCTCTC TCTCTGGAGA ACCCACACAA 60  
 ACCATTGACC TGAGTGCGCA TGACAGCCAC TGGNNATNTT TTCTATGATT GAAAATCTGC 120  
 CATCGCTGAC TGTTGGCCAG TTTCAAAGGG ACCCATTGTA TACAGGGTGC AAATGTATTA 180  
 TACGGATGTT TCCTTTTGTA CACTTCATTT TTACAAGTTT TGCTACTCAC AAGCTTTATG 240  
 TAGTGGAGGA TAGAGGTATT TTTGGTCTTT AGAAGCTTGT CGGGGTGAGG GCTGCTAACT 300  
 TACACTTCAG AGGCCTGTGT CCCAAAGGCC TGGCTGCGTT TGCCGTGCTG TGCGAGGACC 360  
 TGTGTACACA GGCAGGTGTT CGCCTGCCCC AGCGCGAGTA GCTCTTTGTG TAGTNGGTGA 420  
 AAATGCTTGC AGGCATCTGT TTAATTAAAA ATTNCCTGCT GTTAAAGNCA GGGGTAAAA 480  
 ATNTCCACAA TTTANGGAAA 500

配列番号：881

配列の長さ：498

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01004

配列：

```
GATCAGGATT CAGANGTGA CATCTTCCCC GCAGACTNCC CTA CTGAGCC ACCTAGCACT 60
GCCACGAACC GGTCGGGGCTA GGAAAGAAGT AAAATATTTT GCAGAGTCTG ATGAAGAAGA 120
AGATGATGTT GATTTTGCAA TGNNTAATT AAGTGCCCAA AGAGCACAAA CATTTTCAA 180
CAAATATCTT GTGTTGTCCT TTTGTCTTCT CTGTCTCAGA CTTTGTACA TCTGGCTTAT 240
TTTAATGTGA TGATGTAATT GACGGTTTTT TATTATTGTG GTAGGGCCTT TTAACATTTT 300
GTTCTTACAC ATACAGTTTT ATGCTCTTTT TTTACTCATT GAAAATGTCA CGTACTGTCT 360
GATTTGGCTT NGTAGGAATT GTTTATAGGN CTGCCCCTGC ATTAGGCACA GGATTTTAA 420
ATTGTCCATG GGTNCCANC CTACCAGACC CTGCTTTTTT NGNNAATNGG AATTTTNAAC 480
CATTNANAAA TNGGAAA 498
```

配列番号：882

配列の長さ：494

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01005

配列：

```
GATCTTACTC CACGNATACT TTTTGGTNTG TGAAGGCATC GGTAAAGGGC ACAAAGACAG 60
CCATGGGGAC ATTTATGTAA ATACGTCTCT AATTGCCACA CTGCAGCTGA ACAGTGTGTA 120
GTATTTTCCC AGTCAGCTTT GCCATACTGA CGTCAATCAT TTGAGAGAAA TTATTCAGAT 180
TTNATTTTTG TATCTGTGGT AACAAAACAT TAACAAAAG ATTTTNTGTC CAGAAGCCTC 240
CCCGNCCCC CAAGCTATTT GCTCACATTA ACANATTAAA GTGCCTGAAG CATAATTCAT 300
TCTTTACCTG TATACTAAAA ACCCTGTTGT ATTGGTTTTT TTTNTAATAA GCCTTTTAC 360
CTCTGTGTAA ANANATATAT ATACCAGGTG TATGATGGTN CATTTTGGGT CTTNANCTTT 420
TTTTTAATGG TTTCTAATNT GTNTGNCCNA ATGTTGGCNT TGNTTTTANA NTTGTNCCGG 480
GGTNNATTTT TANN 494
```

配列番号：883

配列の長さ：493

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01006

配列：

```
GATCTTGATG CTGTGGAAGT AGTTTGAGGA ACATCCTATG AGTTTNCCTA GAATGTATAA 60
AGGTTGTAGC CCATCCAAC TCAAAGAAAA AAATGACCAC ATACTTTGCA ATCAGGCTGA 120
AATGTGGCAT GCTTTTCTAA TTCCAACCTT ATAACTAGC AAAAAAGTGT TTGCTTATTC 180
CACCAGTTCT ACTGTGACAT ACTCGAGTAT AAAGACATGT AGCAATAACG GGGAGTGGGG 240
GGGGAGTCTC ACAGTGCCTT TGAAGGGGCC CGAACTTGCC TTAAATCTTC CTCAACCAAA 300
TAAGTATTTT ATTAGTGCTT GAGAGAATCT GGAATGTAGG NTGGGTTCAA CTGCACAAAN 360
GGAAAANGNT TTTTACCACT NTTTTATAT AGNTATAAAG TGNAGCAACC GCCTTAGTGC 420
CTGAATATGT AGTCCATGAN TATGCCTTGT NTAATTTCCA GAAATTCCAN ACCTTGTA CT 480
GTTTTTTTTC CCN 493
```

配列番号：884

配列の長さ：492

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01007

配列：

```
GATCAGCACT GCCAGTGGAG ATGGGCGTCA CTA CTGCTAC CCTCATTTCA CCTGCGCTGT 60
GGACACTGAG AACATCCGCC GTGTGTTCAA CGACTGCCGT GACATCATTC AGCGCATGCA 120
CCNNNGTCAG TACGAGCTGN NCTAAGAAGG GAACCCCAA ATTTANTTAA AGCCTTAAGC 180
ACAATTAATT AAAAGTGAAA CGTAATTGTA CAAGCAGTTA ATCACCACC ATAGGGCATG 240
ATTAACAANG CAACCTTTCC CTTCCCCCGA GTGATTTTGC GAAACCCNCT TTTTCCCTTC 300
AGCTTGCTTA GGATGTTCCA ATTTTAGGAA AGCTTAAGGC GGCCTACAGA AAAGGGANAA 360
ANGGGCCACA AAAGTTTCCT TTAACTTTT NAGTAAAAAT TAANTTAAAN CAGCAGCAGC 420
AACCANTTTA AATTGGATT AANGGTCN AATTGGAATT NAATTTTTTG GNTTNNNCG 480
GGNTTTNAAA AN 492
```

配列番号：885

配列の長さ：490

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01009

配列：

```
GATCGAGTTT NATGCATCAC AGTTAACATG TCAGCTGGCC CTCCAGGCC CCGCCCCCAT 60
CCCGTCCACG TTGCTGTGTC GTGAGGTGCA GCGGGTCACC CTGTGGCCCG TCCTGTGACC 120
CATATTTAGC CGTGTGTTGGG ACTCCGTGTC TTCAATGGTT TGTTAGTTGC CATTACAAC 180
TTGTCTGGGT AGAGTTTTTG AGTTTTTNCA GTTCAGTATC CCTCTGTCTA TTCACACTTC 240
GTGTTAGTGG TAACTCAGTT TGTCTTTAAA TAGTTACAGA AGGGATACGT CATTGTNAA 300
TGCTTTTGTG AAGTGAGTTA AACGAGCTTT CTGTATTTTA ATGCTTTAGT GTTTCAGTTT 360
TATAAGTGAA GATTTTATTT TAAAAACCAG TGGGAAAGAG TGGGGGGTTT CTTTTATGT 420
CTGGGTCATT CAGGCAGTAC ATCTGNTTTA AAGCTGAATG TAGGACANTT AATGAAATCC 480
ANATCTGAAA 490
```

配列番号：886

配列の長さ：487

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01010

配列：

```
GATCAGCTAT ATACTATTTA TATACAAGTN ATAATACAGA TTTGTAACAT TAGTTTTAAA 60
AAGGGAAAGT TTTGTCCTGT ATATTTNNTT ACCTTTTACA GAATAAAAGA NTTACATATG 120
AAAAACCTC TAANCCATGG CACTTGATGT GATGTGGCAG GAGGGCAGTG GTGGAGCTGG 180
ACCTGCCTGC TGCAGTCACG TGTAACAGG ATTATTATTA GTGTTTTATG CATGTAATGG 240
ACTATGCACA CTTTTAATTT TGTCAGATTC ACACATGCCA CTATGAGCTT TCAGACTCCA 300
GCTGTGAAGA GACTCTGTTT GCTTGTGTTT GTTTGTTTGC AGTCTCTCTC TGCCATGGCC 360
TTGGCAGGCT GCTGGAAGGC AGCTTGTGGN NGGCCGTTGG NTCCGNCCAC TCANTNCTTC 420
TGGNGCACTG GTTTNTNCTT TANAGTTANG GTNCCATGNN NCAAGGGGGG TTCCNANGNG 480
GAGGNCN 487
```

配列番号：887

配列の長さ：485

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01011

配列：

```
GATCGCAAAT AACTAAATG TGGAGTGTAG GAACCAAAAT GAAACCTGCT GTATGGAAAC 60
TACTTTCACT TATGGTTCAT TGGTTTTTGT ACCAATATTT TTTATGCACT TCAGTGCAAG 120
TNTTGTCAGT TAACCTTACT TTATGAGTAA GCTAAATAAC CCAAATTACA TTTNTTTAAA 180
CCTGTTTTAC TACTATGGCA CTTTGATAAA ATGGTCAGGA ACCAACTTTA CTGGCAAAAG 240
GGTCCATGTA CCACCATGTG CTGGAGCATC TGTTCACAT GTGGATATCT ATGANTGGTA 300
ATGTTTTCTT TCATGTAAGT GCCTATTCAG AGTTTCAGAA TTTTAAAATG CCAAATATTT 360
TCATGGGTCA TTTGCATGTA GTAAGCCAGA AAATATTCAA NGGGATTTTG GAAAACCAAT 420
TGGTATTTAA CCAGCCTCAA ATTGTGCAAC CATGGTTGTA TAATAANGGA TTTGGAACCC 480
GAAA 485
```

配列番号：888

配列の長さ：485

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01012

配列：

```
GATCTAATGN CATATTCCAA AAGCTCAACA GCAACACCCA GGTAGTTTTG CTGTCAGCCA 60
CAATGCCTTC TGATGTGCTT GAGGTGACCA AGAAGTTCAT GAGGGACCCC ATTCGGATTC 120
TTGTCAAGAA GGAAGAGTTG ACCCTGGAGG GTATCCGCCA GTTCTACATC AACGTGGAAC 180
GAGAGGAGTG GAAGCTGGAC AACTATGTN ACTTGATGA AACCTGACC ATCACCAGG 240
CAGTCATCTT CATCAACACC CGGAGGNAGG TGGACTGGCT CACCGAGAAG ATGCATGCTC 300
GAGATTTTAC TGTATCCGCC ATGCATGGAG ATATGGACCA AANGGAACGA GACGTGATTN 360
TNTGGNANTT TCGTTCTNGC TTAGCAGAG TTTTGATTTC CANTGACCTT TTGGNCAGAG 420
GAATTNTTGT TTNGAAGGT TTTTTTTAG TCATCANNCT NTTGTCCTTT CAACTATCAG 480
GGGTN 485
```

配列番号：889

配列の長さ：492

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01013

配列：

```
GATCGCAACG CCAAAGGTGA AGAACCANCT CAAGGAGACC ACTGAGGCAG CCTGCAGATA 60
CGGAGCCTTT GGCCTGCCA TNACCGTGGC CCATGTGGAT GGCCAAACCC ACATGTAATT 120
TGGNTCTAAC CGGATGGAGC TGCTGGCGCA CCTNCTGGNA GANAAGTGGA TGGNCCCTAT 180
ACCTCCAGCC GTGAATGCNA GATTTTAAGA TTGCCCCGAG GAAGCAAACCT TTTCGTATAA 240
AAAAAGCAGG CCATCTGCTT AACCNTTGGN TCCACCATAA GGCCTGGGA CTNGGATTTT 300
TNTATCTGAT AGAGGTATTT NTTGTGGCCC TGGGAGCTGT CTGNTTTTCC CCTACCCCCA 360
```

AGGNTGCCAG GAAGACGTCC ACCATTAGCC ATGTGGNAAC CTTTACTTCT ATGCTTACAA 420  
 GTGCCTTTNA GNGAGCCCCA ATTCTGGTTT TNCCACAAAA TAAACCTAAT GCNNTCAGGG 480  
 AAAACNNTTA AA 492

配列番号 : 890

配列の長さ : 478

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01015

配列 :

GATCTTGCTT CCAGGCAGCA GCTTGAATTC CCGAATCTNC CTGCAAGCNG CATACAAATG 60  
 CAGCGTGAGA ATCCATACAC GTAATCCATA TTCACCTTCC CATCCATCCC GCAGAAGAGG 120  
 CATGGTGACA CCCAGGCTAC TGTCCATGCT TGAGAGGACG TATTTGAAGG TTCTGTTACT 180  
 ACAAGTTGGG AATATTCACG GGCCATGCCT GAATACCCGG NCTGTANCTC ACACNGTGGT 240  
 CTGTGTAAGG GGNTACCCTN GGGGCGGCCCT GGTTTAATCN TGATTAATAT CTGAAAGCNT 300  
 GGGTTNNNTG GGAATGTNA GGGTTTTTCCT AATGCCATTA AATTTTTTTT TAGGCNGTAA 360  
 AAATTAAT NCATTTTNTT ATCCAGCAGG CCTCTTTTAT ACCTTTATNG GGAATCTNC 420  
 CATACTTACT TTCCGGCCAN NTTTTCAATA ATNAAATTA TTTTGGAAN TTTTAAA 478

配列番号 : 891

配列の長さ : 474

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01016

配列 :

GATCTTACAC TCTGCTTTTG TCCAAATAAA ATGCAATAGT ATCAATATCA ATTTCAGAAA 60  
 AATGGACTGA ATATGCTTTT TTGGTGATGA AATCTCATGT ACGATATTTA TAGTGATGTG 120  
 CTTTTATTN CTCATGAGAT ACTAAATATT AATTGTGTTG TACATTTGTN CTTAGCATAT 180  
 ATTAAAGTTT TGAACCAAAT GTGTTAAAGC TTACGCTTTG CCATGTAAAT TTCCCAGAA 240  
 TTGTTGAGCT CAAATGTATC CTACATCCAG CTGTAGAAAT TTGTCAGAAA TTGTTTAAAT 300  
 TTTGTATATA ATTGTACTGT TTAATTCTAG CCATTGCGCT GAACAGTATT TGAGTTACCA 360  
 TATAATATGG CTTTACACAA NGGNAATGTG TGGCTTTTGT TTTGGTATTT TTTCCAGTAT 420  
 AGGAAGTTCC CTGTGGCCTT ATTTAAAATA AAGGTTATTA GGTAAACTG GAAA 474

配列番号 : 892

配列の長さ : 473

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01017

配列 :

GATCACAGCT CACTGCAGGT TCAGCCTTCT GAGTTCAAGC AATCCTTCTG TCTCAGTCTC 60  
 CTCAGTAGCT GGGGCTTTAG GTGGGCACTG CCACACCGTA CTAATTTTNG TATTTTTTGT 120  
 AGAGACGAGG TCCCACCATG TTGCCAGGC TGGTGTCAAA CTCCTGGGCT CAGTCAGTCC 180  
 CCCCATCTCA CCCTCCCCAA GTGCTGGAAT TACAGGCGTG ANTTACTGTG CCCAGCCTTA 240  
 CGGACATCCT TTTGAATTAT CTTTTTCACT CATAGAATAT GAATACATT ATTTAGACTT 300

TTTCTAGAAC TTTCTGTTT TCATGTCTTT GNTTCACCTG GAATTGGGTT TAACACCCTT 360  
 TTATAAAGTT TGTGGTTTGN AAAATTTCCA TTGGGGCCAT CAATACGGAA ATATATTTGG 420  
 TAANATTNGG GGGTTCNATT TTTAATTAA AATGGCAAAT GANNGGCAGG AAA 473

配列番号 : 893

配列の長さ : 473

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01018

配列 :

GATCGGGTTG AGGATTGGGG CTAGCTCGAT NACANTAAGG CCCCAACATC GNGGGACCTG 60  
 CTGTGGCGCG GATTCTTAGG AACGCTGTTT TAGCCGGCCC CCTCTCCAGG GGTCGCCGTG 120  
 GCCGGCATTG TTTCTAGTT CTTCTTGTA CCCTGAGGTG CCAGCGCGGG GAGTGAGGAG 180  
 GGGTCAGGGG GCTAAGGATG CAACCTCTGA CGTTCTGCGC CTTCTAGGA GAGTCTTACA 240  
 TGTNTTGAGA TTTACAAGC AATGCGAGTT GTAAATACC AGCTCTACAN GAAGCTAGGC 300  
 TCTGTGACGG CATAGTTTTT AGTAGCTNTA TCACAATATT CACAATGGAG AATTATATGA 360  
 CATGGTAAGC AGAAATAGGC CCCTTTTAAT GNGNTGCTTC TATTTTACCT CANATTGGTG 420  
 GNTNTAGGNT AATCANTAAA AATCNATCCA NNGCNTTTCA CAACACTNNN AAA 473

配列番号 : 894

配列の長さ : 468

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01019

配列 :

GATCAGGGGG CCAGGCCAGC AGCTCGGGGG CCACAAGGAG ATGGATAATG TGCCTGTTTT 60  
 TTAACACAAC AAAAAAGCCT ACCTCCAAAA TCCCCTTTTT GTTCTTCCTG GACCTGGGCA 120  
 TTCAGCCTCC TGCTCTTAAC TGAATTGGGA GCCTCTGCCA CCTGCCCCGT GTATCCTGGC 180  
 TCTCAGCTCA TGGGGAAGCC ACATAGACAT CCCTTTCTTC CTTGCACGC TCGCTAGCAG 240  
 CTGGTAAGGT CTTACACCCC TGATTCTCA AGTTTTCTGC TTAGTGGCAC TGACATTAAG 300  
 TAGTGGGGGG ACAGTCCATG CCAGGACACC CTGGAGTAGC CTTCCCCCTT GGCCGTGGGG 360  
 CAGGNCCTAA CTCACTGTCG CTTTGGAGTT GAGGGTGTCT TTTCTTNTTC TTTCTTTAGT 420  
 TCCTGTATTG TAAACATTAG TAAAAATAAA TGTTTTTTAC ACAGGAAA 468

配列番号 : 895

配列の長さ : 462

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01020

配列 :

GATCCTGCAG GACTACAAAT CCCTCCAGGA TATCATTGCC ATCCTGGGTA TGGATGAACT 60  
 TTCTGAGGAA GACAAGTTGA CCGTGTCCCG TGCACGAAA ATACAGCGTT TCTTGTCTCA 120  
 GCCATTCCAG GTTGCTGAGG TCTTCACAGG TCATATGGGG AAGCTGGTAC CCCTGAAGGA 180  
 GACCATCAAA GGATTCCAGC AGATTTTGGC AGGTGAATAT GACCATCTCC CAGAACAGGC 240  
 CTTCTATATG GTGGGACCCA TTGAAGAAGC TGTGGCAAAA GCTGATAAGC TGGCTGAAGA 300

GCATTCATCG TGAGGGGTCT TTGTCCTCTG TACTGTCTCT CTCCTTGCCC CTAACCCAAA 360  
 AAGCTTCATT TTTCTGTGTA GGCTGCACAA GAGCCTTGAT TTGAAGATAT ATTCTTTCTG 420  
 ACCAGTATTT AAGGGTTTCC AATAAAATGT ACACCNTCA AA 462

配列番号 : 896

配列の長さ : 462

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01021

配列 :

GATCTAAATC CTCATTTATC TCTNCTATGT CTAGTATTTT ACTGTCACTG GAGGCTCTGT 60  
 GGGCTGTCAT AGTTAATTGA CCATAATTAG CAATATACTT TTAAAGTGGG AAAGCTGAAT 120  
 GACACTNTTT AAGACAATGA ACATTATCAA AACAAAATGT ATAATTNCTT AATTTGAATA 180  
 ATAAATTAGG CGTTTAAATG CTATTTGTAG TCTTGATATA CAGAAATAAA ATAATTAGGG 240  
 TTGGTCTTTT TTATTTTAGG TTGTTTATG TTGAATGTTC TATATCTTAT TAGTTAATTN 300  
 GTATATTTNA TTAGTATTTN GGGAAATAGC ATATCTGAGA CTGAAGGGGA AATTGGCCAA 360  
 TTCACTTATT TGTGGTTTTT TTCCTCAGCT ATTCTGAGCT TATTTATTAA TTGNATGGCC 420  
 TAATGGCTAA CCATTTACAT TAAATGGTT TTTNCCCCA AA 462

配列番号 : 897

配列の長さ : 459

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01023

配列 :

GATCTNCTCT TTCCTCTCCT TTTCCTCATT TATTCCTAAA GGAATCTGAC CATTAAAACG 60  
 NCTCTACGGC CCAAAAAAAG AAAAAATAA AAATTCCTTT TTATTCCTGT CAACTGGATG 120  
 GAAACACAAA TTTCATGGAG CTGTGTACCA TCGAAGAAAC CTGGTGTCTG GCATGAAATT 180  
 ACTGTAAAGA ACTTCCTGTA AAACACGTTT TTTAACAAAC TGAATGAAA AGCATTGGAG 240  
 CGTCTGANTG AAAGACGTGA CCTCCTGCTG GGAATCTGAT GGTCTTCAGC ATTCACCTTC 300  
 GTGTGTCTTC AGTGTCTCAT TGTATCCCT NGCTTCTGGN TTGGNCCTTA GGAGTNGTTT 360  
 GGGATATAAC CTNAAATTGT NGGATGGGTA AANGGAAAT TTNNATGNNG TTTTTTTGGT 420  
 TTTTAAAAAT NATTTTNAAT NCGGGGTCAN TTTTTTAAA 459

配列番号 : 898

配列の長さ : 457

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01024

配列 :

GATCCACCTG AGCGACCTCC GGGAGTACAG GCGCTTTGAG AAGGAGAAGC TCAAGTCCCA 60  
 GTGGAACAAT GATAATCCCC TTTTCAAGAG CGCCACCACG ACGGTCATGA ACCCAAGTT 120  
 TGCTGAGAGT TAGGAGCACT TGGTGAAGAC AAGGCCGTCA GGACCCACCA TGTCTGCCCC 180  
 ATCAGCGGGC CGAGACATGG CTTGCCACAG CTCTTGAGGA TGTCACCAAT TAACCAGAAA 240  
 TCCAGTTATT TTCCACCCTC AAAATGACAG CCATGGCCGG CCGGGTGCTT CTGGGGGCTC 300

GTCGGGGGGA CAGCTNCACT CTGACTGGCA CAGTCTTTGC ATGGGAGACT TGAGGAGGGG 360  
 AGGGGNTTNA GGTGGGTGAG GTTAAGGTGC GTGTTTCCTG GTGCAAGTCA AGACCATCAG 420  
 TCTTATTAAA AGGTGGGTGC CAATTTTTTT TACNAAA 457

配列番号 : 899

配列の長さ : 457

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01025

配列 :

GATCCAGTAT CTTCTCGGC TTTTAGGGA GCAGGAAAAA TGCGTCTNAN AGCAACTTTT 60  
 TTTAAAAACC TGCCCTGTTG TATATAACTG TGTCTGTTTC ACCGNGTGNC CTCCAAGGG 120  
 GGTGGGAAC TGAATAAAC GTTTAAAGGG GCCACGATTT GCCCGAGGGT TACTCCTTTG 180  
 CTCTCACCTT GTATGGATGA GGAGATGAAG CCATTTCTTA TCCTGTAGAT GTGAAGCACT 240  
 TTCAGTTTTC AGCGATGTTG GAATGTAGCA TCAGAACTC GTTCCTTAC ACTCAGTGGC 300  
 GTCTGTGCTT GTCCACATGC GGTGGGCGTC TTGGGACCTT GAATGCCTGC CCTGGTTGTG 360  
 TGGACTCCTT TAATGCCAAT NATTTCTTCA NTTTCTCTG GGACACCNAG GGNTGCCNGT 420  
 TNGACAAAGT TTTGGNGAAC NTCCTAATTT AAAATGN 457

配列番号 : 900

配列の長さ : 454

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01026

配列 :

GATCCGANGA CCACATCAAT GGGCGCGTGC TCTACTATGC CACCTGCAAG TAATGCTACA 60  
 GCTTCCAGCC CGTTGCCCCA CTCATCTGCC GCCTTTGCTT TTGGTTGGGG GCAGATTGGG 120  
 TTGGAATGCT TTCCATCTCC AGGAGACTTT CATGTAGCCT AAAGTACAGC CTGGACCACC 180  
 CCTGGTGTGT AGCTAGTAAG ATTACCCTGA GCTGCAGCTG AGCCTGAGCC AATGGGACAG 240  
 TTACACTTGA CAGACAAAGA TGGTGGAGAT TGGCATGCCA TTGAACTAA GAGCTCTCAA 300  
 GTCAAGGAAG CTGGGCTGGG CAGTATCCCC GCCTTTAGT TCTCCACTGG GGAGGAATCC 360  
 TGGACCAAGC ACAAAAACTT AAAAAAGTG ATGTAAAANT GAAAAGCCAN ATAAAAATCT 420  
 TTGAAAAAGA GCCTTGGAGG TTCAACGGGG GAAA 454

配列番号 : 901

配列の長さ : 453

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01027

配列 :

GATCTTNCTT NTTAAGTGA TAAGACAGTC CCACAGTCCA GCCTAACTAT GGGACAGCTT 60  
 TACGAGAAGG AAAAAGATGA AGATGGATTC TNATATGTGG CCTACAGCGG AGAGAACT 120  
 TTTNNAANCT GAGGGCCATT GCTGGGCTAG GTGCACCGTA ACTGCTTGTG TATCTTGTA 180  
 ATAGCCAGCC ATTTNCAGTT ATTATACCAG AACCTCTTCA CATAGACCTA TTAGTGCATT 240  
 TGTAAGTGGN TTTATTTCTT AATATATTGG AAGGTTGTG TCCTTAGNCT AGTAAATTAT 300



CATACAGNGT TTTATTTTGA GGTTTTCTT NNNTGTGCAT TNTCCTCATG GCCTGTAAAC 360  
 CNCCAGGAAA CCTTTTCCTT CTNGGAAATC ATATTTGAAA TGATAATTCN TATATCCGAN 420  
 GTGAGGNTAG GNNCCGGGTC CTCCAATAA ANN 453

配列番号：902

配列の長さ：452

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01028

配列：

GATCTTAAGT GAAGAAGGAA GACTTGGCCT TTTGTATTGC TTGAATATTA ACTGTCTTGG 60  
 AAGGAAGTTA TGCTACAAGA AGTCATACTT TCATAAAATT ATTTGCATCT GTGTCAAATG 120  
 CAGTTTAGTC AGAACGTAAG ACATAATAGG TGTGGACATG AACTCTGGAG TGTGAAATAA 180  
 AATCCACAGT TACTTAAGCA GTCTGTTTGG ATGGAAAGTA TCTTGGGATA ATACTTTCCT 240  
 CTGTGGGATT TTGTTCAATTT TAGATGGTGC ANGNAGTAT CAGTCTTTAA TTTTTTGT 300  
 GTTGTTTTAA TCANTCATTT GCTCTGATGG TATGATGCAT GGGCTTCAGG ACTCCAGCTG 360  
 CACCACTGTA TAAAACTCAG TTCAGGTTTN CTAGCGGTCN TTGGNTAATT TTCGGGGCNT 420  
 ANCCCGATNC CAATTNTTTT TAATGTGNTA AA 452

配列番号：903

配列の長さ：448

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01029

配列：

GATCAGGGAC CCTCCNGCT TTCCTGGGCC TCTNAGTTGA ACAAAGCAGC AAAACAAAGG 60  
 CAGTTTTATA TGAAAGATTA GAAGCCTGGA ATAATCAGGC TTTNAAATG ATGTAATTCC 120  
 CACTGTAATA GCATAGGGAT TTTGGAAGCA GCTGCTGGTG GCTTGGGACA TCAGTGGGGC 180  
 CAAGGGTTCT CTGTCCCGG TTCAACTGTG ATTTGGCTTT CCCGTGTCTT TCCNGGTGAT 240  
 GCCTTGTTTG GGGTCTGTG GGTTTGGGTG GGAAGGAGGG CCATCTGCCT GANTGTAACC 300  
 NGCTAGCTCT CCGANGCCCT ACGGGCCTGN CTNGTGTGAG CGTGTGGACA GTGGTGGCCG 360  
 GCGCTGTGCC TNCTCGTGT GCCTACANTG TNCNTGGCTG TTGAGGCGCT GCTTCANGCC 420  
 TGCAACNCGT CCNTNGTCTC ANTACAAA 448

配列番号：904

配列の長さ：461

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01030

配列：

GATCGGTTTA CAGATGAGGA AGTGGATGAG CTGTACAGAG AAGCACCTAT TGATAAAAAG 60  
 GGGAAATTTCA ATTACATCGA GTTCACACGC ATCCTGAAAC ATGGAGCCAA AGACAAAGAT 120  
 GACTGAAATA ACTTCAAATT CCAGCCAAAC GTTCCTTGTT GCCACTTTGG GTATTCTGAG 180  
 ATTTTCTCTT GCATGCCCTT AGCTTTACAG CTTTTCATT TCCTGTTGTA TTTATTCTCA 240  
 GCCATTTTGG GCATATGTAT CTTTATAATC AGACTGAAA CGGGACTTTC TATTAATATC 300

ATTTTTCAGA ATAAAAAATA GGGTAATTTA ACCTACCAGC CCTTCTCCCC CAATAACTGT 360  
 GGGCCTATAC AGNGTCAATA TATTTTTTNC AGNGAAAGGT TTATTCGGCT CGATTTTTTT 420  
 CTGGAANTCC ATAATTTAAC CTTTATGGG TTAANTTAA A 461

配列番号 : 905

配列の長さ : 453

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01032

配列 :

GATCAGGGAC CATGAAAAGA AACTGTGCT TCACCGAAGA AAAATATCTA AACATCGAAA 60  
 AACTTAAATA TTATGGAAAA AAAACATTGC AAAATATAAA ATAAATAAAA AAAGGAAAGG 120  
 AAACTTTGAA CCTTATGTAC CGAGCAAATG CCAGGTCTAG CAAACATAAT GCTAGTCCTA 180  
 GATTACTTAT TGATTTAAAA NCAAAAAAAC ACANAAAAAT AGTAAATAT AAANCCAAAT 240  
 TAATGTTTTA TAGACCTGG GAAAAAGAAT TTTGAGCANN GTACAAAAAT TTANCGCATT 300  
 CCTTCTTTA ATTTGTANT TCTTACTGT GGGAAATAGCT CAGAATGTCA GTTCTGTTTT 360  
 ANGTAACAGN NTTGGATAAC TGAGCAGGGN ANCGNAATTT TGGNTTTNTA AAATTCCTTG 420  
 CTTTNANTAN ANNTTCCCTT NNCCCGGTGG AAA 453

配列番号 : 906

配列の長さ : 445

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01033

配列 :

GATCCGATGG AGAAGGGGGG ACCCAGGCCA GCAGGAGACA GGACCCCGA AGCTGAGGCC 60  
 TTGGGATGGA GCAGAAGCCG GAGTGGCGGG GCACGCTGCC GNCTTCCCA TCACGGAGGG 120  
 TCCAGACTGT CCACTCGGGG GTGGAGTGAG ACTGACTGCA AGCCCCACCC TCCTTGAGAC 180  
 TGGAGCTGGC GTNTGCATAC GAGAGACTTG GTTNAACTTG GTTGGTCCTT GTNTGCACCC 240  
 TCGACAAGAC CACACTTTGG GACTTGGGAG CTGGGNTGA AGTTGNTCTG TACCCNTGAA 300  
 CTCCCAGTTT GCGAATTATA GAGACAATCT ATTTTGTTAC TTGCACTGT TATTCGACCA 360  
 CTGAGAGCGA GATNGGGAAG CATAGATATC TATATTTTA ATTCNCTAT NGAGGGCCTN 420  
 GTAAATAAAT TTCTAAAAGC CTAAA 445

配列番号 : 907

配列の長さ : 444

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01034

配列 :

GATCTCAATG AAATTAAATT AATACTATA TCTAGAAAA CTCCAATAT GTGAATATTA 60  
 AGCAACATAC TTATAAAAA TTCATAGTTC ATGGATGAAA TCAAAAGAGA ATTCAAATA 120  
 TTTCAAATA AATTATGATG ATTATATAAN ATGTAGAAAT GTGTGGGATG CCACTACACC 180  
 AGTTCTTAGA GTGAAATGCA CAGCTTTCAA GGCTTCTGTT AAAAGAGTTG GGAATTACAA 240  
 AACAAGGAGC AGCGACTGCC AATGGGTGTG GAGTCTTTT TGGGGTGATG ATGAAATGT 300

TCAAAAATTG ATTTTATTGA TGGTTACACA CGTCTATAAA TATATTTNAN CGGNAGAATT 360  
 ATATGGATAT ATATGTGATA TATGGAGGTA TATCCTCTGT AAAATTCCTA NGGGTTTAAN 420  
 GGAGGATTGG GTATCCACAC CAAA 444

配列番号：908

配列の長さ：440

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01035

配列：

GATCCCAGTG TTGCCTTAAC AGGGTGTCTG TCGTGCCGCA GTAGAGCACT GCTGCTTCCT 60  
 CCAACCCCAA AATTTATGTT CCTAAGTAAG TCAGGTCCCT AAGCCCCGTC CCAAGAAGTG 120  
 ACACAAGTGG CCAACATCCA CACTGTAGGC TTGCAGGCTA CCCGCCCTGA GATTTGGTAA 180  
 AGAACACTGC CTTGTTCCCC ATCAGTAAAC AAGGTTACCT ACCTCAGGAG GCTGCTTGTG 240  
 AGAGAGCAAA TGCAGTATCT TCAGANTGAT TTATTTTTTT ANTAAATTGT AAAGACTTGT 300  
 GCCATTGGCT GCTCTTTCTA GTCCCCTAAN TTTCTGTTCT AGTTTTAANT TTCTCTAGAN 360  
 CTTGCAATNG TTGGGGGGTT TTTATANTGG TGTTTTTNCA ATGNTTTGTT TCNTTANNT 420  
 AAANCCTTAA AAGTTCCAAA 440

配列番号：909

配列の長さ：439

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01036

配列：

GATCGGCGTG GGGGTGCTGC TCATCTTCCT TGTCAAGTAC GACCTTAACA ACCNGGACAA 60  
 GCACGCCAAG CTGGACTTCC TCAACAACCT GGCCACGGGN CTGGTGTTC TCACTCGTGGT 120  
 AGTCAACATC TTCATCACGG CCTTCGGGGT CCAGAAGCCC TTGATGGACA TGGCACCCCA 180  
 GCAGTAGGAC ACCCAGGACC NTGGATGCTG CCTGCCNNTG CAACTCAGCT GCCCGACCCC 240  
 AGGAGTCGCC ATACCTGTNA GGTGTCCACC TCCCTGCACA TGGCACTACC CAGANTGCCA 300  
 GAGCCAGGC TGGNCTCATC TGCACCATGT CCCCAGGACCA GCCCTTGCTC TGANTGCGGG 360  
 CCAAGNACCA NTAGGAGGN CACTNTTGTT TNTNAGCAGN TTTTCCAGG NGGNAGTTN 420  
 NNTTCTGGGA AATTGGGGN 439

配列番号：910

配列の長さ：435

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01037

配列：

GATCCAAGGA CCCACACTTT GTCACCTCAT ATCTCTCTCT CTCTCCCACT TTCGCTTTCT 60  
 CTGTCTCTTC TTAGTTCTGC TTTCTCCAC TGTGCCTTCG CTCTCAGAGA GAGCTCTCCC 120  
 CTGGCAGTGA CAAGATGGCT GCAGCAGCTC CAGCAACCTC AGAGGACTCC CCCATCCAGG 180  
 GTCCTTGTA GTCCTCATC TGTAGGATGT GCAGTAAACA CTCACGTGTC CTTTCCTGAG 240  
 GAGCCCAGTG GCTGGGGTGG GGGCTGAGGG GCAGCCCCTA TGCCCTCACA GTGCAGCAAC 300

CTTGGTTAGC TCACCCATCA GGGCAGACTT GGGCAGAAAT CATGTCTTGG CATATTGTTT 360  
 TGTAATCTGC TTTTAAATT GTCACATAT ATTATGAGCA TTTCCCTATA ATATACAATA 420  
 TTCTTCCACA TTAAA 435

配列番号：911

配列の長さ：433

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01038

配列：

GATCATATGA AAAAGTAACA AGCTGTTCCN TGTTTCTGAT ACATAAAATN ATTTTAAGCA 60  
 TTTTATCAAT CATTAAAATT TACTGCCAGT TGTGAGTGGC TTTTAATTA ACTTGCTTTT 120  
 CATTGCACCT CACTCTGCCT GTTTTCAAGG GGAGTAAGAT TGGTAACATT TGGGGAGACT 180  
 GTATCTGTCT ACTTAGCGTG GCTGTTTTGA GGGACTGTCC CATCAGTGAA CAACTGCAT 240  
 GGCCTTGGAG AGAGACTCTG GGCTCTTGGC TCAGATGTGT TCATCAAATA CTCCTTTCAG 300  
 AGCTGTTGTG GGTGTAAGTG ACATGATGTG GCCAAAAAAT CCAACTGTG CAGTTGCGNT 360  
 TGTGACAACC ATGCAATGTG NCTGTAAAAA TTNANTNCA GTTTAAATTN ANATNNTTTA 420  
 TATTNNGTGG AAA 433

配列番号：912

配列の長さ：431

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01039

配列：

GATCTTCTTA ATTCGAAAGC TGTGTTCTTT TTGAATACCG TGCATGGGGG TTAAGCTGAT 60  
 GTTAAACAG TTTGCAATAA AAAAAATGA ATNAGCTTAA GTCATTTAAT CATTTCAGT 120  
 GCATTCTGCA TCCTTTAAAA ATAAGTTTAA GAAATTTAAG AGAATTGTGT TTTCATTAAG 180  
 TTTTGCATAT CTTTGTAT GCCATGTAAA TNCCTTTN CGTATGATTA AAGGAAGGTT 240  
 ATGATAAAAT GATTAGTTCA TTTACATTCA CTTGTAGCAA TTACATGAGA ATTTGAATTT 300  
 NGTCGTGTTT GGGTTGTNC ATTCCTGTGA ATGATGGTNC AGTTAGGTGA GATTNCTGT 360  
 TATGGNACCC CAACTACCA TTTGGNCCTC TTAAATCTTT GGGGGTTCC AATAAAATT 420  
 GGTCACTNAA A 431

配列番号：913

配列の長さ：431

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01040

配列：

GATCCAAANT TTAAGGGATA TTGCCTATTT TGGAAGAATA AACTAAAAT GTTAAACTG 60  
 TTGAATTACA GAGAACAGAT GTACTCTGAG ACATAATTTT AAACAAATAT TTTAAATANG 120  
 GCAGGTAAAC ATTTGCGTTT AGGCACAATA AATCTGTATT AAAGGGAAGC ACATCAAGGA 180  
 AATATATACA TGTTGANTAA TGTAACNAA AAATATTTT TAAAANCCAC TTTAAATGA 240  
 NAAATAATTT GATGGGTACT TTAAGCATTG TAGATAGAAA TTAATGTATA ATAGTGTCTT 300

CCCNGTCTTT GTATGAAAAN TTAAAANCTC TCTAGTCCTT TAATGAGCAT GANTTTTATA 360  
 CTTCTACATT TTGTTGCCTA GGNAAAATTN TCCTCNNGTA CCTTTGAGGT NATTCGGAT 420  
 TTTATGGTTT N 431

配列番号：914  
 配列の長さ：430  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS01041

配列：  
 GATCTATAGA GAGAGATATA TACACTTTTG ATTGTTTTCT AGATGTCTAC CAATAAATGC 60  
 AATTTGTGAC CTGTATTAAT GATTTAAAGT GGGGAACTA GATTAAAATA TTTGTTTTTT 120  
 AACTAGTTTA TTAGTTTCTN TGGAATCTGC CTGTGTCCCT GGGTTTGGGT TTTGCTCTTG 180  
 GCAGCAGCAG GTGCCTCTTG GGTGCTCCTC CTGCTCCTGC CTGCAGCCCT AAGAGCAGGT 240  
 GGGTGCCGAG TGTCTGGCAC AGCTTGATG CCGCCCACTG AAGACAGCAG AGGGGGGTTG 300  
 TNTTGAAGCT CCCNGACAC AGTCAAGCAT CTTCTGAGNC TTCGATGTCT TCGGNAAGTA 360  
 AAAATGGGGN TTTAGTAAAA CCCTGCCCCN GTTNTCACA GGGGGTTNTT TTGCAAGNNA 420  
 AANTGATAAA 430

配列番号：915  
 配列の長さ：428  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS01042

配列：  
 GATCAGATTC TAATTTGACA GGCAACCAGT CAATGAAACA GACACACCTG CACAGTTGGA 60  
 AATGGAGGAT GAAGATACAA TTGATGTGTT TCAGCANCAG ACAAGAAGTG TCTACTGNAA 120  
 AAGGANCTTG CTTCTTTACT CTAGAACTTT GTTCTTATAG ACCAAGATTA CATTCTCAAT 180  
 TAGAAAACTG CAATTTGGTT CCACCACATC ATGACTATTA CTATAGTATA GTTTTCTCTA 240  
 TTCTTTTATT TTTCCCTTTA CCCATTCCCT TATTTGTACA TAAAATAATG GGTGTATGTT 300  
 CACAAGCATT TTGCTGGTTT TNAAATATTA ANTGGCCAAT GACATCCACT TGATGTCANT 360  
 CAANACNATA TCTGTGGGGG NAAANTACCG NTTCTTGAA ATTNCTCTCC NNTTTTCCA 420  
 TNAGTGGN 428

配列番号：916  
 配列の長さ：428  
 配列の型：核酸  
 トポロジー：直鎖状  
 クローン名：HUMGS01043

配列：  
 GATCGCCAGG TTCTACAAGC TGCACGAGCG GAGGTNTGAG CCCATTGCCA TGACAGTNCC 60  
 TCGAAAGTCG GACCTGTTCC AGGAGGACCT GTACCCACCC ACCGCAGGGC CCGACCNNTC 120  
 CCTCACGGCT GAGGAGTGGC TGGGGGGTCG GGATGCTGGG CCCCTCCTCA TCTCCCTCAA 180  
 GGATGGCTAC GTACCCCAA AGAGCCGGGA GCTGAGGGTC AACCGGGGCC TGGACACCGG 240  
 GCGCAGGAGG GCAGCACCAG AGGCCANTNG CACTCCCAGC TCGGATGCCG TGTNTCGGCT 300

NNGAGGAGGA GATGCGGGAA GTTCCAGGCC ACGGTGCAGG ANCTCCAGAA GNGTTNGGA 360  
 CAAGGNTTGG AGGAGACAAG TCCAAGNCA AGTAGNAGCC CCTGAAGGN TTNCAATCAN 420  
 GGTTTCAN 428

配列番号 : 917

配列の長さ : 424

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01044

配列 :

GATCCAATAT TCAATTCATT TGTGTACTCC CACATGCAAA ATGCTAAATT ACAATGCAGA 60  
 CATTAAGAAA AAGTATTGAC TGGAGGGGTT GAATTCCTTG AGAATTTATT TTATAGTCTA 120  
 AATCACAAAT ACTTTACTCA ATTTAGTTTT TAAAATAGTA AACTGAATAT TTTTGTGTGA 180  
 AGCCTATCAG AGTCAATCCT TCGTTTGGA TTTTTCCT GTTTNCCTT ACTATAAATC 240  
 ATTTAAAAAC TGAATTCATT TTCTTAGATG GCATAAGTCT GTCTCTTGAG AAATAAGTAA 300  
 AATACTCCTA TTTTCAGTAT CTGTAGCACC TGAAATAGGT CTTGTATAG CCAGAANCAA 360  
 GTTATGNTTG AAGTTAGCTT TTCITTGTCA CCAGTTTGG NCAATAAAAA TCTGAANGTT 420  
 TAAA 424

配列番号 : 918

配列の長さ : 422

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01045

配列 :

GATCAACATA ATGGACCACT CCTGAATGAG ACTTAATTTT GTCTTTCAAA TTTACTGTCT 60  
 TAAATCAGTT TATTAAATCT GAATTTTAAA ACATGCTGTT TATGACACAA TGACACATTT 120  
 GTNGCACCAA TTAAGTGTTG AAAAATATCT TTGCATCATA GAACAGAAAT ATATAAAANT 180  
 ATATGTNGAA TGTTAACAGG TATTTTCACA GGTTTGTTC TGTATAGTTA CTCAGACACT 240  
 AGGGAAAGGT AAATACANGT GANCAAAATA NGCAACTAAA TGAGNCCTAA TAATTGGCCT 300  
 TCGATTTTAN ATATTNGTTC TTATAAACCT TGTCAATAAA AATAAATCTA AATCAAAAAA 360  
 AANTTGGTTC CACCTNTGCA GGTTTTTATA ANTGGTGCCA ATTAAAGGTT TTTGTTTTTA 420  
 AA 422

配列番号 : 919

配列の長さ : 422

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01046

配列 :

GATCCTTACT AAGTNTTTC TGGGAGACTT CCTTCATCAC ATCTTATGTT GAAATCACTT 60  
 TCTGTAGTCA AAGTATACCA AAACCAATTT ATCTGAACTA AATTCTAAAG TATGGTTATA 120  
 CAAACCATAT ACATCTGGTT ACCAAACATA AATGCTGAAC ATTCCATATT ATTATAGTTA 180  
 ATGTCTTAAT CCAGCTTGCA AGTGAATGGA AAAAACNNC AAGCTTCAA CTAGGTATTC 240  
 TGGGAATGAT GTAATGCTCT GAATTTAGTA TGATATAANG AAAACTTTTT TGTGCTAAAA 300

ATACTTTTAA AAATCAATTT CNTTGATTGT AGGTAATTTT TATTTGCACT GGGCCTTTCA 360  
 ACTCCAGAAA CATTCTGANG GTGGTACTTG GGGTTTAANT TAAAAAGGTC CACTTTGGTA 420  
 AA 422

配列番号：920

配列の長さ：410

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01047

配列：

GATCGCTGTT TCCAGAACGG GGAGGAGTAT CTCATTGTGA AACAGACTCT AGAGTGGTTC 60  
 TATTTGGTCT TCAGTGTTTT AGCCTCATTG GTTCATATTT GGCATGCAGC TTGTGGTGAG 120  
 TACTGTTCTA GGACTGGCCA AAAATGGGCA AAATGTATCA CTCCAAACAC TACTGATTCA 180  
 GCATTGTTTT CATGTCTTAA AATTGCCACC TGCACCTTGT TTCTGCACTA TTATGTAGTG 240  
 CATTTTAACT TAAATTTTTT CCAGCAACAT GTTACTTATT TANGATACAT TACTGATATT 300  
 TCATTATAAT TANGTTCATC TTCCCTGTGA AACAAGAGAA TTGTAAATG TTGTGGGAAA 360  
 ATGATACATA TGTGGGATGC TAATGNAAAT CATAGGTATT TTTGTGTAAA 410

配列番号：921

配列の長さ：409

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01048

配列：

GATCACANTT GANCTGGCAG CGGGATGGCG AGGACCAAAC TCAGGACACC GAGCTTGTGG 60  
 AGACCAGACC AGCAGGAGAT AGAACCTTCC AGAAGTGGGC AGCTGTGGTG GTGCCTTCTG 120  
 GAGAAGAGCA GNGATACACA TGNCATGTAC AGCANGAGGG GCTGCCAAAG CCCCTCACCC 180  
 TGAGATGGGA GCCATCTTCC CAATCCNCCN CCCCATCGT GGGCATTGTT GCTGGCCTGG 240  
 NTGTCCTAGC AGTTGTGGTC ATCGGAGCTG TGGTCGCTGC TGTAATGTGT AGGAGGAAGA 300  
 GCTCAGGTGG AAAAGGAGGG AGCTACTCTN AGGCTGCGTG CAGCGACAGT NCCCAGGGCT 360  
 CTTAATGTGT CTTNACAGN TTGAAANGCC TGAGACAGCT TGTTTTGTN 409

配列番号：922

配列の長さ：407

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01049

配列：

GATCCAGGCT GTCATGTGAT TTATGGTGGC ATGTGTTGTG TATTTGTTGG CTACTGTGT 60  
 CTTGAAATCT AGAATTATTT CACGCAGAAT TGTCACGTGT TGTCAGGAAG AGAAATGGG 120  
 CTAGTGGAAG CCCAGTCTTG AGTTCTTGTC TTGTTACCAT TTAATTTGA CATTAAATTT 180  
 TCAATCACT GTTGGTGCCT AATCACTNAA GTTATTAATT TATTCTGTG TATTCTTTTT 240  
 TTTNAAATNG TAACATATTT ATCCGGTGGG TGGGACAGGA GTGTGTTCAA GTGGGTCATG 300  
 TTTTNCCTGT GGTGACACAT GGTACAGGCT TGGAGCTTGC AGGTCCCTTT CTACTGTGGT 360  
 TTTGGAGCAG GNCAATTAAG GTCCACTANG AAATNCACCN CTTTAAA 407

配列番号 : 923

配列の長さ : 411

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01051

配列 :

```
GATCCAGGTT CCTCCAGAAA TAAGATATAC AGATTACTTT GTNATTGTAA GTGGAAGTTC 60
TACCCGACAC TTACATGCCA TGGCCTTCTA CGTTGTGAAA ATGTACAAAC ACCTGAAATG 120
TAAACGTGAC CCTCATGTTA AGATAGAAGG GAAGGACACT GATGACTGGC TGTGCGTGGA 180
TTTTGGCAGC ATGGTGATTC ATTTGATGCT TCCAGAAACC ANAGAAATCT ATGAATTAGA 240
GAAATTATGG ACCCTACGTT CTTATGATGA CCAGTTAGCT CAGATAGCAC CTGAGACAGT 300
ACCTGAAGAC TTTCATTCTT GGAATAGAAG GTGATACTTN ATCTGTNACT NCANTGGGNG 360
TAAAAATGTG GATTAAATTN TTTTANTGCA NTGNNGTTAG TCATTTTCAA A 411
```

配列番号 : 924

配列の長さ : 109

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01052

配列 :

```
GATCAGAGCN TATNTTATGA TTGTTGATAA CTAACCAAAG TAGNTGCCTG CAGAGACTTT 60
AAAAATGAAA ATAAAGATGT ATGCTGCCTG TCAGCTATTC TCATTTAAA 109
```

配列番号 : 925

配列の長さ : 405

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01053

配列 :

```
GATCCGAGGC TGGGAAGAAG GGGTTGCCCA GATGAGTGTG GGTCAGAGAG CCAAAGTAC 60
TATATCTCCA GATTATGCCT ATGGTGCCAC TGGGCACCCA GGCATCATCC CACCACATGC 120
CACTCTCGTN TTCGATGTGG AGCTTCTAAA ACTGGAATGA CAGGAATGGC CTCCTCCCTT 180
AGCTCCCTGT TCTTGGGTAA GGAAATGGAA TACTGAAGGG CCCTTCACTG CCTTTGCTCC 240
TCCCATGTTA TGCCAGCGT TTGATGGGTA GCAGAGAGGA CANANATCAC CACATGGCTA 300
TTTTTCCCNC TGAATNCTGT CTNGNATTGN GTACCTNTCA AGTGTTATTA GTGNATGCTT 360
TNGAAATGAA AAATTTGGGC NACCTTATGG GNAGGGNGTN GGAAA 405
```

配列番号 : 926

配列の長さ : 405

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01054

配列 :

```
GATCTTAAGC AGTAATCTGT CAGTGTTTGT ATTTGTATTC TCTGCAATTT TACTGTGAAA 60
```



AAAAATTTGT TTTCAACAAT TGGTGTCAAT TTCTTGATGT CACTATTTGT NGGAGAGTTA 120  
 AATGGTCTCT NCCCTTTGTG TATCTTACCT AGTGTTTACT CCTGGGCACC CTTAATCTTC 180  
 AGAGGTGCTA AATTGTCTGC CATTACACCA GAAGGATGCC TCTGATAGGA GGACAACCAT 240  
 GCAAATTGTG AAATAGTCCT GANGTTCTTG GATTACTTTA CACCTCAGTA TTGATTTGTC 300  
 CCAGAATTTN CTGGCCTTNC ATGGCANTGA AANTNTTNGG GGGAAAGATT TAANGTATTT 360  
 NANTTTTAAN GAGTGTGTTA TAANNATANT TGTACTGNNT NCTNN 405

配列番号：927

配列の長さ：404

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01055

配列：

GATCTATGTT ACATTTACCA CACTGAAGTT TTTTTGTGTT TTTTTGTTT GTTTTAAAG 60  
 AATCACCTC ATTGTTGAAA GTAAATGTAC TCTTAGGGTG CGAATATTAG TGTCCAATA 120  
 AGCATGTGAT TATATTAAGG TGGTGGTAGC GGAAGATAA TTCTGATTCC ATTGGGAATC 180  
 TTAGGTTTTT GTAAATTTAT TGGGAAAATA GTTTTTCCTG TACTGCTGAA GTTTCTTTTT 240  
 GGTAAACAGT ATCTTTCTAA AAGAAAAAG CATGAAGGA GAAATTGAGG TGTGTATACA 300  
 TTTCTCAAA TGACCAGCAT TGTATTCGTG AATACTGTGT ATCTTGCAGT GAACAGTGTG 360  
 GAAGCTGTTT ATTTTCAAT CTGAAGTAAA ATACTTCAA GAAA 404

配列番号：928

配列の長さ：399

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01057

配列：

GATCANGTGT AAATGTGACC TTGTACAGTT TACTAAAATT ACTGATATTT TTCACTACAT 60  
 TGAGACAGTT ACTGTGAGAA TAGGACACAA ACACCAGCTA TTGCCTGCAT CTGGGAAATT 120  
 GCTGAATCGC ACAGCAGTCA TGTCATAATC AGAAAATTAC TGCCAAATAA TTGTAAAATT 180  
 TGTAAGTAT AAAGTATATA AAGTAGATAC TAAATACAGN CACTTCANTA TTTTGTGAA 240  
 GCTATTGACT GTACANTTAG ACATTTTCAN ANGGGTGTAA TTTATTTANN GTTGTCTCAT 300  
 TTTGGTAAAA TTTATGTGAA CTTTAAAGC TAANTATTAA NCCTTAATAT GCTATGTAAA 360  
 TTTTTCCNT NTATACCATT TNCTGGTGGT NTTTTTTN 399

配列番号：929

配列の長さ：397

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01061

配列：

GATCTGCAGA AGGTATCTGG TGATGCAGAG ACTCTTTCCC CGCATCCNTC ACATGAAAGA 60  
 CCCCATCGGT GACAGCTTCC AAAACGACAA GCTGGTGGTC TGGGAGGCGG GCAAAGCCGG 120  
 CCTGGAGGAG TGTCTGGTGA CTGAAGTACA GGTCTGTCAG AAACTTGAG ACTGGGGTTC 180  
 AGGGCTTGTG GGGGTCTGCC TCAATCTCCC TGGCCGGGCC AGGCGCCTGC ACAGACTGGC 240

TGCTGGACCT GCGCACGAGC CCAGGAATGG ACATTCTTAA TGGGTGGTGG GCATGGGAGA 300  
 TGCCTGTTTA ATTCGTCCG AAGCTGCCAA GGAAGAAGAC CAGAACTTG TGTGTTTATT 360  
 TCATGATAAA GTGATTTTTT TTTTTTTTNA ACCTAAA 397

配列番号 : 930

配列の長さ : 402

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01062

配列 :

GATCCCCAAC AATGTCAAGA CAGCCGTCTG TGACATCCCA CCTCGTGGCC TCAAGATGGC 60  
 AGTCACCTTC ATTGGCAATA GCACAGCCAT CCAGGAGCTC TTCAAGCGCA TCTCGGAGCA 120  
 GTTCACTGCC ATGTTCCGCC GGAAGGCTTC CTCCACTGGT ACACAGGCCA GGGCATGGAC 180  
 GAGATGGAGT TCACCGAGGC TGAGAGCAAC ATGAACGACC TCGTCTCTGA GTATCAGCAG 240  
 TACCAGGATG CCACCGCAGA AGAGGAGGAG GATTCGGTG AGGAGGCCGA AGAGGAGGCC 300  
 TAAGGCAGAG CCCCCATCAC CTCAGGCTTC TCAGTCCCT TAGCCGTCTT ACTTCAACTG 360  
 CCCCTTTNCT NGTCCNTCAA GAATTTNGTG TTTTGCTTGC CN 402

配列番号 : 931

配列の長さ : 396

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01063

配列 :

GATCTGCCGA CCTTGCTATA GATGCCATGT TACCAATGAT TTCCTGTGGT GGGGGCTTGC 60  
 CATTNTTTAC TCTCTTATTT ACCAACTTCT GGCCTAGGCA TGACAGTGGG CACCTTCCCC 120  
 CAGCCCTGGN TGGGCCCAGC GCCTNTTTTC TGTGTTAGAA AGGTTTTATA TATATATAAA 180  
 ATTACATATA TATGTAGAAA TATATGTAAT NTTGGGGGCC CTGTTCTTGC CACATTTTAC 240  
 AGTTACCTCA TTTTNNCCCA TGTATGTATT TGAGAAAATG CTAATATATA GNGAAAAAAA 300  
 TGGGTTCTTA AAGCTNAAAT GTGNGGTTTT TNCCATTCCA GGGGNTCACA TTNGGTTTGN 360  
 GGCATNGACN ATACCTNGTA TGTCGNNNTA TAAANN 396

配列番号 : 932

配列の長さ : 394

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01064

配列 :

GATCCGTGGA TTTTGGTGC AATCCCTT TTATTTCTTG TCTGAAGAAA GCCTACTGCC 60  
 TTCTGTGGG ACCAAAGAGG CCATAGTGCC CATGGAGGTT TGGACTTAAG AGATATTCAT 120  
 TGGCAGCTCA AAGACTTCCA CCCTGGAGAC CACTGTCAC ACAGTGACTT CCTGGGGATG 180  
 TCATAGCCAA AGCCAGGCCT GACGCATTCT CGTATCCAAC CCAAGGACCT TTTGGAATGA 240  
 CTGGGGAGGN CIGCAGTCAC ATTGATGTAA GGCTGTAAA CATCAGCAAG NCTTTATAAT 300  
 TCCTTNTGCC TAANTGTAA AANGGGGGNC TGCATTCTTG TTGGAAGNAT GNACTNTNTT 360  
 TNNGGAAAAC CACATTTTAA AAANTTCCCG TAAA 394

配列番号：933

配列の長さ：393

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01065

配列：

```
GATCCACAGG CTTTGTACT CAACGCTGAC AACAAACCCTA AGAGGTAGGT ATCATTATAT 60
CAACCATTTT ATGAATAAGA AAACAACAGC ACAGAGAGAT GCAGTCACTT GCCCAAGGTC 120
ACACAGGGCC AGGGGTGGG CCAGGATTCG AAGCAGGCAG GCTGTCTCCT GGGTCTGAAC 180
TCTCAACTAC TACACCCTAA TCAAACAATC CCTCTGGTCA AATGTGAGTG ATAATAATAG 240
TACCCACCTC GTGGGTGTG AGGGTGAGCC CAAGTTAGCA TTCAGCGTGG GCATGTGAAC 300
AATTATAGTC AATATTGANT GGAGACCTAT GATGCTTTTA TGAAGGTTTC TATTTGGGT 360
TAAAAAATGC ATAAATTC TCCTGACCAG AAA 393
```

配列番号：934

配列の長さ：393

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01066

配列：

```
GATCACCTTA AGTGAAATNA TTTNCCTTTA ATCTTNTATG TATTTATTCA CTTTGGAAG 60
CTAGGAATGA GCAACACAAA TTTTACTCTG AAGTCAGAAG AGCTCATATA TAATANTTCT 120
AATGTCCAC CTATTTTCAC TTGTCCATTC CATGTACCAG CTTAGTTATG ATANNNGTC 180
ACATAATTAT CTTTGATAAA GGTAGAGGCA CAAAGAGGCA AACTAAGCAA GTCAAATTCT 240
AATGTGTGTA CTTCATAATA ATTTTATATC CATTTCATC TTTATATTCT GTAACATGAA 300
NCTTACCTAA TCTTCAAATG TTAGCTTCCA TTTTTACCT TTGAAATACT TAAATCTTTC 360
TGGANTAAAT ATAATGGGGC CTNTAAAANT AAA 393
```

配列番号：935

配列の長さ：392

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01067

配列：

```
GATCCTGTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCANTCA AATTCATGG TTTTAATTTT 60
NAACTCAGAA GCACTCAAAA ATGCAAAATG TGATAATGGG CACTTGTTTA AAAGANTTAG 120
TGTATCCAGC CTTCACTCCA GCTGGTTAAA AATGTTGCAC TTATCAGCAA CCNNACCACT 180
TTCATCTGCT GAAAGGNCAA ATGTGCTTGG TTTTACTATT ATGTAATCAC AACTTTCTTT 240
TNTGCTTGTA GTTGCTTAAA ATTATGTATT TGGTCTNGGG CTGCAATTTG GTTTNATGCT 300
NTATNTGATT ATTACNGCAG TAGGTTGCCT NTCNGTATG GGAAAAATAA AGTGGAATNG 360
CCCAATTAA ACCNCCTCTN TCTTAAGGTA AA 392
```

配列番号：936

配列の長さ：391

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01068

配列：

```
GATCAGGCAG CCTCCTGATG CCAGANCACC TCAGGCAGAG CCTACTCAGC TGTACCTGTN 60
TGCCTGGACT GTCCCTGTG CCCGCATCTC CCCTGGGACC AGCTGGAGGG CCACATGCAC 120
ACACAGCCTA GCTGCCCCCA GGGAGCTCTG CTGCCCTTGC TGGCCCTGCC CTTCACACAG 180
GTGAGAAGGG TCCTGTCCAC CAGCACACTC AGTCTNTTC CCTGCAGTGT TTCATTTNAT 240
TTTAGCAAAN ATTTTGCCCTG TTNNTGTTNA AACATGATAG TTGATATGAG CTGAACCCCT 300
GGGTTNGGNG GGAATTGGTC AGAGTGGCAA CCTGGGACTG TGAGCCCTGT TCGGNACAGN 360
NTATGGATAT GAAANTCTG NCCNNNGCNA N 391
```

配列番号：937

配列の長さ：390

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01069

配列：

```
GATCTTTCCC AAGATTGTAA CTGAAACTG CTGTCTCTTG TTTNTTCGT TTTGGGGGTG 60
GTGGTGCTGG CTGGGCCATG CTTGTAAAGT GATGTGTGTC TCTGATTAA CGGATTCACT 120
GTTTTCTCTG CTAATTGAGA GAGCGTTATT TACATTATTT ATTTGTTTG ACACAAGTNC 180
TTTCAGTGT TTATCCTAGC TAATGGCTTC TTAAAGGTAA TAAACCCCT CCAACGTAAT 240
TGGTCAAGATA AAACTTTTT CTTGTATGC TTAAATAAAG CAATTAGTGA AGCACTTCTA 300
TCCAAATGA CTTTTTGTG CTTTTTAAA ACCAATTAC TGTTACTGGA AACTTTGTAC 360
AATAAAGCAA ATCAGCAGA TTAANGGAAA 390
```

配列番号：938

配列の長さ：389

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01070

配列：

```
GATCAGAGGG AAAGAATGAC CAACCNNGCA ATAAGTGAC TAACTCTAC GCTCTGGTTA 60
ATGTAATGTA CTCTCCTGGA CTGAATGCAG TGTATAATTN CTGTCTACAG CTAGAAGCTG 120
TGCCCCAGTT CCACATTGTA TTACACATGT NAGATTTGCT GCTGTTGCAG TATAAACACT 180
AGGTATAATA GGATTGAAA TTGCATTACA GTTCATAAAA NTNGAAAATG AGGAATTAAA 240
CCNGCAAGTG AACATTGAA CGNTTATNCT NTCTACATAA GACATGGTTG GGACATCAGT 300
ACTNACAAGA TGGTTTANGT ATGGTACTAG NGNANTTAAG NTTCTTTCT CTCTGGTTTA 360
TNGATNGGGT TATTTCCATT ATGTATTNN 389
```

配列番号：939

配列の長さ：390

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01071

配列：

```
GATCTCACGC TGCCTCTGTG GTTCCCTCCC TCATTTTTC TGGACGTGAT AGCTCTGCCT 60
ATTNCAGGAC AATAATGGCT ATTCTAAACG CTAAGGAAAA AAAACAAACA CAGAACTGTT 120
TCAAGTACTC AAGACTGACT TACAGACCAA CCAACCACCT TGCTGGAACC CTTGCTAGCA 180
GGCATTCTTA TAAAAGAAAC TTTCGAGCCT CTTATATTG CTGGAACTC AGCTGTGCTC 240
CAGACTAGAG CCTCCTTACC TATGCTATGG ATTTTAAATT TATTTTCTCT TATTTTCATGT 300
ACACTGCTTT TTTTGGTTAC AGTGTATGAT GGATGTGTAT GAAAAAATG TATCTTTGGG 360
GAACCAATTA CAGTTTTGTT AATTTGAAAA 390
```

配列番号：940

配列の長さ：543

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01072

配列：

```
GATCCACACA CGTTGGTCTT TTAACCGTGC TGAGCAGAAA ACAAACAGG TTAAGAAGAG 60
CCGGGTGGCA GCTGACAGAG GAAGCCGCTC AAATACCTTC ACAATAAATA GTGGCAATAT 120
ATATATAGTT TAAGAAGGCT CTCCATTGG CATCGTTTAA TTTATATGTN ATGTTCTAAG 180
CACAGCTCTC TTCTCCTATT TTCATCCTGC AAGCAACTCA AAATATTTAA AATAAAGTTT 240
ACATTGTAGT TATTTTCAAA TCTTTGCTTG ATAAGTATTA AGAAATATTG GACTTGCTGC 300
CGTAATTTAA AGCTCTGTTG ATTTTGTTTC TGTTTGGATT TTTGGGGGAG GGGAGCACTG 360
TNGTTTATGC TGAATATGA AGTCTGAGNC CTTCCGGTGC TGGGGACCAC ACANGNGTTN 420
GTTGNAAAGT TTGACCAAGN AGNCCTGCGC ATNNNCTCTG GATGCCTNTG GTATCCATTC 480
TTNGANGCAA TCCGCTCGGG NCCCGTGGGC CCAATAAANC NGGTATTTNT CCCAANGGGG 540
AAA 543
```

配列番号：941

配列の長さ：132

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01073

配列：

```
GATCTCAAGA TTTCTAAATT GTCAAGATT ACATGGCATT GTGGTGGAAC TAGTTAACAC 60
TTAGAGCTTT TGGTATGTAA TAACTATTTG CTATGGACTG ATTAAATGTT TCAAAAGATT 120
GTGTTCTTCA AA 132
```

配列番号：942

配列の長さ：387

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01074

配列：

```
GATCAGCACT AAGTCCTGCA TTCCTGTAA AGCCACTTGG GTCATAAGAA GGGAGTAAAA 60
AATGAAGTCT GACTAGNAAC CTATTGCAGA GGCCAAGTAC ATTTAGTATG GCATTGAGTT 120
GTGATATAGT TTTACTTTGA TGTGCATTTT GAATTCAGC TACACCTAGA TAGACGTAAA 180
```

ATGATAATTA AAATGCTGTA ACCAACTTAT CTAATAAAAT TGGCAACCAG CCACTATTTT 240  
 GTTGACTATG AGAAAGTTAA AAGTTTATGT TAATTTTNG GGTCTGATAG AATATTTTAT 300  
 GTGTATTACA GTGGTATTCA TATGCTATGT CTCTAAACTT TATTTTCAAA AGCTTANGGC 360  
 CCANATACAA NCTTCTCTGG GNNTAAA 387

配列番号 : 943

配列の長さ : 386

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01075

配列 :

GATCAGANAA AAAGTCCATA TGGACTGTGG ATACCTATCT AAAAGAAGAA AACTGATGGC 60  
 TAAGTTTGCA TGAAACTGC ACTTTATTGC AAGTNAGTGT TTCTAGCATT ATCCCATCCC 120  
 TTTGAGCCAT TCAGGGGTAC TTGTGCATTT AAAAACCAC AAAAAAGAT GTAAATACTT 180  
 AACACTCAAA TATTAACATT TTAGGTTTCT CTTGCAGATA TGAGAGATAG CACAGATGGA 240  
 CCAAAGGTTA TGCACAGGTG GGAGTCTTTT GTATATAGTT GTAAATATTG TCTTGGTTAT 300  
 GTAAAANTGG AATTTTTTAG ACACAGTAAT TGAAGTGTAT TCCTGTTTTG TATATTTAAT 360  
 AAATTTCTTG GTTTCATTG TTAAAA 386

配列番号 : 944

配列の長さ : 383

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01076

配列 :

GATCTTCTAG CTACCATNCA TTTTCTTAC TGTTCACAAA AGATGAGTGT GAAATTCAGT 60  
 GAATGCTGTT ACTAATCCTG TTACGAGATG AATCTCATTT CACCAAAATT AAATTATGTT 120  
 TTTCCGCTAA AATGATGATA CAAGTTGAAG ACACATCACT CTGAAATTGG AAGACCTCAC 180  
 CACTTAAGGC TCCACAGTGG CTTACTCAGC TGAAGTCTAG GTTACTACTC TTTACTTTGT 240  
 TCACCCATTG GGGGGTGCAG TTTTTTAAA ATGTTGGGAG ATGGCCATTC TAACTACTGT 300  
 TGAATGTCTC TGTTTTGGGA AGGTATAACA NGAANTAAAA ANGNNTATAT ATGANGGGAG 360  
 AGNCTGGTTA TCTCCTCCCC AAA 383

配列番号 : 945

配列の長さ : 382

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01077

配列 :

GATCTCTCCA TGTACCCTGC AGGGGGCTTG GTACTGTGAA ATNAGTAACT TAATCCTGAC 60  
 AACCGTAGTG CAAGGTATGG CCCATCTCCT GTACGCTTGG AGCGACCTTT GGCTACGTGG 120  
 CTGGCCTTGT TATTTACCA CTCTGGATAT ACTGGAATAG AAAGCAACTT ACATACAAGA 180  
 ACAATTAAGT GGAGCAAAGG GAGATATTTT TTTGTGCAGA TTCTGTAAGG GCTGGGCAGA 240  
 AATGTGTATG GTCAAAGCCA AGCAGTTCCA TTTACAGCTC TGTTTTTTAC GTAGTTACAA 300  
 CATGATGTGA TTGTAGCTTT TTAAGTATG AAACCCCTGA GAGATTGTAC CTTCTAGTT 360

GAAATAAAGT ATTTATAATA AA

382

配列番号 : 946

配列の長さ : 381

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01078

配列 :

```
GATCCGAACA CCTCCAGATT CCGGCTTCTA CATGGNNCAG ACGGGGACGC ACAGGCCACC 60
TTCCTTCTGG CAGGGACTCT TATTTATTCC CATTGCTCTA GGGCTTTCNN TTTCCCNTTC 120
TTCCGGTAGG CCGCGTAGAG GCATGCACCG GGTAGGTTTC CGCGGTGACC CCGCGGCGGC 180
CTGAGGGACG CTCCCTGCCC CATCCCGGCT GTTGGGCTGG GCCGCTTTCG CTCTGCTTCG 240
NCCTGTGCTG TGTTCTCCAG CTTTGTAGCA GCAGCTTGAC AAACCCAGGC GCACTGTACC 300
AAGGCAATGT AACTTTTNAT TTTCGGTCAA TTAAAGTTCT TTTGTCACC AAATATTAAT 360
AAACCAGTTT TGGACTTNAA A                                     381
```

配列番号 : 947

配列の長さ : 380

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01079

配列 :

```
GATCTGAGTC CAGAGTTGGC CACTTTGTGT GGGTCCTCAC AAGCAAAGAG AGCACTAAAC 60
TTGACATTGG GGGTCCACCA CTCCAACCTT NCTTCTGAA GGTTTTGGTG TACATTGAGC 120
CCCAGAAGGA AAGGAGAGTA TCTGTGAGTG GGGGCCTCCC TTGACCCAG TACGAAGTCT 180
ATGCCCTGAA TCCCCAGAGT AGCCCTTCCT GGTGCCCAAC TGGCCTGGGG ACAANCAGCG 240
TCCACTACAT CTAGGCTGCC GGCTAAGTGG CACACTTCTT GACCTCCTAC CAGGACTTTG 300
GTAAAAGCTA GCTTTGGGGA GGGGTGGGTT AAATATGAGA GGTGGAGGNG CCANTGGTAG 360
AATAACATGG GTAGACTAAA                                     380
```

配列番号 : 948

配列の長さ : 380

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01080

配列 :

```
GATCTGCATC AGTTGTAAAG GGGGAATTGGT ATATTCACAG ACTGTAGACT TTCAGCAGCA 60
ATCTCAGAAG CTTACAAATA GATTTCCATG AAGATATTN NNNNCAGAAT TAAACTGCC 120
CTTAATTTTA ATATACCTTT CAATCGGCCA CTGGCCATTT TTTTCTAAGT ATTCAATTAA 180
GTGGGAATTT TCTGGAAGAT GGTGAGCTAT GAAGTAATAG AGTTTGCTTA ATCATTGTA 240
ATTCAAACAT GCTATATTTT TAAAAATCAA TGTGAAAACA TAGACTTATT TTAAATTGT 300
ACCAATCACA AGAAAATAAT GGCAATAATT ATCAAACCTT TAAAAATAGN TGCTCATATT 360
TTTAAAAATA AGGTTTTTAAA                                     380
```

配列番号 : 949

配列の長さ : 399

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01081

配列 :

```
GATCAAAGCA TGCAATAAGC AATACAAAAT ACCAAGCCTT ATACTTAAAA GAAGTTTAAC 60
ATATTGGTTA ATATACTGGT TAATATACTG GTTAAACATA TTGAATGTAT ATAAGTGGCA 120
AAACTAGATT TTTAAGGAAG TGTACATTAT AATATTGGAG CTCAGTACTG CATGANGAGA 180
CTTCATTAATA ACTAAGAAAN CATTATTATT GGGAGAAATT TTAGGCATTT AAGANCTTGT 240
ATTTTCTAT TTTAAAAAGT TAAATTATTC CGTAATTTGG ANGGAAGTTT CGTTGAATGT 300
AGGCCATAAC CGTTTGANGG GTTTTCCTTT GGANAACCTG GTGTNTTTNG GTGCCCTTAN 360
TATTTTGGTC CTTTAAATAA AAATGCNCCT GNATTTTCN 399
```

配列番号 : 950

配列の長さ : 379

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01082

配列 :

```
GATCAGGCCC TGGGCCCCC TGCATCTTTT ATAGCAGTGG GTGTCCAGTC CAGGACACTG 60
GTGCTTTTTT ATACAAGAGA ACGAGCCAGA GTTCACTCCT TCCTCCTGGC TCTCTATATA 120
CCTGTGAATA TGTGAAATAG TGTAAATATG AAAGAACTTG TACCTATCAC TTCAACCCCT 180
GCCTTGTAACA TAATACTATT CCATCCACAC AGTTTCCACC CTCACCTGCC CCNTCATACG 240
GAGTTGGATG GGGGCCGAGT NAGGTAACCA GGTGGCATCT ACCNNATGTT TTATAAGGAA 300
TTTTGTACAG TCTTNGTGAA ATAAAATAAC GTGCTTCATT TGNAAAAATN NNGTTNNNTT 360
TNTNTTNNNT NGNGGGTTN 379
```

配列番号 : 951

配列の長さ : 376

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01083

配列 :

```
GATCTAGTAG AACTAAGGG ATGGGAAAAA CCTTTTCATT TTTCATCTNC TTTCCAACAA 60
TATGAATTTT TTAGTTTTCA AACTATACTC AGGAAAGCTG GGCTTTAGGA TTAAACATGT 120
AGTGATGAGT TCTGTGTGTA TTTTAATATT TNACTCAGGA TTCCTATTAA TTGAAAAAAA 180
TTTTTAACCT TTTTATTATA AATCTTTTTT TCAGGGAGGN GATATCACCA AACATGATGG 240
AACAGGCGGA CAGTCCATTT ATGGAGACAA ATTTGANGAT GAAAAATTTG ATGTGAACAT 300
ACTGGTCCTG GTTACTATC CATGGCCANT CAAGGCCAGG ATTACCAATA ATTCNTCATT 360
TTTGTATAC CACTGN 376
```

配列番号 : 952

配列の長さ : 375

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状



クローン名 : HUMGS01084

配列 :

```
GATCAAGCCA CCACGTGCCC TACGATGGCC TAACAGGAGT GCCCATTGGC AGATTACACA 60
TGTAATATG ACCTCAGACA AAAAGGAACC AGAGGCCCAA GGGCAATAAT AAGGTGGAAT 120
TTNCAGGTCA GCCCAGGAAT TGGCAGAGGA AGTAGGTGTC TGATAACCCT TTGTGGAGAA 180
TGAGATTCCC CCCACCTGTG TGAGAAAAAT AAACAGCTCT GGAGTCTTGT NCCTGACTCC 240
AGAGGAACGA GAGCATTCCA GGAAAGAGAG ATTCCCTGGA AAATTGAAAA TGTGAATCCT 300
AGGGGGAAAT TGGGGATTGT NTCTTTCCT GTTGAAAATG TTTNGNTGGG AATAAATATC 360
TTCAGGAACC ATAAA 375
```

配列番号 : 953

配列の長さ : 374

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01085

配列 :

```
GATCTTCTNC ACACACCCCA TCACCCAGAT AATTTACAGT TCTGTTAACA GTGAGGTTGA 60
TAAAGTATTA CTGATAAAAA ATTATCTAAG GAAAAAACA GAAAATTATT TGGTGTGGCC 120
ATCTTACCTG CTTATGTCTC CTACACAAAG CTAATATTC TAGCAGTGAT GTAATGAAAA 180
ATTACATCTT ACTGTTGATA TATGTATGCN CTGGTACACA GATGTCATTT TNGTTGGTCA 240
CAGCACTACA GTGAAATACA CAAAAATGA AATTCATATA ATGACTTAAA TGTATTATAT 300
GTTAGANTTG ACAACATAAA CTA CTGTNGC TTNGAAATGA TGTATGCTTC AGTAAATCA 360
TATTCAAATN TAAA 374
```

配列番号 : 954

配列の長さ : 376

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01086

配列 :

```
GATCAAAGCA AAGAGCGCCT TTCCATGTAT CTCATGAAAG CTGACCTGAT GCCTTTCCTG 60
TATTGGAATA TNATGCTAAG GGGTTACTGG GGAGGACCAG CGTTTCTNCG CAAGTTGTTT 120
CATCTAGGNA TGAGTTAAGN ATGGCTCAGC ACTTGCTCAT CTTGGATGGC TTCTGGGCCA 180
AAACTGCAGT CACTGAATGA CCAAGAGCAG CACGAAGGAC TTGGAACCTA TCCTTGTAATA 240
GAGTTCCTTG ATGGGTAATG GTGACCAAAT GCCTCCCTTT TCAGTACCTT TGAACAGCAA 300
CCATGTGGGC TACTCATGAT GGGCTTGATT CTTGGAAT ANTAAATTGA AATANTACTT 360
TTNTTTTCTG AATAAA 376
```

配列番号 : 955

配列の長さ : 371

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01087

配列 :

```
GATCAGAACC TCCAAATACT GCCATGAGAA ACTAGAGGGC AGGTCTTCAT AAAAGCCCTT 60
```

TGAACCCCCT TCCTGCCCTG TGTTAGGAGA TAGGGATATT GGGCCCTCAC TGCAGCTGCC 120  
 AGCACTTGGT CAGTCACTCT CAGCCATAGC ACTTTGTTCA CTGTCCTGTG TCAGAGCACT 180  
 GAGCTCCACC CTTTTCTGAG AGTTATTACA GCCAGAAAGT GTGGGCTGAA GATGGTTGGT 240  
 TTCATGTTTT TGTATTATGT ATCTTTTTGT ATGGTAAAGA CTATATTNG TACTTAACCA 300  
 GATATATTTT TACCCAGAT GGGGATATTC TTTGTAAAA ATGAAATNA NAGGTTTTTT 360  
 NAANTGGNAA A 371

配列番号 : 956

配列の長さ : 368

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01088

配列 :

GATCTGGGGA GGGCTAGCCC AAAACCTCCC GCATCGGGCA GGCACCCCCT GAAGTACTTC 60  
 CTTACAGGGT TCCCTTTGT NAGGGTGTG AGTAGCCTCA CCGGCCTGTN TGGAGGAGCA 120  
 GCTGGCTCTG CTCTGAGAAA CTCTGGCAAG TGGACGCCAT TCTNTTGGCC TTAGGATTCA 180  
 CTGCTCTCTC CTACAGCCGC CAGNCCTGGG GTCCTGAAAG ACCTTGGGTG GTAAAGCTGT 240  
 ACTTGGTGGG AGTNAGGGCG TGGGGAGGAA CCATGCAAAT CGCCTTCCAT GGGTTTTTAA 300  
 NTGCAGTAAA TAACATTTCT GGATGAGACT NGTTTCCAAA NTAAACCNG CTATTATCTG 360  
 TTTTGAAA 368

配列番号 : 957

配列の長さ : 369

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01089

配列 :

GATCCGAGCT CTGGAGCGTG GATACCGGAT GTCTCGCCA GAGAACTGCC CAGAGGAGCT 60  
 CTACAACATC ATGATGCGCT GCTGGAAAA CCGTCCGGAG GAGCGGCCGA CCTTCGAATA 120  
 CATCCAGAGT GTGCTGGATG ACTTCTACAC GGCCACAGAG AGCCAGTACC AACAGCAGCC 180  
 ATGATAGGGA GGACCAGGGC AGGGCCAGGG GGTGCCAGG TGGTGGCTGC AAGGTGGCTC 240  
 CAGCACCATN CGCCAGGGCC CACAACNCGN TTTNCTACTT TCCNAGACAA CNACCNTCGG 300  
 TTTCAGGCCA CAGTTTTCTT CATCTGTCCA GTTGGGGTAG GTTTGGGACT TGGNAAAATN 360  
 TTTTTTTN 369

配列番号 : 958

配列の長さ : 366

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01090

配列 :

GATCGAGCCA CTGCACTCCT GGGGCAACAG AGCAAGACTT CGTCTCAAAA TAAATAAATA 60  
 AATAAAGTGG CTCTTGGGGA AAAGCAATTT AATGTACCAC GATGAATAGC TAACTGTTCC 120  
 CAAGTGTTTG CTATGTGCAA CACACCGCGT GAGAGTGTTA CCTGCATTAT TACATTAGGC 180  
 TGAGAGGTAA AATAATTTGC CCGAAGACAT ACAGCTAGTG ACGAATGGAC TGATGGTTTG 240

AACTTAACGT CTATTTGACT TAAGGTCCTG CACCCTGCCA CTTGTAATTT TCAGANTCAC 300  
 TGATAATCTG AAATAATGCA GCTTAAACCA TGTTCCTTA ATTAAGTA TAATTGGATG 360  
 GTGAAA 366

配列番号 : 959

配列の長さ : 364

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01091

配列 :

GATCCTGAAG GTGAAATGAA ACCAGGAAGA AAAGGTATTT CTTTAAATCC AGAACAATGG 60  
 AGCCAGCTGA AGGAACAGAT TTCTGACATT GATGATGCAG TAAGAAAAT GTAAAATTCG 120  
 AGCCATATAA ATAAACCTG TACTGNTCTA GTTGTCTTT TCTGTCTTT TACATTGGCT 180  
 TTTGTTTTCT AAATGTTCTC CAAGCTATTG TATGTTTGA TTGCAGAAGA ATTTGTAAGA 240  
 TGAATACTTN CCTTAAATGT GCATTATTAA AAATATTGAG TGAAGCTAAT TGTCAACTTT 300  
 ATTAAGGATT ACTTTGTCTG CCCACCACCT AGTGTAATAA AAANTCAAGT AATACANTCT 360  
 TAAA 364

配列番号 : 960

配列の長さ : 364

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01092

配列 :

GATCTGGGGC CGNCCTTACG GGGCAGGGCT CAGTCCTGAC GCTTGCCACC TGCTCCTACC 60  
 CGGCCAGGAT GGCTGAGGGC GGAGTCTATT TTACGCGTCG CCCAATGACA GGACCTGGAA 120  
 TGTACTGGCT GGGGTAGGCC TCANTNAGTC GGCCGGTCAG GGCCCGCAGC CTCGCCCCAT 180  
 CCACTCCGGT GCCTCCATTT AGCTGGCCAA TCAGCCCAGG AGGGGCAGGT TNCCCGGGGC 240  
 CGGCGCTAGG NTTTGCCTA ATGTTCTTNT CCCNGCGGGT GGGNGCGGGG AAATTCATAT 300  
 CCCCTGTTTC GTNTNATGTT GTGTCNNCG NCCCCAATT TAAAAAGGNA ATTTNAAAAAN 360  
 GGTN 364

配列番号 : 961

配列の長さ : 362

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01093

配列 :

GATCGAGGGG CGGGGGTCAG CTATGCAGCC CATCACGTGT GTTTTTCATC TGGGATGAAA 60  
 AAGCCTGGTT CTCTTTTGAA ATGCTTGATT GTACTTATTG AGCTAAACAA GNCTTGGTGA 120  
 CTNTTGTGTA TTTGCCTCAA AAGTTTAAAG TCCTGGGTTT TCAGACTACT GTGTAGCAGC 180  
 TGTGTGTTTA ACATACTGTA GCTTTTCTC CCTTGGGGGC ACATACAAAT AGGATGTGTT 240  
 GATGTGGACT CTAAACTGTA ATTTTCCTGT AACTATTTTG GAATGATGCA TATTTCTAAT 300  
 GTTTGTTATA CTTGTACAGA GTATTTGCTG TTGGTTGCTT TTTTTTTT TN TCCANNGGGA 360  
 AA 362

配列番号 : 962

配列の長さ : 360

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01094

配列 :

```
GATCCAGGCC AAGGCACTGG CTGTNAGTGG CAGAGTTTGG CTGTAACCTT TGCCCCTAAC 60
ACGAGGAACT CGTTTNAAGG GGGCAGCGTA GATTGTNTNA TTTGCCACCT GGATGAAGGC 120
AGACATCAAC ATGGGTCAGC ACGTTNAGTT ACGGGAGTGG GAAATTACAT GAGGCCTGGN 180
CCTCTNCTTT CCAAGCTGT GCGTTCTGGA CCAGCTACTG ANTTATTAAT CTCACCTAGC 240
GAAAGTNACG GATGAGCAGT AAGTAAGTAA GTNTGGGGNT TTAAACTTGA GGGGTTCCCT 300
CCTGACTAGC CTNTNTTACA GGANTTGTGG NAATATTAAN TGCAAATTTA CAACTGCAAA 360
```

配列番号 : 963

配列の長さ : 358

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01095

配列 :

```
GATCCAATTT GTAGCTTCCT GCCTGGCTTC AGAGAGCCCA GCAACCTTCT AGGCCTGCTT 60
TCCAGACTTC TGAGATAGCC TGGGATGAGC AATCCTGTTA TAGTACATCT GGACCTTCCC 120
TACCTGGGCT CTGGGGAGGC TGTGGGCCTG GAGAGGGAAA AGGAGGGAGG GGGTGTCTGC 180
ACCACCTGGG AAGATAGCAC AAGGCCTAAT GAGGTCACCC TGACTCCCCA CCCCAGCATT 240
TCATTCATAC CAGATAATAG CTGCATTACT GCCANCTGAC CTTATAACCC TCTGCACCTT 300
CAAAAAGGTT CATGGTTTTT AATTGCTGCT TTTTAATAAC ATTTTGTTNA AGNTTAAA 358
```

配列番号 : 964

配列の長さ : 195

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01096

配列 :

```
GATCGGCCCT ACTAAGATGC AGAGACCCCG NCAGAGCTNG CATTGACTAC CAGATTTATT 60
TTTNAACCA GAAAATNTTT TAAATTTATA ATTCCATATT TATAATGTTG GCCACAACAT 120
TATGATTATT CCTTGCTGT ACTTTAGTAT TTTNACCAT TTGTGAAGAA ACATTAAAC 180
AAGTTAAATG GTAAA 195
```

配列番号 : 965

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01097

配列 :

```
GATCCAAGAC TGGCTGACTT CATTTGAAAT GGTGAATCT GCTGTGTAAT AAAGTGGTTC 60
```

AACCATGATT AGGAACTGAA ATTTAGTAGA AGAGGGAAAA GGAGTTAATG TAACAAATTA 120  
 TTTTAGCTAC AAACCCCGGT AATAGAGCAC TTGGGGGATG GGATGGGGTG GGTTGGTGAG 180  
 ACAATCAGAA TGGTAAATTG ATTAAATGCT CCTAACCTG TAATTTTGTG CATAGAGCAC 240  
 CCTATGCTGT GGAAATAACT GTTCTTAGAT TTCATTGTAA CTGGACTGTT CAGGTTGCCC 300  
 AGAGGGAAAG ACCATTCTA ATTCTAATAA AATAACCTTT TATTTTGTTA TTCAA 356

配列番号 : 966

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01098

配列 :

GATCTCCACC ACCATCTCCC CTCTACTTCT CATTCCCTAA CTCTCTGCTG AATATGGGGT 60  
 TGGTGTCTC ATCTAATCAA TACCTACAAG TCATCATAAT TCAGCTCTTG AGAGCATNCT 120  
 GCTCTNCTTT AGATGGCTGT AAATCTATTG GCCATCTGGG CTTACAGCT TGAGTTAACC 180  
 TTGCTTTTCC GGGAAACAAA TGATGTCATG TCAGCTCCGN CCCTTGAACA TGACCGTGGC 240  
 CCCAAATTG CTATTCCTGT GCATTTTGTG TGTTCCTCA CTTATCTGT TCTCTGAAGA 300  
 TGTTCGTGA CCAGTTTGT GNTTCTTAA AATAAAATGC AGNGACATGT TTAA 356

配列番号 : 967

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01099

配列 :

GATCTTCAC AAAACATCTA GCCATCTAAA ATGGAGAGAT GAATCATTCT ACCTATACAA 60  
 ACAAGCTAGC TATTAGAGGG TGGTTGGGGT ATGCTACTCA TAAGATTCA GGGTGTCTTC 120  
 CAACTGAAAT CTCAATGTTT TCAGTACGAA AAACCTGAAA TCACATGCCT ATGTAAGGAA 180  
 AGTGCTATTC ACCCAGTAAA CCCAAAAAG CAAATGGATA ATGCTGGCCA TTTGCCTTN 240  
 CTGACATTTT CTTGGGAATC TGCAAGAACC TCCCCTTTCC CTTCCCCAN TAGGNCCATT 300  
 TAAGTGTGTG TTAAACANCT ACAGNATACT ANNTAANAAG TTTGGCCAAN NCCAAA 356

配列番号 : 968

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01100

配列 :

GATCAGATTT TTGGGTCATG TCTGTTGTAT TTTCAGTAAT GTGATTTCAG ATGGTCATCT 60  
 GGATTCTCCC ACTTCTCTAC TCCATTATTT CTCTACTTTT CCTTCCAGCA NACCTGANNC 120  
 GTGAGGGAGA TGGATTAATG TGAGTAACAG GAATGTGTCT TAAAAAGCT AGAGTGGTTA 180  
 CATTTAATCA GGCAGTAAGA TAATTTGGGT TCTTGAGTTG TTTTGGNGTA ATATCCCACA 240  
 ACTGGGGTAG GAAGCTCAGG ACTTTTTTNT TTAAAGCTAG TCATTTCAAA AGCATATTGT 300  
 ATTTTTTTGA NTGACTACAG TATGCCCAAN TTCAANANCC AAANCCCNCT TTGGGN 356

配列番号 : 969

配列の長さ : 356

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01101

配列 :

```
GATCCAACAA TTTTNAAGAG CTCTCTCTTA ATCTCTGACA TAATGAGTCT GAAACAAAGA 60
AAAGTTACCT TACCGTGTCT TACTTCCTT TCTTCTGGGC TGTGAACTCA AGTGCCTTGA 120
GGGCCAGCTA AGAGCTTTTT GGGATATTG TCTAACTTAA TTGAACTGTT ACTGAAAGAT 180
AAATTAACAA AATGGTTCAG AGTTTTGGAT TAAGACCTTT GTAACCTAAT GACCGTCAGC 240
ACAGGAGCTT CGGTTTCCTT CTCTGTAAAA CAGGGCTCCT CATTCCAATT CCACCTATCC 300
TGTAGCCTTG TGGGAATAAA AGGAGGCACC ACGTGGAGGT GCTTGGCAGG NTGAAA 356
```

配列番号 : 970

配列の長さ : 355

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01102

配列 :

```
GATCATANAA NGGCCATCTG GGCCAGCTN GTGTACAGCG AGGGNGGGCA GCCCCCTCCA 60
CTCCACTCTG CTTCCACAAA GTCGGCTCCC GAGAGCTCGA GGCTGCTTCT TTTTATATGT 120
GCAGGGCCCG GCGGGTGAA GGGTCAGAGA GACGGACACA AGGAGCCGGC AGGAGNGCGG 180
ANCGAGGATG TCCTTTCCCG GGAGACAAGT CGGGAAAGCC TGGCTGGACT GCCTCAGCCC 240
CGNGTGANTC CTGGNCTNAA GGNTTCCCCG TCCTGAGCTC GGGAGATNTT CAGAGTCACA 300
CTGNCNCCT GTCTTGCCAC GGAGAGGTCA ACTTGCCACC GGNAGTNCNT GGTAN 355
```

配列番号 : 971

配列の長さ : 355

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01103

配列 :

```
GATCCAAACA ATATCTTCAA GGCATTCTTT GGCGGTCCTG GCGGCTTCAN CTTTGANGCA 60
TCTGGTCCAG GGAATTNNTT TTTNCAATT GGCTAATGAA GGGCAACCAC CCAGAACCCA 120
GAAATNCAG ATTCACTCAG TTTAATCTTG AATGTGGAAA CAGTTCACCT CCTCCCTTCA 180
TCACGTCTCC GTGTGCTTAG AGCAGTTTCG TTTTCTCAGT TGGATGCCCT GTGTCTCTGT 240
GAGTGGGGTG GAGCAAAGGG AACCAATGCC GAAGACCGAG GGCAGGGGAG GGGAGGCGGG 300
GGTNGGACAG NGAGGCAGCT TGTGAATTTT TGTTTTACTG TTAACTTTA TTAAA 355
```

配列番号 : 972

配列の長さ : 352

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01104

配列 :

GATCNTAGGC TGGGGCCAAC TGGAAACCATT GGCAGCTGCA CGCTCATTAC TACCTCCGC 60  
 TCCTGCGCTC TGCCACTGTC CGGAAATTCA TGGTTGGCTA CGAAATGCTT GCTCAGGCTC 120  
 AGAGGGACCT CACCCCTGAG CAGGCTGCAG AGAGACTAAG GGCACCTCCT GAGGTTTCATT 180  
 ACCACCTGGG GCAGAAGGAC AGGGAGACAG CAACCATCGC CTGACCACGC CGACCACAGG 240  
 GCCTTGAATC CTTTTTGT TTCAACAGTC TTGCTGAATT AAGCAGAAAG GGCCTTGAAT 300  
 CCTGGCCTGG AATTTGGGCA GATATAGCAT TAATAAACT GTGCATCTCA AA 352

配列番号：973

配列の長さ：358

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01105

配列：

GATCAAGGGG GTTGGGAGGG GGGAAAGAGA CCAGCCTTGG TCCCTAAGCC TCCACNNAAC 60  
 GTCTTCTTAA TCCNCACCTT TTCTTACTCC CAAAAAAGAA TGAACACCCC TGACTCTGGA 120  
 GTGGTGTATA CTGCCACATC AGTGTTTGAG TCAGTCCCCA GAGGAGAGGG GAACCCCTCT 180  
 CCATCTTTTT TGCAACATCT CATTTCTNCC TTTTGCTGTT GCTTCCNCN TCACACACTT 240  
 GGTTTGTTC TATCCTACAT TTGAGATTTC TAATTTTATG TTGAACCTGC TGCTTTTNTT 300  
 TCATATTNGA AAAGATGACA TCGGCCCAA GNGCCAAAA NTAAATGGG ANTTGAAA 358

配列番号：974

配列の長さ：354

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01106

配列：

GATCTTAGGC AAAATACCAG NTGATGAAGG CATCTGATGC CTTTCATCTGT TCAGTCATCT 60  
 CCAAAAACAG TAAAAATAAC CACTTTTTGT TGGGCAATAT GAAATTNTTA AAGGAGTAGA 120  
 ATACCAAATG ATAGAAACAG ACTGCCTGAA TTGAGAATTT TGATTTCTTA AAGTGTGTTT 180  
 CTTTCTAAAT TGCTGTTTCT TAATTTGATT AATTTAATTC ATGTATTATG ATTAAATCTG 240  
 AGGCAGATGA GCTTACAAGT ATTGAAATAA TTAATAATTA ATCACAATG TGAAGGTTAT 300  
 GCATGATNGT AAAAAATACA AACATTCTAA ATTAAGGCT TTTGCAACCA CAAA 354

配列番号：975

配列の長さ：351

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01107

配列：

GATCAGAGCT TGAACACAGG CTTATTTTTA AAANNANAAA TATTTTTAAC ATGGGTTTCC 60  
 TTATTGAAAA ATCAGTGTAT TAGTCATAAA ACACCATCAT TAAGAATAAT TGAACAATAA 120  
 AGTTTGCTTT CAGATGCAGT TTTCAAATTA TAATCTCATT TCAATTTATA ACGTTCTCAG 180  
 TCCTTTGTTA TAATTTTCTT TTTTCATGTA AGTTTAATTA TCTGCATTTA TCTTTTTTCC 240  
 TAGTTTTTCT AATACTAATG TTATTTCTTA AAATTCAGTG AGATATAGGG NTAAAATAAT 300  
 GCTTTGAGGA GNATGTTTAA TAGGAAATTA AAATAACTTT TTCTGGCCAA A 351

配列番号 : 976

配列の長さ : 420

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01108

配列 :

```
GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTNA CTGINTACAT 60
CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA AGAATAGAAC CTGTACCCAG 120
TTCTTCAGGC TGATTTCCCT GACCTCTTGG GCATTTGTAT TTGTAGTAAA GTATTGCAGA 180
GATTCTAAG TTTTTATAG CAGCCATCAA ATTTGGACTT TGTATTGTTT ATTCATAAAA 240
GACACTTGGT AATAGACTTC AGTGAACCTCT GTATGAATGC AGTAGTGTGC GTGCAAAATC 300
CGCTTCCTGA GCGTAGGGTG CTGAGCTGGC GCTAGGGCTC GGTGTGTGAA ATACAGCGTA 360
GGTCAGCCCT TCGCTNAGT GTAGAAACCC ACGGTCTTTA AGGTCGGGC CTTGGTCCAN 420
```

配列番号 : 977

配列の長さ : 349

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01109

配列 :

```
GATCCTCATG TACTCAGAGG CACTTCCCTC CTAAGTCAA GACCATCCTC ACTGACTATG 60
TGCCAACGCC TCGTTTCAGG CTTGTNACTC AACAAAGGGC TTTTCCATTG ATAGAAGCAG 120
TTTGGGATTT GTAGTTGCGA CTTCTTCGAT AGTTACCTGC ACGTCCATTG CTGGCAACTG 180
ACTGTGCATT AAAACCTGGC TCTTTGGTTA AGGGAGCTAC GCTGTGGTTT ATTCTTAAGT 240
TACGTGGATA AACTAACCTC TAACAGAAAT ATACTTTGGT TAATTTTGAA ATGTGTCATT 300
TTTAAACAAT CTTAAAAGTA ATACAGAATT GTGATTTATT AATTTTAAA 349
```

配列番号 : 978

配列の長さ : 349

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01110

配列 :

```
GATCAGAGTG GGTAAAGCTG ACCAGGAACA CCCATTAAAC CCCTTTNCT TTTTGCTTTC 60
ATTTTATAA AGGAAAAGAG GACCTGTCAG ATAGGCAGCC CCATGCTACG TGATTCTTTA 120
TGTTGTGTTG TTTTGTGTTG TAAATTGTAT AATTTTAAA TATCTGAGTT TAAAAAAAAG 180
AAAAAGTAC AAAAAATCT TGTTATGGCC TTAAGAAGGG NNTAGTGCAT CTTTCAGGGG 240
TCACTCTGCC ATGGGGATAA AATAGCTGTT TCACAAACAG TTTTATTTAA AAAANCAANN 300
ACCANNAAN ANTCAAAATN TCATGNAANN TTTTNAACCT TCATTTTNN 349
```

配列番号 : 979

配列の長さ : 345

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状



クローン名：HUMGS01111

配列：

```
GATCACGTGG GTGTCAGTAT CTTTAAACGGC CTTTATTCTT GGTGTGNA GA 60
TATGCCCCACT CACCCTCGAC GAATCTGCCC GCTTTGGGCT GTGGTGCCTG TGTATCTTTG 120
CCCGTCTGGT CTCCAGTTGG TGGAATNACC TTTTGTGTAC TGCCACTTCT CAGCATCTTT 180
NAAATTTGAC ATAATGTTGC TTCATTTTCA TTTTAAAGT TCTGTAATTT GTTGATTGTA 240
TTTAACTATG TNAGTTCTGT TGTNATGTTT ACTGTATTGT AAAGCACCTC ATTCATGTNA 300
TGAGTGCTCT ATAAATCAAT AAATGATGAC TTAGAGGGCT GTAAA 345
```

配列番号：980

配列の長さ：344

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01112

配列：

```
GATCTGCTTG GNGTTTTCTN CCCCCACCC CAAACTTCTG TCGAGGAGCA AGGCTTGCCA 60
GCAAGTCAGA AGGATTTGAA CCGAGCAGCC AATCTTTCCA GCCCTCCCNT ACCGACCTCT 120
GTCTGGAGAC GCAGCAGCCT GTGTCTCCA GGGCCTCTGG TTTGTNGTAT TATAGTATAT 180
TTNGCTGTGG AAAATGTCAC GTTAGTCAC CTTGGAGCCA CTCACCTGGT CCTGTTGTTT 240
TANCCCATCC CTTCTNTNGN GGGCTATTGA TTTNTTCTNA GGAGAGTACA NCGTCACTAT 300
TGTAGNGTAA CCCTGTACTC AATATTACCA TAGNNGGNTG NCGN 344
```

配列番号：981

配列の長さ：357

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01115

配列：

```
GATCAGAAAC CAACCATGAA TGAACCCCTG GCTCCTTCAC CACCCCCACG ATTGGTATGA 60
TGCTGCCGGC ACAGNTGGGA TACACACGGC TCCCCAGGC CTGAGCTGCT TCACTAGGGA 120
ATCCTGCCAC CACCCTGTCT TCCTCTGCAA GTGCTCAGGG AAATGGCCTT NCCGCCGGAG 180
NCATNCTATC TGNCTGACAG GCTGTGACTC TTCTCTCAAC CTTGGCCTTC TCCCCTCTTC 240
TGAGCTAGTT GGTGGAATNN NNGTTAATGC TTAAGATTG TTTTCTCTT TTCACAGCAA 300
CATTTTCTTG AATTTTTTTC TGCACAGCTT TTCCAAAATA AAAACCTTCC AAACAAA 357
```

配列番号：982

配列の長さ：340

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01116

配列：

```
GATCAGAAAT AAGATTGACT TGGGTGTTAT ATTTATCTC TCTCCAGACT CTAGGTATAT 60
TTCCAACCTT ATATATCACA GTATTTAAAA AGACATGTTT GCATTGAGAA ATTAACCTTA 120
AAGGGTTTTT AATAGGGTGT AGACCTCCAG TACCTTTGTA ACTAAAGTCT GTCTAGTCAT 180
NGTAAATATT TATCTGTCAG TTTTGACAGA TTGGGGCCAG CTTGATGTTT TAAATCTTCA 240
```

CCCCGGTATG AAAACTTAAA GGTATATATT CANTTTTTTA CCATTTTATG GAAAATATTT 300  
AAAATCTGTT TTTACAGGGT TTTTTTTTTT TTTTTTTTNN 340

配列番号 : 983

配列の長さ : 340

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01117

配列 :

GATCTGGTTC GGCTGCTGTC GGATGAGGAC GTAGCGCTCA TGGTGCGGCA GGCTCGTGGC 60  
CTCCCCTCCC AGAAGCGCCT CTCCCCTGG AAGCTGCACA TCACGCAGAA GGACAACTAC 120  
AGGGTCTACA ACACGATGCC ATGAGCTGAC GGTGTCCCTG GAGCAGTGAG GGGACACCAG 180  
CAAAAACCTT CAGCTCTCAG AGGAGATTGG GACCAGGAAA ACCTGGGAGG ATGGGCAGAC 240  
TTCCTGTNTT TGAGGCTAAT GGACCCGTGG GGCTTGTAAT CTGTCTCTTT CTACTATTTA 300  
CATCTGATTT AAATAAACCA TTCCATCTGA AAGGGGCAAA 340

配列番号 : 984

配列の長さ : 339

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01118

配列 :

GATCTATGTA TTATTAGAAA AATGAAGTAT TTCTGACATG GAACAAAGAA AGTGGAAGCT 60  
GGTACTTAAT GGGGGAAGCA AAATTAGCTG GGAATAAAC GGACATGTTT TGTTTTGTGA 120  
ATTCTACCTA AATGTCTCTC TATCCACAGA GAACTAGTA TTAAGTGAAG ATGTGAAAGT 180  
TCCTGTGGTA GCCATACCTT GAAGCACAGT GTTTGTACAT AAGTAAATAT CTTGATTCTA 240  
AATTAAATCC AGATTTATCT AATATATATN ATTTNATATC TTTGTGTAT TAAANTGGTT 300  
TAATANTCAC TANAANTANN ACATTTTGNA TGTGGGAAA 339

配列番号 : 985

配列の長さ : 339

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01119

配列 :

GATCTCAGGA ATTTTGTAG GGGATTGAAG CCAGANCTAG TTGCGTCCCA GGGACCAAGA 60  
GAAAGAAGCA GATATCCAAA GGGTGCAGCC CCTTTTGAAA GGGGTGTTTA CGAGCAGCTG 120  
TGAGTNAGGG GACAAGGGGC AGGTCCCAGG AGCCACACAC TCCCTTCCTC ACTTTGGAAT 180  
GCTGCTTCTN TTAGCTCCTC TGCCTCTGAA AAGCTGCTCG GGGTTTTTNA TTTATAAAAC 240  
CTCTCCCCAC CCNCCACCCN CCAACTTCCT GGGTTTTCTC ATTGTCTTTT TGCATCAGTA 300  
CTTTGTATTG GGATATTAAA GAGATTTAAC TTGGGTAAA 339

配列番号 : 986

配列の長さ : 339

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01120

配列：  
GATCCTTTCC GACACACATG TCTGAAGACT TATTTTCAAA GNCAGCACAT TTTTGGAAAC 60  
TAATCTCTTT TCCGTAATAT TTCCTTTATT TCAATGATTC TCAGAAGGCC AATTCAAACA 120  
AACCCACATT TAAGGTCTT TAGGATTATA GAATAAATTG GCTTCTGAGT GTTAGCTCAG 180  
TGAGCTAGGA AAGCACCAAT CGATATTTGT TTCCTTTAGG GATACTTTGT TCTCACCCT 240  
GTCCCTATGT CATCAAATTT GGGAGAGATT TTTTAAATA CCACAATCAT TTGAAGAAAT 300  
GTATAATAA ANTCTACTTT GAGGACTTTA CCAAGTAAA 337

配列番号：987  
配列の長さ：337  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01122

配列：  
GATCCAAAAGT GTTAAAAATG CTGAAGTCAT GTCAAGTACT GTCTGGAGGG TTTTTTTAAG 60  
AAAAGGCATT TGGCATTATA CTGTCTCTTG TTTTATTTTT AAGTTTTTGG AAACCTTTTG 120  
ACATAAAATG CTGCCAAGTA TCTAAGAAAT GTATATACTG ACAGAAGATA TTTGAAAGTG 180  
GAAAATTGGA AATGAAATAT GTTGCTGGGN GCGTTAATCA CCTCCGCCCA GGATTTAGTC 240  
ACTTGACAGGA CCTCTTTATA GTCTAGGATG GCAGAGCAGA AGATTTTAAT ATGCTTTTAT 300  
TAAGTGATGT AAAATAAATG CTTTTTGGAT TATCAAA 337

配列番号：988  
配列の長さ：371  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01123

配列：  
GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATG GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60  
TGGGGGGGAC TGGGTTTGGG ACACCCACAC AGNGGGCCAG CTCCTTGCCG CTTCTCCTTC 120  
TCTAACCCAG AGGACACTGG CTCTGTCAGT GGAAGCTGA GGGGTATGAT TTGGGTGTGG 180  
AGACCTCTCA GGTGGGACT TCTTGTCAGC TTGGACCCCT GACCAGTGGG CTTTGGCTTC 240  
TCCAGCCGCC TCCAGTGCTG CGTGATTTGA TTCTGTTGTA CCTTCAATTC TTCTGACCCG 300  
CATTATAAAC ATTATAATTN NATTCTAAAA ATTGTAATTT TTTTGCAAT TTTGGAAGTG 360  
ACTGCTGCTG N 371

配列番号：989  
配列の長さ：334  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01126

配列：  
GATCTTCTTT ATATTCTACT TGAGTGCTGT CTCCATGTTG ATGTATCTNA GCAGGTTGTC 60  
CACAGGTAGT CTAGGAGGGT GGCAACTTAG AGGTGGGGAG AGAGATTCTC TTATCCAACA 120

TCAACATCTT GGCAGATTG ACTCTCAATC TCTTCACTAA AGTTGTTAAG NTCNNCCGGT 180  
 GATAAGTACT TCAATTTCAA CTTGTAGNNT GGGGAAATTT AGAATTATGC AGNTTATGGA 240  
 ATTGATATATG ATGACATTTG CAATAGGTCT ATTCTCTATC ATTGTAAGAA GNTGTGTGTA 300  
 CTGGTATTTG NCCCAAGTAA TAANCTAACT GAAA 334

配列番号 : 990

配列の長さ : 333

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01127

配列 :

GATCTGNCGT GCCACCAAC TGGTGATGGA AGGTTACAAG TGGCACTTCA ATGAGACGGT 60  
 GCTCACTGTG TGGTCGGCAC CCAACNACTG CTACCGCTGT GGGCGTGTGG CAGCCATCTT 120  
 GGAGCTGGAC GCGCATCTCC AGAAAGATTT CATCATCTTT NAGGCTGCTC CCAAGAGAC 180  
 ACGGGGCATC CCCTCCAAGA AGCCCGTGGC GCACTACTTC CTGTGACCCC GCGCGGCCCC 240  
 TGCCNNTTNC AACCCTTCTG GCCCTCGCAC CACTGTGACT CTGNCATCTT CCTNAGACGN 300  
 AGGNTGGGCG TGGNGGGNN TGTNCTGGNT NTN 333

配列番号 : 991

配列の長さ : 329

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01128

配列 :

GATCGGACTG AACAGGAATC CTCGGGGGGT GAACAGCCAT TCCTTCGTGA CCTGTGCACG 60  
 NCTTCTGCAA CCCTGGAGCT CTGCTCGGCT AGTCTGACTC GAAAAGGGCG TGAATCAAGC 120  
 TGACGGGACT CCAGTAGGGA CTTTGAGAGC ACATTTTGTA AAAATATTTA TCTAGACGCA 180  
 AATGCTTATC CATGAATGTC CTCTTAGACC ATTTGGGGAT GAAGCCATCT TAATAATTAG 240  
 TAATAATTAA TTAGTAATAA TTAGTAAGCA TTTTCTCAAT GCTCTGATTC CATCATGTTT 300  
 TCTTAACATG ATAACCTAAA AAATTGAAA 329

配列番号 : 992

配列の長さ : 332

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01129

配列 :

GATCCTCCTC AGAAACTACC GGAATTTGTT TCTGTATTGG TGTGTTTTGT ATCTTGCTTG 60  
 AACTTCCTGT TCTTCTTGGT ATACTTTAAC ATTATNATNA TGTGGGATTC CAAAAGTGGA 120  
 AGAAATCAGA AGAAATCAG CTAGCTGTAT TCCTAAACAA ATTGTTTCCT AAACAAATGT 180  
 GAAAATGTGA ACAGTGCTGA AAGGTTTTGT GAACTTTTTG CTATGTATAA NTGAAATTAC 240  
 CATTTTGAGA ACCATGGAAC CACAGGAAAG GAAATGGTGA AAAGTCATTG TTGTCTACAC 300  
 AAAATAAATG TATATGGAGA CCAAAGACCA AA 332

配列番号 : 993

配列の長さ : 330

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01130

配列 :

```
GATCAAGAAA TCAGGATGGC CATTTATTTA ATATCCATTC ATTCATGTT AGTGGGACTA 60
TTAACTTGTC ACCAAGCAGG ACTCTATTTT AAACAAATTT TAAACTGTT TGTGGCCTAT 120
ATGTGTTTAA TCCTGGTTAA AGATAAAGCT TCATAATGCT GTTTTTATTC AACACATTAA 180
CCAGCTGTAA AACACAGACC TTTATCANGA GTNGGCAAAG TTTCCAGGN TTCATATACA 240
GNTAGGCTAT NNGNCATGTA TTTGAAACG CAGTGTTNCA TNATGAAAGN GCTCTCAAGT 300
NGCTTNAAG NTANTTTATT AAANGGGTNN 330
```

配列番号 : 994

配列の長さ : 330

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01131

配列 :

```
GATCCGGGCC TTGCGTGCAG CCTCCCAACC ATGGGCTGGG TTTNGTGCTT ACTGTATGTT 60
GGCGACTTGG NNAGGGCAGG AGACGCAGCG TGGAGCCTAC CTCCCGACAT TCACGCTTCG 120
CCCACGNTGC TCCGACTGGC TGCAGCGGAC ACTGCCCAAA GCAGAGGGGA GTCTCAGTGT 180
CCTGCNAGCC AGCCGAACAC TTCTCTCCGG AAGNAGGCTG GTTCGACTGT NAGGTGTTGA 240
CTAAACTGTT TCTCTGACTC GCCCANAGGT CGTGGCTAAA GGCACCTAGG CGNCTTAAAT 300
TTGTAAATAA AATGTTACTA CGGTTTAAAA 330
```

配列番号 : 995

配列の長さ : 338

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01132

配列 :

```
GATCTGAATG ATGATGGAAA CATGCAGACA GCCTCTCAGT CTTACTATTT AATGTTGTAG 60
CTGGGAAAAA ACCCAGAGAG GTTAACTGAT ATACTGGGTT GGGACTAGGA TGTGGGTTTT 120
GTNACTCTNA ATCCCATGTC CTCAACTAC GCTGCCTTCC GAAGTCTGGC ATTTGTNAGC 180
TCATGCTTCC TTGTAGTCCA GCTTCTTATG TGCCTGTAAT ATTCTCCAGT ANGATTGTAA 240
GCCCCCTAAG GGCAGGGACG TCTTTNCATC TCTAGCACTG CTATAGTGT CTATCCTTAG 300
TTATGGACCT AGATAAATAA NTNGGTGGTG GCAACAAA 338
```

配列番号 : 996

配列の長さ : 328

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01133

配列 :

```
GATCTTTATA TTTNATACTC TAAANTCGTA CAAGCCAATC TNCATTTTCTA CTAGTGAAAA 60
```

CTGTATAGCT GGTCACTTTT CCAGGACCTT TTTATCAAGA AACAATGCAG CTTCTACATT 120  
 TGTNCTGCTT CTACACCAAA ACAGCTGGAA TGTATATNGT ATGGTTCTGG ATGCTCTTGT 180  
 ATACCTNACT CTTCAATTCT NACCTAACCC ATGTGCTATG ATTTGAATGT TTCTCCCCTG 240  
 CAAAACATCAT GTTGAAATGT AATTGCCATG NTAACAGTAT TANTAGGTGG NNTATTTNAG 300  
 NGGTGNTTAG GGTGGGATTG GTGNTGTN 328

配列番号 : 997

配列の長さ : 326

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01134

配列 :

GATCTTGTGT CTTAGAGAAG CCCCCATACC TGGTAGAGCA TGTACCATCT TACATGCTTA 60  
 AATAACTCCA CATTTATTTG TGTATATNAC TCTGTGTTAT AAATATACAT TTGTNGGTCT 120  
 CTCTCTTGGA TTATTTTGTT TCTTTGTCCT GTAACCTACCA CTGAAAGGGT GCAATACAGC 180  
 TTTCTTGAAA TGTGTATTGA ACGGATGAAT GTATAAATAA AANTTAAATT TTGTAAATTT 240  
 CTGCTTATNC TTAGAAAAAG AATCTAAATN GTGACAAATC AGAATTGAAA AANGTATTCT 300  
 AATAAAGANA AACANGCTTT TATAAA 326

配列番号 : 998

配列の長さ : 325

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01135

配列 :

GATCCCCAGT GTTGGAGGTG GGACCTAAGT GGCAGGTGTT TGGGNCATGG GGATGGATTC 60  
 CTCACAAACG GCTCGGTGGC CTCCTGCGAG TAACGAGTGA GTTCACACAC TATTAGCTCA 120  
 CATGAAACCT GGTATTATTA GAGTCTGGGA CCTCCCTCCA TGCTCTCTCT CTTGCTCCTT 180  
 TCTCTACCA CATCACACGT GGCTCCCCTT GCCTTCTGCC ATGAGTGAAA GCTTCCTGAG 240  
 GGCCTACCA GACACAGATG CTGGTGTCAT GCTTTTTGTA CAGTCTGCAG AACCCCGAGT 300  
 CAAATAAACC TCTTTTCTTT ATAAA 325

配列番号 : 999

配列の長さ : 322

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01136

配列 :

GATCACTTTC AATTGAAGTC AGGGTATTGT GCATAATAGA AAGTATTGGA CTGAGATATT 60  
 TGGTTACCAT GGAGGCCAAT GCTTTTTTCA TCTTATTAAG TGTGATGTGA CTTTTTNCCT 120  
 TGTACAGAAG AGTACTGTAT TTTTGAATAG CCTACTCCCA AGTAAGAGCA AATCTGTATG 180  
 ATAACATTTT TNCCNCTGGA CATAAGACAT AACAGTAACA CGATGTACAT TTACAAGCGG 240  
 CCTTATGTAC ATTTCCCAAC ANTCTTTTAA AGGCCAAAATT GTGACCATAT GTGTATAATT 300  
 AAAATCGTTT TTAATCCNTA AA 322

配列番号：1000

配列の長さ：322

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01137

配列：

```
GATCTTAGAA ACCTCTGCAC AGAAGCTGCT TTGCTGGCTC TGCAAGAAAA TGGACTAGAC 60
GCAACTACAG TNAACAAGA GCACTTCTA AAATCACTTA AGACTGTAAA ACCGTCGTTA 120
AGTTGCAAGG ACTTGGCTTT ATATGAAANC TTATTTAAGA AAGANGGATT TTCTAACGTG 180
GAAGGTATTT AAAANTCACC TTAACTCTT GTNCAGTTCA CATTAAATTGA AATGTGAACT 240
TGCCTGTCGT TTGCAACTTC AACTTTTAG AATTTGTGTT TATATTCCT GTANGTGAAT 300
AAATANANCA NNNCAGNNCA AA 322
```

配列番号：1001

配列の長さ：353

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01138

配列：

```
GATCTCAGAA CAACCTTTCT TGTTAGTAAC ATATTTTGG CAATACATAN CAACCTGGGC 60
CTGGTGGATA ACCAACAAGA TGGGGAAGAA AAGNATTGAG AACTTTAAGA GTGGTGTGGA 120
TGCAGACTCT TCTTATTNA AAATCTTTAA GACAAAACAT GACTGAAAAG AGCACCTGTA 180
CTTTTCAAGC CACTGGAGGG AGAAATGGAA AACATGAAAA CAGCAATCTT CTTATGCTTC 240
TGAATAATCA AAGACTAATT TGTGATTTTA CTTTTAATA GATATGACTT TGCTTCCAAC 300
ATGGAATGAA ATAAAAAATA AATAATAAAA GATTGCCATG GANTCTTGC AAA 353
```

配列番号：1002

配列の長さ：320

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01139

配列：

```
GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTGATGA CCTCATCAA AAATAAACAA TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT CGCCCCTAGC AACTCCACCA 120
TTGGGCACTG CCATGCAGAG ACGTGGCTGG CCCAGAATGG CCTGTTGCCA TAGCAACTGG 180
AGGCGATGGG GCAGTNAACA GANTAACAAC AGCAACAATG CCTTGCAGG CAGCCTGCTC 240
CCCTGAGCGC TGGGCTGGTN ATGGCCGTTG GACTCTGTNA GATGGAGAGC CAATCTNACA 300
TTCANGTNTT CACCAACCNN 320
```

配列番号：1003

配列の長さ：318

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01140

配列：

GATCCTNCNA GTTAGCCTAG TACTGCTGTA CTGGCCTGTA TGTACATGGG GTCCTTCAAC 60  
 TGAGGCCTTG CAAGTNAAGC TGGCTGTGCC ATGTTTGTAG ATGGGGCAGA GNCATCTAGA 120  
 ACAATGGGAA ACTTAGCTAT TTATATTAGG TACAGCTATT AAAACAAGGT AGGAATGAGG 180  
 CTAGACCTTT AACTTCCCTA AGGCATACTT TTCTAGCTAC CTTCTGCCCT GTGTCTGGCA 240  
 CCTACATCCT TGATGATTGT CCTCTACCC ATTCTGGAAT TTTTTTTTN GNNGATANNT 300  
 ACAGAAAGCA TTTGAAA 318

配列番号：1004

配列の長さ：320

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01141

配列：

GATCTTTCTG TCTTCTGGGT TCCATTTTNN AAATGTTTAA AAATATGTTG ACATGGTAGT 60  
 TCAGTTCTTA ACCAATGACT TGGGGATGAT GCAAACAATT ACTGTCGTTG GGATTTAGAG 120  
 TGTATTAGTC ACGCATGTAT GGGGAAGTAG TCTCGGGTAT GCTGTTGTGA AATTGAAACT 180  
 GTAAAAGTAG ATGGTTGAAA GTACTGGTAT TGTTGCTCTG TATGGTAAGA NCTAATTCTG 240  
 TNNCGCCATG GTNCATAATT NCCTATNCAC CTTNCCTNCC CTTTNCAGC CCAATTAAAG 300  
 GTTGGGGTCN TAACCTCAA 320

配列番号：1005

配列の長さ：315

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01142

配列：

GATCTGGGGG CTCGAGACTC TGAAGGCAGG GACCCTCTGA CCATCGCCAT GGAAACAGCC 60  
 AACGCTGACA TCGTCACCCT GGTACGACTG GCAAAGATGA GGGAGGCTGA AGCGGCCAG 120  
 GGGCAGGCAG GAGATGAGAC GTATCTTGAC ATCTTCCGCG ACTTCTCCCT CATGGCGTCA 180  
 GACGACCCGG AGAAGCTGAG CCGTCGNAGT CATGACCTCC ACACGCTGTN ACCCGAGGCC 240  
 CACGGGGCCG CGCCTGCNTC CCTTCCCCGN NACCGNGCNN TCTGCCATTA AAGCCTCCGT 300  
 GCTTCGNTCT TCAA 315

配列番号：1006

配列の長さ：315

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01143

配列：

GATCCCTTGC NTGCCCCTCC CTGTGGCAGG GCTAACTGCC TGGCCCTCCT GGCTCGCAGC 60  
 CAGCCAGNCC CCTGGCAGCA GGTTCCTCCTC AGGGCTTGGN TCTTCAACCT GTGGCGACAG 120  
 GAGGCAGGGC AGACTGTGGA GGACAGGATG CAGGTCAGGG AGAGGGAAGG CAGGGGTGGA 180  
 CCGCCATGAG CATGAAAAGC CCGAAGCAAG TTGACTCTTN AATTTGCAAC TGTATGNTC 240  
 TGAAAATGAG AACGATGTAT CAANTTGATG CANTTTNGAT GTTGTACTTA CAATAANGTT 300  
 TTAATGTGTN TAAA 315



配列番号 : 1007

配列の長さ : 315

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01144

配列 :

```
GATCTGAGGN CAGGANTTAA ACCACAGAAT GTATNTGCCT GTAAAGCACA GGGGAAGAAA 60
CGACTCATTGA AACTACACC TGTACATAC CATTGGTAA ATGNTTTAAG NGGGGAATGG 120
TGTGACAAAC CTTCAAAAA NATGAACACC TTAATGTTCA GGAAGTGAAGC TAACTCCCTA 180
TGNTTAGGCA CAGCTTGATA CGAGCGGAGA CTTGGCAGTC AATTCCANGT CTTTATATACT 240
NATTACCTCA TCGTNACTGT NAGTGCAACT ATAGTCTGTT GTNGGAATTT GGNCATCCCT 300
TAGTNTCNGA TGGTN 315
```

配列番号 : 1008

配列の長さ : 314

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01145

配列 :

```
GATCAGAAAA AACAGAAGCC AACTCGGGG TCATCTTTGT TTTTAAAGCT GAAGTGGGAC 60
TGTCTGGCAC TCTGTGTATT TATGCGTTCC AGCATCTGGA ACCTCCCATC CCTGCCCTCC 120
TCCTGTGTAG CTGCCACCTC CCCGCTGGG CCAGCATGGC TCACCTGTCC CGTGGGCTGT 180
GTTTCTTGT GTTTTCTCT TTGCAAAGAC ATAGCTAGGA AAGCGAATGA TAAGGGAAAA 240
GTTCTCAGGG AATTGAAGTG TTGTTGCTAT GGTGACGTCC TTTGCTGTG AATAAAGGTG 300
CTCTTTGCAG CAAA 314
```

配列番号 : 1009

配列の長さ : 313

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01147

配列 :

```
GATCCACAAT AGTGGCATGA GGCAGGCGAC TGTNTGTNAC CTCTATGTCC GCAGAGTCCA 60
GCACGCTAAC AGCTGGGAGA TAAAGCAGT GGAGAGGGCT GTTGGGGGAC ATGCCATGGA 120
AACTACCTAG GACCTGTTCC CTGAGTTAAC ATTCTAGCCT CATCTACTTG TNTTGCCCCT 180
GCAGCTCATA TACANACTGG CCCACCATTT ACGNACCATC CCCTCAAGTA ATCTTAAAGG 240
TTCTCAGCCC ANACANATTA ACTGTTCTGA CCCCACCTNC TTAATAAACA ATCCTGGGNT 300
CAGCCATNTG AAA 313
```

配列番号 : 1010

配列の長さ : 311

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01148

配列：

```
GATCTGGCAG TTGAAAATTG TGGGAAAGAG AATTTGTATG GGCACGTAT CTATGAAATA 60
CCTCATAACT TACGTTTACA TGTTTTCCTA ACTTTTNGTA TTTTCNTNGT ATAGCCACCT 120
AGAGAATTCT TCATAGATTA AGAACTACAG TTTTNACCAC TTAACATAAG TAAAACAAAG 180
TCCTTCATAA TTNAACCATT AGCATCTTTG GCCAAACCAA AATAAAGANA AGCATCTNCT 240
CCTAGTTGTG TGTGGGCAAC AGANACANGT TAAGGNAACA NAAATACTTA TATATACACN 300
GANCANANGT N 311
```

配列番号：1011

配列の長さ：308

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01149

配列：

```
GATCTCCCTT GGTCTTCCAT GGGATGGTTA GTGTGGAGGG GAGATATAGA TTGTCCGGCC 60
GNTTGTGAT TCCATGGGAT TGATTGAGTC TTCTGGATTT TTTTNTCTGT ATATTNNGG 120
TACTGGAGCT TTTAAAAATG CTTGGNTTCA GGTATTTTNA TTCATGTGAA GTGTATATGA 180
TTCTNTTGAG ATAAGGTTTT AAGCTAAAAT GTNACTCCCT GNTTNAGCNT CTGAACCCCTG 240
ACAGATTNAC AGGGACTTTG CTGGTGTAGG CTTTTTAAAG GGNTTANTAN TCCACTTTGA 300
GCCTNAAA 308
```

配列番号：1012

配列の長さ：308

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01150

配列：

```
GATCTGGAGT TACCTGAGGC CATAGCTGCC CTATTCACCT CTAAGGGCCC TGTTTTGAGA 60
TTGTTTGTTC TAATTTATTT TAAGCTAGGT AAGGCTGGGG GGAGGGTGGG GCCGTGGTCC 120
CCTCAGCCTC CATGGGGAGG GAAGAAGGGG GAGCTCTTTT TTNACGTGA TTTTNTTTT 180
TCTACTCTGT TTTCCCTTTN TCCTCCGNT CCATTTGGGG CCCNGGGGGT TTCAGTCATC 240
TCCCCAINTG GNCCCCGGA CTGTCTTNGT TGATTCTAAC TNGGNNNGGA AAGAAANTAT 300
TATTCAAA 308
```

配列番号：1013

配列の長さ：307

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01151

配列：

```
GATCCATGGG GCCGCAATGA AGCTTGGAGA TACATGGGTG GCTTTGCAA GAGTGTTTCC 60
TTTTCTGATG TATTCTTTAA AGGATTCAAA TGGGGATTG CTGCATTTGT GGTAGCTGTA 120
GGAGCTGAAT ATTACCTGGA GTCCCTGAAT AAAGATAAGA AGCATCACTG AAGATAATAC 180
CTGGAAGCAT CATAGTGGTT TCTTAACCT CCAAAATAAG ATTTCTTCTC TGAGCCTAC 240
TTGTCTGGTT TATCCCTTAC AGAATATTAG TAAGATTAA TCAATTAAA TATATATATA 300
```

TGCCAAA

307

配列番号 : 1014

配列の長さ : 306

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01152

配列 :

```
GATCGGTCCA CGAAAGTTAG CCCATATGTA TATCTTGAAT AGTATAGGGG AGGGTATTCA 60
TAAAGTCCTT ATGTGGTTTT AACTAAGTGA AATTATGGAC AAGAGAANN NTGTAAAAAT 120
CGTCTTAAAG GCAAATTTAA TTTTNACTCC TGTTTATGGG ACATTCGTTC TATTAAGTGT 180
CAGACACAAT TTCTGTTTTC ATCTGAGAGC CAGTTTTCTT TTATTTCTAC ATCTAAAATA 240
AGANCATATT GTACACTATT ATATAATACA GAATTGTCTT AAACCTTAAT AAATTCGCAT 300
TTTAAA
```

306

配列番号 : 1015

配列の長さ : 306

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01153

配列 :

```
GATCTCAGCA GTGGGGCAGG AGGGTGCCTG ATTCGGGGA GTCCTGACCC GAGCCTGTTG 60
TCAGAGTTGG GAGGGGCTCT GAGCAGTGTT GGGCAGGCCG GGTCTCCCAT CCCGAGGCCA 120
GCGTTCCTGT GCAGAGCCCC ATCCACTGGT TCTTGCCCTG AGCCACATAT GTCTGTNCCA 180
TGGGCTGAGT GCCACGACAG GCCCGTGTGA CAGCTGCTGC CCACGCATNT NGAAGCTAGG 240
TGGGACTCAT TCCTAATTCT GCCGTTGTAA TGAGACTTGA TTA AACACC GCCACTTTT 300
TGCAAA
```

306

配列番号 : 1016

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01154

配列 :

```
GATCAACAAG AAATGTTATG AAATGGCCTC CCACCTTCGG CGTTCCTCAGT ACTGACCTCG 60
TCTGTCCCTT CCCCTTCACC GCTCCCCACA GCTTTGCACC CCTTTCCTCC CCATACACAC 120
ACAAACCATT TTATTTTTTG GGCCATTACC CCATACCCCT TATTGCTGCC AAAACCACAT 180
GGGCTGGGGG CCAGGGCTGG ATGGACAGAC ACCTCCCNNT ACCNATATCC CTCCCGTGTG 240
TGTTTGAAA ACTTTTGTG TTTGGGGTTT TTTTTTCTG AATAAAAAAG ATTCTACTAA 300
CAAA
```

304

配列番号 : 1017

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS01155

配列：

```
GATCTAAAGC AGGTNGTGTT GTTACATGT TTCTACACAT TTCATCCTTT AAAAAGTTGT 60
TGAGAGAGGT TGTATTTACC TTCCAAGGT TGGAAAGCAG GGAATTTCC CAGTGTCTTA 120
GTTTTCCACC AGAGGAATAT GTGTAAGTAG CAAAGTATTT GCTGCTTACA TATAGTGTGT 180
ATGTATGTAT ATATGTAAAT NGTGTGTTAA AGAGCTGATA CTGATTTTCA TATGNCAATG 240
TTAAGGCAAA GGCCTCCCTG CATTTGANGA GCAGGTNTTC ATTTATATGT ATTTTNGGGA 300
TAAA 304
```

配列番号：1018

配列の長さ：304

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01156

配列：

```
GATCAGAAAT NAAGTGCAGC AATATCATGA ATTCTNAGAA GNCTTTAAGG GAGCCAGTNA 60
GTCATACAGT ATCCACAGTT GANTCACTTA AAGATGTCAG TATACGAACA TTATTCACAA 120
TCCTTGGGCA ATCTCATTTT TTTTCCCTTC TCCCTCCTC CCCTGCCCCC ATACATTTNT 180
ATCCTTAANG TAGTTTTGGA GGGGCAGGAT GTACTTAACA TCTCANAAGC TAGATTGGGA 240
ACATNTCANT ATAAGACTGA GTTTAAATTT ANGGTAAAA TGNCATCAGA ANANTTGGGN 300
GGGN 304
```

配列番号：1019

配列の長さ：169

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01157

配列：

```
GATCTAATAC TACTGTCAGT TTTAATGTGC ACTGTGTTTT ATACAGTATC TTTTTTGTG 60
CACTTNGGAA ATTTTACTA AAAATTGCAA AAAATAAAGT ATTGTGCAAA GATGTAAGGN 120
TTTTGANAC TTGNNGTGCA TTAATAANTA GACGATTAAN TCAAGGAAA 169
```

配列番号：1020

配列の長さ：303

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01158

配列：

```
GATCCTCTAC CACAGACATT AATAGCTGAG CAGGAGCCAC ATGGATTGAT TGTATCCACT 60
CACCATTGAC GATGGCATTG AGCGTANTAG CTTATTTCCA TCACTACGTG TTTTGTAGCT 120
TGCTCTTACG TTTTAAGAGG TGCCAGGGGT ACATTTTTC ACTGAAATCT AAAGATGTTT 180
TAAAAACAC TTTTCACAAA AATAGTCCTT TGTCATTACA TTATTTACTC ATGTGTTTGT 240
ACATTTTGT ATGTTAATTT ATGAATGATT TTTTCAGTAA AAAATACATA TTCAAGAACC 300
AAA 303
```

配列番号 : 1021

配列の長さ : 303

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01159

配列 :

```
GATCCTTNGG CTCAGAATCT CGAGAACCGC CTGCTCCTAA CAATTCAGCA AGTCAGGGGC 60
TTCCTCTCTG TTAGTCCCCA AATCCTTACT TATTTTAAAA AGACTAGACC CTCTCTAAAG 120
ACTGTTCCAT TTTAACATGT CCTGATTCTG CATCCGTGGG TTTGTGAAA GAGAGCTAGC 180
TGGCGGTTAG AGCCTGGAAG AAGGAGGGAA GTGGCACCTC ACTAGCATTT ATCACTTTTT 240
TCCTTCTCTT TTTAAAAATA AAACCAGACT CTGTTCTGAA AATAAAAAAC TTGAGACTTG 300
AAA 303
```

配列番号 : 1022

配列の長さ : 303

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01160

配列 :

```
GATCTGNCTT ATCCGAGCTT GTTATTGGGG AGCCATAAGA GTCAGTTATC CAGAACACAG 60
TTTTGCATAA GCTTGTATTAT GATTCAGTAA TGCAGGTGAG AGTGCTAGC AGTTCTTGGT 120
AAGCTACTCT GGACATCTTT AAATTATTTA TCCTAATGGA TTCCATTCTG GTTTATGTAT 180
AATCGTTTCA AGACTTTGGG AGTCTTTTAT GAACAAATGC TCATTGCACT ATATTATATG 240
CAAATTGTNN NGCTGCTAGG TTTTCAAAT TTGAATAATA AAGCCTTTTC ATGTTCTTTT 300
AAA 303
```

配列番号 : 1023

配列の長さ : 303

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01161

配列 :

```
GATCAAAATC CTGTACAATA CTATAAATAT ATATTNATNT TTTCACAGTC ACCAAGTGTA 60
TTGTAATGTA TACTTGAAAA ATGTTATAAC TTATGAAGTA AAGTTTCTNA TAGTAGTCTT 120
TAAAAGATAT AAGACTTAAT ATGTTTTATT CAGCTTCTAT AAGTGTGACC AGTTTTNATA 180
TTTATTTATG CTAATATTTT TAACAAGTCA TTCAAAATA TGTGTATCTC AAATCCTCCC 240
NAAAGTGTTG TGGCCTTAAC TGTTCAAGTAT TGCAATAAAA NATATATNTN NNTATGTGGT 300
AAA 303
```

配列番号 : 1024

配列の長さ : 302

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01162

配列 :

GATCTATGGA AAAC TGGGAA TGTAATGTAG GATTCTGTCA GAGCTCCTAC AGAGCACAGT 60  
 TGCCTTTAGT TTCCTTTAAA GATGTAAAAA TATTGTATAA TACAGTTTTG TCCCTACACA 120  
 ATTGTATTTG CCAAGCTTAG TGCATTATGA TACCTTTATT TATTTGTTTT GGGCAGTATT 180  
 ACTATATATA TATAANCATA CAGTTACTGT TTTATATATT CTTAGGTCAT TCAAAGCCAT 240  
 GTATGCTGTA AATGTGCTAG TCITTAGAAT GACACATAAT AAATAACTGA CAAGATATTA 300  
 AA 302

配列番号 : 1025

配列の長さ : 435

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01163

配列 :

GATCGAGCCA TTGAAAGCTC ATTACCAGTA GGACATAATT TTTGGCTCTC CCTATTCACA 60  
 ACCAGTGCAC AGTTTGACAC AGTGGCCTCA GGTCACAGT GCACCATGTC ACTGTGCTAT 120  
 CCTACGAAAT CATTGTGTTT TAAGTTGTGT TTATTCCTGG AGTGACATGC CACCCCGAAT 180  
 GGCTCACTTT CACTGAGGAT GCTGTCCTCT GATTAGCTG CTGCCTCCAG CCTCTGGCTT 240  
 GAGAACTTAC TAAAGGCACT TCCTTCCTGT TAAACCCCTG TTAACCTCTCC ATAAATTTGG 300  
 TGATTCTCTG CTAGGCCTAA GATTTTGAGT TAACATCTCT TGAAGCCAAA CTCCACCTTC 360  
 TGTGCTTTTT TGCTTGGGGA TAATGGAGTT TTTCTTTTA GGAAACCAGT GCCAAGGAAT 420  
 GNCAAAGGTN TAAA 435

配列番号 : 1026

配列の長さ : 298

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01164

配列 :

GATCCACATC CTCTACAGGT CGGGGACCAA AGGCTGATTC TTGGAGATTT AACACCCAC 60  
 AGGCAATGGG TTTATAGACA TTATGTGAGT TTCCTGCTAT ATTAACATCA TCTTAGACTT 120  
 TGCAAGCAGA GAGTCGTGGA ATCAAATCTG TGCTCTTTCA TTTGCTAAGT GTATGATGTC 180  
 ACACAAGCTC CTTAACCTTC CATGTCTCCA TTNCTTCTC TGTGAAGTAG GTATAAGAAG 240  
 TCCTATCTCA TAGGGATGCT GTGAGCATTA AATAAAGGTA CACATGGAAA ACACCAA 298

配列番号 : 1027

配列の長さ : 328

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01165

配列 :

GATCCACTTT GTTGGTTGTT GTTGCAGAAG ACTGAACTGT TTTGGAATAN TTAACAATTA 60  
 CAGAAACAGT CAAGTGTTTT CCAATGTGGT TGCCGGTTT CTATGGCCTT GCTGTGTA 120  
 TTCCCTCTTT TTGACAGTAA ACTTCTGCCT ATGGCTTACA GTTTGACATT TAATTTATTA 180  
 GCGCTGCTCT GCACCCCTNC CTTGGGAGGG AGACTTCATG TGGTTTATTG CGAGTTTTTT 240  
 TGTTTACTTT TCAGGGTTNG TACCTACAAA GGTTTAAATA ATAAAAANCA AAGNTTTTTT 300

配列番号 : 1028

配列の長さ : 297

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01167

配列 :

GATCTACAGT GCTGATGAGA AGAGAGCCCT TGCATCCTTT AACCAAGAAG AGAGACGAAA 60  
GAGAGAGAAC AAGATTCTGG CCAGTTTTCG AGAAATGGTT TACAGAAAGA CCAAAGGGAA 120  
GGATGACAAA TAAAGATTTT NTGATTGTCC AGAAGACATT TTTAACAACA AAAAAGAAAG 180  
TCTGGGTTCC ACACATACAT AGAAAAAGAT TATTATGTTC TGAGAAAGCT TTACAGTGCT 240  
ACTGTGCCTT CTATTTAATT CTTTCAGTCC TTCAATAAAA AGCTGCTTAT TGATAAA 297

配列番号 : 1029

配列の長さ : 297

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01168

配列 :

GATCCTGCTG AAATACATCT GCAGCTGACA ATGAGAGAAG AAACAGAAAA TGTCATGTGA 60  
TGCTCTCCC CAAAGTCATC ATGGGTTTGG GATTGTGTTT GAATATTTT TNCTTTTTC 120  
CTTTCCCTC CTTTATGACC TTTGGGACAT TGGGAATACC CAGCCAACTC TCCACCATCA 180  
ATGTAACTCC ATGGACATTG CTGCTCTTGG TGGTGTATC TAATTTTGT GATAGGGAAA 240  
CAAATTCTTT TGAATAAAAA TAAATAACAA AACAATAAAA GTTTATTGAG CCACAAA 297

配列番号 : 1030

配列の長さ : 296

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01169

配列 :

GATCCAGAAC ATGGGAAGTT AGGGAAAATG TGTGATTTTG TGTTTTGAAT TACTGTCAGA 60  
ATTACATACA CAATTACAAC AAACTTTTT TAAAAGACAT TTCATTGTAC TGCAAAAATC 120  
TGAATATTTA TATTTCTNGT TTTTTCTTT ATATGTTTTG CATTTTANTA TGTTGAGCCA 180  
CTGGAAAATT TGTAACAGNT TANTTTGTTA TNGGCGTTA ANTGTGTTGT CATTGNCTCC 240  
ATTGTCTTTG TCCAGAGCCT ATTATTATGG AACCAATAAA NTTTAATGGG GTCAAA 296

配列番号 : 1031

配列の長さ : 294

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01170

配列 :

GATCCTAGTC CCCTGCCCTC TGGCACAGCT GCTTCCTGCA AGANAGCAAG TTTTGGTCT 60

CCCTGAGAAG CCATGTCCCT CGTNCTGTNT CTTGCCTGTC CCACCTGTGC CCTGCCCTCC 120  
 AGCTTGATT TAAGTCCCTG GGCTGCCCC TTGGGGTGCC CCCNGCTCCC AGGTTCCCCT 180  
 CTGGTGTNAT GTCAGGCATT TNGCAAGGAA AAGCCACTTG GGGAAAGATG GAAAAGGACA 240  
 AAAAAATTA ATAAATTTC ATTGGCCCTC GGGTGAGCTG AGGGTTTTTG CAAA 294

配列番号 : 1032

配列の長さ : 293

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01171

配列 :

GATCTTCAAG AAGTGAAAGA GACCGAAAAT CAGACAGGAA AGACAAAAGG CGTTAATGGA 60  
 AGAAGCCAGG CTTTCTTAGC CATTCTTTGC AGCAGAAGAT TTCTTGATAA AAAAGGATTA 120  
 CCTTTCCTTG TAAAGAGGAT GCTGCCCTAA GANTTGCATG TNGTAAANN NCTTTTGGGA 180  
 AAATACAGAC TGTTTGTTA CCAGACATTC TNGTACTGNT NGCATAATNN GGTAAGAGTT 240  
 ATTNATCAAA ATNATGTGAG GTTCCAAAAT ATGTAAAANT GATATNATAA AAN 293

配列番号 : 1033

配列の長さ : 293

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01172

配列 :

GATCAGCGGT TCTTTTGGCA GCAAAGCCTG CATCTGTGTT GACTTGCAAG ATTTTGC GTT 60  
 TATTCAGGCA AAAACTGGTC AAAATGGTTA CTACATGATT TGTTCACAGA GGTTTGAAAC 120  
 ATTCAGTGAA ACTTTTAAA ACTTTGATTG CATGATGTAT TTTTTTTTNA GAAAGTTATT 180  
 GTTTGAGAAT AATGTCTTTT TATACCAGGA AAATAGTTAT CCNGAATGAC GTTGAAAACT 240  
 CCCCCTCCC TTNATTTTNN TTAAATCANT ACATGTGAAA GTNNCCANGC AAA 293

配列番号 : 1034

配列の長さ : 308

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01173

配列 :

GATCCCAATT CCACATAAGC ACTTTTGGAA GAAAACAGCC AAAGTTGGCC TAAAATTGGC 60  
 GCTGGAATTT GGNCTGGGAA AAATCTTGTG GTTATTTCTT TAAAAAGGA ACAAACCTT 120  
 AGTATTTAAT TAGTTGATTT ATTTAATGTA ATTNCAAACA ATTAAATTAT GAATAATGCA 180  
 ATGTACAGTA GAATCACGTT TTGATTTTAT TAACACTGAC CAAGTTTAAC TCCATATGAN 240  
 GTGTAAGCTT GATATCGTTT ATGATGTCTA TCAACTGTAC CAAAAGTAAA ACATTTAAAA 300  
 NCANNAAA 308

配列番号 : 1035

配列の長さ : 292

配列の型 : 核酸



トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01174

配列：

```
GATCTCAAGT GACCCGCCTG TCTCGACCTC CCAAAGTGCT ATGATTACAG GCATGAGCCA 60
CTGCACCCAG CCAAACATGA CTTTCCATC CAGAGTAAAT CCAACTAACA AGAATCCACC 120
CTTGAGATTG ATGTAAAAAT ACATGACACA GGGTGATGAA AGTGCTTTGA AACTAGATAC 180
AGGCAGTGGT TCTATAGCAT GGTGAATGTA CTCAAGGCAA CTTCTTTACT TAAAAATCGT 240
TAATTTTATG CCATGTGAAT TGCATCTCAA TAAAAATTGT TTTCATTTTA AA 292
```

配列番号：1036

配列の長さ：363

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01175

配列：

```
GATCGGGAAC TCCTGCTTCT CTTGCCTCG AAATGGACCC CAACTGCTCC TGCTCGCCTG 60
TTGGCTCCTG TGCTGTGCC GGCTCCTGCA AATGCAAAGA GTGCAAATGC ACCTCCTGCA 120
AGAAGAGCTG CTGCTCCTGC TGCCCTGTGG GTGTGCAAGT GTGCCCAGGG CTGCATCTGC 180
AAAGGGACGT CAGACAAGTG CAGCTGCTGT GCCTGATGCA GGACAGCTGT GCTCTCAGAT 240
GTAAATAGAG CAACCTATAT AAACCTGGAT TTTTTTTTTT TTTTTTTTNN AAAANCCCTG 300
NCCNNTTGT AAAATTTTTT TTTNNNTGAA ATANGNAANG GNAATAATTN ATCNGGNNTN 363
TTN
```

配列番号：1037

配列の長さ：288

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01176

配列：

```
GATCTTGGA AGCACTAGAA ACTAAACATC TTCACCAGGT GCTGAAGAAA AGTGTCTTCG 60
TTTTAATTGC CAAGCAGGGA TGTGGACATT TGGATGGTGA CTTTCCTGGG TGGTTCCCA 120
TAGATTACCC ATTGCCTCTA ATGGTGTCTA CACCCGTCAT ACTACCAGCT GAGATGGTGG 180
TGGGCATAAG GAGAATTTGT GCCTATAACC CTTAGTGTGT TCTGGTTTTT TTTCTTTTAA 240
TTTTTAAATT GTCGTAAAAT ACTCATAAAA CATACTGTCT TCACCAAA 288
```

配列番号：1038

配列の長さ：288

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01177

配列：

```
GATCACCTTG TAGTCTTTAA ATTCTTGGTC CCTGAGGCCA AGTCCACAAC TTGCCTTCTA 60
GTCACCTGCC TGCCCGCAGT GGTGGTGGAT GTGTTAGCTG GTAGATTTGG AATCAGTCAC 120
CAGTCTTTCT GTAGTGTCTT GGTTAGCTCT ATATAAGTAG GGGCAGCTTA GCCCTGAGGC 180
CCAGAGACCT GCTGTCTTTT TTCTCCTTGA GGGAGGAAAT AAAACTGCGG AATACAATGT 240
```

CCTTCCATAG CATGGGAAGA AGAAAATAAA CATCTCCTTT CCAACAAA

288

配列番号：1039

配列の長さ：288

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01178

配列：

GATCCACCCT CCTGTAAATA TGGAACAAAT ATCTGAATGA AATCCACCCT AGGAGACGGA 60  
GCAAACTAAA CTTGTGGTTT TNCATTTAAC TTTGACTAC AGCATGGCCC CATGGCATCC 120  
ACACCAAGAG GGTGTTGTGA TGAGGTGCCG GTGTGCAAAG GGAACCTTAG TTTTCCACT 180  
GGTTCTTATC TGCTAGCCTT TTACATACAT GTGTACTATA TTTGTTTATA GACTGTAGGT 240  
GGATATATAA TTTAAAAGCT TGATTTAATA AACATTTAAC CCCNTAAA 288

配列番号：1040

配列の長さ：287

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01179

配列：

GATCTTCAAG TATTTGCNAC TTTCGAGTAC AGCTAATTGG ATAATCTCAA ACCCTTTAGT 60  
GAAAATATCT TAAATGCATT GAGAATATTT CCTAATTACC TGTGTATGCT ACAGTACAGA 120  
CATTAAATTCT ATAAACATGT TCATAGGTCT TCCCCCTCGC CCCGNCCGTC TTCTAAGGGC 180  
ATTCCTGTT TCTNTTNAGT GAGTTCATGN ATGTTTACCG GTTCTGGCGN AANGTTTCTT 240  
GCATNCTGAG CATAAAAATA NTAAAACCNA CTGATANTTG CTTGAAA 287

配列番号：1041

配列の長さ：289

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01180

配列：

GATCTGCACA CGCATAATAA TCAGCATTGA GGGCAACAAA ATGCCATTGT GACCTTGCCT 60  
GGAATGTGTC CCCATCTCTA CTCTAAGAAA TGCGCAATGG ACTCTTTGGA GAAAGAAGAT 120  
ATTTTAAAAC ATTTTLAGTG TGTCTGTAAA TGTTTCAGCG TGTATCAGAT GTTGTCATAG 180  
GACTCACATT TCTCTCAGTT ATATTTAAAA CCGTTGTGTA CTTTGTACAA NGGAATACTA 240  
GTCATACTTC TATAAACTTT NCACAATAAA ATTNTCATTG TGGGTAAA 289

配列番号：1042

配列の長さ：287

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01181

配列：

GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGNAA CACAGTGAGA CCCTCTCTCA AAATAAATAC 60

AGNCAGGCAT AGTGGCTCAT GCCTGTAATC CCNGCATT TT GGGNGGTAGA GGTGGGTGAA 120  
 TCACCTGAGG TCAGGAGTTC ANGCCCAGCC TGGCCAACAT GGCGAAACCC CATCTCTACT 180  
 AANTATACAN AANTTAGCCA GGTGTGGTGG CCTGCACCTG TAATCCCAGC TACTCAGGAG 240  
 GCTGAGGTAG CTTGANCCCN GGAGGCANAN NTTGCAGTTA NGCCAAN 287

配列番号 : 1043

配列の長さ : 286

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01182

配列 :

GATCTCTCCT GGAGTATGAA GACCTCCAAG GACTCACTTT CCCTCCCTTC TGATGCCAGA 60  
 GCAGACCAAG CTGTCACACT CCAGTCTCAT GCTGAAGTCT CCAGCTTCTC AAGCTTAGAA 120  
 GAGTTTTTNG AAGAGTCACT TTCAGCTCAT GCAGCTCTCA CAAGTGTGAA GGGAGTGGAT 180  
 TGGGGGTGTT TTCCTTGCCA TTTTCGAAAA GAAAAAATT ACCTGGTGAT TGGTGGAAAG 240  
 ATACAACGTG CAAAAATGCA TGATTGAAGC AATTTAGGTT GGGAAA 286

配列番号 : 1044

配列の長さ : 286

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01183

配列 :

GATCAATAAA TNATACCAAA TATATGTTA CAGTATGATT TAAAGTCTGA TTCAGACCAG 60  
 GGACTCTATT TTAAGTTCAA CTGAAATAAC ACTGGGTTTT AATTATATCA CAGGAAAAAA 120  
 AAAGTGCATT TAAGTATTGT NATCGTGGAC TTTATAAAAG CAAAGGAAAT TGAAAGTAAC 180  
 TTTNGATTCT GTATCANGAA TCATATTTNC ATACAGTCAT AACTGTCTTN CTGTGACCCT 240  
 TTCACAGGGC ACTGTAGGAT GGATTAAAGG TGGCAATTTA CTGAAA 286

配列番号 : 1045

配列の長さ : 439

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01184

配列 :

GATCATACCG GTAAAGCAGG AATNACAAAG CTTGCTTTTC TGGTATGTNC TAGGTGTATT 60  
 GTGACTTTAA CTGTTATATT AATTGCCAAT ATAAGTAAAT ATAGATTATA TATGTATAGT 120  
 GTTTCACAAA GCTTAGACCT TTACCTTCCA GCCACCCAC AGTGCTTGAT ATTCAGAGT 180  
 CAGTCATTGG TTATACATGT GTAGTTCCAA AGCACATAAG CTAGAAGAAG AAATATTTCT 240  
 NGGNGCACTA CCATCTGTTT TCAACATGAA ATGCCACACA CATAGANCTC CANGCAGATC 300  
 ANTTNCATTG CACAGACTGA CTGTNGTTAA TTTNGTCACA GNGTCTATGG ACTGANTCTA 360  
 ATGCTTCCNA AANTGTTGGT TTGTTTGCAN GTTTTCGANC CGTTGTTATG GCANGANGTT 420  
 NGTTTAGTTT CNGNTTGTN 439

配列番号 : 1046

配列の長さ：285

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01186

配列：

```
GATCTGGAAG CAGTTGAAAA CGAGACAATA TAGCCGGAGA CGCCTTATAT GATGATGCAG 60
TATCGACTAC ATTAATGAAA GTAATGCCAA ATNCAACAAG AAAGCTGAAG ATTCTATGGG 120
AATACACAGC TGAATTAACA GATTTGGAAG AGAACANCTG NTAATCCTTC AGGACTGTTA 180
TAGAGTTNAG ATGGGTAAAT TCTCCTANAA ATCAAGTCTT TTGAATTTNC AGAATCAGAN 240
TTAGAGCCNG CTCTACTAGA TTGNATAANT GNGGTCTAAC GGAAA 285
```

配列番号：1047

配列の長さ：285

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01187

配列：

```
GATCCGGGNG GACCCCTTTG CCCTTCCCTC GGCTCCCAGC CCTACAGACT TGCTGTGTGA 60
CCTCAGGCCA GTGTGCCGAC CTCTCTGGGC CTCAGTTTTC CCAGCTATGA AAACAGCTAT 120
CTCACAAAGT TGTGTGAAGC AGAAGAGAAA AGCTGGAGGA AGGCCGTGGG CCAATGGGAG 180
AGCTCTTGTT ATTATTAATA TTGTTGCCGC TGTGTGTGTG TTGTTATTAA TTAATATTCA 240
TATTATTTAT NTAATACTTA CATAAAGATT TTGTACCAGT GGAAA 285
```

配列番号：1048

配列の長さ：283

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01188

配列：

```
GATCGAAGTG ACAAAGTGTG TTTTCANTCA CAGTGGAGGC TACATCAAGC AAGGGGAGGT 60
CCAGCCCTCT TGCAAGTGTG GTGAGAGGCT CTACTAGCAA AGACATGGGC ACCGGAGTAG 120
GTCCCGTGTA GCATGCGGGT GCTGTAGAGA AAATTCAGTG ACGTACATGG CTCTGGTTCT 180
GGACACAAAA TCTGTACTGG AGAGGAAATG ACTGCTGAAA TAAGGCGATT GTATGAATAT 240
TTAAATGCC TGGAACACTA AAGTAAAGTA ATGATATTTT AAA 283
```

配列番号：1049

配列の長さ：283

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01189

配列：

```
GATCCTCGCA GCTTCTNCG AGCGGGGTGT CGCAGTCTTG TGCACAGAGT AAACCTTNC 60
AGCTGCCCTT TTCTGTAATA GTGAAAGTTG GTATTTAACA TTTATNCATT TTTAAATAT 120
TTGGAAGGTC TGANCTTGTG AAAAGAAAGT GGTGGNCTG AGGTTGGAGG NAGCTGAATG 180
GAATCTNACG GTTGGNAGTG GTGGAAATTG GAAGGATACC AGGAGGTATT TGGGAAGGCC 240
```

AATGGCGTGG CTCCTTTGAG GAAATAAAAC ACTAAGCATG AAA

283

配列番号 : 1050

配列の長さ : 281

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01191

配列 :

```
GATCCTTTTC ATACCTNATT TGGAATTGCT GGATTGTAAC TTTTGGNAGA AGAACAGATT 60
AAACCTGTTA ATCCTGTCTT TTGCATGCCT GAAGAAGTGC TTCAAAGAGT GAATGTTCAG 120
CCTGAGCTAG TGAGCTAGAT TCATTGAATT GAAAGTTGCA TAGTATAGTT TTGCCATTTT 180
AACATTTCTG TATTTNAAGT GCTTATCGAA TCTAAAAGTG ACTACTGTNA ATATTNNGTA 240
TATNGTGTNA AATTAATTNN ANTAAATNAT ATAATTNTAA A 281
```

配列番号 : 1051

配列の長さ : 226

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01192

配列 :

```
GATCAATGAC AGAGCCTTCT GGAGGACATT CCAAGACAGT ATACAGTCCT GTGGTCTCCT 60
TGGAAATCCG TCTAGTTAAC ATTTCAAGGG CAATACCGTG TTGGTTTTGA CTGGATATTC 120
ATATAAACTT TTTAAAGAGT TGAGTGATAG AGCTAACCCT TATCTGTAAG TTTTGAATTT 180
ATATTGTTTC ATCCCATGTA CAAAACCATT TTNCTTACA AATAAA 226
```

配列番号 : 1052

配列の長さ : 277

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01193

配列 :

```
GATCACAGCA TAAAAGAATC ATAAGATAAA ACATCAAACCT ACCCAGCAAC CTGAGAAGCA 60
CAGAGTGTTA AAGCCTCCAC CGTGTGAGAA ACTAAATTAG GGTAAGTAGC TATTGAGTAT 120
ATTGAGTACC TTCAAAGCAC TCAACTGACA GGTTTTACAG ACTGGAAATT ATAATACTTA 180
TGACATTTCT ACCTTTTATA TAACCAATAA TCTACCATAG AATGTAGTAT TTTTANAGCT 240
ATTAGCANGC AATATATTAN NNTANTANTG NATTAAA 277
```

配列番号 : 1053

配列の長さ : 277

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01194

配列 :

```
GATCCAACCC GAATAAGATT AGAAGCTTTC CATCAGTAAA AGGATGTTTT CTTTTTTCAC 60
ACAGTAAAAA TTCTTATCAT TCAAGGATAT TGGAACCACA GGACTATTTG GATAAAAAAC 120
```

ATTATTTGCA AATTAATGCG CATAGGCCAT CTTACTTTTA TTGCAAAATG GCATGTGCTG 180  
 CCATCTATTA TTCATTTTAA AATGGTCATT TCTTATTCAG TGAGTGCTTT AGTGTTTTAA 240  
 ACTATATGGA TAAGAATGCA GGTAGGATAA TATTCTN 277

配列番号：1054

配列の長さ：283

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01195

配列：

GATCCTGAGG ATTACAGCTG TGGAATTTT GTCCATGCTT CAAATAATTT TGAAAGAAAT 60  
 TTCCCATAT NAAAAAAGGA GAGAACACTN GCATCTGTTG AAATTGGAA NTTCTGAAAT 120  
 NATAGTATTT TAAAAAATTG CACTGAAGTG TATACACATA AAGCAGGTCT TTTATCCAGT 180  
 GAACAGGATG TTTTGCTTTA GCAGCAGTGA CATAAANTTC CATGTTAGAT AAGCATNTGT 240  
 TNACTTACCT NGTTATTAAA TATTNTTGG AAAAGCAGTG AAA 283

配列番号：1055

配列の長さ：277

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01196

配列：

GATCTGTGTA TGCTGTTGGG TCGGAGTGCC AGTNACTGCT TTGGAAGTCT GNGTTCTGGG 60  
 GCTGCAGAAT GACAAACGTG TCATGGGATT AAAACCAATC AACTGTGAAT TGTGAAATTG 120  
 AAGCTACTCT TTCGGTTTTA TTTCTTTAG CATATTGAGT ATAGAAATCT GAAACTTATT 180  
 TAAAATTTAT ACTGCTTTTG TTGATGGCTC ATTTTGGCTG TGTATCCTCA CTTATGTACT 240  
 GATTTCTGAT AAAGGCTTGA CATTATTATA ACANAAA 277

配列番号：1056

配列の長さ：103

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01197

配列：

GATCGACCTT NTCTGTTTTN TTTTGTTTTN NTTCTNTTT CCTGGCCATG AGGACAAAAA 60  
 TTA CTGAGTG GCCCTTAAAG AGGGAAGTTT GTTTTCAGCT GTN 103

配列番号：1057

配列の長さ：291

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01198

配列：

GATCGACCAC ATCCTGGATG CCCTGTAGCC CCTGCCCCGA TCCTCCAGGG GGCCAGGGT 60  
 GCCTGCACCT TNCTGTGGCA GGCAGATTGG GTGGTAGTGG GAGGTTGTGC ATGGAGGCCA 120

GTNAAAGCTG ACATCTGTAA AAGGCCTTCA AGGAAGAGAA ACCAGGCCCT GCGTCAGGCA 180  
 GTGTGAGTTT GCCGTTTGTG CTTAACTTTC TTTTGTGTTT TTTAAAAAN GGAAANNTT 240  
 AAAAAANCTC CCTTTAAAC CAAANCATNT TTGNNTTNN NCCAAGGGAA A 291

配列番号 : 1058

配列の長さ : 276

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01199

配列 :

GATCCCGCTC TGTNTTTTCC AGGTTTGTGC TATTCTNATT ACATTATCGA CTAGTCTGAA 60  
 GCAGAGCTGA TATCTCTTTA CCTGGGGAGT CAGCTTCACC AGCCACAGCT GCTGAAAGAA 120  
 TAGCTTGGAG ATTTACCCCA CTGCATTCT GTNGCTCAA CTTTTGACC TTTGTGCTAT 180  
 TTGAGAAATC TTTGAAATGC TGAAGGTATG ATTCTCCTTC AGGGGGAACA TGCTTTGGGA 240  
 AAAACGCCCA CTTAATAAAA TGTATTCNT TTCAAA 276

配列番号 : 1059

配列の長さ : 276

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01200

配列 :

GATCTGTATA TGGTAAACAG GGGTTTAACC ACATGTGGTT AACATGGATT AATGTGGGAN 60  
 TTTGGCTTCA AGAACACAAC CTTAGGACCT TGNCCCCAA AAGCTGGTGG TGAAATGAGA 120  
 GGNCCAATT TAAGAAGACC CTTATGGAGA CCTGAGGCTG CAGAACTGG TAGGTTTCAT 180  
 CAGGTGGTTA AAGTCGTCAA AGTTGTAAGT GACTAACCAA GATTATTCA TTTTAAACC 240  
 ACAGAATAAA AATGACACCT GAGCTTCTCT NTNAAA 276

配列番号 : 1060

配列の長さ : 276

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01201

配列 :

GATCTAGTTC CCCTGGAAAA GCTGCTGTAT TTTTAATTT TAATGGAATG TAGCTTTNN 60  
 AATCCTGTCA CTGGCATCAA CAAAAGGAAT TATACCATGA GACCTTATAG CTGTACTTAA 120  
 AAGCCATTCA GTTCAGCTAT TGGGAGTTCA TGATGAATTA GCATATGCCA GAAAGGTTGC 180  
 TAACCTTAAC ATCTGAGAGC AGTAACACTG ATTTTATCTG CTGTATGAGA CTTTGTGCAT 240  
 TTTACTTTGA AATAAAGATT TTTTCCACA CTGAAA 276

配列番号 : 1061

配列の長さ : 276

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01202

配列：

GATCCTGTTT CTNGCTCTGA GTNCTAGCTA GCCAGCTGTN TTCACACTGT AACATTTCAT 60  
 CAAGCTGTAC ATTTGGTGCA CTTTTCTGTG TCATACCACA ATAAAAAAAA NCCTATCATC 120  
 TTACAAAAAC AAGACACCCA AGTCCAGGCC CAAGGAGTAA GTACAAATAT TCCTGTTTCT 180  
 GANCCATTAC TGTAATTGGC TCTNAAGNCT TGAGGTANCC TTATAGGTTA CTCATAGGGC 240  
 ATATACAAAT AAACNGTTT GTTTTCTTTT TNCAA 276

配列番号：1062

配列の長さ：275

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01203

配列：

GATCTTCAAC GGATACTAGA AAATGAAAA GACTTGAAG AAGCTGAGGA ATATAAGAA 60  
 GCACGTTTAG TACTGGATTC AGTGAAGTTA GAAGCCTGAA ACTTTTCTCG TATGGGGTGG 120  
 TTTTTCGATT AAATCCTGGG GTCCATTTTA CAATCCATTA TTTTGGACCA CTGCTATGTG 180  
 TTCAAGTAGT ATGAGAATGT GATTGTTTT ATCTGGTTAC ATATATATTT CTTTGTCTAA 240  
 TTTAATATGT CAAATAAATG AGTTCATCTA ATAAA 275

配列番号：1063

配列の長さ：274

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01204

配列：

GATCTCACCT CTTCTCAGG ATGGGGAGCT CACTCCGAGA ACAGGAGAAA TCAACATTGC 60  
 AGTAACAAGG TAGAATGGTT TTGAAGAAGA AAAACCTGC TTTCTGACTG ATTTTGCCTT 120  
 GAAGGAAAAA AGAACCTATT TTTGTGCATC ATTTACCAAT CATGCCACAC ANGCATTTAT 180  
 TTTTAGTACA TTTTATTTT TCATAAAATT GCTAATGCCA AAGCTTTGTA TTAAAAGAAA 240  
 TANATANTAN AATAAAAAGT CTGTGCTGTT GAAA 274

配列番号：1064

配列の長さ：274

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01205

配列：

GATCCAAGTT CCTAGACCTC ATGGCTGTCC CCTCCCACCA GTCACCTCCA CTGCACAACT 60  
 CGGGCGGGGG TGTGACACCT CTCCCCACC NCCGACTCCG TGGTTTCCGT ATCGTCAACC 120  
 CTTAGCCGC CGACCCGGGA GGGGTCTGGC CTACACTGGT CTTCCCTTC CCATCAACTC 180  
 TTTCTGCTTG ACAATGTAGC AACCCAGGCC CCCACCCAC GGTCTCTCCC TTTTCTCTCT 240  
 CCCTGACAAT AAAGTCTGAA TTTGTTCTGC NAAA 274

配列番号：1065

配列の長さ：269



配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01207

配列：

```
GATCTATCCA TCCAATGTTG TCATTATATT TGACTGTGGT TCAACAGTAT TCGGTTGTCA 60
GACTAGGAAA GTTAAACGAA CAAATGGTT TTAGTTTTGC TGAAGACTGG CCTTATTAAT 120
GGACAGCTTT CCTAACAAGA GATTATTAAC TTTTATCAGG TGTTAACATC TGTTTCAGGA 180
ACATGGCAGT ATGTTTACAT GTCAGAAGTT TTGTTTAATT CTATGGTATT TCTAAATTGA 240
CTTGTTTAAA TAAATTCAGC AAATGGAAA 269
```

配列番号：1066

配列の長さ：269

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01208

配列：

```
GATCTGGTTG GCATTTTCTC CCTGATGATG GGAGCGTCAT TCTTTTGTCT TCATGGTTAC 60
TTGTGTGATA TAACATACAT CTGTNAAAGA AAATCACTTC TTTCTAGGGG AGGGAGGTAG 120
AAAAGTATCT TTCAAACCTG GTTTTNNAGT TTGTNTCTTG TCTTAACTTT GTGTNGGCTC 180
TAACTNAAAC ATGCTGATAT GTGTTTNCAN GANTTTTGGT TTAAGGANGT ATTGTATGGA 240
NGTCCACANA TTGGNAGGTN GTTCATCTN 269
```

配列番号：1067

配列の長さ：269

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01209

配列：

```
GATCGATTAA GGAAGGTGGT TATGGCTGGG TGGTTCAGGG GTTTTTTTGG GTTTNTTTTT 60
TTTTTCTTT GTCTTTTNA CTAAGCTG TTTAAGTTGA AGCATTCTNA GATGTTTGGG 120
GGGAAACATC CTCTNAAAT GGGNCCTTGT GCTTGCNTTC TGGGGAGGCG GTCCTGAGCA 180
GGTGANTCAT ANGGCATTGA TGCATATGTN ATATGNGGAC TGNACCCACC TTTCCCCCN 240
AGCCTTTGCC TCTTGGGTTG TTGTNCTGN 269
```

配列番号：1068

配列の長さ：268

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01210

配列：

```
GATCCTCTTT GTTTGTNCAA AGGACCAGTT TTCCTAGGCC AAAGAAGTCT CTNCCCCTATG 60
TAAGNCCTAT GCCTTNAAT ATCATGCACC ATGACCCACA GCCATCTGGT TATGTCTTAT 120
TTTTTTCCTA AAAGATAATG TTTATNNTA AAAAGGAAGG ANGGAGCAAG TGAAGTTTCA 180
TTCTGCTCCA GCGGTGGGGG ANGCGCTGA ATCCACCTGN TTCTCCTTTT GCAACCGNCA 240
GCANGCAGCT TTTCTCCGGG CNNCAGGN 268
```

配列番号：1069

配列の長さ：267

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01211

配列：

```
GATCTAGAAG GTGAAGAATT TTTTATGTA TATATAGACA TATCTATATA AATNGTCTGG 60
CTGAGGCAGG GCCTTCANCT ATCATTGGT TAATAAATAC ATTTNAGTAT TTNCATTTC 120
TACTGCCTGC AGAGTTTCAG GTGCTGTNG TGTGAAAGTC CTGTAGATGT GTGCAAATTT 180
AACGAAATGA AATTGTATGT GTAAAANTGT ACGATTTTCC ACTGTGCAAC TGTAATNAT 240
AAATAANANA TATTTTNTCT ATTCAA 267
```

配列番号：1070

配列の長さ：266

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01212

配列：

```
GATCCTAGTG ATTCAGCCC ATGCATTAAA CAGGAAACAA TAATAAATTT GTAGAATTCA 60
TATTTTCTA AAGGGAAGT AAAAAGTCT GCTACATGTT ATGTACAAA CTGGTTTATG 120
CCACATGGAC AGAGAATCAC ANGTTTGGT TTGGTACTTT NNGTTCCTCT TTGTATTCAG 180
TTGTATAGAC CTNCCAAAT CAGAATGAGA NGAAAGCTGT CTGTATCAAA CCATTTANGC 240
ANTAATTGTT ATATNTNANA GCTAAA 266
```

配列番号：1071

配列の長さ：266

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01213

配列：

```
GATCCAAGTT ATACATGAAT AGAAAAAGAT GGTGTTAAAT TTGTGTGTAG GCTGGGAATT 60
CTTGCTGAAG GAATTGGAGA AAACCTGTTG CTGCAAAATT TTACATGTTC CAGATGGAAA 120
GGGAAGTCTA AGCNCCTTTT AAAACAATTT TTTTGTAT TTAATTAAGC AATTNCAGTT 180
ATCTGGGATT TTTGGGTCAG AATTTTAAAT TCTGTTTGAT TCTCCATATT CCAGTNAATA 240
AAATACAAA GCATTGTNTT TTAAA 266
```

配列番号：1072

配列の長さ：265

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01214

配列：

```
GATCTTCAAT TCCTTGAGTC TGAGCTTGTG GGTGGAATTC TAAATTTGTA TCATAATCTG 60
TCTTTTGTGA AACATTTTGA AAATATGTAT ATATAATATT GTATATGCAA ATTGTGTTGT 120
```

TTCAC TTGTA AAGGGAAAAG GCTTATTTTN CTTTATATTT CTGATAACTT GTTTTGCATA 180  
 TGACCAGCAC TGA CTGAAAAG GCATGTGTAG CTGCAAAACAC TGTGCTTTT TTTGTGAAAT 240  
 GNAAATAAAA GTATT TAAAT ACAA 265

配列番号 : 1073

配列の長さ : 265

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01215

配列 :

GATCGTGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCCATCCC CCCTGCCCAA 60  
 AAAAAAATN AATTTTCACA GAAAATTAAT AGCATAGGTA TTATNATCCT CATTTTACAG 120  
 AGAAAGAAAC AGCCATAGAG AAAATGACT TGCTCACAAC ACAGGCAACT TTGACTCTAG 180  
 AGATANCACT TATTACAGTA AAATCCCTCT TCAGNCACAA AATACATGAT TATCTTAAAC 240  
 ACATTCTTAA TAAAANTTTA NCAAA 265

配列番号 : 1074

配列の長さ : 268

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01216

配列 :

GATCAAAGAT TGTAATAATA ATTTTGTAAG TTGTAAGCAA AAAGTTATTT TTATATTATA 60  
 TACAGTCTAA TTGTTTCATCC TAATTGTTCC TGTTTTCATC TAGTCAGAGA TTCAGTAAGT 120  
 NCCTTGGAAC AATATTGAAT TCTCTTAGCT TGTGTGTGTT TCTTTAATAT TTGAACTCAA 180  
 GTGGGATTAG AAGACTATNA NNNTACATGT ATGTTTCAGG ATATTTGACC TGTCATTAAT 240  
 AAAAACAAAC AGTTTTACAG TGCCTAAA 268

配列番号 : 1075

配列の長さ : 305

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01217

配列 :

GATCTCCATG TAGTCCATAT GAAACCTGCA GAGTGATTTT CCAGAGTGCT CGATACTGTT 60  
 AATTACATCT CCATTAGGGC TGAAAAGAAT GACCTACGTT TCTGTATACA GCTGTGTTGC 120  
 TTTTGATGTT GTGTTACTGT ACACAGAAGT GTGTGCACTG AGGCTCTGCG TGTGGTCCGT 180  
 ATGGAAGGCC TGGTAGCCCT GCGAGTTAAG TACTGCTTCC ATTCATTGTT TACGCTGGAA 240  
 TTTTCTCCC CATGGAATGT AAGTAAACT TAAGTGTGTTG TCATCAATAA ATGGTAATTC 300  
 CTAAA 305

配列番号 : 1076

配列の長さ : 263

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01218

配列 :

```
GATCCTGTAA GTTGTCATCA AAATATGATT TAGAAATATT GGCCAAGGTG TTGCTTTAAC 60
TGAGGAGAAA AGAAAGCACA CTGCCTAAAT GTGTAAAAGA AAAATGCAGA GGTATTATAA 120
ATGTAAAGAA GTAACAATCT TTGGATTTGT CTATACATAT ATATATATAT ATATNGNTTT 180
GCCTTAATAT ACCCCCTTTT TTGTTTGTGA CTTTCAACTG TAATCAGTTA ATAAAGTATT 240
TATTCTCTGC ATTCAGGTTC AAA 263
```

配列番号 : 1077

配列の長さ : 354

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01219

配列 :

```
GATCGACAGC AAGCAATCCT TAAGGGACTT TCAGAACTGA GACAGGGCCT TCTCCAGAAG 60
CAAAAGGAGT TGGAAAGTAG TCTCCTGCCT TTAGCTGAAA ATCAAGAAGA GAGTTTGGT 120
TCTTCATTTT AAATGTAGAA AATCAAATCC TTCACATTTG ATTTGTGTCT TCCAAATTAT 180
AAAATGTGCT CACTGGCTCA ACTGTATTTT TCAAATAGCC TAGATTTACT TATTTTTTTA 240
ANNGNNCATT AAAAAGTGT ATACTATGTA GTAAATGCT GTACTGTNC TATACAATAA 300
ANCAGATACT TCTTTTGTA AAGCTTAGTA GTAAACNCC ACCNNNNNN NNTN 354
```

配列番号 : 1078

配列の長さ : 260

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01220

配列 :

```
GATCGTGCCT GTGAATAACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ACATAGTAAG TAAGACCTTG 60
TCTCTTAAAA AAAATACATT CTGAAGAAAG TTCTACTTAT GANTACATTT TATTTATAAC 120
AAACTGGTGA AAATTTTAGA CCAAACCATG TCTTTCTGGG TTGTAGTGAT TAAAAATGG 180
TTAAGAGAAT GTTCCCTATA CAAGGCATAT GTTATTAANC ATGAAATTTA GGNTTAGTTT 240
TCTCTTTGAA NNTCCTTTN 260
```

配列番号 : 1079

配列の長さ : 260

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01221

配列 :

```
GATCCCGAGA CTTGTGTTCT CTTGGCTGAA NACACTNAGG TGCTCCCATC TGTNCGTGGC 60
CCATGANCTG GGATGGTCCT CCAGCTGCCC ACAAGGTCCG CCCCTCTNTC TCTGCACCAC 120
CTGTTTGCAT AAACACACTT TGCTACAATC TTGCTAGTNC GTTTTCTTAA AAGATAATCT 180
ATTTACTGTA AAAATAAATT GGACTTTGCA AAAGCTTTTA GAAGGAAAAG AAAGAGGATT 240
AAAGAGAATT GCTGGTGAAA 260
```

配列番号：1080

配列の長さ：259

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01222

配列：

```
GATCCAAATT TCCTTTTGAT ATTATTTTAC TTCTGCCTGA AACATTTTCT TTAACATTTT 60
TTATAGTGTT GTTTTACTGG TGATGATTTC TTTCAGGTTT TAAGTGCCTG AACAAAATCT 120
TTATTTACCC TACATCTTGA AAGATAGTTT CTCTGAGTCT ACAATTCCCA GCTGACAATG 180
TTTATCTTCC AGTACTTTAA AGATGTTGCT TCATTATCTG CTAATTTNNT TTGTTTCCAA 240
TAAAATGTTT GCTGGCAAA 259
```

配列番号：1081

配列の長さ：316

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01223

配列：

```
GATCTGCGGT GAAGCCAAGC CGCAAGGTTA CAAGGCATCC TCACCAGGGA TACCCGCCTG 60
CTGCTCCAG GTGGCCTGCG GCATNGCTAT GCTCAAGGAC CTGGAACCC ATGCTTCGAG 120
ACAACGTGAC TTTAATGGGA GGGTGGGTGG GCCGCAGACA GGCTGGCAGG GCAGGTGCTG 180
CGTGGGGCCC TCTCCAGCCC GTCCTACCTT GGGCTCACAT GGGGCCTGTG CCCACCCCTC 240
TTGAGTGTCT TGGGGACAGC TCTTCCACC CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG 300
GTGGAGTGT AGGAAA 316
```

配列番号：1082

配列の長さ：259

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01224

配列：

```
GATCCAAATG GATTACCAGT GTGCTACAGA CTTCTTATTA TAGAACAGCA TTCTATTCTA 60
CATCAAAAAT AGTTTGTGTA AGTTAGTTTT GGTACCATC TAAAATATTT TTAAATGTTC 120
TTTACATAAA AATTTATGTT GTGTTTTAAA ATCCTTAGGG GCTTTATCTA TTTTCTAAG 180
TCAGTAACT GTACTTCTAA AAAAAGTATT TTGTATCTAC TTTTGTAAC TCGTCAGAAT 240
AAAATATATT GAANGCAAA 259
```

配列番号：1083

配列の長さ：258

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01225

配列：

```
GATCGCTTCA CATNTATAAA AAAAATAANA ATACCCGGGC AAGCTTTCTT TGAAGNTGCT 60
ACAGCATTA ATATCGAGAA TTTGGGTGG GAGAGAGCAG TTCAATTTT TTTACCAGCT 120
```

GAAGTTCATT TATGATACAA AAGAGATGAA ATGGAAGTGG CAATATAAGG GGATGAGGAG 180  
 GCATGCTGGC AACCCCTTCTT TTAAGATGTG CTCAATTTGT ATAANTGGTG TTTCATGNAA 240  
 TAATCATCTT GGAGGAAA 258

配列番号：1084

配列の長さ：342

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01226

配列：

GATCGCCGCC CAGGGTTTCA CGGTCGCAGC CATCTTGCTG ACGTCTGNCT GNCACTGCTA 60  
 TGAAGTCTCG ACCCTAAGCC CAGGGTCTGG CCTTGAAAGC TCCGCAGAAA TGATTCCANA 120  
 ACCCAGGGAG CAACCACTGG CCTACCGTG GGACTIONCT CCTCTCTCC TTGAGAGGC 180  
 CCATGTGTCG CTGGGGAGGA AGTGACCNTT TGTGTAAGT TAACCGAAAG TTTTTTCAAA 240  
 AATCCTAGAT GCTGTTGTTT GAATGTTACA TACTTCTATT NNNGCCACAT CTCCCNCTCA 300  
 CTCCCNCTGCT TAATAAACTC TAAAAATCCA CTTGTATTTA AA 342

配列番号：1085

配列の長さ：260

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01227

配列：

GATCTAAGAA GANACTAGCC TTGTGGAGTA TATAGATGCT TTTCATTATA CACACAAAAA 60  
 TCCCTGAGGG ACATTTTGAG GCATGAATAT AAAACATTTT TATTCAGTA ACTTTTCCCC 120  
 CTGTGTAAGT TACTATGGTT TGTGGTACAA CTTCATTCTA TAGAATATTA AGTGGAAGTG 180  
 GGTGAATTCT ACTTTTTATG TTGGAGTGGA CCAATGTCTA TCAAGAGTGA CAAATAAAGT 240  
 TAATGATGAT TCCAAATAAA 260

配列番号：1086

配列の長さ：256

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01228

配列：

GATCCTTAAT GTTTTGATTN TTGTTTTCTG AAATTGGATT TTATTTTATT TTATCTTATA 60  
 ATNNCAGTTC ATCTAAATTG TGTGTTCTGT ACATGTGATG TTGACTGTA CCATTGACTG 120  
 TTATGGAAGT TCAGCGTTGT ATGTCTCTCT CTACACTGTG GTGCACTTAA CTTGTGGNNT 180  
 TTTTATACTA AAAATGTAGA NTAAAGACTA TTTTGAAGAT TTGANTAAAG TGNNNGNGTT 240  
 TGCATTACAC CTCAAA 256

配列番号：1087

配列の長さ：254

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01229

配列：

```
GATCTTTTAAA CTCTGGCTTC TTCCTCCTCA ATCTTGACAG AAAAAGGGTG CAGACGTCTG 60
GTTCAAAGAG TTGGATATCA AACTGATGG TGCAGTTAAC TTCCAGGAGT TCCTCATTCT 120
GGTGATAAAG ATGGGCGTGG CAGCCCACAA AAAAAGCCAT GAAGAANGCC ACAAAGAGTA 180
GCTGAGTTAC TGGGCCCAGA GGCTGGGCCC CTGGACATGT ACCTGCAGAN TAATAAAGTC 240
ATCAATACCT CAAA 254
```

配列番号：1088

配列の長さ：297

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01230

配列：

```
GATCCATCCC ATTCACCCAG TGACTTCTTT TTGCCCAGGC CGGGACTTTT TGCATCAGTN 60
ACGTTAACCA GATGACTTTG CCTGTAACCA AACCTCATGC ATCCACGTTT GCGTCTGGGG 120
AGGAATAAAA AGACATCGTT CCCGCTTCTN CGTTTTGTNA TTCCTACTGC CGCCATAGGA 180
ATTATTTTCG TGGCTGANCG TTACCAGCAC CCCGAGANCA CATTTTGATN GANTCAGAGT 240
AGAGGNCATG GCTGTNTTCT NAAAANGCCN CGCCATGNAA NTGCCAATCC CCTTTTN 297
```

配列番号：1089

配列の長さ：253

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01231

配列：

```
GATCGCATTT TTGTAAAAGA ACCATGTGTG TTTATATGTG TTTATATATA TACTTGTGTA 60
TGCAAAGGTA AAAGTCTGAA AGGATATATG CTAAGTGTTC ACAATGATAA CCCCCAGGA 120
ATGGGATTGG AGGGGAGGGG GCTTCTGTGT TTGTNATGTA TGCTGGGTGG GANNTTGTGC 180
TTTTATTTCT ATATTGTTG AATTTTTTTA CAGTATGTAT TATTTTTGTA ATAAAAATTT 240
TAAAAAATTC AAA 253
```

配列番号：1090

配列の長さ：252

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01232

配列：

```
GATCTGCCTT GAAATTTAAA AATCTAAATA GCTCTTAGTT GAACAGGGGA GATATAAACA 60
AAGTTTGCAA AATTCCTAAA ACACGATGAT AATAAACATC ATACATCAGA NTTTTGAGAT 120
ATAATTAAAG CAGTACTTAG AAGAAAATGT ATAGCCTTAA ATATTTAACA TCAGTAAAAAN 180
TGANAGGNTG AAAATTGGGA TTAAATTC CAACTCAAAG AGCTAGAAAN NGANTTACAA 240
AGCAAGNNGA AA 252
```

配列番号：1091

配列の長さ : 251

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01233

配列 :

```
GATCTCATGG GCTTTCCTGG AGGAAAGTTT TTTTGTTCG TTTTTTTTA AGACTTGAAA 60
CTTGTAAC TG AGATGCTGTA GTTTTTTGCC ATCTGTAGTG ATGTAAAGAT TTAAACCTGA 120
GAGACTTTTN CTTTGTTAGA TTATGAGAAG NACTAGATGC TTTAGGTTTC ATTTCCCTT 180
AATTGCNATT CTTGTGCGCT NGTTGGGNGG GAACTGTTAT TTTCCNCAAT AAAAAGTAAG 240
TCTTATCGAA A 251
```

配列番号 : 1092

配列の長さ : 250

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01235

配列 :

```
GATCATTAAA ATCAACGTTA TCTAAGACAG CTGTATCACA TTTTGGGAT ACATCATGGT 60
ACAGTCAGAA GCATATAAAA TTATGGTTCT GCTTGTCAAG CNCATACAGA ATCCAATACA 120
TTTTGACAAA CTGCCCATTC CTGCAAGTTA ATGCCCTTT TGAAGCTTCA TTCTCTTG 180
TAAAGTACAG ATAGGAATCA TTATTTGTG GAGTTGCTGT AAAGATTAAN TAAAGGTGAA 240
TGAAAATAAA 250
```

配列番号 : 1093

配列の長さ : 248

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01236

配列 :

```
GATCCCAACA AAGATACAAG TGAAAACGCA GAAGGTCAAA GNGATGAGAA CAAGGACGAC 60
TATACAATCC CAGATGAGTA TAGAATTGGA CCATATCAGC CCAATGTTCC TGTTGGTATA 120
GACTATGTGA TACCTAAAC AGGGTTTAC TGTAAGCTGT GTTCACTCTT TTATACANN 180
CNAAGAAGTT GCAAAGANTA CTCATTGCAG CAGCCTTCCT CATTATCAGA AATTAAAGAA 240
ATTTCTGN 248
```

配列番号 : 1094

配列の長さ : 248

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01237

配列 :

```
GATCACTGNC AAAGTGGGAG CACTAAGGGG TGGGTGGGGA AGTGAAATGT TAGGCGATGA 60
ATTCCTGAGC ACCTTGTTTT TNTNCCAAGG TTCGTAGCTC CTCTNTGCCC TTCCAAGCCT 120
GTAACCTCGG AGGACTATCT TTTGTCCTTN ATCCTTTGTN TTGTTTGAGT GGGNCAGCCC 180
CAGAGGAACT GATAAGCAAA TGGCAAGTTT TAAAGGAAG AGTGGAAGN NCTGCAANTA 240
```



配列番号 : 1095

配列の長さ : 246

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01238

配列 :

```
GATCTCCATG CGGTCCCTGG AAGTACCCAT TGAAACATGC GTATTTGTGT ATAGCAGAAC 60
TCTGAAATAA TATTCTGACA GCAGTTATCT CTGAGGAATT GGGTTATAGG TGATTTTCCC 120
TTTCCGCATG ATAAATTAT GTAATATTG ACTGACTTGA CCGTAAGTAT GTTACTTGTA 180
TAATAAAAGG AAAAAAGGTA CTTCTATTTT GAAAAAATAA AAATAAAAGC CTTTGGGTTC 240
TTGAAA 246
```

配列番号 : 1096

配列の長さ : 315

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01239

配列 :

```
GATCCTGTCA GGGNGTCCCC CATGCCTGGA AGAGGAGCTG GTGGCTGCCA GCCCTNGGGC 60
CCGGCACAGG CCTGGNCCTT CCCCTTCCCT CAAGCCAGGG CTCCTCCTCC TGTCGTGGGC 120
TCATTGTGAC CACTGGCCTC TCTACAGCAC GGCCTGTGGC CTGTTCAAGG CAGAACCACG 180
ACCCTTGACT CCCGGGTNNN NNGTGGCCA AGGATGCTGG AGCTGAATCA GACGCTGACA 240
GTTCTTCAGG CATTCTATT TCACAATCGA ATTGAACACA TTGGNCAAAT AAAGTTGAAA 300
TTTTACCACN TGAAA 315
```

配列番号 : 1097

配列の長さ : 245

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01240

配列 :

```
GATCCCGGGA GCCTTGCCGC ACTGCCTTGT GGGTGGCTTG GCGCTCGTAA TTGCTTCCTG 60
TGAACGCCTC CCAAGGACGA GCCCAGTGTA GTTGTGTGGC GTGAACTCTG CCCGTGTGTT 120
CTCAAATTCC CCAGCTTGGG AAATAGCCCT TGGTGTGGGT TTTATCTCTG GTTTGTGTTT 180
TCCGTGGTGG AATTGACCGA AAGCTCTATG TTTTCGTAA TAAAGGGCAA CTTAGCCAAG 240
TTAAA 245
```

配列番号 : 1098

配列の長さ : 245

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01241

配列 :

GATCTGCAGC AGCCGAAAAT GCGTTNTGGT AAACCTGGCC TCAAATTCAT ACTACCATAA 60  
 CTGTTTTTAT ATATTGCCAC TAATTTTGAC TGGATTTAAT AGCACTTTAT TGTACANCTA 120  
 CAAAAAAAAA TATATNCCTA GAATNGTNNC CAGTGTAATT CCTCTAATGT CCTGGTGCCT 180  
 TTTTATATAT TTCCAGNATT TTNATACTAT ATNGGTATTT CCTTTGTATA AATNGATNGA 240  
 TNAAN 245

配列番号 : 1099

配列の長さ : 251

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01242

配列 :

GATCTTAGGC TTTTCACTTT TTTTGTTTTG TTTTGTTTT GAAAGAAAGA AAAAAATACA 60  
 ATTAACAAGC CTCTTTTGTA AATGGGTTTC CTTTCTATGT ATAAATCGT GGTGGTCCCT 120  
 TGTTTTTACA TGTTTCATGCT GTGTAATTTT GAGATGTTAC TGAGATATGT TCTGAACATA 180  
 ATGTGCATTT TTNCTGTAC AGATGAAATG GGAGANTTTA ATAAAGAGTT TGCAGGTTTT 240  
 TNCTTGTTAA A 251

配列番号 : 1100

配列の長さ : 247

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01243

配列 :

GATCCAGCCC TGAGCATCAC CCAAGTGCCT GATGCCTCAG GTGACAGAAG GCAGGACGTT 60  
 CCATGCCGAG GCTGCCCCCT CACCCAGAAG TCTGAGCCCA GCCTCAGGAG GGGCCAAGAA 120  
 CCAGGGGGCC ATCAAAAGCA TCGGGATTG GCATTGGTTC CAGATGAGCT TTAAAGCAA 180  
 ACATAGCAGT TGTTTGCCAT TTCTTGCACT CAGACCTGTG TAATATATGC TCCTGGAAAC 240  
 CATCAA 247

配列番号 : 1101

配列の長さ : 266

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01244

配列 :

GATCTTCCCT AAAGAGCAGN GGACCANATA NGAAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60  
 TCTGAAAGAG GTTATTCGGG AAAGAAAAGA AAGAGAAGAA TGGGCAAAGA AGTAATCATG 120  
 TAGTTGAAGT CTGTGGATGC AGCTGTTATG AAGATGGTTA AACTTGAANC AAACAATTTT 180  
 AAGANTTATT TNGTCTGAAN GATGTTTAC TTAAATAAA TGTCTCNTTG NAATGGCTGG 240  
 AGGTTTTTGG GNGCCAAACC NTTAAA 266

配列番号 : 1102

配列の長さ : 256

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01245

配列：

```
GATCCCAGGT CCCAAGGAGT GACAGGGGCT TCCTCCCACC TTCTGTCCTT GTCCAGTNAT 60
GTAAATAATG TGCTTTTCCT CTCCCCGAGT CTTTTTTTTT AAAACCTACC GTGGTTCCTN 120
AGCTAACTGC ATTCCCTACC CAGGCAGAGA CTGTCTATG CCTCGNGCTT CCAAACGAGA 180
CTCAGACCGC GACANAGCCA CCGTATTTAT GGATTGCCAA ANTAANTAAN GCCCAAANCC 240
ATCGGTCTCT GTGAAA 256
```

配列番号：1103

配列の長さ：240

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01246

配列：

```
GATCCTGGTG CTGGACAACG CTGCCATTGT CTGCAACTTT GGCAGTGAGC TCAGCCTGGT 60
GTATGTGCCC TCTGTGTGG AGAAGCTGGA CTGAGCGCAG GGCCTCCTTG CCCAGGCAGG 120
AGGCTGGGGT GCTGTGTGGG GGCCAATGCA CTGAACCTGG ACTTGGGGGA AAGAGCCGAG 180
TATCTTCAG CCGCTGCCTC CTGACTGTAA TAATATTAAA CTTTTTTAAA AAACCATAAA 240
```

配列番号：1104

配列の長さ：245

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01247

配列：

```
GATCTGGGCA GTNAGATAGT GCTCTATGCC TAAGGTGAAG CCACACTAGG NTGAAGCCTC 60
ACTTCCCTGT TTAAGCAATG CAGTGCCTGC TGCCCGTGTG CANGAAGGTA CAGCCATTCA 120
GATAAGTGGA ACTATTGAGT TACATAAAGA AAGTAGATTT GCANTNNTCN GGCAGACGTT 180
TATACANCAC CACGGTGCTT TTATACATTG TNCTNATTTT AATAAACTG ANGTTCTATG 240
TGAAA 245
```

配列番号：1105

配列の長さ：240

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01248

配列：

```
GATCTGGCTT CCATTTGGCC CCCTCATTTC CCAAATGTTT AAATGTATTG GATTTGGATT 60
CTCAATGTAT AAGTTGCCTT ATCTGTTAAT GTCTATCTTC TGTCTCTTTA ATTTTGTATA 120
TCTGCTGTTT TGCTTTTGGA TACATTTTCT AATTAGAAGT CACATGATAA ATATAATCAG 180
TATAGTAATA ATACCATAAT GTGCACATAC TCAATAAATA AATGACTGCA TTGTTGTAAA 240
```

配列番号：1106

配列の長さ：240

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01249

配列：

```
GATCCATTTN TCCNTGTAAC TNGGAGAAAG GCCAGTCCCT GTAACGGGGC AGCCCTCTCT 60
TTCCCTCGGT CAGCTCGTGT NAATCCTGGN ACCTCTTCCG GTCGGCTCTG CCCGCTGTTC 120
TGGGGTCGAC TGCCACGACT TTNNATTCAA GAAGCTTCCT CCAGGCGGNA GCGGCTATTT 180
TCCCTAAATN AGAATTGTTA CATTGCAAAT NGTTGAATAA AATATTTNGC GGTCTTAAA 240
```

配列番号：1107

配列の長さ：239

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01250

配列：

```
GATCTGAAGA AATGATGGAA TGGGGAGTGT AGAGAAATGA GAGTCTGTAT GATTCTGGAA 60
CAGAGACATC AGAAGGAAAG ACTGGTGAAG AGATGTATCT TTGTATATTA ATAGCTGTAA 120
TGTAAGCTTCC TGATGCTTGA CTAATTGAGG TGTTAATTCT GACTTGAGAA TCTTTTTCAT 180
GAATGATTTT AAAGAAAAAT TTGGATTTTA AAGGTATTAA AATATTTTNG TTTTGTAAG 239
```

配列番号：1108

配列の長さ：239

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01251

配列：

```
GATCCGCGAGT CGAAAAAGAA CAAGCCACAG AAACGGGCTC GTCGTGCCAG GACACAGCAG 60
TGCTTTTCAA AAAATCAAAA CCAGAAGNTT TATCANCAGC AGGAAGNATG TGGGCTCTGT 120
CAAGTTCACC GTCACCATCA AGCCACTGCT GTGGAAGAGT TTGNCAACAG GNCAGTGTC 180
CAGCACANCT TCAGANGCAG CATCCGNGTG TCGTCCAACA GANGNCCTNG TCCGGTCAN 239
```

配列番号：1109

配列の長さ：238

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01252

配列：

```
GATCTATGTC CGGTGTGGGT TTTTGTCTC TCGAGTTTGT TCTCTAATAA AGGCCTTTTT 60
TGTTTCAAAT TACATACGCT TTTTACTGCA CAATTTTGT ATTGACCTTA TTTCAACTGA 120
AGCGATTATT TCCAGCAGGT TTAATTTTCA CAATAAGATA TATTTNAATA GTTTTACCTT 180
TCGCTAGAAT TTTGTATTGT TTAACACAGT AAATGAATAA NTTTGCTGAT GATTCAAA 238
```

配列番号：1110

配列の長さ：238

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01253

配列：

```
GATCAATGAA ATGCACATAA ATNAACTGGT TCCATCAAGA CTGTGCACCC AGGCCTTACA 60
GTCCAACCTT TTTCTGTGTC TGGCTAATAT TTAATACTAG AAAAATATT CCTAATCAAC 120
ATGGAGTGGA GAGTTTATTC ACTGTCTTAT CTGCAGAAAT TTGCTGTCAA TATATAACCC 180
GCCTGCAGTG GAAAGTGTAT AGTGTTTGT AATAAATGGC CTGATGCTAA TGTGTAAA 238
```

配列番号：1111

配列の長さ：237

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01254

配列：

```
GATCTACCGG GGGCTATTAG TTTCAATGTA GTGATGAACA CAAACTATAT TTTGAGTTCT 60
CTGCAGCAAG TGGAATGTGG TATGAAAATA TCTGATATTT ACAAAGATGA TACTGCTAAG 120
TCAGAGTCAC GTTTATTGCT AATATGATGG TGGAGTGTG TCTTCATTCA TAATGAAGGG 180
AAATGTTATT TTTAATAGNG GTTAGTGAAA TAAAANTAAN CCTATTTTCT AANCAAA 237
```

配列番号：1112

配列の長さ：268

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01256

配列：

```
GATCTGGAGC ATTTGAGCAA GTTTATAGAA GAACATGCCA CAAACTGAG CAGGACCAAG 60
GAAGAGCTTT GAAGGCCTGA GGTCTGCGNA AGGTGGGAGG AGGCAGACGC CCTGCGTGGC 120
CCATGGTCGG GCGCTCCACG CCGAGGCCGG CAACAAACGA CAGTATCTCG GATTCCTNTT 180
TTTTTTTTT AAATTTTNA AACTNNGGGG TTNCACTNCA NGNTCTGAAT ACTGANTANC 240
CATGAATNCC TGAATAGTTT AGNCCAGN 268
```

配列番号：1113

配列の長さ：236

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01257

配列：

```
GATCAGCGCT GAGGACGGNC TCAAGCATGA GTATTTCCGC NAGACCCGNN NCCCCATCGA 60
CCCCTCCATG TTCCCCACGT GGCCCGCCAA GAGCGAGCAG CAGCGTGTGA AGCGGGGCAC 120
CANCCCGAGG CCCCTGAGGG AGGCCTGGGC TACAGCCAGC TGGGTGACGA CGACCTGAAG 180
NAGACGGGCT TCCACCTTAC CACCACGAAC CAGGGGCCTC TNCNGCGGN CCNGGN 236
```

配列番号：1114

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01258

配列：

```
GATCTGTTGA CTTCCCTGGG TAGGACACTG CCACCTCTGG GCTCAGGTCC TNATGCCTCC 60
AAATGGCATC TAGAGTTTGA GCAGCCTTCT TGGCTGCAAG GCAGGCCTAG CCTGTGGCAG 120
CGGGCTAGGG CCCGCAGAGC ATTTGGTGCC CCTCCATGTT GCAATGCAAA CACCTTCACC 180
ACTGGGGCAG TGGGGAGAGA TGGCTATATT AATAAAATAA CGTGTGTCTT TCAAA 235
```

配列番号：1115

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01259

配列：

```
GATCATNATT TTTNCTGCGT AGTTGACAGA CTTAGCATAT TAGTTTTTNN TACTCCTACA 60
AGTGTA AATT GAAAAATCTT TATATTAAAA AAGTAACTG TTATGAAGCT GCTATGTACT 120
AATAATACTT TGCTTGCCAA AGTGTGTTGGN NTTNTTGTN GTTTGTTTGT TTGTTTGT 180
TTGGTTCATG AACACAGTN TCTAGAAACC CATTTTGAAA GNGGAAANTT ATTAN 235
```

配列番号：1116

配列の長さ：234

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01260

配列：

```
GATCACAATT NGCTTCATGA ATCAAGGTGT GGAAATGGTT ATATATGGAT TGATTTAGAN 60
AATGGTTACC AGTACAGTCA AAAAGAGAA AATGAAAAAA ATACAACTAA AAGGAAGAAA 120
CACAACCTCA AAGATTTTTC AGTGATGAGA ATCCACATTT GTATTTCAG ATAATGTAGT 180
TTAAAAAAA AAAANGGNAA AACNTTGTT GNAANTNCCN CCTTNCCTC NGGN 234
```

配列番号：1117

配列の長さ：234

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01261

配列：

```
GATCCCCCGN TCAGCNCCNA AAGTGCTGGG ATACAGGCAT GAGCACCACG TCCGNCTAGA 60
CTTTACCTTT CTAAAGAAAT TGTTTACTGG ATTTATAAGA AGTTAATTTT TGAAAATNAC 120
ATATTTTTGT NTGATAGAAA GAATGGAGCA AGTNGTGCCT ATTTCTCTCA AGTCAGATAA 180
GGTTTCTAAA ATAAATAAAT TTCTAGCATA TAAAGGGTAG AGATAAACTC NNNN 234
```

配列番号：1118

配列の長さ：233

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01262

配列：

```
GATCACAGGT CTTCCCTGTG AACTTTGGTT TCTTTCTATA AATGTGTGTG GTTTTCAGCG 60
CTCAACTCCT GTCTTCAAAT GGTAGTAAGT NCTACTTCTA CTTCTGTCAT TCAGAACATT 120
TTATGTCAAA TGATGTAATG CAGAAATNCT TGTGCATATT TGTAAGTAA GGAAGCTTTT 180
TAGATTTATT TNNGTTTTTA ATAAAATTCA GATTCCTATT CTAACTGGT AAA 233
```

配列番号：1119

配列の長さ：230

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01263

配列：

```
GATCTNCTAT GCAGTTCGTC CATGCNTCCT GTTGGTCTCT CTGTGTTCTT TGTTACTTGG 60
GTGCAATAGC AACTTCCCTA CCCCCTGCAT TCCATCTTN ATGTTGTGTA AAGTTCCTCA 120
CTTTTNNNTC TGAGGGCTGG GGGTTGGGGG AGTCAGCATG ATTATATTN AATGTAGAAA 180
ATGTGACATC TGGATATAAA ATGAAAATAA ATGTTAAATT AAATGGAAAA 230
```

配列番号：1120

配列の長さ：237

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01264

配列：

```
GATCTAAGTT AGTCCAAAAG CTAAATGATT TAAAGTCAAG TTGTAATGCT AGGCATAAGC 60
ACTCTATAAT ACATTAAATT ATAGGCCGAG CAATTAGGGA ATGTTTCTGA AACATTAAAC 120
TTGTATNTAT GTCATAAAN TTCTAACACA AACTTAAAAA ATGTGTCTCA TACATATGCT 180
GTACTAGGCT TCATCATGCA TTNGTAAATT TGTGTATGAT TTGCNNNTNT GNNNGNN 237
```

配列番号：1121

配列の長さ：234

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01265

配列：

```
GATCTGGCCA GTTGTACTTT TAGCTCCAG AGGGAGAGTT GGTGGTATTA TGAGTTGAGT 60
AAAAACCATC CAGGGGAAGT TGAGGGAGCA GTCTGTTGCC AGTAATGTTT CTTGTGTGCC 120
ATTAAACCAC CTCCAGATGA GTGGAGGAAC ATCACTTTTT AATTTTTTAA TTGTATTTGG 180
AATTGTTGCC GTGTACTAAG AACTTGACCT AAATAAAATC CCACAAAGTA TAAA 234
```

配列番号：1122

配列の長さ：232

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01266

配列：

GATCCTCAGG ACGCAGGTCA CATTACCTG TGGGCAGAGG GACAGGTCAG ACACCCAGGC 60  
 CCACCCAGA GACCCTCCAT GAACTGTGCT CCCAGCCTC CCGGCAGGTC TGGGAGTAGG 120  
 GAAGGGCTGA AGCCTTGTTT CCCTTGCAAG GGGGCCAGCC ATTGTCTCCC ACTTGGGGAG 180  
 TTTCTTCTG GCATCATGCC TTCTGAATAA ATGCCGATTT TATCCATGGA AA 232

配列番号：1123

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01267

配列：

GATCAGGAGG CATCATTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCCGTAA CCTGTATCCC ACGTACTCTA 60  
 TCTTCCATTC CTCGCCCTGC CCCCAGAGGC CAGGAGCTCT GCCCTTGACC TGTATTCCAC 120  
 TTACTCCACC TTCCATTCCCT CGCCCTGTCC CCACAGCCGA GTCCTGCATC AGCCCTTTAT 180  
 CCTCACACGC TTTTCTACAA TGGCATTCAA TAAAGTGTAT ATGTTTCTGG TGAAA 235

配列番号：1124

配列の長さ：238

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01268

配列：

GATCGATGCC ACGTTCGTAA GGTTCCTAAGT CCTTCTTGGC TCCTNATGTG GTCCCTCTCC 60  
 TCGGAAGAAC TGCCCAGCCA CGGGTTTTNA ACCCACCTGT TGCTCCTNAG GTCGTCACCTA 120  
 TATCAACAGT CACAAACCCA ATGGCAATAA AGGCACTGAC GATAGCTGGC GCGCGCNACG 180  
 CCACACACCA TTTTNAGATG CCGTTGCAAT TAAATCTTGC CAACTGTCC TCCTGAAA 238

配列番号：1125

配列の長さ：231

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01269

配列：

GATCCCTGGC TGGAATGTCA TACCATTGAC CCATTTGAAG AGTTAAAGCT GGATTTGACT 60  
 GCTCTATTCT ACCAGGAATA TTGTTAGGGT AGCCTTTTAC CAGTTTCTAA ACANTNGTAA 120  
 TCATTTATTG ACTCAGCAAT TCCTCAGATA ACAGGTCAAA AGATGTACAG ATACATTCNN 180  
 NAGTTTTCTT GCTATTAAAG GCACAAGAGT TTCCTTGAT TTTGACTGAA A 231

配列番号：1126

配列の長さ：230

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01270

配列：



GATCTACAGT CATGCTTTAG CATGGCTATG GAGCTAATTA TCAAGCTTAA AGGGTAACTT 60  
 TGGGAGGACT CCTCCCTTCA CTCCTAGTCT CCCTTGGAAG AGCAGTCCAG GCTCAGGGAA 120  
 GGAATGGAT AGGATGACAC AGTAAGTACA GAACTGAA GCTGTCAATAG TGAAGGAAAA 180  
 AGGGGAATTC TTCGTTGCTT TGGCATTNAC ACATAAGTAC TTTGATTAAA 230

配列番号 : 1127

配列の長さ : 229

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01272

配列 :

GATCCAAAAT TTATAGCATT CTTCTACCAC CACAGGGGCT CATATGACAT TAACAGACAA 60  
 GACACTTTTC AGAAAGACAG GTTGTCTTTT TGGGCCACAT CTAAGAAATC TTTGTCTAGC 120  
 CAAAAGCCAC AAATAATTC TCATTTTTTG GCTTCTGGAA GATGTACAGT TAAATGTTAT 180  
 ATTTGGGACT GTTATCTAAT TTGATTAAAT TGCACCTAC AATATGAAA 229

配列番号 : 1128

配列の長さ : 229

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01273

配列 :

GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60  
 TGTTTGTTT TCCTGGAGAT GCAGAACTGG GCCCGTGGAG CAGCAGTTTC AGCATCAGGG 120  
 CGGAAGCTTA AAGCAGCAGC GGGTGTGCCC AGGCACCCAG ATGATTCCTA TGGCACCAGC 180  
 CAGGAAAAAT GGCAGCTCTT AAAGGAGAAA ATGTTTNAGC CCAGTCAAA 229

配列番号 : 1129

配列の長さ : 227

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01274

配列 :

GATCCTTACT ACTGGAATTA CCGGGTTAAA AGGAAATGCT TACCACTAAG ATGTCAGTAT 60  
 TCTCCTCATG GATATTTTCA ATCTCAATGT TGCCAGTCTA ATAGTATAGT ATGTGGTTGC 120  
 TTTACTGCTG TTCTCCCCAC CCCCGTGGAG TTGTGTCATT ATTTTAATGA ATGTGAGCTC 180  
 TTGACTTACT CTAGAATTCT AATACAGATA CTTTCTGCAC TAGTAAA 227

配列番号 : 1130

配列の長さ : 227

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01276

配列 :

GATCCGCTTG GTGACGGGCG TCTTCCCAGA TGCTGGCGTC ACCGCTAGAC CAAGGAGCCC 60

TCTGGTGGCC CTGTCCAGGC ATAACAGAAG GCTCGCACTC CTGTCTTCTG GTCACCTTCTC 120  
 ACTATGTCCC CTCAGCTCCT ATCTCTGTAT GGCCTGGTTT TTCCTAGGCT ATGATTATTG 180  
 AGTGAGGATT ATCATAATAT TGAATAAAAA AGTAATTGCT ACCCAAA 227

配列番号 : 1131

配列の長さ : 227

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01277

配列 :

GATCAGGATT GTCCTACAGT TGTAATAAG ANTAGGTCCT GTTTATTTTG ACATCTNNTT 60  
 ACAAATGCAT TGTATTAGGG TGTGAATATT CTGAACCATC CTCTTGTTTA AAGTTTGAA 120  
 ATTTTATTG TTAAATGTAA CATTTTAATG GTTGAATAA TTATTTGTAT AGATATGAAT 180  
 ATAGTATTN ATTTAAGANA ATAACTTTG CATTTTGTCA TNGTAAA 227

配列番号 : 1132

配列の長さ : 227

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01278

配列 :

GATCTGAAAT TTGTGTATNC TAAAGTAATT TNGTTTTATG TATTGGAAGT TCACTTAAAA 60  
 ACTGGAAATA TTTTCTAGAA GGGTACCACA CAAAAGGAAT CATCTTTAAG CTGTTTAATT 120  
 AACCTAATAA AATAATNTGA TGGGGAAGGC ATTCTAATTG TTTCTGATTT TNNGAGTGGT 180  
 TCCTGCTAAN TCATCANTAT CANTACAGCT TGATTTGATT TAAGAAA 227

配列番号 : 1133

配列の長さ : 226

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01279

配列 :

GATCTTAAAT GTTATATTGA TAACCATGCT CAGCAATGAG CTATTAGATT CATTTTGGGA 60  
 AATCTCCATA ATTTCAATTT GTAACTTTG TTAAGACCTG TCTACATTGT TATATGTGTG 120  
 TGACTTGAGT AATGTTATCA ACGTTTTTGT AAATATTTAC TATGTTTTTC TATTAGCTAA 180  
 ATTCCAACAA TTTTGTACTT TAATAAAATG TTCTAAACAT TGCAAA 226

配列番号 : 1134

配列の長さ : 225

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01280

配列 :

GATCTTTACC AAATTCCTGA CTCAGAGTTC CTCCCATTTN CTTCTGACTC TCATTTTATT 60  
 CTTACCTCTC ATTTTATTCT TATGATGTTT ACCATTTCTN TTCTCCTCAG TGTCCTCTC 120

TGAGTGGTAA GAGTATGTTA ATAAGCCAGT NCTGAGACCG GAGCACGAGG CAACTGCTCA 180  
 ATGTTGGTCA TTGTCACGTG TATTAAATGT AACTTAAGGG NNAAG 225

配列番号：1135

配列の長さ：224

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01281

配列：

GATCTGACTT AAAAACCAC CAGCATGCTC AATCCCTTGT NATCCTTATG GAATCTGTAT 60  
 GTTAACTCTC TGGGTGTTC GGCCTTCTATT TGAAGCTGT TGTNACCCTG TTTGCAAAT 120  
 GAATATGACA CTCTGTGGAT TATTNCTCT GTAAGGCACA AGTNCTTCTN ATGATTANTT 180  
 TGACGTTTCA NGAGCAAAAG CAAATTNANA CTCTCTTCAG CAAA 224

配列番号：1136

配列の長さ：223

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01282

配列：

GATCCAATAG GAGACACCAG TTCCTTGACT GANCCATGCC CCCACCTAAG TNACAAAATG 60  
 AGGGAAGTGG GGAGTTAGAT TTCAGAGTCC AGGCCCTAG GTTGGGACCC ACTCCAAATA 120  
 ATCTCCTCGG TGTGGGTNGT GGTCTATAG AGGNATANAT GAATAATAAA CATTGTTAAA 180  
 NTATACGATA ATGNATAAAG TAATCCTTTC ATCANNTGTG AAA 223

配列番号：1137

配列の長さ：222

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01283

配列：

GATCCATCCG ATGGCCTACC AGCTGCAGCT CCAAGCCGCC AGCAACTTCA AGAGCCCAGT 60  
 CAAGACGATT CGCTGATTCC CTCCCCACC TGCCTGCAG TCTTTGACTT TTCCTTTCTT 120  
 TTTTGCCACC CTTTCAGGAA CCCTGTATGG TTTNAGTTT AAATTAAAGG AGTCGTTATC 180  
 GTGGTGGGAA TATGAAATAA AGTAGAAGAA AAGGCCATGA AA 222

配列番号：1138

配列の長さ：432

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01284

配列：

GATCGCACAT CCCTGCGCCC CCATGCCCCC ATGCCCTCT GAGTCACACA GGACAGAGGA 60  
 GGCAGAGCTT CTGCCCCTG TTATCTTCAC TTTCTTTGTC CAGTCTTTTG TTTTAAATAA 120  
 GCAGTGACCC TCCCTACTCT TCTTTTAAAT GATTTTNGTA GTTGATTGT CTGAACTGTG 180

GCNACTGTGC ATTCCTTGAA TAATCACTTG TAAAAATTGT CAGTGCTTGA NGCTGTTTCC 240  
 TTTACTCACA TTGAAGGGAC TTCGTTGGTT TTTNGGAGTC TTGGTTGTGA CNCAAGAGC 300  
 AGAGTGAGGA AGACCCCAA GCATAGACTC GGGTACTGTG ATGATGGCTG CAGTCCAGTT 360  
 TTTATGATTC TGCTTTTTAT GTGTCCCTTG ATACCAGTGG NCTTANCAAT TATACATTNC 420  
 CTCATANTTA AA 432

配列番号 : 1139

配列の長さ : 220

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01285

配列 :

GATCAGACCC AGAGAAAAGT AGTTGTCAGT CATAGCACAC ATCGGACATT TGGAAAACAG 60  
 CAGTGGCAAC AACTGTATGA CACACTTAAT GCCTGGAAAC AAAATCTGAA CAAAGTGAAA 120  
 AACAGCCTTT TGAGTCTTTC TGATACCTGA GTTTTTATGC TTATAATTTT TGTTCCTTGA 180  
 AAAAAAGCC CTAAATCATA GTAAACATT ATANNCTAAA 220

配列番号 : 1140

配列の長さ : 219

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01286

配列 :

GATCTTGGGG CCTGTTTTCC CATGGGATTC AAGAGGGACA GCCCCAGCTT TTTTGTITT 60  
 TAAGCTTAGG AATCGCCTTT ATGGAAAGGG CTATGTGGGA GANTCAGCTA TCTTGINTGG 120  
 TTTTTTGTAG ACCTCAGATG TGTNTTCAGC AGGNCTGAAA NCTTTTNTNC TTTAATAATG 180  
 AGAAATGTAT ATTTTACTAA TAAATTATTN ACCGAGAAA 219

配列番号 : 1141

配列の長さ : 219

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01287

配列 :

GATCTAGAGA CAAAGGATAC TCAATGAGGA GCTTTTTTCC CCTCTTGGA CAGGTAAAAAT 60  
 GCTTTTCCTT ATTAATATAA TTATAAAACA GTATTTTATG TAACAGCTAT TCCCATATTC 120  
 TAGGAGTGGC CTAAGAAATG CGTGTTCAG TGACTAGATT ATAAATATNC TCTATTGTGA 180  
 ATAGTTGAAT AAAACAGCTG TTTTTTCTG CTCCTAAA 219

配列番号 : 1142

配列の長さ : 219

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01288

配列 :

GATCTGTGAA ATGCTATCTC TCCTGANGCA ATACTGTTGA CCAGAAAGGA CACTCCATAT 60  
 TGTGAAACCG GCCTAATTTT TCTGACTGAT ATGGAAACGA TTGCCAACAC ATACTTCTAC 120  
 TTTTAAATAA ACAACTTTGA TGATGTAACT TGACCTTCCA GAGTTATGGA AATTTTGTCC 180  
 CCATGTAATG AATAAATTGT ATGTATTTTT CTCTATAAA 219

配列番号 : 1143

配列の長さ : 219

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01289

配列 :

GATCCCTGGA CACTTACGTA CAATGCTTCG TNCTGCCTGA TGACAGCCGG GCCAGCCGCC 60  
 AGCNTACAAG GNTTGTNCGA CGCAGCCTCA GCCCTGTNTT CAATCACACC ATGGTGTACG 120  
 ATGGCTTTGG GCCTGCTGAC CTGCGCCAGG CTTGTNCCGA GCTCTCCCTC TGGGACCATG 180  
 GGGCCCTGGG CAACCGNCAG NTNGGGAGGC ACACGCNTN 219

配列番号 : 1144

配列の長さ : 218

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01290

配列 :

GATCTCGGTG CTTCTTCCTG TGCTGTGGTT TACCCCAAAC CTTTAGGTTG TTTATTCATT 60  
 CAGATTAGAT AGACTGGAGC CATAAAGTTA ATTTGCACCT AGCTTTTTTG AGAATAGCCA 120  
 TGATTAACTG CTATTCGTGG TGGGGGTGGG GGGGAACCCT ATGATTTACT ATGCAGATGA 180  
 AGAGGGTAGG AACTAAATAA AGGACTTTGT AAGCCAAA 218

配列番号 : 1145

配列の長さ : 218

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01291

配列 :

GATCAAGAGG GAGTTCATGC AACACCTGAG AATCTGATTA ATGCACTGAA TAAGTCTGGA 60  
 TTAAGTGACC TTGCAGAAAG TCTAACTAAT GACAATGAGA CAAATAGTTA GCTTCTTTTT 120  
 TTTTCTTTT TATTAAANCT GNGATAGATT TTNTACCAA GCAGCATTTG ATAAGAGGTC 180  
 CACTGGTTTT GGTAANCAAT AANCATTTTT ATACCAAA 218

配列番号 : 1146

配列の長さ : 218

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01292

配列 :

GATCCCCAGC TGTTTATGCA TAGATAATCT CTCCATTCCC GTGGAACGTT TTTCTGTTC 60

TTAAGACGTG ATTTTGCTGT AGAAGATGGC ACTTATAACC AAAGCCCAAA GTGGTATAGA 120  
AATGCTGGTT TTTCAGTTTT CAGGAGTGGG TTGATTTCAG CACCTACAGT GTACAGTCTT 180  
GTATTAAGTT GTTAATAAAA GTACATGTTA AACTTAAA 218

配列番号 : 1147

配列の長さ : 217

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01293

配列 :

GATCCTATCC AGTTGAGGAA TGCTTGCAAT GCTCATTGAA GGGATTGCT TTGGGACTTT 60  
GTCATCTTCC AGAAAGGAAA CATATTGTAT ATTTGGCCCA GTGTGATTGA TTGCTTTATC 120  
TTTGGTAACT TTTACTTGAA TGGGATTTGC TGAATTAATG ACTATTGAAT TAAAACTAA 180  
TTATGAGTTG ACAAATAAAT AAAAGGTAGT GTTTAAA 217

配列番号 : 1148

配列の長さ : 217

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01294

配列 :

GATCATAGTC AGAAAGTACT GCAGTTAACA GGAACCTTCT TGTTCAGGCT GTCATAGCCA 60  
CAGTTGCAAA AAGTGCAGTA TTGATTAATG CAATNAGTGC AATNAGTGAC ATCCTGAGTC 120  
TTTTATCTGT TNAGCTTGCT NTNCTNTTCT NTCATACATC AGGATATTGC CTGTAATGTG 180  
GAGTGGACAG GATAAAAATA AGNATTTTAC TTTCAAA 217

配列番号 : 1149

配列の長さ : 124

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01295

配列 :

GATCTGAAGA AAGCTTTTGG TGCTTGTCTT CACAACCACC TCAGTCCTCC CTCCTGTCC 60  
TCCCCTGTCT CCTTTCCTCC TCCTGGGTTT ATGTTGTAAT AAAAGAAGAT TGTGTTGTG 120  
TAAA 124

配列番号 : 1150

配列の長さ : 215

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01296

配列 :

GATCATAGCT TGTTTTATTT TGTGCTATAA AATTAACAGT ATTAAATGAC TTATATTCTT 60  
AGAATACATC GAGTGTCTTT TCTTAACAGA TTAGTGCCTT TTNATTTTGG TATCCGTTT 120  
TACGTTACTG GTCCCAGCAT CAAAACCCTT GTTCCATGG CCTGTTTGTA TATTGTCTCA 180

ATAAACTTG CATCAGCCGG TGGTGGCGGC AGAAA

215

配列番号 : 1151

配列の長さ : 299

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01297

配列 :

```
GATCATAGTG TTTTGTATC ATTTAATGTC TGCAGCCAAA TTTTAAAGG TAATTTAGAC 60
CTAATACTGC TCTTGCTGTG TCTTATTAAG TTAAAATTAA TGAATGANTN CTGGTAAAAA 120
TTCANNNGG CACTCTGTGA GTAGAGAGTA TCATTTAAGC TTATTTNAGT CACATGTAGT 180
ATATATCTCC TTAAAGCTGT CACTCTCACT TTNCTTACCA TTCTCTTGAT TTNNTCAGAA 240
NCCATCTAGT CATCATCTTT ATACTCTACC TGCTTCTGCA ATTGTATATC ANATNGNGN 299
```

配列番号 : 1152

配列の長さ : 214

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01298

配列 :

```
GATCAAAGTT TAATTGCTTC ATTTTGTGTT AAAAAGGGAT ACTGATGTCA GAAAATCTGT 60
AATATGTTTT ATTCAAAGA TGTAATAAT GTATACAGAC TTGTATGTGA TGGGATGGGA 120
AATATTTAAA TNCTAGGTGT TTTTTTTTTT TTNAANGNGG AACCNCAATG TTTATAGGAA 180
AAAANTGATT AANTNGTTCC GTTTGGCCNT GAAA 214
```

配列番号 : 1153

配列の長さ : 214

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01299

配列 :

```
GATCCCTCTC CTCGCTGCC TTCTGGAAGA CTTCAGAAGA TTGAGCCTCA CTGGTGCCAG 60
GAAGCCAAAG CTTACTTTGT AGAACTGACA CTAAGTACC CGAAGACTTA GGTGCTTTGT 120
GTACTTAACC CCAGGACCTN CTTACTTTTT AATATAAAGA GTGATGTTGT ATTTCTGTGT 180
CTGCACTTTT TAATATAAAG AGTGATGTTG TAAA 214
```

配列番号 : 1154

配列の長さ : 214

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01300

配列 :

```
GATCCCAAAG CCACGCTCAT CCAATCCTGG NGAATCATTT ATTTTGAATA TAGACCATTG 60
AATAGGTGAA AAATGGAAAA GTCACTTTTT GTACATTTGC ATTCCTTCAA TAATGATTAC 120
CATTTGTNCA CATATTTGTT GACCATTGGA ATTGATTTTA GCACAGTGCC TAAAATATAG 180
```

TAGGTGCTCA ATAAATATTT GTTAATTGAA TAAA

214

配列番号 : 1155

配列の長さ : 214

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01301

配列 :

GATCCAAACT AATAAGAATA AGCTGTACAG GAACTAGTGC TCAATATACA TTGTATAAAT 60  
TTGTGGAAAT CTCTGGATG TNAATTGTTA CTTCAAGTGG CTTTTATTAA GATTTNCTCA 120  
GACTTACTTG GAGGTAAAG CAAACCCAAA TGTGTATTAT TTTGTTACAG AGCTCTGCTT 180  
TATAATTTG TAATAAAGTT TCAATACAGA CAAA 214

配列番号 : 1156

配列の長さ : 213

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01302

配列 :

GATCGCAGTG GAAGAAGATT AGTGCATCAT TGAGAGAGGA GAAGTGGAGT GTGGGGTGAG 60  
CAAAAGCCAA AATACTAATC ACTAGTACAC CAGAGATGCT CCACAAGGTA TGCTCCCCAC 120  
GGTTTCTTCT CAATTTCAAA GGTNAAGATG TTTTTTGTG GTGATATAAA ATTTATTGTG 180  
AATACTTGGT CCATNAAATT GGTACTTGCT AAA 213

配列番号 : 1157

配列の長さ : 213

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01303

配列 :

GATCTTGTG AGGCATTTAG CTGCCATGCA CCTGTCCCC TTTAATACTG GGCATTTTAA 60  
AGCCATCTCA AGAGGCATCT TCTACATGTT TTGTACGCAT TAAAATAATT TCAAAGATAT 120  
CTGAGAAAAG CCGATATTTG CCATTCTTCC TATATCCTGG AATATATCTT GCATCCTGAG 180  
TTTATAATAA TAAATAATAT TCTACCTTGG AAA 213

配列番号 : 1158

配列の長さ : 212

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01304

配列 :

GATCTCATTT CAATTTCTTT ATTAGAGGGC CTTATTGATG TGTTCTAAGT CTTTCCAGAA 60  
AAAACTATC CAGTGATTTA TATCCTGATT TCAACCAGTC ACTTAGCTGA TAATCACAGT 120  
AAGAAGACTT CTGGTATTAT CTCTCTATCA GATAAGATTT TGTTAATGTA CTATTTTACT 180  
CTTCAATAAA TAAACAGTT TATTATCTCA AA 212



配列番号：1159

配列の長さ：212

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01305

配列：

```
GATCTGGTCT GTTCCTGCGT CTGCGGANGG CCCTTGTCTC CCAGCTATCT ATAACCTTAG 60
CTAGAGTGTC GCCTTGTGGG TTCCTGTGTC TGAGACTTCC TGGATGGAGC CGCCTCACCG 120
CCGGGCCCGT GGCCTGCNCG GANTGTGTCC AATAAAGTTC TTGGATGTGA AAACCTAACA 180
ATTTTGTGTA ATAAAAATGG AGAAGCTCTA AA 212
```

配列番号：1160

配列の長さ：211

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01306

配列：

```
GATCCTTGGT GTGTAGTTCA GTCTTGCACT ATACAAGCTT TTGTGTATAA ATGTTTTATG 60
ATATGATTCC CTGTATTTTG CAGGGGTTTT TTTCTCTTTT NCTTTTATAA TAAATATGTA 120
TATCAATATT TTAAATNCAT CTTTGCTTTT TTTAGAGGAG TTTGTAATCA CCTATAACA 180
TGAAAATAAA CATTTCTTTT TTAACATCAA A 211
```

配列番号：1161

配列の長さ：210

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01307

配列：

```
GATCCTGTAT ATGTGTGTTT TGGGGGAGCT ATGATAAGTT TTATGGCAAA CGGTTGGTAT 60
TGTTAACTTT TTATTGTCAT CAAAAGTTCA TAAAAGTCCT ATTAATCCCC ATATTCTNNN 120
NCTGCCCTTA ACTCTGGTAT ACACCAAAAA GAAATCTTTA CTTTCCTTGT TTTATCATTA 180
TAAAAATAAA GTATTTTGCT AGTATGGAAA 210
```

配列番号：1162

配列の長さ：210

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01308

配列：

```
GATCCGCCCA TGTNAGCCTC CCAAAGTGCT AGGGTTACAG GCATGAGCTA CCATGCCTGG 60
CAACAGCTTT CATATTTGTA AGTTTTTTTT CCTAGGTAAC CCAAGGTCTA TTGAAATTNC 120
ATATAGCTTT CTTNCTATT ACATATTTAA ATAGATTTNN CCTGATTNA GAAAAGCTGT 180
AGATTTTINAT ATGTNAATCT TGTNTCCNTN 210
```

配列番号 : 1163  
 配列の長さ : 209  
 配列の型 : 核酸  
 トポロジー : 直鎖状  
 クローン名 : HUMGS01309

配列 :

GATCTNGGAC TCTNCCTCTC ACGACTGCGC CTTAGTCACT CAGACATACG GCGCANTGCA 60  
 GGGAAAGCCT ACACAGACGA CCTGGGTGCT GTGGGTGGCG CCTGCNTGGA GGACGAGCCA 120  
 GCNTCCTGCN CTGGATGAGG ACAGCGAGCA CCCGCCATNA TTCTNCGGAC TGA CTGAACT 180  
 TNACCTGTGA CCTCTTACCN GTGGAGCAN 209

配列番号 : 1164  
 配列の長さ : 209  
 配列の型 : 核酸  
 トポロジー : 直鎖状  
 クローン名 : HUMGS01310

配列 :

GATCACTNCA GGCCAGGNGT CCAAGACCAG CACGNCCAAC ATGGCAAAAC CCAGTCTGTA 60  
 CTA AAAATAG AAAAATTAGC TGGGCGTGGT GCGGTGTGCC TGCAATACCA GCTACTCAGA 120  
 AGGCTGNAGC AGGNTAATTG CTTGANCCTG GTAGGTGGAG GTTNCAGTGA GCTGANATCA 180  
 TGCCACTGNA CTCCAGCCTG GGTNACAGN 209

配列番号 : 1165  
 配列の長さ : 207  
 配列の型 : 核酸  
 トポロジー : 直鎖状  
 クローン名 : HUMGS01311

配列 :

GATCCTTACC GTCCTAGAGA GCAGACGCTT TCTGAAAAC ACTTGCTCCA AAAGACCCTC 60  
 TGAGTTAACG TTTCAGCTGT ATCATTAGAC TTGTATTTAG AGCGTGTAC TTCTCTGAA 120  
 CTGTTACTGC CTGAATGGAG TCCTGGACGA CATTGGGTTT TTCCTCTAGG AGAATACAAG 180  
 CCTTAATAAA CAATACTATT TAGCAAA 207

配列番号 : 1166  
 配列の長さ : 207  
 配列の型 : 核酸  
 トポロジー : 直鎖状  
 クローン名 : HUMGS01312

配列 :

GATCTGAACA AAGTCTGCAT TTNGTTAATA GTGTGGTACC AATGTTGGTT TCATAGTTTT 60  
 GGCCATTGTG CTGTGTATTT ATAAGATGCT AACATTAGGG ATAGCTGAAT GTGGTATATA 120  
 TAGGA ACTCT GTGCTGAGTT TATAACTCCT CTGTATGTCT AAAACTATTT CAAAATAAAA 180  
 NGTTTAAAGG TAAAANAAAA GATTAAA 207

配列番号 : 1167

配列の長さ : 206

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01313

配列 :

```
GATCCAGCCA CCACTCTGAA ACTCATCACA TCTTCATTGA CAGGGAGGGA GCCCAGGACA 60
TATGTGTGGC TCATTGACCA GAAGGCTTTC TTAGTCCCAA CAGCCATGAA CCATGCACTT 120
ATGGATACCC AGCCTTTTAG GGCTACGTGA AATGCATCCT TGTANCATCA TTGTATTCTT 180
TCAATAAATA GCCTTCTGAG TTGAAA 206
```

配列番号 : 1168

配列の長さ : 213

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01314

配列 :

```
GATCTGCCTG CCTATNAGAG CTTTGAGAAG CTCCGCCACA TGCTACTGTT GGCTATCCAG 60
GAGTGCTCTG AAGGCTTTGG GCTGGCCTAA TAAGGCCCTG CCCAACTCCG TGGGGTTTTT 120
TTAACCATTG TTGGACCTGG GGAGGGGGGA GTTAAAAAAA GAACCAGAAA GAAATTGTCA 180
AAAACCAATA AATGAAATCC ACCAACTCAC AAA 213
```

配列番号 : 1169

配列の長さ : 215

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01315

配列 :

```
GATCTAAAGT GACCTTGATG GACAGTGGAA GAAATCACAA CATGGAATTC CTCGAATAAC 60
AATTTATTGA CTTTAAATAA TTTTGTCTAA TGCTACATAT ACACAATTAA AAAACCTTTA 120
CACTATTTCT AGAAAGTCAG CATGTATTTT TGGCTCGNNG TTCNCCNCG TGTTTTCTGT 180
GGAAGGAATA AAAATTTGAG TTTCAGTTGT GTAAA 215
```

配列番号 : 1170

配列の長さ : 349

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01316

配列 :

```
GATCTGTGAC AGCAGCAGCT TCATGTTGTA TTTTTTTAC TGAAATTGTA AAATATCCAT 60
CTTAAAGACA TCAACTATTC TAAANTTGT TTACAGGATA TTCCTTTAGT GGTGGAATTA 120
AAATNTACGA NTACTTGCTT TTTCAAAAAA ATGTATTTN TGTTAAAGT TTAAAGATTT 180
TTGCTATATA TTATGGAAGA AAAATGTAAT CGTAAATATT AATTTNTAC CTATATTGTG 240
CAATACTTGA AAAAAACGGT ATNGAAAGTA TTTTGAGTCA GTGTCTTACA TGTTAAGAGG 300
GACTGAAATA GTTTATATTA AGTTTGTATT AAANTTCTTT AAAATTAAA 349
```

配列番号：1171

配列の長さ：205

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01317

配列：

```
GATCCAAGCT GTATATACCA TATATAAACA TTTTACATGA ATCATTAGT TTTTAATTC 60
ATTTACTAAT GCTATAAAAT TTCCTATATT ACCCCAGTAA TTTGCATCAG CTGGTTTATA 120
TACTAAAGCA ACATGTTTTG ATGAGTTTCT TACATCCTTA TCGAGGAATT GGGTTAGGAA 180
AAAAACATA ATTGTAAAC TGAAA 205
```

配列番号：1172

配列の長さ：205

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01318

配列：

```
GATCTTCAGG NTTCTACAAA TAGGGTAATT GTAAATTTAA AGCATTAGCA TTTATTGGTG 60
AATAATGTAT ATATCCCCAT TCCAAGAAAT ATAAGTNAGT NANGTTGAAA TAAAATCTTT 120
AAAAATTTACT ATATTGCCAG TGGTTTCACA NCAGTTCTCT TGTATTTATT TATCAATTA 180
ATCAAATAAA AATGATTATG TCAAA 205
```

配列番号：1173

配列の長さ：204

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01319

配列：

```
GATCCCCTGA CCTGCATTAC CTGGTAACC ATTTCAATTT TTAATTTAAT TTCATTTTT 60
AATTTTGGTG TACAAGCTGT AACATTTTCAT CTTTCAAAGT GTAACACGCT GATTTCTCA 120
AATAGAGATA CCCCTTTGAG TGATAAATTT GCAAAATGCT GTCTTCATT TCTGTATTA 180
AATTCATTC AGTTTAAAA TAAA 204
```

配列番号：1174

配列の長さ：204

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01320

配列：

```
GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGN GNGTGGTTAG GGTAGCTTCT TACATGGATG 60
TCAGGAGAGC TGCTGCCCTT GGCGTGAGTG CGTATTCAGG TGTTTTGCTG CTTTGGCAGA 120
GAGTGGTTGA GTGTNGAATC GTTCAGCTCT NAGGTTCTGT NCCCTGTGGT GGAGAGGACG 180
CAGCAGCNAN NTCTGGGNTC TNAN 204
```

配列番号：1175

配列の長さ : 205

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01321

配列 :

```
GATCAGTGCT CTCTATTGAT GTTCTTGCTG GTCTCCAGNC ACATTCCTGT TGCATTAAGN 60
CTTGAAAGAC TTGTAGATGT GTGATGTTCA GGCACAGGAT GCTGNAAGTA TGTACTATT 120
CTNAGTTTGT AAATTGTCCT TTTGATACCA TCATCTNGTT TTCTTTTGT AGGTATAAAT 180
AAAANCACTG TTGNCANTAA GGAAA 205
```

配列番号 : 1176

配列の長さ : 203

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01322

配列 :

```
GATCTCAGCC ATAAAGTGCC AGTTTGCTTA GTTCTCACTG TCTCCTGGTC TGTGCTGCCC 60
TGCTCTGGGG ATGCACGGCG GCAGGGTGGG GGAGGGAGGT TCCTCGCAGG TCTCAGCCCG 120
GGACAGGGTC TTGCAAGCAG CCTCCTGGGC AGTCGTAAGG GTTGCGGCGT GATGTCTTCA 180
ATAAATTAAG TTTTATTTGG AAA 203
```

配列番号 : 1177

配列の長さ : 203

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01323

配列 :

```
GATCAAAATG AAACAAATAT ACCTTATCCT AAAGAGCTCA TAACAAATAA GTTACCTCCA 60
CTCTATAAAC TCAGACCTAC TTTTGAAGA TAACTGCTTT TAACCTCTCC TTACAAGATT 120
TTTGTGTGTG ATGTATTTAA TTTAGCCCA TGTCTCAATT CTCATTTTCA AAGAATCAAT 180
ATATTAATAT ACCTTTGGTC AAA 203
```

配列番号 : 1178

配列の長さ : 202

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01324

配列 :

```
GATCGCTCTT GTGTTTTTGC ACTATTAATT AACTTCAAGT GCAATTTTGG CAGGCAGGCC 60
AAGGGTCTCA ACAGGCTATT TGGAATGAGT TCTCTTTTAA GGCCTTCAAC GTAGTNNAC 120
ATTTTCAAAT CAAAAAGTAC AGCAGGAGCC AGCCTTTATT TTGTCTGTGT ACACAATAAA 180
ATATTCGGCT TCTATAGGCA AA 202
```

配列番号 : 1179

配列の長さ : 211

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01325

配列：

GATCAGCTGA AGGTTTCATGG GTTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTTAGGAT 60  
 TTCNTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTT TCCCTTGTC AAGGTTTAAA AACCTCACAG 120  
 CTTGTATAAT GTAACCATTG GGGGTCCGCT TTAACTTGG ACTAGTGTA CTCCTTCATG 180  
 CAATAAACTG AAAAGAGCCA TGCTGTCTAA A 211

配列番号：1180

配列の長さ：199

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01326

配列：

GATCCCAGGG TGCAAAGTGG CATTGAGACA GCAGCAACAG CTCAAGAGAT ATCTCCTGCC 60  
 TACTTGCCCC TCCTTCCAGG CCGGCTCTAA GAGAAAGGCC CATCTACTCA GGAAGAGGGC 120  
 CAGGNCCTTG GGTTCCTGGG ATTGGCCCT GAGAGGGCTA GTCCTGTGGC TGAATAATAA 180  
 GCATGTCCCG CCCNNTAAA 199

配列番号：1181

配列の長さ：199

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01327

配列：

GATCTTTTTT TGGATATTTA TACTTTTAGA TATATAGTAC CTTAAGTAG CAGTATGGGA 60  
 CAAGGCTTGT AAATGTTTTG TCTAATGTTT TATTGTCACC TTTATGCAT TTATCACTTC 120  
 CAAATCTAAC TTGACACAAG TAACCCATGT AAAAAAAT GTACATTTTT CAAAAGTTGT 180  
 AAATAAAAT AACCTTAAA 199

配列番号：1182

配列の長さ：252

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01328

配列：

GATCTGGACA GCTGTCCCTC CACTACAGAA ACCTCACAGA ACACAGCAAA GNATAAGTGC 60  
 ANGAAGGCTG CTTCCAGCTC CAAAGCACCT ANGAATGGAG GTAAAGCGAA GGATTCAGCA 120  
 ANGACAGCAG AGGAACTTC CANGCAAAA GNTGACTAAA GNAGTACAGG TTANGGTATC 180  
 TGGTATCTGC ATGTAGANTC TTCAGCTGGT GGATGGTGAC TTTGAAGTA CNAAGGCTT 240  
 TGGCAACNGN AN 252

配列番号：1183

配列の長さ：197

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01329

配列：

```
GATCTAGGGA GTTACCTAGC AGACCTTCCG GACTGACGTG ATGCTACAGG GGTCCCATCT 60
TTCCTTGTCA TTGAGCTATT TTACAGTTCT GTGAATTGTA AAGAACTGAG GGTAAATGCGA 120
ATNACTCTTG TTCATAGAGG CAAATGAATT TTGTCCCATG GAGATTTAAT TGATATTACT 180
CTGTGGATGT TGACAAA 197
```

配列番号：1184

配列の長さ：146

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01330

配列：

```
GATCATAGCT ACTACTTCAT TGCAACCTTT ATTAAGTGAC CACATCAGAC ATCATGCTAA 60
ATACCTGAAT GCATGAAAAA ACTCCAAATA AGAGAATCTC TTCAGGATTA TAAAAGTTGT 120
AAAATGCAAC TGTATTGCTG AGCAAA 146
```

配列番号：1185

配列の長さ：197

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01331

配列：

```
GATCCGGCTG CACACCAGGT GCGGAGGCTG AGCCATCCCT GCTGGACTCC CTACCGCAGA 60
CGGAGTCANG NACGCAGCCG CAGCCNCNTT CCTTCACACC CCCTCACAGA CTCCTTGTGT 120
CCAACGGGAA TAGGAAGAAT TAGTTACTGA CTTCACCTGA GAAAAAATA AATNCTCTAT 180
GGTGGTTTCA CAGGAAA 197
```

配列番号：1186

配列の長さ：196

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01332

配列：

```
GATCTCTTTG TGAAGTCTGT GTTCTCTATA TTAGATTGCT GTTTATATGT AAGAATTTTA 60
TTGCTTATGT GGCATACAAT ATTTATAACT ATAACTTTA TAGAAGTACA GTATTAAAGT 120
CAGTGGTACA CAGACATTCT GTACATATCC TGTGAAACGT GCTGTCATAT GAAATAAATA 180
TATCTGTCTT TACAAA 196
```

配列番号：1187

配列の長さ：196

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01333

配列：

GATCTTCCCC ATTGTCCACT CAAGTCGTGG CCTGGGGAAC ACAGACGGAG CTGTCCCCAG 60  
 TGTCTCCGT CCTCAGCCC CTGGCCTGGC TGAGTTTGGC AGGGCCTGGG CCATCCCTGG 120  
 GACAAAGGTG CGTCCCTTCA GCTCTTCTCC GTGGAGCTCG GGGCTTCTG TATTATGTA 180  
 TTTGTACGAA TGTAAG 196

配列番号：1188

配列の長さ：196

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01334

配列：

GATCTTCGGC CTCATTCTGA ATACCTNTTC TTTGGACAGT NTTTTTCCTT TGGTGCTCTC 60  
 TTGCCTTTAG CTACCTTCTC TAATATGTAT GCTACCATCA CTAATAAAGT GATGGGAATG 120  
 GGTGTTGAGAG TCGTAATTTA TATTAAAAAG TTGTTGGACT TTAAATACA TTTTNCAAA 180  
 TAAAAAATTA AGCAAA 196

配列番号：1189

配列の長さ：193

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01335

配列：

GATCATGTGT GCACAATACT TGTGGCCAC AAAATTTAC AATGACTGCT GAGGAATCAT 60  
 TCTTTTGGC TGTAATAAT ACAAAGGGC ATCATTAAAGT AGACCAGGTA ATTACTGCTT 120  
 GTNTCTCAAG GCTGCTGTCT TTATCAGCAC TAACTAAATA AATTTGTTGG TTCAGTTGTA 180  
 CTTGTCCTGC AAA 193

配列番号：1190

配列の長さ：192

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01336

配列：

GATCCTGTGT CCTAAATTAA TATACACCAG TGGTTCCTCC TCCCTGGTAA AGACTAATGC 60  
 TCAGATGCTG TTTACGGATA TTTATATTCT AGTCTCACTC TCTTGTCCTA CCCTTCTTCT 120  
 CTTCCCCATT CCCAACTCCA GCTAAAATAT GGAAGGGAG AACCCCAAT AAACTGCCA 180  
 TGGNCTTTTA AA 192

配列番号：1191

配列の長さ：189

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01337



配列：

GATCAGTGCC TTGATGCCAA CTAAGGAAAT TTGTTTAGCA TTGAATCTCT GAAGGCTCTA 60  
TGAAAGGAAT AGCATGATGT GCTGTTAGAA TCAGATGTTA CTGCTAAAAT TTACATGTTG 120  
TGATGTAAAT TGTGTAGAAA ACCATTAAAT CATTCAAAAT AATAAACTAT TTTTATTAGA 180  
GAATGTAAA 189

配列番号：1192

配列の長さ：189

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01338

配列：

GATCAAATTT TTGTAAAATT TTTTAAGAAG AGATGGCTTA TTAACAGGGA AGAAGCTTGT 60  
NATATTCCAG TTGTAAGAAT AGCCTTAGTG TTTAGATTTT TTNATGATAG GNNAGATGCG 120  
GNCATCACTG GGATATTNC AAATCCCAAG GNCATCAGAG TGAAGTGCA GTTGTCAGAT 180  
GATTTNNAN 189

配列番号：1193

配列の長さ：188

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01339

配列：

GATCCCAGCC AGGCCCTGGA GGTCTGACAG CCCCTCCCTC CCAGAGCTGG TTCCTCCCTG 60  
GGAGGGCAAC TTCAGGGCTG GCCACCCCCC GTGTTCCCCA TCCTCAGTTG AAGTTTGATG 120  
AATTNANGTC GGGCCTCTAT GCCAACTGGT TCCTTTTGTT CTCAATAAAT GTTGGGTTTG 180  
GTAATAAA 188

配列番号：1194

配列の長さ：187

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01340

配列：

GATCTGAATG ATACTGTCTG CTGTGTCTTT TTTCCATGAG AAATCACTGT TGCAAATTGC 60  
CTATAAATTG ACTCTACTAA AATAACAATG TTTCACTCTG AAAATTTGAA TTGAAAAAAA 120  
TGTATAATAT AAAATTGTAA TACACTCAA TGATTATAAA AGTAAAAGTT GGTAAATTAG 180  
GCAGAAA 187

配列番号：1195

配列の長さ：187

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01341

配列：

GATCAGGGGG GAAATGGAAT GAGTGAGGCG GGCCAGGGAG CCGCTCAGCT CCAATCTTTG 60  
 TCACTGTGTG AAATGTGGAC TTGGTATGAC CTGACTGTCC AATTTTCAAG ATGAACCAGA 120  
 AATCCAGACC NTTATATAAA ATCTCCTGGA TTTTAAATG TTGGCAATTA ATCAGAATGT 180  
 TTTTAAA 187

配列番号 : 1196

配列の長さ : 186

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01342

配列 :

GATCACTTAA TTCCTTTCTT ATCTTCCCC TCACCTCCCT TTCTCCCACC CTCTTTTCCA 60  
 AGCTGTTTCG TTTGAATATA TTA CTGGAAT GAGTTGCAGG NAATGCAGCA NACTTGTTTC 120  
 NCCTAGATTT GAGTCAAACCT CCTGNTCAAA GAATCGGTNG GGCATANAAG AAATNTTCTT 180  
 NTTAAA 186

配列番号 : 1197

配列の長さ : 186

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01343

配列 :

GATCTTTTAA ATGACAGTAC AGACTGAGAT TTGAAGGAAA CATGCACAAA TCTGTAAAAC 60  
 ATAGACCTTC GCTTTATTTT TGTAAGTATC ACCTGCCACC ATGTTTTGTA ATTTGAGGGT 120  
 CTTGATTTCA CCATTGTCGG TGAAGAAAAT TTTCAATAAA TATGTATTAC CCGTCTGAAG 180  
 CTTAAA 186

配列番号 : 1198

配列の長さ : 186

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01344

配列 :

GATCTTCAGG TATTTTAAAT TTTAGTTACA TCAATTAATG TAAATNAATC CAAATGCTAA 60  
 TTTTGTGGT GCAAGAAGTT TCTTATGTAA ATNCAGGGTA TGGATAAGCT AATTAAGATA 120  
 TCCATCTTTG GTGGCTCTAA GTGTATTATT TGTNTTTAAA TAAAGTGAC AAATATAGAT 180  
 AACAAA 186

配列番号 : 1199

配列の長さ : 184

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01345

配列 :

GATCTAAACA CGAGGAAACA TTATTCATTG GAAAAGTGCA TGGTGTGTAT TTNAGGGATT 60

ATNAGCTTCT TTCAAGGGCT AAGGCTGCAG AGATATTTCC TCCAGGAATC GTGTTTCAAT 120  
TGTAACCAAG AAATTTCCAT TTGTNCTTCA TGAAAAAAAA CTTCTGGTTT TTTTCATGTG 180  
GAAA 184

配列番号 : 1200

配列の長さ : 183

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01346

配列 :

GATCGCCCGC CCCAGCCCGG GGCCGCTCAG GTCTGCTTGG AGGATGCCTC CCCCAGGAGG 60  
GCAGTGAGGG ATGCCGCAAC CTCGACTTCT CAGCCTCCTG GGGTTCCGCC GGCCAACACT 120  
GTCTGTNTCA AATACTGTGC TGTGAGTTGT TTCAATAAAG GGGCCCAAG GGCTGGGCTG 180  
AAA 183

配列番号 : 1201

配列の長さ : 184

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01347

配列 :

GATCTCTGCT CAGCTTCCT TGCCTTTTAA GGCCTGCCCT AGCCAGGGTT CCCTCCTGCT 60  
TCCAGTACCC TCTCATGGCA TAGGNTGCAA CCCAGCAGAG GGCAGCTAGA TGGACATTTC 120  
CCCTGCTCGG AAGGGTTNGC CTGCCTGGCT GGGGNGGTCA GTAAACTTTG AATAGTAAGC 180  
CAAA 184

配列番号 : 1202

配列の長さ : 183

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01348

配列 :

GATCCCCTTT GGTTTTACTA CCCAAATCTA AATAGATACT TTTGATAATA GATAACTGCT 60  
CTTTTACTAA GACATAGTCT CTACCTATAG AAATGTATTT TGAAAACACT TATTTTACAC 120  
AGCAATTTTG TATCCATTTA AACTAACCTT TTATCAATAA AGCACTATTG TTTAGATATT 180  
AAA 183

配列番号 : 1203

配列の長さ : 183

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01349

配列 :

GATCTCATTC TCCCTTTTTA TCCTGAGTTA CCATCAGTGC TAATGTTCTT CTTTGGGTA 60  
TAGTTCTCCA GGAGAACTTG TCCTATATTT NTTTGTGTGT GTTTTTTTCC TTCCAGCTTA 120

AACAAATTAA AACTAAATAT CTAAACCTTG TATACAGACA TAAAAATTAG TGAGAGAAAC 180  
AAA 183

配列番号：1204

配列の長さ：183

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01350

配列：

GATCTGCTTT TNCTATTTCT CCCAACCAAA TCCTCTTAAA GACCCTTTGC TATGTAGTCT 60  
CATGGTCTAG CATGCATCTT GTAGAAACAA GGCATNCTGG CAGATTGCAG GGTGAGATG 120  
TGTTTATCT GTTTTATATT TAAAAGATT CTGCCAGAAA ATAAAACCAG ACCTTGTTCT 180  
AAA 183

配列番号：1205

配列の長さ：183

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01351

配列：

GATCTGAATA GAGAAATGCT TACAGATAAT CATTAGCCCA CATACCAGTA ACTTATACTT 60  
AAAGATGGGA TGGAGTTGTA AAGTGCTTTT ATAATACAAT ATAATTGTTA AAGGCAAGGG 120  
TTGACTCTTT GTTTTATTTT GACATGGCAT GTCCTGAAAT AAATATTGAT TCAATATGGC 180  
AAA 183

配列番号：1206

配列の長さ：182

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01352

配列：

GATCCTTGGG GGCCAGGGTG AAGGGTATTT TACGGGAACT CTATAAGCA GGAAGAAGCA 60  
AGTTTATTCT TTAGACCAGT AGCTCTCAAC CATGATGTGG TCGTATATTT ATGGGTCAAC 120  
ATGTGTTGTG GGGATATCCC AAGTAACTTG TTATTAATAA AAGTTAAGTT GCAAAATTTA 180  
AA 182

配列番号：1207

配列の長さ：182

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01353

配列：

GATCAAAATT GAAGACACAT TCAGAGGTTT GATTGGTTGA GATTAAGTGG TGTGGTGGTT 60  
GGTGTATGTA TGTTNATTT TNATGTCTTT GTATGTAGTT CTACATAATG CAAATTGTGC 120  
TTTCTGATGG ACAAGACCTC ATAAGTGTGA TTAATATCAA TAAAAAGGGG ATGTTGTGGA 180

AA

182

配列番号：1208

配列の長さ：183

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01354

配列：

```
GATCCGTCAA TCTTGGGTGG AATNATTGTN CGCATTGGCG AGAAATATGT TGACATGTCT 60
GTCAAGACCA AGATTCAGAA GCTGGGCAGG GCTATGCGGG AGATTGTCTA AAAGTGTGG 120
TTTTCTGCCA TCAGTGAAAA TTCTTAAACT TGGAGCAACA ATAAANAGCT TCCAGAACAG 180
AAA 183
```

配列番号：1209

配列の長さ：180

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01355

配列：

```
GATCATGTTA TATTCTATAT CAGACAAACT ATTTNTTTT GACCTTTCTT CCCCTCCATC 60
CAGTATTTTC GTTGATTCA TTTTCTCCCC TCTCTCCCC TTCCACGAAC TGCAATACCA 120
GTAACCTTGG TATATATTTT TTGATACTGT ACACATGGAT GTNTTGTTTC TATGTGCAAA 180
```

配列番号：1210

配列の長さ：180

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01356

配列：

```
GATCAAAGAT TCTCCCCATC TCACAGACAA GGAAACTNAG GCCAGAGGGA GGAGAGAATT 60
GCTCATGGCT CCANAAGTGG TGGCAAGTTT CTCTGGACTC TTAGGTTTAT TTTNAATATG 120
AAATATAAAA NCAGTTTCAA ATATCTNATT GAGGGAGANG TAAACCTTA TTTAANCAAA 180
```

配列番号：1211

配列の長さ：179

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01357

配列：

```
GATCTATAAA ATGGAAGGTG ACCAATGTCA CTGCTTCTAA AATACTGTCC TAAACAACCC 60
AGAAGATTTT ATTCAGCTC ATGAATAGCT GTTCTAAATC TGTTGTATGT TAGACATACT 120
ATGAACTACC TCTTCACTTA TTATGGGGAA GTTTCCTTAA TAAAAGTGTG ACGATTAAA 179
```

配列番号：1212

配列の長さ：179

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01358

配列：

GATCCAAGAC CAGGGNGGTT GGGACGGCCT CCTNTCCTAC TTTGGGACGC CCACGTGGCA 60  
GACCGTGACC ATCTTTTGG CGGGAGTNCT CACCGCCTCA TTCACCATCT GGAAGAAGAT 120  
GGGCTGAGGC CCCAGCTGC NTTGGACTGT TTTTNCNC CATAAATNAN GGCATTTN 179

配列番号：1213

配列の長さ：178

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01359

配列：

GATCTGAGAT GTTCCTTAAC ATGTAGCCAT GTAATTAGAA CTCACAAGGG GCATTGAAAT 60  
NTTTCCTTT TTCANATAGT CTGGGGCTAT TTAATTATTT NAAGTAAGCC AAGTCTACCA 120  
TTTGAAAAAT GGTGCTTTAT TTCCATATCT GANGCCTGAN GTTATTTNNN AGTTTGTN 178

配列番号：1214

配列の長さ：178

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01360

配列：

GATCTGGCAT CCNCAGGCTG CAGCTTTATT AGCTTATAAC TTAATCATCT CTATCTTTAC 60  
CAGCAGGCTC TGTATTGTTG ATATTTGCAA CTNGNTTTC TTTCCCATTG GTGGAATTGA 120  
AATAATTAGT TTTNAATNAC ATAAGANGCC TGTTTGCTAT TNGGNGGAAG ATAGATGN 178

配列番号：1215

配列の長さ：176

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01361

配列：

GATCAAAGAG GTTATCTCTG CCAGTCACAA GTGTGGCTGG TGTCATTCTG GGTCTGACTG 60  
GAGCCCTCCT GGACTGTTTC TTAATTTCA AAAGCCCTGC AGACATAGTA CCTGGTCAGA 120  
ACTATGCCTC GGTTTATTTA TCATTTTGAA ATAAATCAA AATTTCAACC TGTAAG 176

配列番号：1216

配列の長さ：176

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01362

配列：

GATCAAAACA ATTACCTAAT TGCAAAAGAG AAAGTGAAT GGAACATAGT CTCANATTCT 60

NCTAATGTGT ATCTCACAAT GTCATGTAAT GTAAAGNAAA CCCTTTTGGA ATTAGAATTC 120  
TTGTNCTGAA TGCTGAACTA TTTGGTAATA AAGTGCTTAT NTGCAGATAA CAGAAA 176

配列番号：1217

配列の長さ：175

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01363

配列：

GATCTGTGCT GGGGAACAAA GCTTTTGCAG TACCTTATAT TGTAGTTAAA ATTTTATTTA 60  
ACATATCCTT CAGTGAGCTC ATTTCACT GTAGCCTCTT CCTTAAATTT TGTGGTGCTC 120  
CTGTAACAGT AAGANCTAAT TCTGAAATAA AAGACATCTC CTAATGCTGT GCAAA 175

配列番号：1218

配列の長さ：174

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01364

配列：

GATCAGGATA ATAATCTGCT TAGTAAGAGA AACAATTTGA ATTTTAGAAG GAAATTGCCT 60  
TACCATTTGC AAATTAAGGT AATTAATAA CAGTGAATTT CAAAATGCCT TTTAATGAC 120  
AATGTGTGAA CTTAATTTGT TTTAATAAAC CAAAATTGTT GTTATTGTGT TAAA 174

配列番号：1219

配列の長さ：174

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01365

配列：

GATCTGAGCA GGCAAAGCTC AAAAGAGAGT TTGGAGGTTA AAAATAATTT ATTTTGCAG 60  
TAGTGTGCTT TGAAATGTGT AAATCTTATT TCTAATGTAT ACAACCACAT TTCACATAAA 120  
AATATGCAAT TTATATGCCA GATAAAAATA AAACAAGTGA ATTTGCAAGT GAAA 174

配列番号：1220

配列の長さ：173

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01366

配列：

GATCAACATG ATGGTGACTG GGAAAAAATT ACTTCAAGTA ACATGCTTAG CTTTCCCTCC 60  
TTAATGTGAA AAATCAAGGG CTTACTGACA TAGGAACAAC AGAAATGCTC CTGGAACCTC 120  
AAGTTGCTGA ATTATAAGTT TATTTTNNAT CAATAAATAT NNNNATACTN AAA 173

配列番号：1221

配列の長さ：216

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01367

配列：

```
GATCCATATT TAGTTTATT AAGCTTTTCC CTGTTTTTAG TTTGTTTTG GGTTTTTTGG 60
CTCATGAATT TNATTCTGT TTGTCGATAA GAAATGTAAG AGTGAATGT TAATAAATTT 120
CAGTTTAGTT CTGTAATGTC AAGAATTAA GATTAAAAA NCGGATTGGT TAAAAANTGC 180
TTCATATTG AAAAAGCTGG GAATTGCTGT CTTAAA 216
```

配列番号：1222

配列の長さ：173

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01368

配列：

```
GATCGNCTCT GAACCATCCC NTTTCTGCTG CCCGGAGCTG GGGAAGCTCG CTGTGGAGCG 60
TCTCGCACGT GGCAGGCAGG CAGAGAACTT GCTGCACCTT CTAGGAAATT GCAATCGATT 120
TGTAATGCAC TTTCGCTAAT TGGGAGTTCA AAATTAACT TTAATAAAGC AAA 173
```

配列番号：1223

配列の長さ：179

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01369

配列：

```
GATCTTAAGA GCAGACTTAA AGTAGCTTTG TACGCCTTAA TGTCATTTT GATTATTTT 60
AAATCTTTAC ATTCAGAAAT NAGATACTGT ATTATCAGAC CAGGAGGCAT TGCTGTGAAA 120
GATAATNTCC TATTCTAAAA TATCAAAATTT AAAATAAAGA TAATGAAAGA AAACATAAA 179
```

配列番号：1224

配列の長さ：172

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01370

配列：

```
GATCCAAAAA TGGTAGCCAC TCACCCTTCA CAACTGAAG TCCATGGACC ACGGAAGTCG 60
AGAATTAATG TACACCTGTA TCATGTGTAG GAAACCAGAA ATGTGTCCT TATTNTTGT 120
TCCCAAACAG GATTAAGTGT GAAGACTAAT TTATAAATGT GAACCTAAGA AA 172
```

配列番号：1225

配列の長さ：179

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01371

配列：



GATCAGCATG AGGACAGAAG GCAGGAGACT TTGGTCAGTT ACCTGGGAAT TCTGGGCTGC 60  
 CAGGAAACGA TTTGGGCCTC TGTCAGTTTC TTTTCCATGT ATGAGGAGGG GGAAATTTGT 120  
 ATATTAGAAA CTTATTCATC CCACTCAGGA CAATAAAAC GAATGTACAA AAAGCCAAA 179

配列番号 : 1226

配列の長さ : 175

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01372

配列 :

GATCACAGTG GCCACGNCCA GGCCACAGTC ATGGTGGCCA CGTCCACAGC CACTAATCAG 60  
 NAGNCCAGGC CACCCTGCCT CTACCCAACC AGGGCCCCGN GGCCTGTTAT GTCAAATNT 120  
 CTTGGCTGTG GGNCTAGGGA CTGGGGCCAA ATAAAGTCTC TTCCTCCAAG TNAAA 175

配列番号 : 1227

配列の長さ : 318

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01373

配列 :

GATCTTTAAT CTCATGAAGT ACGACAGCTA CAGCCGCTTC TTAAAGTCTG ACTTGTTTTT 60  
 AAAACACAAG CGAACCGAGG AAGAGGAAGA AGATTTGCCT GATGCTCAAA CTGCAGCTAA 120  
 AAGAGCTTCC AGAATTTATA ACACATGAGC CCCCCAAAAG CCGGGACTGG CAGCTTTAAG 180  
 AAGCAAAGGA ATTTCTCTC AGGACCGTGC CGGGTTTATC ATTGCTTTGT TATTTGTAAG 240  
 GACTGAAATG TACAAAACCC TTCAATGGGA TGTGTGTTTT ATTAAGTCTC TCACCAAGTAA 300  
 ATTTTGCATG ATGGGCTN 318

配列番号 : 1228

配列の長さ : 171

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01374

配列 :

GATCTGGAAG AGGCTTGTA CCTGAACTTC TGTGTGGTGG CAGTACTGTG GCCCACCAGT 60  
 GTAATCTCCC TGGATTAAGG CATTCTNAAA ANCTTAGGCT TGGCCTCTTT CACAAATNAG 120  
 GCCACGGCCT AAATAGGAAT NCCCTGGATT GTGGGNANGT GGGCGNAAGT N 171

配列番号 : 1229

配列の長さ : 170

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01375

配列 :

GATCTGATGG TTTTAAAAAG AGGAGTTTCC CTGCTCAAGC TCTCTCTCTT TGCCTGCTGC 60  
 CATCCATGTA AGATGTGACT TGCTCCTCCT TGCCATCTGC CATGATGTGA GGCTTCCCCA 120

GCCACGTGGA ACTGTAAGTC CAATTAAACC TCTTTTCTTT GTAAATTAAA

170

配列番号：1230

配列の長さ：170

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01377

配列：

GATCCATGGT GTTAGAAGCC AGGGGAACAG TTAACAGGGG AGGGATACTG GGGAGGGGCA 60

TCCTGGAGTG CTGGTCTACC TCATCTGGGT GTTGATTTCa TGAGTATTGT CAGTTTGTtT 120

CCAGACTCCC TGTtGGAGAT GTGGAAATAA AAACCACCTA ANCANGNAAA 170

配列番号：1231

配列の長さ：170

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01378

配列：

GATCCATCAC AAAGCGAAGT CATGGGAGAG CCACACTTGA TGGTGAATA TAAACTTGGT 60

TTACTGTAAT AGTGTGCTGT TCATGGAAAC CGAGGGCTGC ATCTTGTTTA TAGTCATCTT 120

TGTACTGTAA TTTGATGTAC ACAACATTAA AAGTACTGAC ACCTGAGAAA 170

配列番号：1232

配列の長さ：168

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01379

配列：

GATCTGGGAT GGAATATGGT TTTCTTGATT CCCTTTCAGC CTTCAATTCT CTCTCTCAGG 60

ACTACTACTT TTTAATTACT TTTCACTTAA TTTCCCAATA CTGATGAAAT AAAGAAAAAT 120

GAGGGTTATT TATATACATT TCAATAAAAT CCAATTtGAT TTTTCAAA 168

配列番号：1233

配列の長さ：167

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01380

配列：

GATCTAGAGA ACATAACAAA TGAAACTCTA GAAATTTGAA AGAAAAAAAA ACACTTAGCT 60

GTAAGTGCTT TGACCTATTT TTTTtAAAAA AAAAAAAACC TGTNTTAATT CTGTGACTGN 120

ATTGNACCCT TCACCAGCAC TANGNGAAGT NGGANTGGAN GAAATTN 167

配列番号：1234

配列の長さ：167

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01381

配列：

```
GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGAGTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA GTATTCCCTT 60
TTGCTGCCTC TAAAAGGCCT GTCCCTGCAG ACATGAGAGA CAGCAGGTCT CATGGGGGTG 120
ACAAGCTTTT TTTTTTTTNN TAAANGATTT TCNAAANNNA ANTNNCCN 167
```

配列番号：1235

配列の長さ：167

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01382

配列：

```
GATCTTTTGT CTTCAGTCT TCTCTTAGTG TCCTGCTCCT AGGTTTCCCT CTCTTCTGGT 60
TCTTCTCCCA GGTATTCTCT TCCCAGGCCT CTCTGGCCAC TGCTTTGTAT CAGGGTTTTT 120
CACGCTTTTG TAGAACTGAG GTTCAATAA ACAGTTTCAG TTGCAAA 167
```

配列番号：1236

配列の長さ：167

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01383

配列：

```
GATCCTCCAG CCCACCACCA CATAGTAATC ACTGACACTG TGGGGTGTCT CAGCTGGGGT 60
TCTGCTGTGT GTGTGTGTAT TTNACAAAAT ATGTATGGTT TCTGTTTCTAGC TCTTTTCAGT 120
TAACAGATGA ACTGNNNNTA TCATTAAATA TTTTGAATAA CATGAAA 167
```

配列番号：1237

配列の長さ：171

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01384

配列：

```
GATCCATCAG TAATGTAGCT AGCTGTAGAG CTTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
GCCATGTNAA GTAACAAACT GGTTTTTTGGT TTTTTTTTTC CCCTTCAGTT TAAATGTNAT 120
GTGNAATGTA TAAAACCCT TATTAAATA AANCTTGTTT TCAGAAATAA A 171
```

配列番号：1238

配列の長さ：166

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01385

配列：

```
GATCTGGGGT TGGGTCATGA CACCAGCTAC CAATTTNAGA ATATTATTCC TNGGTTTCTT 60
TATGAAAAAT GGGTGCTAGT GGTAATTCCT TNGTGGCTTA GTAACTACT CTNTGGATGA 120
```

TTTCCAAACA TTCAAAGCCA ATAGCCTNGT NATNAACAAG ANATTN

166

配列番号：1239

配列の長さ：165

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01386

配列：

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGGTCTACCT TCTGCTTCCC 60  
TGGAAAGGAT GAATTTACAT CATTTGACAA GCCTATTTTC AAGTTATTG TTGTTTGTTC 120  
GCTTGTTTTT GTTTTTCAG CTAAAATAAA AATTTCAAAT ACAA 165

配列番号：1240

配列の長さ：165

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01387

配列：

GATCTGTCTG TGTTGTTATA TATTCTTTTA TGCATACTTA AAGTTAAAGG GTTTTATCCA 60  
CTGTCATTTT AATTGGATAA CATTTTGTCAG AGTTTTTTTT TCCTGATTAT TTGATGTAGC 120  
TGGATTCAAG AATGGATTGC CTNATCAATA AAGAATATTT AGAAA 165

配列番号：1241

配列の長さ：166

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01388

配列：

GATCCTATTT TGGGCCTGGG GTGGGTATAC CTGNGGCTGG TCTTAGGAGG GTGCTAGGCT 60  
GCAGACTGCC TTGTACTCCC TGGACACCCT CAAATGGGGT TTTCTGTGTT ATTTCATAAA 120  
ATTCTTTGAA GTCCAATAAA GCATGTAGGA GATTTTAACC ACTAAA 166

配列番号：1242

配列の長さ：164

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01389

配列：

GATCAAAGGN CAAAAGACCA AAAATCAGCG GGCTGAGGAT GGAGCACAGC CATGAACCTG 60  
CTCACGACAA GACGCACCCA TGCTTCTCAG GGTCAAGGCT TTATGTTAAA GCTTCCTGTC 120  
GGGGCTGCTA GGTCAGCATT AAAGTAAGGC AACCAACAGT NAAA 164

配列番号：1243

配列の長さ：163

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01390

配列：

```
GATCTGCTCA GTAATATAAT TTGCCATTTT TATTAGAAAT TTAATTTCTT CATGTGATGT 60
CATGAAACTG TACATACTGC AGTGTGAATT TTTTGTGTTT GTTTTTTAAT CTTTGTAGTGT 120
TTACTTCCTG CAGTGAATTT GAATAAATGA GAAAAAATGC AAA 163
```

配列番号：1244

配列の長さ：163

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01391

配列：

```
GATCTGGATT TGCTTTACCT TGTTAATATT ATCTAGGGGA AAAAGTGCAA ATTGCTCCAT 60
GTTCTTCTCT CCCTTATGTA ACATCTCCTG AGGGTGTTTA GTTGCATGGC TGTTTCAGAAA 120
GGTATTAAGG GCTTAGGCCA AATCTTACTT TGAGTATGTT AAA 163
```

配列番号：1245

配列の長さ：162

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01392

配列：

```
GATCGTCAAA AAGAGAACCA AGAAATTCAT CCGGCACCAG TCAGACCGAT ATGTCAAAAT 60
CAAGCGTAAC TGGTGGAAC CCAGAGGCAT TGACAACAGG GTTCATAGAA GGTTCAGGG 120
CCAGGTCTTG ATATGATGCC CAGCATTGGT TATAGGNGCA AA 162
```

配列番号：1246

配列の長さ：197

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01393

配列：

```
GATCTGGAAG TGAACACAGT TTATGTACAG GGAAAAGGAT TTTATTATCC TTAGGAATGT 60
CATCCAAGAC GTAGAGCTTG AATGTGACGT TATTTAAAAA CAACAACAAA GAAGGCAGAG 120
CCAGGATATA ACTAGAAAAA GGATGTCTTT TTTTTTTTTT TNNCNCCTT TNTAANCNCT 180
GNTGCTGCCT NANTTTN 197
```

配列番号：1247

配列の長さ：160

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01394

配列：

```
GATCTCAATG CCAATCTCTC ATTCTTCCTC TCCAGATATT TTTGGGAGTG ACAAACATTC 60
```

TCTCATCCTA CTTAGCCTAC CTAGATTCT CATGACGAGT TAATGCATGT CCGTGGTTGG 120  
GTGCACCTGT AGTTCTGTTT ATTGGTCAGT GGAAATGAAA 160

配列番号：1248

配列の長さ：160

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01395

配列：

GATCTGAAAA TCGACCTCAA CTCAAGGGTG GTCAGCTCAA TGCTACACAG AGCACGGACT 60  
TTTGGATTCT TTGCAGTACT TTGAATTTAT TTTTCTACCT ATATATGTTT TATATGCTGC 120  
TGGTGCTCCA TTAAAGTTT ACTCTGTGTT GCACTATAAA 160

配列番号：1249

配列の長さ：159

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01396

配列：

GATCTGCATG ACCTATAATC TTTGAACCAC TTTCGTACCT CATGTTTTTA TCCAGCACTC 60  
TTATTGTAAT ATGTACTAGT CTGTGAACAA TGTCAAATAA AAGAGAACGA ACAGGTAGTT 120  
TGGTGGAGCT GAGCTAGTGT ACAATACACT AGTTGTAAA 159

配列番号：1250

配列の長さ：159

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01397

配列：

GATCTTGGA TTCTTGNTG GATTNCACA GTTTTAAAA TTAATCATGT CAGCCCAATG 60  
CAGCTGTGTC ATTGCCACCT AGTGGTAAAA CTAACATTAC TGTTAAGCTG TGTGATTTA 120  
AACTTGAATC CCCAGTAAAN GGTTCACCTGT TCTGTGAAA 159

配列番号：1251

配列の長さ：159

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01398

配列：

GATCCCTCTG AGAGTTGATG AGGATGTGTA ACAAGTATTT NCTTCTATNG TGCCTGCCAG 60  
GGCTGAAGCT GCCTGGTATC CAGGAGGGGA ATGCTGGTAT CCCCATATGN CTGTNTTGT 120  
TTGAGATTTT TAATAATAAA TAATAAATTT TTGAAGAAA 159

配列番号：1252

配列の長さ：158

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01400

配列：

```
GATCCTATTC TTGTA AAAAAT ATTTGTATGT ATGCACAGAA ATCTGCAAAG ATGTACACTT 60
AGTGAAGTGG TTACCAACGA ATGGTGGGAC TAACTAAAAT GGTCTTTTTA CTTATATGTG 120
CATTTCTTTT TATAATAAAA ATGGGTTATA TGCCTAAA 158
```

配列番号：1253

配列の長さ：158

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01401

配列：

```
GATCTGCCCT GTGTTATCCA GTTATGAGAT AAAAAATGAA TATAAGAGTG CTTGTCATTA 60
TAAAAGTTTC CTTTTTTATT CTCTCAAGCC ACCAGCTGCC AGCCACCAGC AGCCAGCTGC 120
CAGCCTAGCT TTNCCCNNT TTTTTTTTTT NNNCNNTN 158
```

配列番号：1254

配列の長さ：157

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01402

配列：

```
GATCTCAATC TTCGGGGTGT GATGAATAGC GAATCATCTC AAATCCTTGA GCACTCAGTC 60
TAGTGAAGAT GTTGTCATTA TGTACAATAC ATAAGTAGT TAATTAACTA TGTGATGTTA 120
ACTATTATTA ATAAATTTTA ACATTTTCCA AAATAAA 157
```

配列番号：1255

配列の長さ：157

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01403

配列：

```
GATCCGGATG NGGGGAGCTC TGTACAGAGG GCTGGTGATT GTAAAAATT CTTTTGTAAA 60
GTAGAAGTTG GGGGTGGGGT GGGTGCTGGC TGCAAAAATT TCTGGCTTCT CTTACCCCTA 120
TTGCCCCCGG CAATAAATTG TTTCTATATG CCAGAAA 157
```

配列番号：1256

配列の長さ：160

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01404

配列：

```
GATCTTATTT GGAATTGACA TTCTCTATTG TAATTTTNTT CCTGTTTATT TTAAATTTN 60
```

CTTTTGTCTT CACTGGAAAG GAAAGATGAT GCTCAGTTT AAACGTAAA AGTGTAACAAG 120  
TTGCTTGTGTT ACAATAAAAC TAAATGTGTA CACAAAGAAA 160

配列番号 : 1257

配列の長さ : 156

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01405

配列 :

GATCTTTGTN CTTGACCTCT AGACCCAAG ATGTGAACAG TGCACGTTT AATGTCATCT 60  
TTNCTCATGT GTTATAAGCC CCAAGTTGCT GTATATTNC ACAAGTATGT CTACACACTG 120  
GTCATGATTT TNATAATAAA TAACGATAAA TCGAAA 156

配列番号 : 1258

配列の長さ : 155

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01406

配列 :

GATCTTGCTC TGATTATAAT GCCAGTGAAT GTTGCTGAAC TCTTTGTATA TGCAAATTGC 60  
AAGATTTAAA CCATTCTGAT GCAAGGATAA ACCTTTACTT TGACTIONAG CCTGTGTTTT 120  
TGTCTTTAAA TCTCTTAATT TCATTCCTCT GCAAA 155

配列番号 : 1259

配列の長さ : 155

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01407

配列 :

GATCTGCACT CCCACTCCCC CCACACTTCC CAAAGTGCTG GGATTACAGG CATAAGCCAC 60  
AAGCCACCTC ACCCAGCCAA CATGTTACAT CTAAATTCTT GGATTTTCTT CACTGCAGGG 120  
CTTTGGGTGG AGAAATAAAA CTCTTCAAAT GCAAA 155

配列番号 : 1260

配列の長さ : 155

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01408

配列 :

GATCTGGGAG TGCTGGACGT CATCTCCAC CNCACCCAGC CGTGGGTCTT CTCCTCGGGG 60  
GCAGACGGGA CTGTCCGCCT CTTACCTAG CTGTTCTGCC TGCCTGGGGC TGGGGTGGTC 120  
GTGCTGAAGT CAACAGAGCC TTTACCCTGT GCAAA 155

配列番号 : 1261

配列の長さ : 158



配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01409

配列：

```
GATCTTGGAG GCCAGCCAGC TGAAGGAGAC ACTGCAGGCG GTGCCCAAGC CAGGGGCCTT 60
TGACCTGGAG CAGGTGAAGC GTTCCACCTA CTTNTTCAGC TGACACCCCG TGAGCCTTGT 120
CAGTGTGTAA ATAAAGCTCT TTTGCCACCC CCAGGAAA 158
```

配列番号：1262

配列の長さ：151

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01410

配列：

```
GATCCATCAT NGATGTAAAA GTTCACAATC ATGGTTCAAA TGTAACAGTG CAGAATTGAA 60
TATGGAGGCA TGCATAACCT TCCTCTTAGA AAATGGCAGG TGTTGTAATT TCAAATTTT 120
GTGCAATTAG ATTAAATCAT AATGCAACAA A 151
```

配列番号：1263

配列の長さ：154

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01411

配列：

```
GATCTGATGG GTTATCAGG GGTTCCTACT TTTGTTTCTT CATTTTCTCT TGCCACCAGC 60
ATGTAAGAAG TGCCTTTGGT CTCCTACCAT GATTCTGAGG CCTCCCTAGC CATGTGGAAC 120
TGTAAGGCCA ATTAAACCTC TTTTCTTCC CAAA 154
```

配列番号：1264

配列の長さ：154

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01412

配列：

```
GATCAGCACC TTGTATAGGA ATTCCCATGA ATTATGACTT CTCATTCTGT TTTATCAGAG 60
TGCATATATG TCCTACTTCA GGAAAAGTAA AACAGTCATT TACGAAAGAA AGTCAATCTG 120
TATCCTAAGC ATTTTAATAA AAAGTTAAAA CAAA 154
```

配列番号：1265

配列の長さ：153

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01413

配列：

```
GATCCTGGCC TGAGAATTGA GGGGAGGTGG CCAGCCCGCA GAGGTGGGGT GCTGGGGCTG 60
```

CATGATTTTN GCCCTGCGTC CCTTCTCTTT GGGGCTCCTT TCCCCTCTCA TACATAAAAT 120  
CGCTTTCAAA TTAAATCGC TGTTTCTGG AAA 153

配列番号：1266

配列の長さ：163

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01414

配列：

GATCCGAGTG AAGCCCCAGG TCTCANAGAG CAAGCTGTAG CCAGATGGTA CCAGCTTCGC 60  
CTGGGGCTTC AAGAACCTCC CATCTATCCC CATTCCTGAN ACAGGGAGTT ACAGTCCCTT 120  
TTTGGCCCTC ACATNCAATA AANGTGACTG ATANCACTGG AAA 163

配列番号：1267

配列の長さ：153

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01415

配列：

GATCTGGCAA CACGTTTTNN TTGGAATATT TGTGTTTTCT TGAGGAGGTA TAATTACTGT 60  
ATCCTAGGTG TGAATTTTTG AGTGCAGATG CACATTTTAA AGAAATNATG ATTAANCTGA 120  
TAATGTTTTT NGGCTGAAAA TATAAANNA AAN 153

配列番号：1268

配列の長さ：152

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01416

配列：

GATCATAAAT CAAGGAATGC TGACAGCCAC TAAAGCTGGA GAAGGCCAAG GACAGATATT 60  
CAATCCTCCC GTAGAAGTAC AGCCCTGCTA ATGCATTGAT TTTGGACTTC TGGCCTCAGA 120  
ACTGTAAGAG AATAAATTC TATTGTTTAA AA 152

配列番号：1269

配列の長さ：152

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01417

配列：

GATCAGACCA ACAGTGCTGT TTCCCGGGAG GAACACTTTT TNATTNTTAC CCTTGCAGC 60  
TCCCACCTTT AATCTGTTTT ATACCTTGCT TATTAAATNN GCGCTTAAAT NATTGAAATA 120  
ATGCTGNCTT AGTAGCAACT AAAATGTGNC TN 152

配列番号：1270

配列の長さ：156

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01418

配列：

```
GATCCCCCT ACCCACCCA GTCCCAAATC CAGTCCTCTG GCCCTTGCCT AGCCCTGAAT 60
TGCTTCTCTA AGCTGGTGT CCCATGCACA GGGCCATTCA GGAAGGGCTG GGGGAGTGTG 120
TGTGGCAATA AAGCTTGAAG GCACCGTGGG AGCAAA 156
```

配列番号：1271

配列の長さ：151

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01419

配列：

```
GATCCTCTTC TCTCCAAATG TTAGCCATCC TGAAGTAGCC GAACAGTAGA AACTTTGGTG 60
GGGATTAACC GGGAGCTTGA AAATTTGTNT TTGGTAACCT GATACTGGAC AGCTGAAC TG 120
AATGGCTGCA AAATAAATAC CTCACATGAA A 151
```

配列番号：1272

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01420

配列：

```
GATCCTGGAG GACCCTGGGC CCCAGGCCAG CTCCCATCGC TGGGGGACGG TGAACGGCCA 60
TGTGTTAATG TTACGATGTT TTTAAAGAC AAA 93
```

配列番号：1273

配列の長さ：149

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01421

配列：

```
GATCCCCTTT GTCAGTGGGG AAACCAAGGC AGAGCTGAGG GGACAGGGAG GAGCAGAAGC 60
CATCAAGATG GTCAAAGGCC CTGCAGAGGG AGATGTGGCC CTCCTCCCC CTCATTGAGG 120
ACTTAATAAA TTGGATTNAT GACACCAA 149
```

配列番号：1274

配列の長さ：151

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01422

配列：

```
GATCTCAACG TGCTGATATG GAAAGTGCTT CAGAATGTAT TAAGGACATA AATTAAGTGT 60
ACAATAATGT GTGTGTGTGT ATATATGTAT ATGCTTACGT GTGTATGGAA AGTATCTCAG 120
```

CAGATACAAT AAAAAGTTAA TTGTGATTAA A

151

配列番号 : 1275

配列の長さ : 149

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01423

配列 :

GATCCTCCCT CTATTTTGCA AACAGTCTGT AAGTAACTNA TAAAACTTTA AAATATGCAA 60

ATTTTAAAT TATATAGTTT GATTTACTCA TCAAATTATC ATGTATGCTG TTATTTAAGT 120

ATGAATAAAG GCTTTTTTAA ATNGGGAAA 149

配列番号 : 1276

配列の長さ : 254

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01424

配列 :

GATCCTACTC CTTTGGAGTA AAAC TAGTGC TTACCAGTTT CCAATTGTAT TTAGCTTCTG 60

GTTGGAATTT GAAAAAAAAA GAAAAAAGA AAAAGAAAAC CTAAATAAAA TAGGTGAAAG 120

TTCCCTGACT ATTCAGGTGA ATACACAAAG TTTGAAGTGT TAACTTTTTC TTTCCATTTC 180

ACTGATGTTA CTGGTCACCT TAGAGAATTA TTTCATAGTC TGTGGCTAAA TAGTAAATTC 240

AGANGAAAAA TAAA 254

配列番号 : 1277

配列の長さ : 148

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01426

配列 :

GATCCTACTG TTGAGTTAGG AAAATATGGT TAGACAGACT CACATTACTT TTTTTCAGAG 60

GTAAACTCTA GATTACTGTG TCAACCCAAT ACTATTTGGC CATAGATGTA AAACTACCA 120

AATAAAAGTG GATTTTGTGG TCTACAAA 148

配列番号 : 1278

配列の長さ : 148

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01427

配列 :

GATCCACAGT GGAGTCTCAG TAATTATATC TCCTTGATTT CTTCAATTNC TCTTCTGCTA 60

TAAAAGTAGA GATAATGTGT AGTCACTNCT CATTTAGTGA ACCAATTGTN ATANTTCTGG 120

AAATCTNTTN TCTTTAAGTG TAAATANN 148

配列番号 : 1279

配列の長さ：124

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01428

配列：

GATCCCAATC AGATTCCCGC TAATGGAAGA AGTTTAGAAT CTTTCAGGTG GAATAAAGTC 60  
ACATGAAAAC AAAACACAAC TATATATATT TCCAGTTTTT TTGCCTTATT GATTTTTTNC 120  
CAAA 124

配列番号：1280

配列の長さ：147

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01429

配列：

GATCTTTGGG GAGATACATC TTATAGAGTT AGAAATAGAA TCTGAATTTC TAAAGGGAGA 60  
TTCTGGCTTG GGAAGTACAT GTAGGAGTTA ATCCCTGTGT AGACTGTTGT AAAGAACTG 120  
TTGAAAATAA AGAGAAGCAA TGTGAAA 147

配列番号：1281

配列の長さ：147

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01430

配列：

GATCCTGACA CTAAGGAATG CTGAAGCTTT GGACTTCGGC AGTCTCCAC CTCAGTCAT 60  
CAGCTACAGT TGGAATGAAT TTNAAAACGC TCGGGACCTG TTAATNTNTC CTGTAGNCTG 120  
TATTATNTNA AAAATCTGGG CAACAAA 147

配列番号：1282

配列の長さ：147

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01431

配列：

GATCTCGCTC CCCCTTCGG TTCTTTCGAC CGGTCCCCC TCCCTTTTTT GTTCTGTTTT 60  
GTTTTGTTTT GCTACGAGTC CACATTCCTG TTTGTAATCC TTGGTTCGCC CGGTTTTCTG 120  
TTTTCAGTAA AGTCTCGTTA CGCCAAA 147

配列番号：1283

配列の長さ：146

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01432

配列：

GATCTCAGTT CCTGGCTTTC CCCCCAGCCT TCTCACCCTT TGTGTCTGTG TAGTGATTG 60  
GTGAGAAATC GTTGCTGACC CTTCCCCAGA CCATTATGA GTCNAAGTTT ATTATTCAAT 120  
AAAAGTGCTN TATGCGCTT CTCAA 146

配列番号 : 1284

配列の長さ : 146

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01433

配列 :

GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60  
TTGAAGATTG ACTCATGTTG CATGCATCTN TAGCTTGTC CTTTTAATT CCTAGTAGAT 120  
TCTGTCATAT GCCTATCTNC AATTNN 146

配列番号 : 1285

配列の長さ : 167

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01434

配列 :

GATCCCCATG CTAAGAAAAT GCCCAAAAAA ATAGGCAAAA CACGAGAAGA GCTAGGGTAA 60  
GAGAAGGACG TAAACAGAAC CTGACACCAG CTCCTTTTCC TTCTATACAT TATTTAATAC 120  
CTATTAAATA AAATNATTTT TGGAATAAAG CTTGTGGGAA CATTAAA 167

配列番号 : 1286

配列の長さ : 179

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01435

配列 :

GATCAAAAAG GCTTATAAAA CAGAGTAATC TTGTTGGTTC ACNCTTGNGA CCGTGAAGAT 60  
ACTTTGTATT GTCCTATTAG TGTTATATGN ACATNCAAAT GCATCTTNCA TGTGTTGTTT 120  
TTGGCAACAA ATTTTGAAAA GTAATATTTA TTAAATNTTT TTGTATGCAA ACATGCAAA 179

配列番号 : 1287

配列の長さ : 145

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01436

配列 :

GATCCGATGG GAGTGTAAT GTGAGACACA ATGTCTTGAT TATACCTGTT TGTGGTTTAG 60  
CTTTGTATTT AAATAAGGAA ATAACTTGA AAATNATTTG TCATCATAAA AATGAAACAA 120  
ATNAAAATAT TTATTGCCAG GCAAA 145

配列番号 : 1288

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01437

配列：

GATCAGGGCA TGCAACCAAA AGCAGCTTAA ATGAAATATT TAAAATAAA ATATCAGGAA 60  
GCTATTTTGA GATTTCTNCT GGCTTATGTT TCTACTTTAG GACCCTCATT GTNCTCTTAT 120  
TAAAAAAAAT TATTCCTGT GCAA 145

配列番号：1289

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01438

配列：

GATCAGATTT TTTTGTACC TACGTAAGAG TACTTGAAGT TTTATTTAAA ATAAAATGTT 60  
GTGGAAAAGG TAGCATTCTT TTTTAGGAG TGTTATTTT CACTATGTGT GGCACGGATA 120  
CAATAAAAGA CTTTACAAA CTAAA 145

配列番号：1290

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01439

配列：

GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60  
GCCATTTTT TTTTGTNCA AATGATTTAA ATNATTGGAA TNCACAATTT TTAAATATN 120  
CAAATAAAN GTTAAAACC TTAAA 145

配列番号：1291

配列の長さ：145

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01440

配列：

GATCAGGAAT TCTAAATAAA TTTCCCAGTT AAAGATTATT GTGACTTCAC TGTATATAAA 60  
CATATTTTGA TACTTTATTG AAAGGGGACA CCTGTACATT CTTCCATCAT CACTGTAAAG 120  
ACAAATAAAT GATTATATTN ACAA 145

配列番号：1292

配列の長さ：144

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01441

配列：

GATCTGCCAG CACCCTGTGG GGGCCAGACT ACAGGCTGAT GGCGGAGGCT TCGAGTGACC 60  
 CGGGTGCCGA GGAGCGGGAA GAGTTGCTGG GGTAAGGGTC TCGGGCGACG CCGGCGCCCT 120  
 GTGCCGTGTC CACGGGTGCA TAAA 144

配列番号 : 1293

配列の長さ : 144

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01442

配列 :

GATCTAAATA TTTTNNAGCT GAGTTATTAG GGAGTCATTA TTCTGTGGTA CAATGCTGCA 60  
 AAAAGCATCA TGTGGAAGAA TGGGAATAT GCTTACTTTA TGAAGTGATG TATAACACAA 120  
 TGAAATCTGT TTTACAACTA CAAA 144

配列番号 : 1294

配列の長さ : 372

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01443

配列 :

GATCTTGGTA GTATCCCTGG CTGCTAAGCC TATGGCAGGG GTGGTCCTTT CTACATTCCC 60  
 ATTCACTTAA CAGCTCTTTT GGGATTGGGT GTTTCATTCC ATTTCTGCCC ACTCCCTCTC 120  
 CTCTCCTCTC TGGTAGGTTT AATTTTATGC TTTCCCTGAT TCCAGCTTTC TGCTTCCTGA 180  
 GGACTCCCGC TCCCNCCACC CCAAAGTTTG TCTGTGGGTG TTATAGTGGT AACTGCAGTT 240  
 CCCTCCTCTG GGAATNGTAG GCTGTAATAG GNTTAATAAA CTCNACNTNC TCTAATCNTT 300  
 GCTNAAAANG TGGGGGTAAN GGGGATGGCN TTGNCCCNNG GTGGGAAANT TAAANNTGGT 360  
 GTTTANGGNA AA 372

配列番号 : 1295

配列の長さ : 145

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01444

配列 :

GATCTTCTCT GTGGGGGAAA AGGAAGAGGA GGGTCTTGTT CTCCANTNT GTTTATTCTT 60  
 TGGGCTCTGG GAACAGGGGA CTACTTTGGG GCTTCTCCA ATNCTNTTGT ATGNTGTTAT 120  
 TAAAAGCGAG CTATTGCATT TCAAA 145

配列番号 : 1296

配列の長さ : 141

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01445

配列 :

GATCTTATAT CCTGTGACCT GTCTAAATTC AATCTGTTAG TTTTATCATT TTTTAAAAA 60



ATGTCGGTGT GTGTCTTCCT TGAGATTTTC TACATTATCA TGTCATCTGC ANATAAAGAC 120  
ATTTACTTCT TTCTTTCCAA A 141

配列番号：1297

配列の長さ：141

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01446

配列：

GATCCAGTTG TACTAAGGTG TACAGGATAT TTGCAGATAT AGGTAACTG AATGAAGCAT 60  
ATTAATAACT GCATTNCCT AACTTTGAAA AATTTNCAA ATGTCTAGGT GATTAAAAA 120  
ATGAGATTGG GCTATTGCAA A 141

配列番号：1298

配列の長さ：140

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01447

配列：

GATCTAAAAT AGATATGTTG GATTGATATT CTCACGTGTT CGGTGTGGAA AACAAAACAA 60  
GTACATGCTT TAGAAGCAAC AACAAATGAAA TCCTTTTGAA ATNTGTGTTA ATATCGTTTA 120  
NTAAAATACC TAGTTTGAAA 140

配列番号：1299

配列の長さ：140

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01448

配列：

GATCCATAGA AGGGCTTCCC AAACCTTGTT TTGCAACATC CCAAATTGTC TCCAGTTGAA 60  
GGAAGGCCTT TATCAGATTC ATAGATGAGC TTTCATTGTA AAAATAAATG TACTTTGCAC 120  
CACTTCATGA TGGAGGGAAA 140

配列番号：1300

配列の長さ：140

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01449

配列：

GATCTGAGGT TTTTAGATTT TAAATATTTA TGTGGAATTA ATTAAAGGTA GTTGGCTATA 60  
TCGCTATCAT TTCATTCTTT TGACATTATT TGAATATTTT ACTGGAAAAT AAGACTAATA 120  
AATTGTTAAA AGTTTTTAAA 140

配列番号：1301

配列の長さ：139

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01450

配列：

GATCTTCACA AAGTTGTCTT TTCACTGTGT TTTGTCAACG TGAAATTAAA TTGTAGTTAT 60  
AAGCAAAAGT TGGTTGCCTA GGGAAACAATT GTATATNCAG TTTAACAGAA ATAAAAGAAT 120  
ATTTGTCTTA AGATGCAAA 139

配列番号：1302

配列の長さ：138

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01451

配列：

GATCGNCACA TTTCCCAAAA ATAATAAAAA AATCACTAAC CTTTTTTAAG GAAAATATTT 60  
AAAGTTTTAC AAAATTCAAT ATTGCAATNA TCAATGTAAA GTACATTNA NTGCCTTATN 120  
AAAACTTTCC CAATTAAA 138

配列番号：1303

配列の長さ：137

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01452

配列：

GATCATTTTT TCGGTCTCCG AGGTGAAATG ACTTATTAAT TAAAATTTGT AAACACACAT 60  
ATGCATATTG TATATGTGTA GAAATGTAAT CACACTTTGT CTTGGAATTA CATTAACTG 120  
TTTGAAATCA CTGTAAA 137

配列番号：1304

配列の長さ：136

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01453

配列：

GATCTTTTTG TGATTGCTTT CCCGTCTCTA AGTAGTATTC TGTGTGTCT AGAGAACTGA 60  
TTTTTCCTA CATACGCAAA TTGTACATTT GTAAGTGAAA ATNTCAATAC ATTAAAGCA 120  
TTANCCTAAA ANCAAA 136

配列番号：1305

配列の長さ：136

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01454

配列：

GATCAGCTGG GTTTTGGCCA GGAAGTTGTC TTTGTGGACT CTGCCTGCAT GGCTTAGTAG 60

TTGAAGGAAA TTTTTTTTG GTTTTGTTT TTATAATTCA GTTTAATCAA TAAACATGTA 120  
TTTATTGACT GTTAAA 136

配列番号 : 1306

配列の長さ : 136

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01455

配列 :

GATCCCTTTA TGAGTTTTGC TATTTTGGCA TGCTACATGT AAGTTTGCT TAATGTTTT 60  
ATGTAAAGCA TCTTCCTCCT TTTACTTCTT TTATTGTGAT AAAACTCATA TAAAATTGAC 120  
CGTTTTGAAG TGTTAA 136

配列番号 : 1307

配列の長さ : 136

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01456

配列 :

GATCTGGGCC CGACCCTCAC TACCCCTGAG ATATTAGTTC CCAGGCCTGT TTTCCACAG 60  
GATTGTGGGC TCTCTGCTTC CTTAGTCGGA AGTNTTTTCA ACTAATCAAA TAAATGAATG 120  
AATGATGAAT AAGAAA 136

配列番号 : 1308

配列の長さ : 135

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01457

配列 :

GATCCCAAAG ATATTAAATA TATGCAAATA TTCCAAAGTC TGAAAAAATC CAACATCCAA 60  
AAACACTTCT GACCCAAGCA TTTGAGATAA GGGACCAGAA TTATTAGATT AAATAAGGTA 120  
TATTATTAAG TTAAA 135

配列番号 : 1309

配列の長さ : 135

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01458

配列 :

GATCAGGCCA AGAGGTTGCA CAGGGCATGA TACTGCACCC TGCCTGACCC AGCTGGGCTC 60  
ACAGGTCAGG GGAGAGTTGG GGCAGGTGAA TGTCAGCATC AGGCTTCTNN TTTTAAACTT 120  
TTAAANAAAT ACAA 135

配列番号 : 1310

配列の長さ : 135

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01459

配列：

```
GATCCTGCCT CAAAAAAAC AAAAAATTC TTTATTTTCT CCATAAACTA CAGTTTATAT 60
AAGCAAAAGT TTCAGTACTA AGCAATTNA GTCTCTGCAG TCTCTNGTNT TGANTTAATA 120
CAACTTTNGT NAATN 135
```

配列番号：1311

配列の長さ：139

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01460

配列：

```
GATCTACCTG TGGCCCGGCC TCCCTAATGT NATTCACATT GAATGGGGAT GAGGTCGGAC 60
AGTGGCTCAT AGAGCGAGTA TGAGCCCTAG CTGTGGGCTA GAAATNTCCT TAATAAACAT 120
CCTTATTTTC NTNTTTAAA 139
```

配列番号：1312

配列の長さ：134

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01461

配列：

```
GATCCTAGTA TGTTGATAGC TTTNATTTTG TGAGTGGTTT ACTAGTCATT TATTATGATT 60
CCCATGANCT CTGATATGAT TCATTGTGGT TTAACTCAG GTTGAATAAA AGCATCCATT 120
TCTTTTATAG GAAA 134
```

配列番号：1313

配列の長さ：237

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01462

配列：

```
GATCTCAAGG TTGATAGTGG TGTTCACTAG GAGACGTGGA ATTGAGACTA ATAACCTGGA 60
TGTTAACACT GTTACTGTT TTTTCACATG TAGAAATGTT CTTTGTGTAT TTTTCTACA 120
GAGGATTTTC TCTGATTTTA TTTCTTTGT TTCTGACTCT AATAATTAGT TGGAACTCA 180
TATAAATGA GCTTTCCTAA ATTAAATCTA TTTTAAATAA AGGTTATTAC TATTAAA 237
```

配列番号：1314

配列の長さ：134

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01463

配列：

GATCTATAGG TTTATTAGAA NCCTNACCAC AGNATCCAGA TTATCTTCAG TATTCTNTCA 60  
GTACAGCTCT CTGCAGCTTA AACTCGGTGG TACATAAAGA AGATGATGAA CCCAAAATGN 120  
TGGNCACTGT ATAN 134

配列番号 : 1315

配列の長さ : 133

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01464

配列 :

GATCAGAAAA TCCCTCTGAC ATCTCCACTG CCCCCAAAGA CCTCCGTTGA ACATTCTGTA 60  
TGGAAAAGAG CCCTGGAGCA TCAGGTCCC CAGATAGGCC CCCAAATAAA GACCTGTCTA 120  
TGGCTCTCCC AAA 133

配列番号 : 1316

配列の長さ : 132

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01466

配列 :

GATCTAGCTG GCTGTAGTAT TGCNTTGATA ATTTTTTCT TTTAATTAC CTAATATATA 60  
TAAGGAAGGG GTTTGGATAT ATTAAAATAG GTGTAATTT TATCTATTTA CCAATAAATT 120  
CATCTCTTTA AA 132

配列番号 : 1317

配列の長さ : 130

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01467

配列 :

GATCCAGCCA TTCCTGAAGC CCACCCTGCA CCTCATTCCA ACTCCTACCG CGATACAGAC 60  
CCACAGAGTG CCATCCCTGA GAGACCAGAC CGTTCCCCAA TACTCTCCTA AAATAAACAT 120  
GAAGCACAAA 130

配列番号 : 1318

配列の長さ : 130

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01468

配列 :

GATCTAAAAG CCAACTTTTT CTCAGTNTTA CTCAGTGGAA AGATAAACTA AGTTTAAATG 60  
TTATNTTTTT AAATNTAAGC AAAATTTATT TCTGTNCTNT AATAAATAAG AAAATGTGGT 120  
CCACTGCAAA 130

配列番号 : 1319

配列の長さ：129

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01469

配列：

GATCCCCTGC TCCTGTTGTG TTCTGTTGTA AATCATTGG CGAGACTGTA TTTTAGTAAC 60  
TGCTGCCTAA CTTCCCTGTG TTCTATTGA GAGGCGCTG TCTGGATAAA GTTGTCTTGA 120  
AATTTCAAA 129

配列番号：1320

配列の長さ：128

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01470

配列：

GATCAGAATT TTAAAGCAG AATTTTGTCA AAAGGGTCAT TTTTGTCT ACCCCTTTTA 60  
CACTTTTCAG ATTCTCAAAG TGTCTCATCT CAACTTTTAA AAGAATAAAG AATATCTTGC 120  
TGGGCAAA 128

配列番号：1321

配列の長さ：128

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01471

配列：

GATCCTTGTG AGATGAAAAT GGATTCACAG CTCTGGCAGT TCCAATGTC TGGGGAGGGG 60  
TATAGGTTTG AAAGGCTGTT TGAAAGAGGA ATGTTTAATA AAGGCTTTGA TTTAATCTTG 120  
AAAAGAAA 128

配列番号：1322

配列の長さ：128

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01472

配列：

GATCTCGAAG TNACTCCGGG CTGAGCAGTG GGGCGGCTGG GGGAGGGGTG ACGATTCTCC 60  
TCAGGCTTTG GCCCTGCAAG CAAACCCACA TATCTNCTCT GTATGTAATA AATNTNTTAA 120  
CGTCGAAA 128

配列番号：1323

配列の長さ：129

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01473

配列：

GATCCTGAAG CNGCACTTAC CTNTGAANAG TCTTCAAACCT TTAAACCTT GCCAGTNAGG 60  
ACTTTTNTCTA TTGCAAAATAG AAAACCCAAC TCAACCTGCT TAAGCAGAAA ATAAATTTAT 120  
TGATTCAAAA 129

配列番号 : 1324

配列の長さ : 127

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01474

配列 :

GATCTGTGAA GTTATTTTGT AAGGACATAC ATTTGGTAAG TAAGTTTGTG TCCCAGGAAA 60  
TGTATGTNTT TTAAACCCCT TTCTAAATAT GCAGGCCATT AATAAATAAG ATTGTTTCTT 120  
CCCTAAA 127

配列番号 : 1325

配列の長さ : 127

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01475

配列 :

GATCAGAGAG ATTTTNTTTT TAACTACCA TGGTCCCAGG ATTCCATCCT GAAATNAATT 60  
TTCCTTTGTA TGAATATGTG TAAATAATTT AAAAATAAAA CTGTAAAANA TTTGTNCGAA 120  
GAATAAA 127

配列番号 : 1326

配列の長さ : 137

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01476

配列 :

GATCCCCCTT CATTTGATGT TTGGAAAATN CCAGTAATTA TCATTTTTCG AACGAATATG 60  
GATACCACAT AGTACTTTGG TGTACCTGC TTTTGAAAAA TAAAGTCTTT GGTTCACCCG 120  
GTGAACATTT TATGAAA 137

配列番号 : 1327

配列の長さ : 126

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01477

配列 :

GATCCTCAGC CTCCAGTGG TCTTTGTAGA CTGCCTGATG GAGTCTCATG GCACAAGAAG 60  
ATTAAACAG TGCTCCAAT TTAATAAAT TTTTGCCCAT TTCTTATTAA AAAAAGTGT 120  
TGTAAG 126

配列番号 : 1328

配列の長さ：129

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01478

配列：

```
GATCCATCTG TG TAGTTTCT GAACAGTCAG CGATTCCAGG TTTTAAATAG TTTGTAAATT 60
TTCAGTTTCT ACACACTTTA TCATCCNCTC GTGATTTTTT AATPAAAGCG TTTAATTCC 120
TTTCTCAA 129
```

配列番号：1329

配列の長さ：125

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01479

配列：

```
GATCCATGCT T TACTGTGTT TAATGGGGGT AACAGGGGTC CCTACAGCCC TCCCAGCTAA 60
ACATTTGGAA CAAAACACCA GCCCTTTTGT AGTGGATGCA GAATAAAATT GTTAATCCAA 120
TCAA 125
```

配列番号：1330

配列の長さ：124

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01481

配列：

```
GATCTGTGTT GAAAGTNGTA TATTTTATC TGTNCGGTGC TGAGTGCAGG CCACCAGCTC 60
CTAAATAGAG GTTCCCTATA TGC GCGTATG ACATGGTGAA TAAACACAAC TCTCTCCACT 120
CAAA 124
```

配列番号：1331

配列の長さ：124

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01482

配列：

```
GATCGTTGTA ATTNNTTGAC ATTCCTTNA GAAGTTGTGA AATGTTACAA CTTGTNCTTA 60
TG TAGACACA ATCTCCTGTC TCAGTACAGA GGC ACTGACT TCAATAAAGT CTATTTATAC 120
TAAA 124
```

配列番号：1332

配列の長さ：129

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01483

配列：



GATCAAAAAA TGGAAATGTA TAATTAAATC ATACTTAGCA AATCTAACAC ATGAAATGTA 60  
ACATCTGCAT ATGGAGAATC GTGTTACTTT ATTGAAAAAC ATTAAANGTT TGAGANCTTA 120  
AGTTGGA AAA 129

配列番号 : 1333

配列の長さ : 122

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01484

配列 :

GATCTGCCAA GATTCTTTGA ATACAGATAA TTAATGTAAA CAATTATCAT AAGTATACTA 60  
ACATGTTATN CTTTTTAAAT AAGAAGGTAT AATAAAATAT CCCATTGGTT TNATGTATTA 120  
AA 122

配列番号 : 1334

配列の長さ : 122

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01485

配列 :

GATCGGGCCN TTGGCTGTAA GACCCGACCC TTCGAGAACC CGANACGAAA CGCTCCATTA 60  
CCACTGCNCA GTGAGATGAG GGACTCACAG TTCCAAGAGG NTTCTTTCCC GTGGNCCCCT 120  
NN 122

配列番号 : 1335

配列の長さ : 121

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01486

配列 :

GATCCAACCC TGTACTGATA GTACTTCCCA GTATGATATT GTGATGTTTC ATACAATGCA 60  
GTGAACATAA CCAACTTGTT ACCTAAATAA AGANTTGATA AAAACAGTGT GACATATTAA 120  
A 121

配列番号 : 1336

配列の長さ : 120

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01487

配列 :

GATCAAGGTC TGCAAGGGAA TTCTTGTTGTG CTGCTTTCCA TTTGACACCG CAGTTCTGTT 60  
CAGCCATCAG AAGAGAGACA AGGNATTAAA AATTCTTTT TAATCNNGTT ACCAAATAAA 120

配列番号 : 1337

配列の長さ : 119

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01488

配列：

GATCTAGTAG GCACGTCTGT CAACAGGACA CATGCCTCCT CTGACTATAA CCTCTTAATA 60  
GTTGTGTATA ATGAAACTG TAAACTTTTT TAAATAAACN GTGTATATAC CTTGGCAAA 119

配列番号：1338

配列の長さ：120

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01489

配列：

GATCCTGAAG CCATGGTTTC TTCCCTGCCA GAAATGAAAG GTTCAGTTAT GAGGCAACCC 60  
TCTAGTAAGG CATTGTAAAA GTTACTGGAT TTGGTTTAAT AAAAGTTGAA ATAAAGTAAA 120

配列番号：1339

配列の長さ：322

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01490

配列：

GATCTTCCGA GTGCTTGGGG CCCACAGAGA CATCATCCTG GAGAGCATTG CCACTGACAA 60  
CCCAGAGGCG CACAGCAACC TCTACATCCT CACGGGCCAC CAGAGCACCT ACTAAGAGCA 120  
GCGGGCCTGT CCAGGGGCTC CCCGNCCCAC CCCACGCCTT AGCTGCAGGC CCTTTTGGGC 180  
AAAGGGGCC ATCCTGGGCC ATCCATTCCA TTTTGTTCCT CATTTCCTTT CTACTCTTTC 240  
TGCCAAGAGN CTGCCCCTGC ATTTGTCCTG GAAACACGG TATTTAAGAG AGAACTATAT 300  
TGGTATTAAA GNTGGTTTGT TN 322

配列番号：1340

配列の長さ：118

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01491

配列：

GATCTTTGGA GCAAAAGCCA ACGGCAGGAA AAAATAGTTT GTACCAGTTT CATGAAGTAT 60  
GTCTTTGGGT TTTTGTAAT AATTTTAACT CAAATAAAAT TGCTACTTTC AATACAAA 118

配列番号：1341

配列の長さ：118

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01492

配列：

GATCAGAATN AAATNTGTAT AGAGCAGAGT TTAAAAATGA ATGTAAATAG CACTAAACGT 60

NTNCTTTCTG CAACCTGTAC TTACAGATTC TCCCTGTAAA CTAAATAAAA AAAAANTN 118

配列番号 : 1342

配列の長さ : 118

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01493

配列 :

GATCACAAAA TGTGCATGAG NGTTATTNAC TTTATTCTNG TACAGTACTA GGATTCCTGT 60  
AACCCTCTT TTTTCTTC GNNGTATTGA AAAGTGGTTC AGTGTTAACC AGGCAAGN 118

配列番号 : 1343

配列の長さ : 118

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01494

配列 :

GATCAATTCA CTTAAAAGNA TGGCCCANAT AGCACNNATA GGACCAAGGG ACACATGTAG 60  
TCANTTTTAA AAAACATGTA CTTGGTCTTT TGTGTGTGTC TGTTATATTC CATTAGAN 118

配列番号 : 1344

配列の長さ : 117

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01495

配列 :

GATCCCAGGA GAGCTGGGCT ATGACTGCAA TAAGGAGTTG TTCCTTCACC TGAGATGTGC 60  
TTCTTTTGGT TCATTTCTGG CTTGACAACA AGAAATAAAC GTGGTATGTT CCTGAAA 117

配列番号 : 1345

配列の長さ : 119

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01496

配列 :

GATCTTGAGG GACCCAACAT TTGTAGGGGC ACTAATCCAG CCCTTAAATC CCCCAGCTTC 60  
CAAAGTTGAG GCCCACCATC TCCACCATCT GGTAATAAAC TCATGTTTTT TCTGCTAAA 119

配列番号 : 1346

配列の長さ : 116

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01497

配列 :

GATCAGATTT GGGTGGGAGA AAGAAGTGGG TATCAAGGGT GATTTGAATT TTCTGCAGCA 60

TTAAAGTGGC GTTAATAAGA TAAGTAATAA TAAAGAATTC TAACATCCAT GTCAAA 116

配列番号 : 1347

配列の長さ : 116

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01498

配列 :

GATCCGGTGG AAATCCAAGC TCTGGGCTGG TAATTTTAT GAGCATTTTC AGCTTTTGCA 60  
AATACAAAT ATAATNCTTT ACAAAAATAA ATTTTATNC TAATCTAAAT CTGAAA 116

配列番号 : 1348

配列の長さ : 115

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01499

配列 :

GATCTTCTCT ATGATTGATA CATGGCACAG TGAGAGATTA ATGGGCATTG TGTACAAATT 60  
GCTTCTCACC ATCCCCATTA GACCTACGAA TAAAGCATCC GGTCTAAAA TTAAA 115

配列番号 : 1349

配列の長さ : 118

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01500

配列 :

GATCTTTTTG TAAAAGGACC AAATGTTCTT TTATAAATGT AATAAGGAAT ATCTTGCTCT 60  
TTAAATTTA TTAGGNNTTT AATGAGTAAT TTNATTAAA AGATTCTTT TTTTGAAA 118

配列番号 : 1350

配列の長さ : 192

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01501

配列 :

GATCCTATTT GTTTCATTT ATTGTAAATN CCCATTGCA TCAAAACCTA ATNATAGTGA 60  
TNGGTAAGTA AAAACAAATG GTGTATTGCT TTTCATACAA GTGTTTTCAC AAAAGCCATT 120  
TGCCTAGGCA GCAAAAAATA TTAATTTGTT AAAAAAATT TTCCTTCGTG TCCATCCNCA 180  
NAAANTGNG NN 192

配列番号 : 1351

配列の長さ : 115

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01502

配列：

GATCTGTGGA CTTTCATCAN ATTATGAGAC TNNCTCAATT TCATGACTGT ACTACCTGAA 60  
ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTNN TAAGTCATCA AGATAAATCC TTAAN 115

配列番号：1352

配列の長さ：150

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01503

配列：

GATCTTAGTT TGTAGCTTAT GACTTATTTA ATGAATGGAT GCCCAGCCAA GCTCAGAGTA 60  
GGCGCCCAAA GCATTGTGGA TTATTTTCCT GTTTTGTCTT TTTTTTTTTT TTTTTTNAAG 120  
CCATGNCANC CCNGANGGGG CCAGNGANTN 150

配列番号：1353

配列の長さ：113

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01505

配列：

GATCGNNAAG AGGTTACCCA GACCACACAC AGTTTGAGAA AACATNCCCA TTATNACCCA 60  
TCTAGCAAAG AGGCACCCTA AGTGGTCCAT GAAGAGTTTA ATTTTATNTT AAN 113

配列番号：1354

配列の長さ：113

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01506

配列：

GATCGGGTTT AGACGNNAGN TCATTCACTG AAGCAAGCCA AAAGCNCACA TTTGTATGCC 60  
TTAGGTCTTC TTAAATGGT ATCTGTAAAC ATGTGTCCAA TATAAANCT ATN 113

配列番号：1355

配列の長さ：411

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01507

配列：

GATCCTCCCT GCCCGCGAAG TGNACAGTTT ACAAATTAT TTTCTGCAAA AAAGAAAAAA 60  
AAGTTAGGTT AAAAACCAAA AACTACATA TTTTATTATA GAAAAAGTAT TTTTCTCCA 120  
CCAGACAAAT GGAAAAAAG AGGAAAGATT AACTATTTGC ACCGAAATGT CTTGTTTTGT 180  
TGCGACATAG GAAAATAACC AAGCACAAAG TTATATTCCA TCCTTTTTTAC TGATTTTTTT 240  
TTCTTCTATC GTTCCATCT GCTGTATTCA TTTNTCCAAT CTCATGTCCA TTTTGGTGTG 300  
GGAGTCGGGG TAGGGGGTAC TCTGTCAAA AGGCACATTG GTGCATGTGT GTTTGCTAGC 360  
TCACTGTGCC ATGANAATAT TTTATGATAT TAAGGNAAT CTTTTGAAAA A 411

配列番号 : 1356

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01508

配列 :

```
GATCATGGTG TAATAAGACA TAACGTTTTT CCTTTAAAAA AATTAAAGTG CGTGTGTAGA 60
GTTAAGAAGC TGTGTACAT TTATGATTTA ATAAAATAAT TCTAAAGGNA AA 112
```

配列番号 : 1357

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01509

配列 :

```
GATCAAGTGC ATTTGACAGA AAAGTTCAGT TTCTGGGAA GAAACACCTT TTAAGCTGAA 60
TGGAGAAAAT NCCAAAATAA ATTATATCAC CACAATGGTG TATACTCAGA AA 112
```

配列番号 : 1358

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01510

配列 :

```
GATCTGGGAA AAAACAAGA GACTCAATGG AGACAGAAGA AAATCCAAG GTTCTAATAA 60
CTNCNTTCTN AAAAANTATC TACCCCATTT GGTGAAGTGA AAANCAGAAA AN 112
```

配列番号 : 1359

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01511

配列 :

```
GATCCTGGTT GGAGTAAACA TTCCATGGGA ACTCGGGCTG TNAGAATNTC CTAACCACCT 60
GANTGCAGAA ACATCCTTAT CACATCCTNC TGGGAAAGNC CAACAGCCTG AN 112
```

配列番号 : 1360

配列の長さ : 112

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01512

配列 :

```
GATCCATCAC CTGNCAGCA TAACTGGCTT CNNTCAGTC ATCCACACAA CACCAGGACT 60
TAAGACAAAT GGGACTCCCT GTCATCTNGA GCTATNCATT TATTAAACT GN 112
```

配列番号：1361

配列の長さ：111

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01513

配列：

```
GATCCCTTCA TTGATGTTTG GAAATTCCAT ATTACATTTT GCACGATATG GTACACATAG 60
TACTTTGGTG TACCTGCTTT TGAAAAATAA AGCTTTGGTC ACCCGGTGAA A 111
```

配列番号：1362

配列の長さ：111

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01514

配列：

```
GATCAGAGAA TGCAGCAGCA GTTTTTTCC TNGTTNCTT ACCACTTTAT TCTTTCANAG 60
TTTAAAGAAA ATGGACTCAT GCACAGAACA CTATGCATT NAAACTNGT N 111
```

配列番号：1363

配列の長さ：111

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01515

配列：

```
GATCGGGGGC GTANATNCAT AGTAGTTTTT ACAGCTGTGT TATTCTTGC GTGTAGCTAT 60
GGAAGTTGCA TAATTATTAT TATNATTATN ATAACANGTG TGTCTTACGT N 111
```

配列番号：1364

配列の長さ：110

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01516

配列：

```
GATCTCAAAA CAGTGCTAAA ATCAAAGNTG TNGACTGTAA AGAAAAACAT GTATATATAT 60
TGCACCTNAA AGTTGTCAGA AGNTAGAAAC TNAATAAAC TAACTTTAAA 110
```

配列番号：1365

配列の長さ：109

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01517

配列：

```
GATCCCACGC CACAGCCTTT TGNTNTGCAA CTGCCTTCTT CGGAAAGAAG AAGTGGGAGG 60
ATGTGAATTT TAGTTCTGAG TTTACCAAAT AAAGAGATAT AAGACGAAA 109
```

配列番号 : 1366

配列の長さ : 109

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01518

配列 :

```
GATCATGTAC TGAAGTAGTT TAAGCAGGCT GGCTAACTTA GACTNATTGA TTCTGCNTTT 60
GTACTNNAAT AGGGGTTATA ATTGTAAGAT AAAAATGTGT GTGTNCAAN 109
```

配列番号 : 1367

配列の長さ : 236

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01519

配列 :

```
GATCTGGGGG TTTCTTCATA TTCCTGCTGT TGGAA GCAGT TGACCAGAAA TGCTTGNCAG 60
NACTGCCAAA GCACTGCTGT GAAATGTGAA GTACTTTGTT TTTTATTTT TAATNATTTT 120
CTTTTTGTTA TTAATATTTT TCTCTGTTCC TTTGTTATTA CTGTCATGGT TTGGCGTCAG 180
AAGTCCTTAC CTCCTTATAT TGTTTGCAGG TTTAAATAAA ACAGTGTGGT GCCAAA 236
```

配列番号 : 1368

配列の長さ : 108

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01520

配列 :

```
GATCTTGAAG TTATTTTAA GACATACATT TGGTAAGTAA GTTGGTCCCA GGAATGTATG 60
TNNTTNAAC CCTTTCTAAA TATGCAGNCA TTAATAAATA ANATTGTN 108
```

配列番号 : 1369

配列の長さ : 107

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01521

配列 :

```
GATCCAACCC AAATCAAATT GTTAAATGCC CTCTGAATT TTTTGTCTG TTATTTAATT 60
ATATGGTGA ATTAATAATA AAATAAACTT CATGTCTCTG ATTCAAA 107
```

配列番号 : 1370

配列の長さ : 107

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01522

配列 :



GATCTNGAGC TCTGTCTTCA GCAGATTTCA GGTGTAACAT TTGTAACTC GTACTNGAAG 60  
GTGTGTCCTC AAGAAGAAAG TTTTCAAATT AAAAAAGCTG CTGCAAA 107

配列番号 : 1371

配列の長さ : 107

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01523

配列 :

GATCATGTAC ATTGTAACGT GTGTCGTCAG TACTGCAGTT CCTCAACTTT NTTTGTCTNT 60  
NATTACCATG ACATTTTAA AGATACAGCT ATTTTNTCGA TGTNAAA 107

配列番号 : 1372

配列の長さ : 286

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01524

配列 :

GATCACATCT AAAGCTTTAT CTTTGTGTAA TCTAAGTATA TGTGAGAAAT CAGAATTGGC 60  
ATAATTTGTC TTAGTTGATA TTCAAGGCTT TAAAAGTCAT TATTCCTGGG CTTGGTAAGT 120  
GAATTTATGA GATTTACTGC TCTAGAAAGT ATAGATGGCG AAAGGACCGT TTTGTATTGC 180  
TTCCTGATTA CCAGTCTGAT TATACCATGT GTGCTAATAT ACTTTTTTTG TTATAGATTG 240  
TCTTAATGGT AGGTCAAGTA ATAAAAAAGA GATGAAATAA TTTAAA 286

配列番号 : 1373

配列の長さ : 107

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01525

配列 :

GATCCGCGCA CCTAAGCCTC CCAAAGTNCT GGAATTACAG GCATGANCTA CCATNCCTGG 60  
CCTTCTAATG TTTTTCNTAA TTAAGGCTCT NAACTTCAA GACTGTN 107

配列番号 : 1374

配列の長さ : 106

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01526

配列 :

GATCTAGAGG NGAGAAAAAG ATGANTTGCT CCTTACATTC GATAATCAGT GACCACGAAA 60  
CACTCAGACC AGAGCCTGGC TTATCAAAAA CCTTNAGTGA GNNCTN 106

配列番号 : 1375

配列の長さ : 106

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01527

配列：

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGCAGAGAAA AGAGAAAGGN TTTATATACG GTACTTATTT 60  
AATATCCCTT TTTAATTAGA AATTAAAACA GTTAATNCNC TTCAA 106

配列番号：1376

配列の長さ：117

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01528

配列：

GATCCTGAGC TCCCTTTGCA GTCTGAAAAA GGTATTGCAG TCAGAACTGT GTACTGATGA 60  
TAAANGCCTC TGGTAGCAAT AAAAAGTTGT CCCTAACAAA AGAGGCAAAA AAATAAA 117

配列番号：1377

配列の長さ：105

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01529

配列：

GATCCAGCAA ACAGGTTCTN TTAAAGAAAA ATAATTTATA CTAAATTNAG TAAAATGGAC 60  
TTCTTATTCA AAGCATCAAT AATTAAAAGA NTTATTTNAA TGAAA 105

配列番号：1378

配列の長さ：105

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01530

配列：

GATCAGCAAA ATGAGATAAA TGTTCNTNTT TTCCTTTCTG ACTGCATTAA ATCAGATACA 60  
ACTCAGCATT AAAAAGCTAT CTNTGTAAAT NTNGTNACTA ATAAN 105

配列番号：1379

配列の長さ：105

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01531

配列：

GATCTAACAC GAGGAACATA TCATGGAAAG TGCATNGTAT NTATTTTAGG GTTATGAGTT 60  
CTTTCAAGGG CTAAGNTGCA GAGNATTCC TCCANGAATC GTGTN 105

配列番号：1380

配列の長さ：105

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01532

配列：

GATCAGGTTA CATGAGGGNT CACTCTTCTT GTTGACANN CTGTGAGTTC GGGCAAATNT 60  
GTAATGGCAT ATCTCCACTA TTACAGTNTC ACACAGAATT ATTTN 105

配列番号：1381

配列の長さ：332

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01533

配列：

GATCGGTGCG TTCTCCTGAT GTTTTNCNT GGCTTGGGA TTGTACACGG GACCAGCTCA 60  
CGTAATGCAT TGCCTGTAAC AATGTAATAA AAAGCCTCTT TCTTTTGGG GTGGNNNTTG 120  
TCCTTCTGTC AGCTAAAATG GGAGCTCATG AGAGAAGGAC GTCAGGGAAA CGGGGTTGAG 180  
GGTGGTCTCG GTGCAGAGAG AAGGGTGTCA GGGAAACGGG GGGTGAGGGT GGTCTTGGTG 240  
CCAGACGTAG GGAATGGTGT TGGGAGTGGC CCGAGTGCCT GGCACAGTG TCTNGTTCAT 300  
TCATGTAACA TGATAATTTT TAAATCATTA AA 332

配列番号：1382

配列の長さ：157

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01534

配列：

GATCCTGCTG CTGTAATGGG AACCCCTCCC CCATTACTT CTCCACCTCC CGTCCTCCCC 60  
ATCATTGGTT TTTTTTGTG TGTCAACTGT GCCGTTTTTA TTTTATTCCT TTTATTTTCC 120  
CCCTTTTCAC AGAGAAATAA AGGTCTAGAA GTAGAAA 157

配列番号：1383

配列の長さ：103

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01535

配列：

GATCTACTGT TTGTTGAAGT GTGGGAAAAT AGCCTCTCTA AGGCAGCCCA GATGGGACCA 60  
AAATCAGTAC AAACATATTT AAGTAAATTT TAAATGCGT AAA 103

配列番号：1384

配列の長さ：284

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01537

配列：

GATCCCTTG TCCCTGGAGT AGGGACTAAC TATAGCACAA AGTAATATGT GCCAATGCTA 60

TTTGTGAAAT GTTTGGGCTT TCTAAACGAC TAAAGGATTT GTNGGGTTTT TNCTTAAGTT 120  
 TTGAACCAAA TCCTAGAGCC AGCTGATAAT ATTTAATAAT CTAGAGGAGA GAATAATGAT 180  
 GTACCANTAA GTGGAGATTG CTCCTTATGA TGTATGCTAG GTTATGGAAG ATGTAAAATA 240  
 TTCAACTTTT TCCTNCGTTT TTTGGACTTT GTATTTTACT GNAN 284

配列番号 : 1385

配列の長さ : 103

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01538

配列 :

GATCTGGAAC TCCTAAGCCA TCTACTCCTA CACCAACCN TTCATCGAAC NCACACCCTN 60  
 CTNATGCTCA GAGCTCAACT CCTAGTACCC CTTAGCCAC CCN 103

配列番号 : 1386

配列の長さ : 104

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01539

配列 :

GATCGCCGTT CTGTTTNGCA TNNTCCCACC GGGAGTTGCC NGGCAGGAGC ATGGGGTGCT 60  
 TGGTTGTTTC CTTCCCTAATA AAATAAACGC GGGTCGCCAT GAAA 104

配列番号 : 1387

配列の長さ : 102

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01540

配列 :

GATCTTAGCC TTAGGGTAAG TAAAATGGGT CTTTAAATAT AANAGTGTGA AAACATTTTC 60  
 NATCTAATAG TACTCTTTTN AATAAAAGTC AGTAGTNGGA AA 102

配列番号 : 1388

配列の長さ : 378

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01541

配列 :

GATCCTNGGT TTTTGTGGTT TGACTTCTAT GGNGTTTAA AAAACACAG ATTTTATG 60  
 TTAATATTGT GTAAATGTAC TCACCTTAGG GATTCATTG AATGATGGTN TTATACCATG 120  
 ATTGNTTACA GTTTGTGAAA TTGTTGCAAG GGCAAAGATA ACTCTTAAAA AACCGTCGAG 180  
 ATTACAATGC TCTAGAATCA GCATATAAGA AAATAAATGA TATCTNCATG TNGANTNNGG 240  
 GTGGATGGGG GGAGCACGCA TAATTTTAA GTGTGAAGCT TTGCATCANA GAAATTATTA 300  
 AAANGCTTTT TTNCTCCNGT ATNTTCCTGT ATTAATCCTT AATGTTTATG GCAAATAAAA 360  
 TGTAAGGGGN ACATGAAA 378

配列番号 : 1389

配列の長さ : 102

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01542

配列 :

GATCGTAACC GTAACCGTAA CCGNNAAGCA CAAACGGGGG GAGCGGGGCA GTGAGCGGGG 60  
CAGGNATGAG NCCCGAGGTG GGGTCGGTGG CCAGNACAAC GN 102

配列番号 : 1390

配列の長さ : 102

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01543

配列 :

GATCCAGAGG TCCNNGTCAC TTGGAGAAAG NCCAGTCCCT GNGACGGGGC AGCCCTCTNT 60  
GTCCCTCGGG CAGCTCGTGT GAATCCTGGG ACCTCTCCG GN 102

配列番号 : 1391

配列の長さ : 101

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01544

配列 :

GATCTCAGCA ATTTGAACAC TAACCTCTCC CCTCCTGGCT CAAGAATTAC TCCGAAGTCA 60  
GTCTGCAGAA AATAAATATT TAGTATGACA TGACACTTAA A 101

配列番号 : 1392

配列の長さ : 101

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01545

配列 :

GATCTACTCA GGCAACNACC AATCTTCTAN TCTGTCACTA TAGATTAATT TGCATTNTTA 60  
AAGAAATNNA CATACATGGA ACCATACATC ATCTATGCTT N 101

配列番号 : 1393

配列の長さ : 101

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01546

配列 :

GATCCTAGGA AGTNTGTCCC TGTCCTCCCT GTGCAGGGTA TCCTGTAGGG TGACCTGGAA 60  
TTCGAATTCT NTTTCCCTTG TAAAATATTN NTNTGTCTCT N 101

配列番号 : 1394

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01547

配列 :

```
GATCCACGTG CCATTGTGGA GGAGAGAAAG AGAAGTGTTC ATATACGGTA CTTATTTATA 60
TCCCTTTTAA TTAGAATTAA AACAGTTAAT TTAATTCAAA 100
```

配列番号 : 1395

配列の長さ : 100

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01548

配列 :

```
GATCTTAGGT TACATAAAGT TTCTAAAGTT TCAAAGAGTC TTGATACAAA ATCAGTTTAT 60
ATTCTGAAAA TATTTATAAT AAAGTATTCT AATTCTCTAAA 100
```

配列番号 : 1396

配列の長さ : 98

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01549

配列 :

```
GATCAATTCT TCAATTTGAT TGAAGTGTTC AGCCTTTTCA AGATTTCTTT ATTTACAAAT 60
GATTACATTT AAATGAATGT ACATTCTTCT CACTGAAA 98
```

配列番号 : 1397

配列の長さ : 98

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01550

配列 :

```
GATCTGTAAC ATTTGTTTCA AAATGCTGTT TCATTTTAT AAAGTACCAG TGTTTAGCTG 60
CTTTTATAC ATTAAATTAG CAATTTGAAA AACTCAAA 98
```

配列番号 : 1398

配列の長さ : 98

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01551

配列 :

```
GATCCTCAGT GTCCTTACCC CTCCTACCT CTTTCTGTG CCACCTGCTG TGGGTCCAGC 60
AGGCNTTAC TTGAGTACAA TAAAAAGTCT GAGTCAAA 98
```

配列番号：1399

配列の長さ：98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01552

配列：

```
GATCCAAGTG TAGTGGGACC CCCTACTAGG GTCAGGAAGT GGACACTAAC ATCTGTGCAG 60
GTGTTGACTT GAAAAATAAA GTGTTGATTG GCTAGAAA 98
```

配列番号：1400

配列の長さ：104

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01553

配列：

```
GATCTCCAAA GTGGTGAGTT TATGTGTGAT TTTATTTTG TTTATGCTCT TCTGTATTTT 60
CCGAATTTCA TACAATAAAT ATCTGTTACT TTTACAATAT GAAA 104
```

配列番号：1401

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01554

配列：

```
GATCCAGAGA GTTCAAGGGA TTGGGGAAAG AGAGGCGTCA AGTCATTTGC ACTTTGTACC 60
TGTAAGTTAG GTAATAAACT ATTATACTCG TAAA 94
```

配列番号：1402

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01555

配列：

```
GATCTAGTNT CTNGCATTTT TATTATGTTG CTATATACTT TTGTTATCCG TATACTAAAA 60
AAAAAGAATA AATAAATGTT TTGATTGTGA AA 92
```

配列番号：1403

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01556

配列：

```
GATCTNTACA TTCTTCAGAC TCATCGTGTG TTTGANACTT TTTATAATGA ACATATATCA 60
TTTTNNTTAG AAAAGAATAA AGTTTTTGAA AA 92
```

配列番号：1404

配列の長さ：119

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01557

配列：

GATCCTCTGG GGAAGCCAGG ACCAGGAGAG AAGCAAGGTC AAGAAATCCC ACAGTTTGAT 60  
GTATTAAAGA AATNACTTAT TTCTACTCAA AATAAATGGC ATTGAAGTCT TTCTTTAAA 119

配列番号：1405

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01558

配列：

GATCTTGTGT CTCCTCTCCA TCTCTGCCTT TGTTACCAGT GTGCATGTGT TTGTGTGTTT 60  
TTTAATAAAA TATTGACTCG GCCAGTTAAA 90

配列番号：1406

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01560

配列：

GATCTGTTAT GGCATTCACT TCCAGATTAA TTTTCCGTGT TTGAAGTATG TNCATATGTN 60  
CTTTACAGAA TAAAACATCT GAATTTTAAA 90

配列番号：1407

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01561

配列：

GATCCATTTT CTTTCAAAT TTTCTTTATT GTAAAGTATG CAAAATATAT ATTCATACGA 60  
TTTATTAAAT CAGAATGTTT ATACAAA 87

配列番号：1408

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01562

配列：

GATCTGGAAT CCTTTTTCTG CATTGACAAG GACCACAGCT AAAGGACAAT AATATGAATG 60  
ACTCATTAAT ATCTCAAAAC TAAA 85



配列番号：1409

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01563

配列：

GATCCAAGTT ATNTTNAGAA GAAAAACCTA ATTGAACAGG TATGGGTTGG GAGCATAATA 60  
AATGTGTTTT GAGAATTGTT CTAAA 85

配列番号：1410

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01564

配列：

GATCATTATT TCATGACTGG TCGTTCCTA AACTCTGAAA TCAGCCTTGC ACAAGTACTT 60  
GAGAATAAAT GAGCATTTTT TAAA 84

配列番号：1411

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01565

配列：

GATCTAAGCC CATGAGCACA GGGACTGGCT ATCCCAAGAC CTGGCAGATG TGGCTGCTCA 60  
ATAAACACTT GTTGAACCAT CAAA 84

配列番号：1412

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01566

配列：

GATCACCCAA GGGTTTTTTT GTGTCGGACT ATGTAATTGT AAAGTATACC TCTGGTTCCC 60  
CATTAAAAGT NCCCATTTNA GTTAAA 86

配列番号：1413

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01567

配列：

GATCTGTGTT TGTATCCCTT TATGTAATGT AAAATTTAAG GGTATTTTGA TTCTAAATAT 60  
GATAAAATAA TTTCTCACCT AAA 83

配列番号：1414

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01568

配列：

GATCAGCAGT CCACCACAAA AGCTTCTGTT AAAAGACCCT ACACAAATGC ACAAATTCAG 60  
ATTAAACAAG GAAAAGACGG AAA 83

配列番号：1415

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01569

配列：

GATCTTGGTG TTCAAAACAG AACTGTATTT TTGCCTTTAA AATTAAATAA TATAACGTGA 60  
ATAAATGACC CTATCTTTGT AAA 83

配列番号：1416

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01570

配列：

GATCCTTCTG TAAAGGTTTT TGGAATTATG TCTGCTGAAT AATAAACTTT TTTGAAATAA 60  
TAAATCTGGT AGAAAAATGA AA 82

配列番号：1417

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01571

配列：

GATCTGCATA TTTCTGTATA TTTGTCATGA CAGTGCTTGC ATCCTATTTG GTGTACTCAG 60  
CAAATAAACT TTTCATTTTA AACAAA 86

配列番号：1418

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01572

配列：

GATCCCAACA TGGTCCTAGC ACTGCACACT CAGTTTINCT CTAAGAAGCT GCAATAAAGT 60  
TTTTTNAAGT CACTTTGTAA A 81

配列番号：1419

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01573

配列：

GATCTTCANT TAATCNC ACT TTA AAAATGA CCAAAACATG TCTTTCTTGA ATTAAC TTG 60  
AATAAAAGTT TGTATATTAA A 81

配列番号：1420

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01574

配列：

GATCAGAGCT CAGTTCCTGT AGAAAACGAA CTGTAAAAGA CCATGCAAGA GGCAAAATAA 60  
AACTTGAAGT GAATGCTTAA A 81

配列番号：1421

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01575

配列：

GATCTTGGGT TTGGTCTACC CACCCAAGAG AAAAGACTGT TAACTGGAAG AAAAAATATA 60  
TATATNNAAT TTTATGTAA 80

配列番号：1422

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01576

配列：

GATCACAATT ACCTTTAGTT GTTTTTTTTG TAATAATTGT AGCCAAGTAA ATCTCCAATA 60  
AAGTTATCGT CTGTACAAA 79

配列番号：1423

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01577

配列：

GATCCTTATG AATGACAGGT TACTGTTTTG CCTTATTGCT TAACTTAATG TAGTGAAATA 60  
AAGCAGACAA AGCTTGA 79

配列番号：1424

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01578

配列：

GATCTTCTGC ATGAGACCTG GAGTTGGGGA AGCAAGGTTA CATTGTATT NGTTTATCCT 60  
ATGAATACTN TTCTTCAA 79

配列番号：1425

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01579

配列：

GATCAGGCAG TCTGCTCAGA TACATTGAGT GCGGATTTTA AGTTTTGTTT TGAAAAAATA 60  
AACAGATTAA CCTGCAAA 78

配列番号：1426

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01580

配列：

GATCTAAATT TCTAATGTGT TCTATGGGTT TCAATTCTGA AAAAAGAAAA TGAATAAAGA 60  
TTTAAATAAA TATTGAAA 78

配列番号：1427

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01581

配列：

GATCTTCATT GTGCTGGGTG CCAGGNCAGT NATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA 60  
GTTTTTTTTG TTNTTAAA 78

配列番号：1428

配列の長さ：77

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01582

配列：

GATCTCCAGG CTTGGCCTCC AGAGCAGCCC ACACCAACNC CAAAATAAAA AAATGTATAT 60  
ATTCCTTTAG CTCTAAA 77

配列番号：1429

配列の長さ：76

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01583

配列：

GATCCCAGGG ACCTCAGTCG GCTTAATCAG AGTGTGGCAT AGAAGCTATT TAATGATTAA 60  
AGTCATTGTC AGTAAA 76

配列番号：1430

配列の長さ：76

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01584

配列：

GATCAAACTT TTNATGTTCT TAATAAGCTT GCAATTGANT AAAATAGAAT ATAAAAATAA 60  
GGTGAAATAA TATAAA 76

配列番号：1431

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01585

配列：

GATCCCAAGT ACAATGAAAA GTTGTCACTG TATGCTGGAC GGCATTCTTG CTTATCAATA 60  
AACCTGTTTG TTTTACAAA 79

配列番号：1432

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01586

配列：

GATCTCCAAC NTTGGAAAAT ATACATGATG TGAAACTGNG GGTNCTATGT TAAAAATAA 60  
TGTATGATAA CTAAA 75

配列番号：1433

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01587

配列：

GATCCAAACA TTTTTTTGTG TGTGTATGGC ATTGATGCAG AATAGAATAA AATTATACTT 60  
AAGTTCTTTT TAAA 74

配列番号：1434

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01588

配列：

GATCCCGGCG CGGGAAAGTC ACAGAGCTGC CTGGGCTTGT ACCTGGNCAC ATAAAGCCCC 60  
ANTTTAAAGC AAA 73

配列番号：1435

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01589

配列：

GATCCCANAG CNATAAAATA AAATTTTATT CCAAATAAC AAAACAAATT NATCTACTGT 60  
ACACAATCTG AAA 73

配列番号：1436

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01590

配列：

GATCCCAGGC TTCTGCGGAC CGACGATACG TTAAATGTT GTTCTAGTAA AGTTTTCGAT 60  
ATGTTTCTGA AA 72

配列番号：1437

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01591

配列：

GATCCCTTGG NGGNCTAGTT CGTATTTTTG TNTTAACTA TTTGTTAGAA TAAAGTAATT 60  
TTGCTAATAA A 71

配列番号：1438

配列の長さ：70

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01592

配列：

GATCTTAAGT ATAAAAATTT TGTAATTGGG CCTTTACTCT CTCAATAATA AAGTATTTTG 60  
TTTATATAAA 70

配列番号：1439

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01593

配列：

GATCTGTATT TTCTAAGTCC CCAGTTCTCC TGGCTCTCCT TTCTGAAATA AAGGATTGAA 60  
AACNGAAA 68

配列番号：1440

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01594

配列：

GATCTGTTTT TAAAAATCAT AAAGTGTGTG CAGACTCAAT AAAATCATGT ACATTTCTGA 60  
AATGAAA 67

配列番号：1441

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01595

配列：

GATCAACAGT TACTGTNACT GAGTCGGCCC ATTCTGTTTA GAAATATATT TNAAATGTTT 60  
AGTAATTGAA A 71

配列番号：1442

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01596

配列：

GATCTGCCAT TTCATGCCNT GTGACTACNN ATCATTGGCC CTGCAATAAA ATCATTTATT 60  
TTTAAA 66

配列番号：1443

配列の長さ：64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01597

配列：

GATCCTGCAT GCTACTCTTA GATAGAAGAT GGCAAACCA TGGTATTAAA ATATGAATGA 60  
TAAA 64

配列番号：1444

配列の長さ：64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01598

配列：

GATCAAGTCA CTNTTGACAA CATCCAGGNG AATATAAAAA CTTAATAAAG CTGTGGAAAG 60  
GAAA 64

配列番号：1445

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01599

配列：

GATCAATTGG TTAACTTCT TTTATGTAAG TATGGTATAT AAATTTCAAG ACGAACACTA 60  
AA 62

配列番号：1446

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01600

配列：

GATCACTTTT CACTTTTTGG AATGTTTTGT ATTGAACTT AATAAACTT TAACATGGCA 60  
AA 62

配列番号：1447

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01601

配列：

GATCGNTCTC AGGCCCTCCC CCCGGAGTAC TTCAGAATGC AATAAATCAA AATAATGGCA 60  
AA 62

配列番号：1448

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01602

配列：

GATCTGTATG TGTTCTATTC AGCACAAGGA AATAAAATTT TAGTTGAGGA TTCAGCACTA 60  
AA 62



配列番号：1449

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01603

配列：

GATCCCCATT CTTTTC AAAA ACAAATAAA ACAATAAAGA CTGCAAGGAA GACTGANGGA 60  
AA 62

配列番号：1450

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01604

配列：

GATCCAGTCT GGAATAACAT TTTGTAAAA AAAATATAT ATATATATAT ATATNGCTGA 60  
AA 62

配列番号：1451

配列の長さ：61

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01605

配列：

GATCGGGGGC ACCAGAGGGG CAGAGGCACC AACATCTGAA TAAAGCCATT GTTCTCCCAA 60  
A 61

配列番号：1452

配列の長さ：61

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01606

配列：

GATCTTGGAC NTCTCGCATT CAGAACTGTG AGAAATAAAT ATCTATTATT TACAAATTAA 60  
A 61

配列番号：1453

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01607

配列：

GATCTCCGTC TTGTATGGCT GAATGTTGGC CTAATAAATA GATTACTGTT GTAAATAAATA 60

配列番号 : 1454

配列の長さ : 62

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01608

配列 :

GATCTGTGGA GAATGTACAC AGTTTAAACA CATCAATAAA TACTTTAACT TCCACCGAGA 60  
AA 62

配列番号 : 1455

配列の長さ : 72

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01609

配列 :

GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCAAAA 60  
AAAAAAACCA AA 72

配列番号 : 1456

配列の長さ : 59

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01610

配列 :

GATCTAGATG TTTCTTTAAC CAAGATGAAT TAAATATAG TAGAGTTCCA CTGTNCAAA 59

配列番号 : 1457

配列の長さ : 63

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01611

配列 :

GATCAAATTG TACCTTTTTA GAGAAAAGGA CCAAATATAA AGAAAAATGA ATTATGAACT 60  
AAA 63

配列番号 : 1458

配列の長さ : 59

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01612

配列 :

GATCAGCAGT CTTGGATGGN AGGNAACAAA GCTAAATATA TGTTAGTTTG GTGAGCAAA 59

配列番号 : 1459

配列の長さ : 65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01614

配列：

GATCTCCCTT ATATTCTTAT GATGAGGCTA AATAAAAGTC TAATAAAAAT GTTAAATATG 60  
TGAAA 65

配列番号：1460

配列の長さ：56

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01615

配列：

GATCAAAATC AAGTTTAAAG TTTTTTGAC CAGATAAATT TAATGATTTT GGCAAA 56

配列番号：1461

配列の長さ：58

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01616

配列：

GATCTTAATT ACTTTCAGAA TATTTTCAAA ATAGATATAT TTNAAAATC CTTACAAA 58

配列番号：1462

配列の長さ：55

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01617

配列：

GATCGTTCTT CTCTCCGTAT TGGGGAGTGA GAGGGAGAGA ACGCGGTCTG AGAAA 55

配列番号：1463

配列の長さ：55

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01618

配列：

GATCCCTGAG ACGGGGTAAG TTATAATAAA CAGAAATGTA TTGGCTCAGA AGAAA 55

配列番号：1464

配列の長さ：55

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01619

配列：

GATCTGTTAT GTATTTCAAC ATAATCATGT TTCATAAAGA TTTAGTCTTC TGAAA 55

配列番号 : 1465

配列の長さ : 56

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01620

配列 :

GATCCACCT TTGCTCCTGA CAACCCTCAT TTCAATAAAG ACCAGTGAAG ACCAAA 56

配列番号 : 1466

配列の長さ : 54

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01621

配列 :

GATCAGAATC CTGCTCCACT AAGAACGGTG TAAAGTAAAT TAGTTATAAG CAAA 54

配列番号 : 1467

配列の長さ : 63

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01622

配列 :

GATCTTGAGC CTTAACTGGA CATGAGGGGC ATGAAAATAA AGCTGAACTG CAGCCTCCTG 60  
AAA 63

配列番号 : 1468

配列の長さ : 54

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01623

配列 :

GATCTTTTCT AAATGTTATT ACTTGTAAT AAAGTCTATT TTTCTCCCGT GAAA 54

配列番号 : 1469

配列の長さ : 54

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01624

配列 :

GATCTGTATA TTTTTTCTA AGAGAAAATG TAAATAAAGG ATTTCTAGAT GAAA 54

配列番号 : 1470

配列の長さ : 54

配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01625  
配列：  
GATCTGCGCA TATATATATA TGTATAAAAA ATAATAAAAT AATGGAAGNT GAAA 54

配列番号：1471  
配列の長さ：54  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01626  
配列：  
GATCCTAAAT NCACGCACCC CGTGGGAGCN CAATAAAGAT TTACTGAATT GAAA 54

配列番号：1472  
配列の長さ：53  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01627  
配列：  
GATCCGCCAT CTGTAATGTC CTTGGCACAA TAAACCAAA TGTCAGTTTC AAA 53

配列番号：1473  
配列の長さ：52  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01628  
配列：  
GATCCCTAGT GATTACAGCC CTGAAGAAAA TTAAATCTGA ATTAATTTTA AA 52

配列番号：1474  
配列の長さ：52  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01629  
配列：  
GATCCAGTGT GGATTCTTNG AGTAATAACG TTGGTTTTAT TTATCATATA AA 52

配列番号：1475  
配列の長さ：52  
配列の型：核酸  
トポロジー：直鎖状  
クローン名：HUMGS01630  
配列：  
GATCTTCAAT GTTTATTTTA AAATAAAATA AAATAAGTTC TTGACTTTTA AA 52

配列番号：1476

配列の長さ：56

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01632

配列：

GATCTTGAAT GAAAGTCTTC TCAGGCTGTA GGGTGGTTCC TACAACCACA GCCAAA 56

配列番号：1477

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01633

配列：

GATCTCATCT GAATCCCCAA CACCCAATAA AGTTCCTTTT TAACACACAA A 51

配列番号：1478

配列の長さ：55

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01642

配列：

GATCAAAATC CTATTTAGAA AAAATAAAAC TACTTTCTGT TTATCTCTTT AGAAA 55

配列番号：1479

配列の長さ：34

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01671

配列：

GATCAAAAAA CATCCGTGAA CCTCTGTCTG TAAA 34

配列番号：1480

配列の長さ：305

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01673

配列：

GATCAAAATA AAGGATGATA ATAGATATTA TTTTNCCTTA TGACAGAAGC AAATGATGTG 60  
ATTTATAGAA AAAGTGGGAA ATACAGGTAC CCAAAGAGTA AATCAACATC TGTATACCCC 120  
CTTCCCAGGG GTAAGCACTG TTACCAATTT AGCATATGTC CTTGCAGAAT TTTTTTTTCT 180  
ATATATACAT ATATATTTT AACCAAAATG AATCATTACT CTATGTTGTT TTACTATTTG 240  
TTTGACATAT CAGTATATCT GAAACACCTT TTCATGTCAA TAAATGTTCT TCTCTAACAT 300  
TTAAA 305

配列番号：1481

配列の長さ：734

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01686

配列：

```
GATCCAGCCC ATTCTCTACT CTTACTCCTT TCATGGGCCA CCAGAGCCAG TACTCTTGGA 60
TAGCAGCAGC ATTCTAGCTG ACAGAATTTT GCTGATGGAT ACTTTCTTTC AAATTGTCAT 120
TTATCTTGGT GAGACCATAG CCCAGTGGCG TAAAGCTGGC TACCAGGACA TGCCCGAGTA 180
TGAAAACCTT AAGCACCTTC TGCAGGCACC ACTGGATGAT GCTCAAGAAA TTCTGCAAGC 240
ACGCTTCCNG ATGCCACGTT ACATCAACAC GGAGCATGGA GGCAGTCAGG CTCGATTCCT 300
TTTGTCCAAA GTGAACCCAT CTCAGACACA CAATAACCTG TATGCTTGGG GACAGGAAAC 360
TGGAGCACCC ATCCTAATG ATGATGTTAG CCTGCAGGTG TTCATGGACC ATTTGAANGA 420
AGCTGGCTGT CTTCCAGTGG CCTGTTAAAG CTGAGGATAC AACCAGGGAA ATGCAAACGG 480
TNTCAAGATT TGGTGGTTCA AAATTGTCTA GAAAGGGTTT GATAACCATT CCNGGTTACT 540
TTTTCTTNGG ANGTTTAAAC CAAATAATCA ANGGCNATTT TATTATGGAA CCTCTTTAGG 600
TTATAATTNA TTNGGAATNC CGNCNTTGGC CTTTCTTGN CCTTTAAATT TTAAGGGAAN 660
AAANNTTGG GCNTNAGNG GTTNNGGNTT TTTGGNNCNA ACTTTNGGGN TTAATAAANC 720
NGGGGNNTNT TAAA 734
```

配列番号：1482

配列の長さ：731

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01687

配列：

```
GATCAACCGG AGCGCTTCCG AGCCATCCTT GCATCGGGCA GCCCAGCTG AGGATATCAA 60
TGCTTGACAG CTGACCACGT CCCCAGGGCT GCCTGTNTTC TAGTTGACTT TGCACCTGTN 120
TTCAGGCTGC CAGGGGAGGA GGAGAAGCCA GCAGGCACCA CTTTTCTGCT CCCTTCTCC 180
AGAGGCAGAA CACATGTTTT CAGAGAAGCT GCTGCTAAGG ACCTTCTAGA CTGCTCACAG 240
GGCCTTAACT TCATGTTGCC TTCTTTTCTA TCCCTTTGGG CCCTGGGAGA AGGAAGCCAT 300
TTGCAGTGCT GGTGTGTCCT GCTCCCTCCC CACATTCCCC ATGCTCAAGG CCCAGCCTTC 360
TGTAGATGCG CAAGTGGGAT GTTGATGGTA GTACAAAAG CAGGGGCCCA GCCCAGCTGT 420
TGGCTACATG AGTATTTAGN GGAAGTAAG GTAGCAGGCA GTCCAGCCCT GANNTTGGAG 480
ACACATGGGG TTTTGGAAA TAAGNTTCTT GNGGGATGAA TGTAACAGGN GGGNTTCTT 540
CANGGAGTGG TNCAGCNCAG ACATTTNNAC ATAAGGACCA AACAGCCCAG NNTNCCGNAT 600
TTTGNCNCCC AAGNGCCTTT TTTGGACTTG GANCTTTNTT NGGGGAAAGC CNCTTNAANG 660
TTTAAGNGCC AGNATNGGTG TTTGNGAAG NATTGCCATC CGATTTAGCC TTTANGGGAN 720
GTTCCANAAG N 731
```

配列番号：1483

配列の長さ：687

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01688

配列：

```
GATCGGTGGC TCCATCCTGG CCTCACTGTC CACCTTCCAG CAGATGTGGA TTAGCAAGCA 60
GGAGTACGAC GAGTCGGGCC CCTCCATCGT CCACCGCAAA TGCTTCTAAA CGGACTCAGC 120
AGATGCGTAN ATTNTGCTGC ATGGGTTAAT TGAGAATAGA AATTGCCCC TGGCAAATGC 180
ACACACCTCA TGCTAGCCTC ACGAACTGG AATAAGCCTT CGAAAAGAAA TTGTCCTTGA 240
AGCTTGATC TGATATCAGC ACTGGATTGT AGAACTTGTT GCTGATTTTN ACTTTGTATT 300
GAAGTTAACT GTTCCCCTTG GTATTAACGT GTCAGGGCTG AGTGTCTGG GATTCTCTA 360
GAGGCTGGCA AGAACCAGTT GTTTTGTCTT GCGGGGTCTT GTCAGGGTTG GAAAAGTCCA 420
AGCCGTAGGA CCCAGTTTC CTTTCTTAAG CTGATGTCTT TTGGCCAGAA CACCGTGGGC 480
TNGTTAATTG CTTTAAAGTT GGAAGCGGT TTGCAATTAC GGCNCTAAAA NGTATTCATC 540
CTNAATTNAA GGAAAGGGTT TTTTGTGTAC CGAAANNCG ATTCTTGAA GNGTGNAC 600
CAAATTTTGG GTTTCANCC GGTAAGGGN GACATTAGN CCCAGNACAA GGNATTNTGA 660
AAGGGAANAN AANGGCNNCC GAAAAAN 687
```

配列番号：1484

配列の長さ：649

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01689

配列：

```
GATCAAACTG TATTGCCCAG GCCAGCTCCT GAAGAACTGT GAACTATGAA CGTCTCAGCC 60
TAGAAGGATA ATGTGACCTT CAATTTGCAC ACCATCCATT GTCTCTTTCA AACTAAGAGC 120
CTCTCTAAGC TAGATAGGCC AAGGATTATT TTTTAACTT TTATTTTAGG TTCAGGGGTA 180
CATATACAGG TTTGTTACAT AGGTAACCTC ATGTCATGAG GGATTTTGTA TAGATTATTT 240
GGTGACCCAG GTACTAAACC TAGTACCCAT TAGTTGTTTT TNCTGCTCCT CTCCCTCCTC 300
TCACCCTCCA CCCTCAGTTA GTTCCAGTG TGTGTTGTTT CCCCACATCT ATCCATGTGT 360
TCTTATTATT TAAGCTCCCA CTTATAAGTA AGAACATGCA GTGTTTGGTT TTCTGTCCC 420
GATTAGGTAA TGCTGAGGGA TAATGGCTTC CAATTNCCAT CCATNGTTTC TGAAAGGAN 480
CATGNCTCA TTNCTTTAAA TATGGGCTNG CATAGNNGTT CCATGGGNGG TGAATGTACC 540
ACATTTTCCT TTNANCCAGG TCTNATCAAT TGGNGGGCCA TTGNGGGTGA TTCCAAGGCT 600
TNGGTAATGG TGAANAGGGC ACAATAANCC AGTACCATGG GGCATGAAA 649
```

配列番号：1485

配列の長さ：549

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01691

配列：

```
GATCCTCTGA TGGGAGCTGA AAGGATGAGA GGTGGGCATC TAGATTTAGG GAGGCTGTTC 60
AGGCTTTGCA GGTCCCTTAC CTGAACACAT AGAAACCCTG GAGCTGTGAC TGTGTCCATG 120
TGTGTGTGTT TGTCTGTGTG TGTGCGGGG GATGGGCACC TGCATGAATG TGGTAGAGAA 180
AATGGCTCTG CTCAGAGGGA AGATACGCAT AGCAAGGCAG GGACCAGAGG AATCACAGGC 240
GCCTGGAGAG CAGCCGGGCA ACGNCTCCAG GGACCTGCCG GCTTCCCTCA GTCTCCAGG 300
GGCCAGCAC TCTTCTTTA GGCCCTGTGA GCGTCCCTTG TCAGGATACA TTCTCTCATT 360
```



TTGCTGAAGC TGATTTGATT GGGTGTCTGT TTCTCGCAGC CAAAAGAGCT CTGAAATGAG 420  
 GAAAGTGCTT CTGTGCTAAC TCCCCGGGTC TCCTGAATTT CAGTCATTCA TGTACCCGCC 480  
 TCGAAATTTT TTGCAATATC TGTGTACCCA ATGTCCATTT AATTAATAAA GAAGTTTTCT 540  
 TAAATTAAA 549

配列番号 : 1486

配列の長さ : 543

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01692

配列 :

GATCGANGTT TACCTTGTGT CAGGAAAAAA TGTGGGGTAT GCCAAGTATG CCGATAGAAT 60  
 AAGTNCTAAT GATGCCACTN GCCACTCTAC ATNGAAAGAT TCTGAATGGG GTGAGACTTA 120  
 AAGTTATGCT GGCAGATTCG CCAAGAGAAG AATCTAACA ACGGCAAAGA ACTTACTGAT 180  
 TCTTGAGAAC ACCCGACTAA ATAATGACAT ANTCTCAGC TGA CTGACTG AAAATGTGAC 240  
 TGGACGCATT CCCTGTGGAC AGTTGACAGC TTTTTTTTTT TCCATATAACC TGNTAGTCTG 300  
 TGTCCAGCAT TGT TTTGTCT GGGGAAGCAGG GTTTGCTGNC ATGTATTTN NATCCATAC 360  
 ATTANTGCTA AACCGNTTAT AGTAGTTGTN CCTTAGNGCA NTATGTTGTT ACGTGTAGCA 420  
 GAANTAAAGT TTTCTTTGCT TTANCTAAAT CATGNCTTTA TTTNTGNGAA GGCCAGGACC 480  
 GGGAAATTTT ATTNGNCAGT CTTTGGNTTT TGCCTAATGN CATTGNCATG NNTTTGGGGT 540  
 NCN 543

配列番号 : 1487

配列の長さ : 533

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01693

配列 :

GATCCAGAGT TGCATACAGA CCAATTTCTG CATCAGTGTT ATCTCGACCA GAGGCTAGTA 60  
 GGACTGGAGA GGGCTCTACG GTATTTAATG GGGCCCAGAA TGGTGTGTCT CAGCTAATCC 120  
 AAAGGGAGTT TCAGACCAGT GCAATCAGCA GAGACATTGA TACTGCTGCC AAATTTATTG 180  
 GTGCAGGTGC TGCAACAGTA GGAGTGGCTG GTTCTGGTGC TGGTATTGGA ACAGTCTTTG 240  
 GCAGCCTTAT CATTGGTTAT GCCAGAAACC CTTGCTGAA GCAGCAGCTG TTCTCATATG 300  
 CTATCCTGGG ATTTGCCTTG TCTGAAGCTA TGGGTCTCTN TTGTTTGATG GTTGCTTTCT 360  
 TGATTTTNTT TGCCATGTAA CAAATTACTG CTTGACATGT TGGCATNCAT ATTAATTACG 420  
 GATGNAATCC TGGGNANCTA CCTGTNCCTC CGAAAACCTG TAGGTANTTG GGGGTCANGG 480  
 GGAATTGNNC GGTAATTCCC AAAGCCATTT NATTAAGGN GGAAACCTTT AAA 533

配列番号 : 1488

配列の長さ : 531

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01694

配列 :

GATCCAAAAG ANCTGCTTTC TGAAGCAAGT TTCCAAGANG CTCTTCAGGA AAGCATTCCT 60

GACATTCAAG CGCACGAGTG GGTGCCGCTG TGGCTACTGC GGTATTCCGT CATTGTGAAA 120  
 AGTAGAGGAA TTATCAAATC AAAAGGCTAC ATTTTACAAG CTAAAAGAAG GGGTTCTTAA 180  
 CTGACTTAGG AGCATAACTT ACCTGTAATT TCCTTCAATA TGAGAGAAAA TTGAGATGTG 240  
 TAAAANTCTA GTTACTGCCT GTAAATGGTG TCATTGAGGC AGATATTCTT TCGTCATATT 300  
 TGACAGTATG TTGTCTGTCA AGTTTAAAT ACTTATCTNG CCTCCATATC AATCCATTCT 360  
 CATGAACCTC TGTATTGCTT TCCTTAAACT ATTGNTTTTC TAATTGANAT TGTCTATANG 420  
 GANATNCTTG CAATATATTT NNNCNTTANT TTTTATGNCT AATATNAATN CAGGNNAATT 480  
 TGTGTTTGG TATTTTGGG CNNGGGTTCC GGGGAATGNT TNTNCANTTT N 531

配列番号：1489

配列の長さ：526

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01695

配列：

GATCGGCGTG ACCANCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTCA AGCACCTGTN TGCCAGCCAG 60  
 AAGGCACTGA NAGGAGAAGG AGAAGGCCTC CTGGAGCAGC CTCTCCATGG ATGAGAAAGT 120  
 CGAGTTGTAT CGCATTAAAGT TCAAGGAGAG CTTTGCTGAG ATGAACAGGG GCTCGAACGA 180  
 GTGGAAGACG GTTGTGGGCG GTGCCATGTT CTTTCATCGGT TTCACCGCGC TCGTTATCAT 240  
 GTGGCAGAAG CACTATGTGT ACGGCCCCCT CCCGCAAAGC TTTGACAAAG AGTGGGTGGC 300  
 CAAGCAGACC AAGAGGATGC TGGACATGAA GGTGAACCCC ATCCAGGGCT TAGCCTCCAA 360  
 GTGGGACTAC GAAAAGAACG AGTGGGAAGAA GTGAGAGATG CTTGGCCTNC GGCTTCAACT 420  
 TGCGGCTGGC TCTTTCACCG CCATGCAAAC TCCATGCCTA TTTACTNGGA AACCTGTTAT 480  
 NCCAAACAGT TGTNCNTGCG TAATAAATTG NCCAGTTTAC CTGAAA 526

配列番号：1490

配列の長さ：525

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01696

配列：

GATCAGCAGA GGNATCAAAC CAACACCTTC TTTGGCTCCC CTCCCGCAGC CACAGAGGCA 60  
 ACCCACGTTG TCAGCACCAT CCCTGAGTCA TTACAATAGC ACCCTGCAGC TATGCTGGAA 120  
 AACTGAGCGT GGGACCCCTGC CAGACTGAAG AGCAGGTGAG CAAAATGCTG CTTTCTGCCT 180  
 TGGTGGCAGG CAGAGAACTG TCTCGTACTA GAATTCAAGG AGAAAAGAAG AAGAAATAAA 240  
 AGAAGCTGCT CCATTTTCA TCATCTACCC ATCTATTTGG AAAGCACTGG AATTCAGATG 300  
 CAAGAGAACA ATGTTTCTTC AGTGGCAAAT GTAGCCCTGC ATCCTCCAGT GTTACCTGGT 360  
 GTAGATTTTT TTTTCTGTAC CTTTCTAAAC CTCTCTTCCC TCTGTGATGG TTTTGTGTTT 420  
 AAACAGTCAT CTNCTTTTAA ATAATATCCA CCTNTCCTTT TTGCCATTTT ACTTATTGGN 480  
 TCCATAANGT GAATTTTAAAT TTAAGGTTAT GCCACACATG CATGN 525

配列番号：1491

配列の長さ：522

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01697

配列：

```
GATCAGCTGT TTGTCATAGG GCAGTTGGAA ACGGCCTCCT AGGGAAAAGT TCATAGGGTC 60
TCTTCAGGTT CTTAGTGTCA CTTACCTAGA TTTACAGCCT CACTTGAATG TGTCACACT 120
CACAGTCTCT TTAATCTTCA GTTTATCTT TAATCTCCTC TTTTATCTTG GACTGACATT 180
TAGCGTAGTA AGGTGAAAAG GTCATAGCTG AGATTCCTGG TTCGGGTGTT ACGCACACGT 240
ACTTAAATGA AAGCATGTGG CATGTTTCATC GTATAACACA ATATGAATAC AGGGCATGCA 300
TTTTGCAGCA GTGAGTCTCT TCAGAAAACC CTTTCTACA GTTAGGGTTG AGTACTTCC 360
TATCAAGCCA GTACGTGCTA ACAGGCTCAA TATTCCTGAA TGAAATATCA GNCTAGTNGN 420
CAAGCTCCTG GTCTTGAGAT GTCTTCTCGT TAAGGAGATG GGCCTTTTGG GGGTAAAGGN 480
TAAATGGAT GAGGTCTGNC ATGNTTCACT ATTCTAGGAC TN 522
```

配列番号：1492

配列の長さ：509

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01698

配列：

```
GATCCCAACA ATATTCCCAA GGCCTCAATG ACAAGTGGTT TGGTTCAGCA GTTCCAACAC 60
ACAGTCCTTC CCTCAGTGAC TCCCTTGGNN CCCTCATCTG CACACTGATT GCCATATTGC 120
CCTCTATTTT CTGTCTTTGG TTAAACCCC AAGGGCCCAG AGGCTTTCTC CGATGTCTAA 180
CTCTTTGTGC CTTGAGCTCC TTTATGTTTG GGTGGCATGT TCATGAAAAA GCCATACTTC 240
TAGCAATTCT CCCAATGAGC CTTTGTCTG TGGGAAAAGC AGGAGACGCT TCGATTTTTC 300
TGATTCTGAC CACAACAGGA CATTATCCCT TCTTCTCTCT GCTCTTCACT GCACCAGAAC 360
TTCCCATTAA AATCTTACTC ATGTTACTAT TCACCATATA TAGTATTTTCG TCACTGAAGG 420
ACTTTATTCA GAAAAGGAAA AACCTCTTTT TTAATTGGGA TGGGAACCTT CTANCCTGCT 480
TTGGNCNGGG GGCCTCTGGG AAGGNCTTN 509
```

配列番号：1493

配列の長さ：497

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01699

配列：

```
GATCCTGTCA AAATAGTCCG ATGCCATGAA CATATAGAAT CCTTACAGTA AATGGAGAAT 60
TACTCTTTT TAGACAAAGA GAAGGGCCTT TTTATCCAAC CCTAAGATTA CTTACAAAT 120
ATCCTTTTAT CCTGCCACAC CAGCAGGTTG ATAAAGGAGC CATCAAAATT GACTCAGTG 180
GAGCAAATAT CATGTGTCCA GGCTTAACCT CTCCTGGAGC TAAGCTTTAC CCTGCTGCAG 240
TAGATACCAT TGTGCTATC ATGGCAGAAG GAAAACAGCC TGCTCTATGT GTTGGAGTCA 300
TGAGATGTCT GCAGAGNCAT TGNGAAGTCA CCAAAGGATT GGCATTGAAA ATATCCATTA 360
TTTAAATGAT GGGCTGTGGN TATGAGGCAT ATAAATGNGC TCAGAGGGAT GCACTTGGGT 420
NAATATGGNT ATTGTGCTGT ATCTGTGTTG TGNCCTGTGT TGCANCTGAG GTATGCCTGT 480
GGTNTGCTGA TAAATCN 497
```

配列番号：1494

配列の長さ：472

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01700

配列：

```
GATCAAAATA TCATGGATTG AACCTCATCA ATTGATAGCA GTGAGTGA CTGAGCTTCCA 60
AATCAAGAAA AGCCGGCACC AAGAACTTCC ATTCTAATCT AGAGCTGACC AGTTTGAGCT 120
GATTCTNTCT TTGAAGAGTC CTTCTTGATT GCAGTGCAGT ACTGGCATT CTGAATGGAT 180
GTANGNGGAG TATTTTAGTC TAAAGGCTTT TCAAATTACT TGAATTTTTT TAAAAATTGA 240
GGAGCTTTAT TTCTATTAC CCTTCCATTT TTGTATATCA AATTTCCATN GTCATTAAAA 300
ACTGTATCTT GAAACTTTGT GAACTGACTT GCTGTATTG CACTTTGAGC TCTTGAAATA 360
ANTGTGATTT TNGTGTGATT ATCTGGTTTC CNGTTTAAAC CATTACCTGT CACCNTTNAT 420
CCTTAACCTT GAAAGTCCAG AAACCATNNN ATTATTAAGG TNGTCCAATA AA 472
```

配列番号：1495

配列の長さ：496

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01701

配列：

```
GATCTGTGTG GATGGCAAAC TCCCAGGCC ATTCTGGGAC CTAAGTTTAA GAAGTGCCGT 60
CCTCGAAGTT NCTGACTCTA AGCTCCTGAG CGGGAGTNAG ACTTAGCCCT GAGCCTGCAC 120
TTCCTGTTCA GGTGCAGACA CTGAACAGGG TCTCAAACAC CTTCAGCATG TNTNTTGTGT 180
GCTCACGTGC CACACAGTGT CTCATGCACA CAACCCAGTG TACACACCAC CTACATGCAC 240
ACAGCGTCCT TNCACACTGT GTATGTGAAC AGCTTGGGCC CTGCAACACA ACCATCTACA 300
CACATCTACA ACCNNNAGGA CACACACATG GGTCCGTGCC ATGTCACCTC CNTAGGGGAN 360
GGNTTCTTTT CCAAGGTGTN GCCAGGCCAG GCAAGCCTTC CAGGCCATGA ATTCCTTACT 420
TAGGTACCTN GGGGTTTGGG GTGGGNGNCC CAGNCAAAAT TCTNGGGTTN CGTNCNCTTT 480
GGTTNNGNCC AGNTTN 496
```

配列番号：1496

配列の長さ：492

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01702

配列：

```
GATCCTGTAC AGCCAGTGTG GGGATGTGAT GAGGGCCCTG GGCCAGAACC CTACCAACGC 60
CGAGGTGCTC AAGGTCCTGG GGAACCCCAA GAGTGATGAG ATGAATGTNA AGGTGCTGGA 120
CTTTGAGCAC TTTCTGCCCA TGCTGCAGAC AGTGGCCAAG AACAAGGACC AGGGCACCTA 180
TGAGGATTAT GTCGAAGGAC TTCGGGTGTT TGACAAGGAA GGAAATGGCA CCGTCATGGG 240
TGCTGAAATC CGGCATGTTC TTGTCACACT GGGTGAGAAG ATGACAGAGG AAGAAGTAGA 300
GATGCTGGTG GCAGGGCATG AGGACAGCAA TGGTTTGTAT CAACTATGAA GAGCTCGTCC 360
GNATGGGTGC TGAATGGCTG ANGGACCTTT CCCAGTNTTC CCCAGATTNC CGTTGCCTTT 420
CCNTNGTGTG AATTTTGGTN ATCTAAGCCT AAAAGTTTTC CCTAAGGCTT TCTGTCTTTC 480
AAGCAACTTT CN 492
```

配列番号：1497

配列の長さ：490

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01703

配列：

```
GATCCAAATA CACAGAATCA AGGGAAGGAG TTGCTTCTTC TAAGAGTGAT GCTTAATCTT 60
TTGGGTCATG GATGAATTGA AGATTTGATT AAAGTTACAA TAAAAGAGN CCCCNTCAAA 120
GCACGTACAN NCTGTATCAC GAACGGTGCC TGGCCTACTT TTTCTTTTC TACCCACCCC 180
ACCCCAACCC CCCCTGTCTC AGTGAAAACC TGGTTGTTAC TAAAGTGAAA CTTTAATAAG 240
GATATTGCCT AGGGAAGATT AGTTGTTTTT CTTGTCATTC AAGTTCATTC TGGACCTCTT 300
CCTCTGAGCT GTTAATCAGT GTTGCTAAAC AGACAGGGAA AGACAAGGGA GAGAAAAATG 360
CTGATTCATT CTTCAGAACT TTAACCNTT TTAACCNCTA ATTCTTCTCC TTGAGAAGCT 420
ATTCTTTGAT TGTGAAAGCT TTGTTGTTCA GGGNAATATG GGGTAATAAA AATAGCTAAC 480
CATTTTTTAAA 490
```

配列番号：1498

配列の長さ：477

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01704

配列：

```
GATCAAACCTT CCATATTTGC CTTGGGAATA ATGGACAAAG GGAAATACTC TTAATTCATG 60
AATAAAACTT TTGCAGAAAA TTAGACAGTG TTTAATTTTC GAAAACTTCC CTCTCTAGAC 120
AGTAGATACC ACCTACTGAT GGTACATAT ACTAGGGAAA TTTTAAATTT AGGAAATGCT 180
GATAGCTCAT ATTATAAATT TCTAAATCCT AGGAAGAAAC GCTTGGAGTG CTTCTGAATA 240
TACAGAAGTT CCATTTAAGG GCAAGTTTCC CCGTAGATGT ATCAAAATAC TACCAACTGT 300
AAATTGAGGT TTAATCCCA AATGTATTCT ACTTGTCTA AAACAATCTG TCCNCAAATA 360
TANAATAATA AAGTAATAAA TTGTTATTTT CCGCACCAAT GGGGNATCTC TAATGGTGGA 420
AAATGGTAAT CCTATGGAAA ATTAATTTTT TTTAANTAAA ANGGTNATTT TAATAAA 477
```

配列番号：1499

配列の長さ：476

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01705

配列：

```
GATCCCCGAG TCTTCACAAA TNCTCACTGA AGAAAATTCC TGGAACAATT CAGGGTCCTT 60
TCATAACCTC TACTCTGAGG TGTTANTAAA AAACCTTAGT AACTTAAAAA AAATGAGCTG 120
TACACAAATA CTGAACAATA ATGCTNCNTA TGTTAAGTAT GTANGAAAAA TATATACTTT 180
GACATANATA AGAAACGGTG AGTTGATAAT TGGATAGAAT GGTGGATAGA GTGATAGATA 240
TGTAAGTAAAG CAAATATAAC AAAATGATAA TTGTACAATC TAAGTGGTTG GACTATAAAT 300
ATGCACTTCC CACAACNTTT TTATATGNTT AAACAGTTTT ATAATACCAT ATTANGGGAA 360
ACTGTTTGTG TCAAGGAAAT AGAGNTTGTG ATATGTTCTA GTNCAATGNA GGTGTAATCA 420
```

TGGTNAAAATT AAAAGCTTTT ACTTCCTGGG CAATTAAAGG TAATCCTGGT AGGAAA 476

配列番号 : 1500

配列の長さ : 488

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01706

配列 :

```
GATCCTGACT GCTGTCATGG CGTGCCCTCT GGAGAAGGCN CTGGATGTGA TGGTGTCCAC 60
CTTCNANAAG TACTCGGGCA AAGAGGGTGA CAAGTTCAAG NTCAACAAGT CAGAACTAAA 120
GGAGCTGCTG ACCCGGGAGC TGCCAGCTT CTTGGGGAAA AGGACAGATG AAGCTGCTTT 180
CCAGAAGCTG ATGAGCAACT TGGACAGCAA CAGGGACAAC GAGGTGGACT TCCAAGAGTA 240
CTGTGTCTTC CTGTCCTGCA TCGCCATGNG GTNTAACGAA TTCTTTGAAG GCTTCCCAGA 300
TAAGCAGCCC AGGANGGAAA TGAAACTCC TCTGATGTGG TTTNGGGGGG TCTGCCAGCT 360
GGGGGCCCTT CTGNGTNGNC CANTGGGGNA CTTTTTTTTT TTTTCCCACC NTGGGNTCCT 420
TTNANGANAA NGGGCTTNGA TTGCTTGAGC AAAGTTTCAA ATAAAAGNTT TNTNGGGAAG 480
NTTTTAAA 488
```

配列番号 : 1501

配列の長さ : 472

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01707

配列 :

```
GATCCAGAAG CTGATGGATG TGGGTCTGAT TGCAATTCCG TGATGACTTG TTCATACCCC 60
CTTCCCTTCG CCCTCATGTG GAAAGAGGAG CTGGGACCGC GGCGAGCAGC ACGGAGCGGA 120
AGGGAGAGCA GGGGAGAGAA GGCCTCATNT CTCTATATTT ATACATAACC CCGGGGAAGA 180
CACAGAGACT CGTACCTGCG CTGTTTGTGC CGCCGCTGCC TCTGGGCCCT CCCAGCACAC 240
GCATGGTCTC TTCACCGCTG CCCTCGAGTT CCATGTCTCT TTCCCCTGCC CCTAGTTGCT 300
GTCTCGGCTG CTCTCCCATG GTTGGTTTTT TTTTNNATTT GGGGCAGTGG GCATGTAAAT 360
GGGGGAGGGG AGGGGGTTCT TCCAGCCTNA GGTCCCAGTT GGTCTNACGT NGTTTAATTC 420
TTGGGTCCCC TTTTCCAAT TAAAACAAGC CANTNGGGGC GTGGGTNTA AA 472
```

配列番号 : 1502

配列の長さ : 469

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01708

配列 :

```
GATCGCAAAT TGCTNGAGCT GTTGTGGAAT AAATACTGGG TGAATACGTT GAGTTCTTCT 60
AGCTTGCTTA CTAATGCAGA CTATACCACT GGTCAGGTCT TTGATTTGTC TGAAGGTTA 120
GAGCAGTCAG AAGCCCAGCT GGGACGAGGG AGTTTCATGT TGGGTTTAGA AACGCATGAC 180
CGAAAATCAG AAGACAAACT TGCCAAAGCT ACAAGAGACA GCTGTAAAC TACCATAGAA 240
GCTATCCATG GATTGATGTC TCAGGTTAAT TAAGGATAAA CTGTTTAATC AAATTAACAT 300
CTCTCCACA GTCTCTGAGA AGGGCTNTAC CTGAAAGACA GTATGNGGGA AAATATTCAA 360
```

GGTAACACTT TTAAANCCAG TTNCCNAAAA TCTGATTAGG ANGTNTANGG TTCTCTGAAG 420  
 TGGTCCTAAA TATTANTATC CCTGTAATAA ANGCTCTTTA AANTGGAAA 469

配列番号 : 1503

配列の長さ : 466

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01709

配列 :

GATCTGCAGT GGCTGTTTGA CCAGACCACA AAGTTCACAT CTCCTGAGCT TAGTGTCCGT 60  
 GGCTGTCCAC CTCCCAGCCA TACTTGACTG TCCCCAACT CTCCCTGCAG CCACATGTTT 120  
 CCCATGACCT GTGGGCTCTG CAGATGGACC TCTCTCCGCT AGAGATGCCC TTCTCCCAA 180  
 TGGCTTCCCT CCTGGAAGGC CCAGCCTGAG TCCTCGTCTC CTTTCCAGTG CTTCTGCCAG 240  
 AAGCATCCCC ATGATGTTGT GACCGCACAG CACTTTGTGT CTTGCTTTGA GCACTTGCCA 300  
 CTCTGGCTGG TGCTGCTGCC ACTGATTGTG TACTGTCTTG CTGCCCTTTC TAGACTGTGA 360  
 GCTCCTCGTG GGCAGGGACC GCCTGTGTTT TCTGTATTTC CCACGGAGCC TAAGNACAGT 420  
 GCCTTGCACT TGATAAGGTG CTTAATAAAT GTCTGNTCAA CTGAAA 466

配列番号 : 1504

配列の長さ : 465

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01710

配列 :

GATCACTGTG TTCAGTGTG TTGGAATGGA TTCAGACTGG CTAATGGGGG AAAGGGGAAA 60  
 CCAGAAGGGC AAGGTGCCAA TTACCTACTT AGAACTGCTC AATTAAGTAG GTGGACTATG 120  
 GAAAGGTTGC CCATCATGAC TTTGTATTTA TATACAATTA ACTCTAAATA AAGCAGGTTA 180  
 AGTATCTTCC ATGTTAATGT GTTAAGAGAC TGAATAATACC AGCCATCAGA AACTGGCCTT 240  
 TCTGCCAATA AAGTTGCATG GTAAATATTT CATTACAGAA TTTATGTTAG AGCTTTCATG 300  
 CCAAGAATGT TTTCTTACAA AATTCTCTTT TTATTGAGGT TTCACTAATA AGCAGCTTCT 360  
 ACTTTTGAGC CTCAACTTAA AGCAGANCTG TTTTCTACTG GGATTTTTC TTAACAGCAA 420  
 GCCTTTTCCT TTTATGTAAA ATTAAATCTA TTGTGGAATT TGAAA 465

配列番号 : 1505

配列の長さ : 462

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01711

配列 :

GATCTTGTCT TTAAACATG ATAGTCCTTT CAGTATAATG TCTTAGATTA AAGACGTTGC 60  
 CTTTAATATC TGTTGGGAAG GAAATGTCCA GACTTTTCAA ATCTCTTATT ATATGTTTCC 120  
 TTTTNTTGTT TACATAGGGA ACAATGTTTA TAGTCGTGTG TACAGTGGGG GTCTACANCN 180  
 NGAAGTGTAT ATTTTCAAAC AATTTTTTAA NGATTTAACA ATTTTGTAA ATCATTTTCA 240  
 GGCTTCTGCA GCTGTAGATT CTCAGTGTGA ATCCCTTGCT TGCTCATGCA TAAGTGTATT 300  
 TGCAATACCA NATATACAGG TTTAGTATTT TTGCCTGTTA GTNGATTGTT TCACATGNGT 360

AACGTNTTGG GTGAGATGTT ANATGGTTGG NCGAGGTACT GTGGANGTGA ATGTGGGNAG 420  
TAATTTTAAAN NCATATGNAA TTGGTCACCA GGGCCNAATT TN 462

配列番号 : 1506

配列の長さ : 459

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01713

配列 :

GATCCCAAGC AGGCTCACAA ATTTAAATGA GGGCTTTGTG TGCAGAAAGA GGAATAAGTA 60  
CAGATTATTT TCCTACCACT AGATTTTGG GGAGAGTCAC CATGGAATGT TGACAATTAC 120  
TTAAAATATT TTAAGCTCCC TTGCTGAATT CCTGTCCTGT CCCTGAGGAA TCAGATGGTC 180  
ATACAGCCAT AGGCACCCAC CCGAAATTC CCTAGGAGTT GGAGTAATGC TAGAATTGAA 240  
GACCTTCTGA GTAAAGGGCT TCTCTGCCTT CTCAGAGGCA GGAGAATTTG CACTGGTTGT 300  
GTAAATGTA TAAAAAGCTA TATGTTACC AGTTTACTCA TTTCCAATGT GTAGATGAAT 360  
AAAATGTAGT GTACAAATTA TTTGAAAATC CCAGAAGGGA AGGTACTTTT CAAANACAGT 420  
ATTTTTTTTA ACAAATAAAC TTACGNTTTT TACAGCAA 459

配列番号 : 1507

配列の長さ : 454

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01714

配列 :

GATCTCCTGT CCATCAGCCA GGACAGTCAG CTCTCTCCTT TNAGGGCCAA TCCCCAGCCC 60  
TTTTNTNGAG CCAGGCCTCT CTCACCTCTC CTA CTACTCACTT AAAGCCCGCC TGACAGAAAC 120  
CACGGCCACA TTTGGTTCTA AGAAACCTC TGTCATTGCG TCCCACATTC TGATGAGCAA 180  
CCGCTTCCCT ATTTATTNAT TTATTTGTTT GTTTGTTTTC TTCATTGGTC TAATTTATTC 240  
AAAGGGGGCA AGAAGTAGCA GTGTCTGTAA AAGAGCCTAG TTTTAAATAG CTATGGAATC 300  
AATTCAATTT GGA CTGGTGT GCTCTCTTAA AATCAAGTCC TTTANTTAAC ACTGAAAATA 360  
TATAAGCTCA GATTATTTTA ANTGGGNATA TTTATAANTG NGCAAATATC ATACTGTTCA 420  
NTGGGTCTG GAATAAACTT CACTGGAGGG NAAA 454

配列番号 : 1508

配列の長さ : 453

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01715

配列 :

GATCGAGCAG TGTGACTACC CCCCCTCCC CGGGGAGCAC TACTCCGAGA AGTTACGAGA 60  
ACTGGTCAGC ATGTGCATCT GCCCTGACCC CCACCAGAGA CCTGACATCG GATACGTGCA 120  
CCAGGTGGCC AAGCAGATGC ACATNTGGAT GTCCAGCACC TGAGCGTGGA TGCACCGTGC 180  
CTTATCAAAG CCAGCACCAC TTTGCCTTAC TTGAGTCGTC TTCTCTTCGA GTGGCCACCT 240  
GGTAGCCTAG AACAGCTAAG ACCACAGGGT TCAGCAGGTT CCCCCAAAGG CTGCCCAGNC 300  
TTACAGCAGA TGCTGAAGGA GAGCAGCTGA GGGAGGNGGN GCTGGCCACA TGTCCTGNT 360



GGGTCAGNTT CCAAAGTCCT TTNNTTANCA CTGTTGTGGA CAATNTNANN TNGGGTCAAN 420  
TNAAGGGCAG GTNGGTTNAA GNGGNGCCNN GGN 453

配列番号：1509

配列の長さ：450

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01718

配列：

GATCCTGGGG AAGGTGGGGA ACATGCTTGC AGTATCTNTC CCTGTNTGTN TGCTCACATA 60  
AGCATTCCGT CCATCTGAGC TCATCGTGCT ACTGGTATGT GTATGTNCAG TTACACAGTT 120  
TTNTGTATCA TAGATTCTAG TGTGTTTATA CAAGGNGACA TCTGTGGTTT CCCCACCGT 180  
TCCAAAAGGC TATTTCAAAG GAACCAGCCA ACGTATGAGA AATGANTGTA AACTGTGGA 240  
CATTGACTTC CCGCATAAGG CAGGGTGACC CCCTGAACTC CAGATGTNTG CACAGTATCT 300  
NATGTGTTGT TTTCCGTTGT GACGAATGTG NATTGGAACA TTTGGGGGAG CACCCAGAGG 360  
GATTTNTNAG TGGGAAGCAT TACACTTTGC TAAATCANGT ATTTNNTTCC TGNTTAAACC 420  
AACCTANTTA ANTNTTANC CCTTGGCAAA 450

配列番号：1510

配列の長さ：449

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01719

配列：

GATCCATGGA TGTAGTGGGG AGTGGAAAAAT GGCACAATAT CAAGTGTGAG ANAGGNGATA 60  
NACTTCGACT CTNCTGCCTT CAACTGAGAN CAGTTGACCG CAAGCTGAAA CTGGTGTGTG 120  
GNAGTCACAG CTTCATCAAG GTCATCAAGG CCAAGAAAAA CAAGGAAGGA CCAATGAATG 180  
TTAATTGAAA TATGAAAGCT GAAATGCAAC AAACAACCTC CGCTTAAAC AATTAAGTTG 240  
TTAATACTG TGATTTTGTA AATTCAGTA ATTCATTTAA ATGATGTTTC AGTAGATATA 300  
TTCTAGCATA TTANGAGCTT TTATACTGA GTTATAGATT AGTTTGCTTT CTGGAATAAA 360  
ATTTTCTTCT TATACTCTC CTTTTTTTA GATATNACAT TTTGCTTTTA TGNCATTAC 420  
GGGGGCAAAA ANTAAAATAT CTTTTTTTN 449

配列番号：1511

配列の長さ：464

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01720

配列：

GATCAGAATC ATGGTCTCCC GCAGTGAAGT GGACATGTTG AAAATNAGGT CTGAATTCAA 60  
GAGAAAGTAC GGCAAGTCCC TGTACTATTA TATCCAGCAA GACACTAAGG GCGACTACCA 120  
GAAAGCGCTG CTGTACCTGT GTGGTGGAGA TGAAGTGAAGC CCGACACGGC CTGAGCGTCC 180  
AGAAATGGTG CTCACCATGC TTCCAGCTAA CAGGTCTAGA AAACCAGCTT GCGAATAACA 240  
GTCCCCGTGG CCATCCCTGT NAGGGTGACG TTAGCATTAC CCCCACCTC ATTTTAGTTG 300  
CCTAAGCATT NCCTGGCCTT CCTGTCTAGT CTCTCCTGTA AGCCAAAGAA ATGANCATTN 360

CAAGGGAGTT TGGAAGTNAAGTCTATGANT GTGAAACAAC TTTTNNCCTC CTGTNGTNCT 420  
GTGTTAATAA ANCAGGTGNA TTAAACTGGN TTTNGTACTT TAAA 464

配列番号 : 1512

配列の長さ : 445

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01721

配列 :

GATCTTGCCA TGGAAGATAC TAGCCCAGCC TAGCAGAAAA GTGCAATATG TATAGCATAC 60  
TTTGACATTT TAAACATGAT AGTCCATAAC CATTTTGAAA TGCTGGGCAA ACTACATGAA 120  
GTTATTTATA ATTAATTCAC AGCTAATCAG GCATTTTGAA AGCTTAATTG GATTCAAAAA 180  
CCATAATGTT GGAATTTGGT AAAATTTTAA TGTGATTTT TACTGTGAAA AGGTTTTTAT 240  
AAGATATACA CACCCTAGTT TAATGTTGTG TCTTGGTGTG GATTACAGA TTTACTACAG 300  
GTATTCTGAA CCAGGAACAC ANTCAGGTTT TCAGGCCAGT TTGAATACTG GCTGGCCTTA 360  
AATTCTAATT ATNNGGAGTA GGGACATCAT ACCTAAATNT TTATGTCAGT GGGGNCCTGTA 420  
CTTGTCTGTG GGANCTTAGC AAATN 445

配列番号 : 1513

配列の長さ : 435

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01722

配列 :

GATCAATCGG ATTGAGAAGA ACATCCTGAG CTCAGCGGAC TACGTGGAAC GTGGGCAGGA 60  
GCACGTCAAG ACGGCCCTGG AGAACCAGAA GAAGGCGAGG AAGAAGAAAG TCTTGATTGC 120  
CATCTGTGTG TCCATCACCG TCGTCCTCCT AGCAGTCATC ATTGGCGTCA CAGTGGTTGG 180  
ATAATGTCGC ACATTGTTGG CACTAGGAGC ACCAGGAACC CAGGGCCTGG CCTTCTCTCC 240  
CAGCAGCCTG GGGGCAGGGC AGAGCCTCCA GTCGGACCCC TTCCTCACAC TGGCCCCTAT 300  
GCAGANGGTN AGACAGTTCT TCTGGGGTTG GNAGCTGCTC ATTCATGATG GCCTNCTCCT 360  
TNAGGCCTCA ATGCCTGGGG GGANGGCTGC ACTGTCCTAT TTGGNCGGGA CANACGGTTT 420  
TNTAAAAATT TTAAA 435

配列番号 : 1514

配列の長さ : 434

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01724

配列 :

GATCTAACCT AGACTAAAT TGGAACCTA TTTGCAATTT TTGACCCNGN CCACTAACTA 60  
GTGATTCTNC TCCAAAATTG AGAAAGACAG CACCCATTGA AGCAGATATG TGTGTGAAAG 120  
TATATTTTTC AATTCCAGAT TTTTAATTTT AAGGCTCCAG GAAAGAAAGG AGAGTAGAAC 180  
ATTTTTCCTC ATTTTATCAA ATCCTCTCTT GCCCTCCCTC AATTCCTCTG TAACATTCCT 240  
GAAGCTGTTC CCACTCCAG ATGGTTTTAT CAATAGCCTA GAGGTAAAGA ACTGTCTTTT 300  
TCTCTGATTC TTAAATAAAT TATCTTTATA GGAATATGCA CAAGTTTTTT TTACACTCAG 360

TGTTAAAAGT ATTTATTAAT NGGGAAGTCA ACTTAATGTT TTGAAATAAA NTATATGNCT 420  
CTGGTTAATG CAAA 434

配列番号 : 1515

配列の長さ : 423

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01726

配列 :

GATCCAGTGA TTCANTCACT TAAATNAAGT CTTTTGGTCA GAAATNACCT TTTTGACACA 60  
AGCCTACTGA ATGCTGTGTA TATATTTATA TATAAATATA TCTATTTGAG TGAAACCTTG 120  
TGAACCTCTT AATTAGAGTT TNCTTGTATA GTGGCAGAGA TGTCTATTTC TGCATTCAAA 180  
AGTGTAAATGA TGTACTTATT CATGCTAAAC TTTTATAAA AGTTTAGTTG TAAACTTAAC 240  
CCTTTTATAC AAAATAAATC ANGTGTGTTT ATTGAATGGT GATTGCCTGC TTTATTTCAG 300  
AGGACCAGTG CTTTGATTTT GATTATGCTA TGTNATAACT GACCCNAAAT AAATNCAAGT 360  
NCAAATTTAT GTNGNCTGTA TAAGGTTTGT AATAANCCAT GNCTGAGGNC AAAAAAGGGN 420  
AAA 423

配列番号 : 1516

配列の長さ : 419

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01727

配列 :

GATCTGTAAT CTCCACTGCT TGGATGTCTG CCCTCTACCC CAGAGGAATT TACAGAACT 60  
TGCCCTGTGC CTGTGTCCCC CATGCTAGGG GCGGAGGGGT CTTTTCCTTC TTCTTTCCTA 120  
CCTACCCCTT TTCTCTTGGC CAGGGGCCTC GTATCCTACC TTCCCTTGTC CCCTGGGCTG 180  
GCTGCACAGA GGATTGCCCC TTCTCTTTTC AGAGCTGGCC CTCGATGCCA AATTAGCATT 240  
TAGTATTTTG CACAAAGTCT AAGGGACCAT GGCTGCCTGC CTTGGGGAGG AACCATAGCT 300  
CCNTCTGGGC CGCTTCTGGC CTCTTGAGC CATGGGCCAA AGGCAAGGGG ATGGGCAGAG 360  
GTCTGTGTTT GGTCTGGCCC AGTTCNCAT CATTAACTC AGCCTGACTG CTGCCTAAA 419

配列番号 : 1517

配列の長さ : 419

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01728

配列 :

GATCCTCAGT AGANCAGTCC AGAAGCCTGA NAGACAGTGG CCCCTTGATA ATCTGGGTCT 60  
CACGGGNCCA GCTAGGGGTC CAGGTTTCAN TCAGTAAATA AGAGTGGTCC ACGTCCTAAA 120  
GACACCTCTC CTNNACAAAG ACTTGTGATG CTCTGGGGNT TCTNTGGCCA AGCCCCACCC 180  
TTTCTGGTC ATGGTACCCG TACAGCGTTG ATGGCCACAG CTCGAAGGGG GGCTTTCGTG 240  
TCCCCCTGTG CGGTCAGTGT TTTCAGTACC ACCTCTCTCC CGTGCCCACT TGGCTATTTA 300  
CTTATTTATT TATTGTGTGC CAGTNATGGT GGGTGGGGGC TGGGCCTTCC CCGCCACCTN 360  
CANCCCTGTT GTGACCTGTC CTTCCGTACT TAATAAAGTG CGCGTGNGGA GTTGTTAAA 419

配列番号 : 1518

配列の長さ : 418

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01729

配列 :

```
GATCTNAGCC CTCCGGTTCC TGGGCAGAGA GAAAGGCTAC AGGTTCATTT NCCTGACGAC 60
AGCAGTCACA AACAGCGCTC GCNTTATGGA GGCCATNAGT GAGGTGAAAG CCTGATGTTT 120
TTCCCGGCCA NTNTTGACAT CTTCCCTGAA CACATTCCCTC AGTGAGATGC AGGCATCTGG 180
CACCCAGCTG CTATAACCAA GTGTCCACCA ACTACCTGCT AAGAGCCGGG AGCATGGAAC 240
GTGTTGGGAT TTAGAGAACA TTATCTGAGA AAAGAGTTCA CTTCTGCTC CCAGGATATT 300
TCTCTTTTCT GTTTATGAAG TACAACCCAT GCTGCTAAGA TGCGAGCAGG AAGAGGCATC 360
CTTTGCTAAA TCCTGTTTGA ATGTCATTGT AAATAAGCC TCTGCTCTCA GATGTAAA 418
```

配列番号 : 1519

配列の長さ : 404

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01730

配列 :

```
GATCCAATTT ACAGAAATCA GAGTTAGCTA CAGCTAGGAC TCGTTTGGTT GGGGTTTTTT 60
AGTTTGCTT TCTAAAGTCA TGTGGACCTT AATTTAATTA CAAAAGTCTA CCCTGGTGGT 120
CATAAAATAG GCAGGCCTAT GAAGAAAGGC CTTTACTCT TCCATCTCGT CCCAGCCCCG 180
AGTTGACCCA CGTTGCTGCT CCTCACACCA TGGTGATGCA GGTCTCGTAG TGTGGGCACA 240
GGCCTGGCTA CCTCATCTTT TTAGTGCTC TCTCCTCTT CACAGGATGG GGTCCCACAG 300
CTGCAGCAGC TGGCCCGGTA GTTGAGCATG TGTGGTTATC CTGTAGAGCT TTTCCCAAGA 360
AGGGTGTTTG AACTTAGAGT CTTAATAAAA TCTTACCAA TAAA 404
```

配列番号 : 1520

配列の長さ : 402

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01731

配列 :

```
GATCTACAGA TACGTGATAT TNTGGTATAA CTAGAATCTT GATTTCTTTC ATAAAGTTCT 60
GCCATGTTCT ATTTCTTTCC TTAATGTTTT TTCTTCCCT ACTGTTTTAT CCTCCCTTTG 120
CTTTGGAAGG ATATTNCTGC ATATCGAGCT AAAGGAAAGC CTGATGCAGC AAAAAAGGGA 180
GTTGTCAAGG CTGAAAAAAG CAAGAAAAAG AAGGAAGAGG AGGAAGATGA GGAAGATGAA 240
GAGGATGAGG AGGAGGAGGA AGATGAAGAA GATGAAGATG AAGAAGAAGA TGATGATGAT 300
GAATAAGTTG GTTCTAGCGC AGTTCTTTTT NNCTTGCTA TAAAGCATTT AACCCCCCTG 360
TACACAATC ACTCCTTTTA NNGAAAAAAA TTGAAATNTA AA 402
```

配列番号 : 1521

配列の長さ : 407

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01732

配列：

```
GATCTCAGCT GAACAAATTA GATGTTTCAG TTGCTCTTGG GTCAACTGGC TTACAGATTT 60
ACATGTGCAC ACACACACAA ATTTCTTATC ACATTTTCGC CTTCTTCACT TGACCTAACT 120
GATTATGCGA AATACCCAAG ATTCATGCTA CTGTACCACA GATTTGTTTT CACAGCAATA 180
AATCTTCAGT TCTTTGTTTA TGATTCCACT TAACAAAAGG CCTGCAGAAG TGATTTATTA 240
TTTGGGTATT TGGAGATAAT ACATTTGATG GTTTTTTGGG AAACCTTTTT CACTCCATAC 300
TCAGATATGC TTCATTGTCA AATGCATATT TAGGNTAGGT TAATNGAATT GTAATGTTTA 360
ACCTGCTGCT TTTTTTTTAA ATAAAAATTT GACTGAAAAT GGTAAAA 407
```

配列番号：1522

配列の長さ：397

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01733

配列：

```
GATCTAGTAG CCACGCTAAA AAACAAGTAA AATTAATTTT AATATATTTA ACTCAATACA 60
TTGGAGATAT TATTTTCAGAA CGATATTTTT CATTCTTATG AACTAAGTC TGTCTGGTTT 120
GCATATCTCA GTTGAGACAC TAAAGTTTTA CTGATAATAC TTAATCCATN NATTAGATTT 180
CATAAAATCT AAATTTGCAA AGTAAATTTA CATACCCATG TNGGTCTAAA TGTGCTTAAA 240
AGTTTTCCAA TAACTGAAAT GAGTATCAGT TTTAAATTTA AAAATTTGTT ACTTGGTTAC 300
TCCATATTTT AGGTATTAGT GGCTACCATA TTGGTCAGAG CAGATTCATA GGGATGATTT 360
CCCAGGTTTG AAGTGTGTGT ATATTGCTGG TATTATN 397
```

配列番号：1523

配列の長さ：395

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01734

配列：

```
GATCTGTACG AAATGTGAAA TTTTAGGGA CATCTCCATG CTGTCACTTG TNATTTGCCC 60
TCTNATGTAT TTNGGTCATA TTGCCAACTG GAAAGTCAAA ATTTCTAAC AACTTTAAGT 120
AAGTCCTTN AAGACTNAGT GCTGTTTTNA ATCCAGTTTA GAAAGTAACT TAATTTTAAT 180
ACCGCTACTA AAAATNCGAA AATTTCTCCT TTAATCACAT TCAATATGGT TAAANGAACA 240
ACACTAATTG ACATTGCGTG GGCTTTTCCT CCCTTTGTTT AAANANGTCA TTTTGTGAG 300
CAAGNGGTTG TATAGTATTA TCTACTNNCT TGAGGCTGTT AAATTTNCNA TTCCAGNGGT 360
TTTGTAATG TATCCCGGGG CCNTGNTGCA TTGGN 395
```

配列番号：1524

配列の長さ：391

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01735

配列：

```
GATCTCAATG ACCTGGCGAA GACTGGAAAA TACAACTCCC ATCACCAGCA GAGTTGCTAG 60
GCTGCTGCTG TATGGGTACA GAGAAGGGTT TGACAAAATT GACCTGACTG TGGAAGAACT 120
TCCAGCAGTT TACACAGGAC TGTTTTATAA ACTCTATCAT AAGGAACTGC CAGAGAATTA 180
TAAACTATG AAAGGAATTG ATTAAATTCA CATTTATATG TTTAGAAACA TGTAGACTAA 240
CGAATGACAT AAGAAATAGT GGACATTTTG GATTGATTAA ACATCTGACT GTGATTTTCT 300
AATGTATATG ATTTCCATGA AGAAATTTTG TTTCTAAACA TGCACATTTT AAAAGCCTCT 360
TTTCGAATAA AGCAAATGCG TGAANAANGAA A 391
```

配列番号：1525

配列の長さ：388

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01736

配列：

```
GATCCGGCGC CACAAGACCA CCATCTTCAC GGACGCCAAG GAGTCCAGCA CGGTGTTCGA 60
ACTGAAGCGC ATCGTCGAGG GCATCCTCAA GCGGCCTCCT GACGAGCAGC GGCTGTACAA 120
GGATGACCAA CTCTTGATG ATGGCAAGAC ACTGGGCGAG TNTGGCTTCA CCAGTCAAAC 180
AGCACGGCCA CAGGCCCAGC CACAGTGGGG CTGGCCTTCC GGGCAGATGA CACCTTTGAG 240
GCCCTGTGCA TCGAGCCGTT TTCCAGCCCG CCAGAGCTGC CCGATGTGAT GAAGCNCCAG 300
GACTCGGGAA GCAGTGCCAA TGAACAAGCC GTGCAGTGAG ACCCCAAGA GGCCCATTTT 360
CCCCAATAAA AGAGATTGG GAGTCAAA 388
```

配列番号：1526

配列の長さ：388

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01737

配列：

```
GATCTTATTT CTCTACTCA ATTGTATATT TATACCCATT AATCAACTTC TGTTCTTGCT 60
CTCTCCGTGC TACCCTTCTG GCCTTTGGTA ATCGCCAATC AATCTACTCT CTATCTTCAT 120
GAGACCAGCG TATTTTAGCT CCCACATATG AATGAAAACA TATAATATTT GTCTTTCTGT 180
GCTTGACTTA TTTTACTTAA CATAATGACC TCCAATTCCA TCCATCTGT GGCAGTACA 240
GTATTTTCAAT CATTTTGTG TGAATTATAT TTCGTTGTGA ATATACATTA CATTTTCTTT 300
ATCCATTCAT CACTGATGTG CACTTAGGTT GATTCCATAT TTGGGCTATT GTGAATAGTG 360
TGTTAATAAA CATGAGAGTG CAGTTAAA 388
```

配列番号：1527

配列の長さ：385

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01738

配列：

```
GATCTTCTCG GTCAGCGCTC TCTCTAGCAT ACTCTTCCTC TATTTGGCTC ACAAACAGGC 60
ACCAGAGAAG CAAATGGCAC CTTGAACTTA AGCCTACTAC AGACTGTTAG AGGTGATACT 120
```

ATGACCATGA GTAGCATCAG CCAGAACATG AGAGGGAGAA CTAAGTCAAG ACAATACTCA 180  
 GCAGAGAGCA TCCCGTGTGG ATATGAGGCT GGTGTAGAGG CGGAGAGGAG CCAAGAAACT 240  
 AAAGGTGAAA AATACTACTG AACTCTGGGG CAAGAGATGT CTATGGTAGC TGAGCCAAAC 300  
 ACGTAGGATT TCCGTTTTAA GGTTCACATG GAAAAGGTTA TAGCTTTGCC TTGAGATTGG 360  
 CCTCATTAAA ATCAGNGACT GTAAA 385

配列番号 : 1528

配列の長さ : 377

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01739

配列 :

GATCCGTACT CAGAACGTCC AGGAGAGACG CATGGCCCGA AGTCAAAGTG CTGGAATTTT 60  
 CCAAAACAGC CTGTTCTCTC CTCTCTCCTC CCCAGAGCAC CCCCTGCCAT CAGGGGGGTT 120  
 GAAATCCCTC TCCCCAGGA GCCCTGCTGC TTTGCTTGGT GGTAGGGCAG GAGAGCAAAC 180  
 AAACAGTCAT GGTCTAAAAC CCACATAGCA CTTTGCTCTT AGTTACATGT AAAATTTTAG 240  
 ATTTCTAAAA CAGGTGGGCA ATCATTTTGA ATACTGTTCT GTGACCCTGA CTGCTAGTTC 300  
 TGAGGACACT GGTGGCTGTG CTATNGTGTG GCCATGCTCC NTTGTCCCG TNCCTGTTGG 360  
 CTGCTTCTGT TTAGGTN 377

配列番号 : 1529

配列の長さ : 167

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01740

配列 :

GATCCAAAGC CTGTGGTAAA CGGGAGANCT TGTNTTTTTC AAGTGAAAA AAACCCAAGA 60  
 GTTTGTNCAG ACATCCTGTC TTCCAGAGA AGGTGGACAC TCTTGGNCTC ATTGTAAAGT 120  
 GCCTGCTGNA TCAATAAAGC TCTTGGCTTA TTAGTCTATA AAACAAA 167

配列番号 : 1530

配列の長さ : 372

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01741

配列 :

GATCCACACG TTCCGGGACT ACCTGCACTA CCACATCAAG TGCTCTAAGG CCTATATTCA 60  
 CACACGTATG CGGGCGAAAA CGTCTGANTT CCTCAAGGTG CTGAACCGCG CAGGACCAGA 120  
 TGCCGAGAAA AAAGAAATGA AAACAATCAC GGGGAAGACG TTTTCATCCC GCTAATCTTG 180  
 GGAATAAGAG GAGGAAGCGG CTGGCAACTG AAGGCTGGAA CACTTGCTAC TGGATAATCG 240  
 TAGCTTTTAA TGTTCGCCTT CTTCAGGTTC TTAAGGGATT CTCCGTTTGG GTTCCATTTT 300  
 GTACACGTTT GGAATAAAT CTGCAGAAAC GAGCTGTGCT TGCAAAGACT TTCATAGTTC 360  
 CCAAGANTTA AA 372

配列番号 : 1531

配列の長さ : 372

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01742

配列 :

```
GATCCACTGT TGGGGCCTCG ACGAGTTCCT GTCCTGGGAA AGGAGTACAC CGAGAAGACC 60
CCCATTTCTG AGCATGCTGT TTTCAATGTG GACCTCATGA GCAAGAAAAT TCATCTGACT 120
GAGAATGGGA TAAGGGTGGA TATTGGCGAT ACAATAATCT ATCTGGTTCA TTAAACTCAT 180
GCACATTGGA GATTTATCCT GGTTCCTTAG GAATACTACT ACTCTGATTG TGTCTACTGA 240
TTGGCTATCA GAACCTTAGG CTGGACCTAA ATAGATTGAT TTCATTTCTA ACCATCCAAT 300
TCTGCATGTA TTCATAATTC TATCAAGTCA TCTTTGATTC CTGGACCTAA TAAATTTTTT 360
TTCCCTTTCA AA 372
```

配列番号 : 1532

配列の長さ : 368

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01745

配列 :

```
GATCCCAGTC ACAATTATCA CCGGGTATTT AGGTGCTGGG AAGACAACAC TTCTGAACTA 60
TATTTTGACA GAGCAACATA GTAAAAGAGT AGCGGTCATT TTAAATGAAT CTGGGGAAGG 120
AAGTCCGCTG GAGAAATCCT TAGCTGTCAG CCAAGGTGGA GAGCTCTATG AAGAGTGGCT 180
GGAACCTAGA AACGGTTGCC TCTNCTGTTC AGTGAAGTGA GGAATGTGTT TACTGTGTAC 240
ATGGTTTACT AGAAATGTTT ATTGATTATA TTTCCAGCTT TAATTTTCTT GAGTAATTTA 300
ACTGAATTTA CACAGTTTGC TTCATTGTAT TTTCAAACAA ATAGAAAATA AACTTATTAG 360
GAAGCAAA 368
```

配列番号 : 1533

配列の長さ : 364

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01746

配列 :

```
GATCGTCCCC GTATGATGAT TGTNAGAAGA CAGGACTAAG TAGCAGAGAA TAGCTAAGAG 60
ATAAATTGGG CTGGGGAAAC TTGTCAGAAA GCACTGAACA ATTAAGAAAT TTTCCAAGAA 120
AATGTGCAGT ATTCTCTGCT ACTTCTGAAT CTGTTTGTGTC TTCCTAATCT ATCACAATTG 180
CCACCCATCG GGTTTTGGGT GTGTGTTTTT ATAGCGTGGT TACTTTCTAT AATGCTGTAC 240
CCAGATTCTA AGAACCTGGA GAAGGATTAG CAGTTCTTAG TAAGTTTACT GTGTATAGGA 300
ACGGTTTGTA TTTCAATTACA GCTATTCATC TTTTCTACAT TAAAAATATT TTTCTCTAAA 360
GAAA 364
```

配列番号 : 1534

配列の長さ : 362

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状



クローン名：HUMGS01747

配列：

```
GATCTGTGCC ATAAAATTC AGTGAATAA GACTTCTTCA ATACATCTTC CAATAAGGGG 60
TGCTTCTTTG TGACAGTATT TTTATTTCTG ACATTCATTT TATTTGGGTA CATAGTGTGG 120
TTGTTGATAC CTTGCAATAG TATTGCTTCT GAAAGTAATA AAAAATTTTA GGAGAATTG 180
AGAAGTTTAC AGAATTACTT ATTCATTGTT TTCTTAGTAA GTCAGTTTAA TGTTTATTTT 240
TCTCATTATT TCATCACTGC AATAAAGAAT AAGGGTGTT GAGCTCACCT CCATGCAAAG 300
ACTTCAGTTT TAAACATTA TTTGCCTAAA ATTAGCATTG TGATGCTTTC TGAAAGAAAT 360
AN
```

配列番号：1535

配列の長さ：361

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01748

配列：

```
GATCCACCTC TCCTGTGCTA AGATTAAGAN GACCAACGTC CCCGANTTCT TTNATTGCCA 60
GAAATGCAAG GAACTGAGGC CAGAGGCCNN GCGGTTAGGG GGGCCTCCCA AATCTGGAGA 120
GCCCTGATGG CACCAACTTT AGCCTGGAAC TTCCAATNA CAACATGATT TGGGAAGTGA 180
GCCTCAGGGT CCTCAGCCTA TCCCCTGGAG CTTGGATACT GTCTGCACTT CAAGGCAGGA 240
ATTCTCAAGG GAGACTTGTT TGAAAATNAG TGCTCACTT TCCCACCCTA TCCTTCCTCC 300
CCACTCTGTG GACTTGAAAT TGAATCCATT ACGGTTGGGG ATGGGAGGCT GTCTGTGTCC 360
N
```

配列番号：1536

配列の長さ：360

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01749

配列：

```
GATCGATTCT CTCTATGAAG GAATCGACTT CTATACNTCC ATTACCNGTG CCCGATTNNA 60
AGAACTGAAT GCTGACCTGT TCCGTGGCAC CCTGGACCCA GTAGAGAAAG CCCTTCGAGA 120
TGCCAAACTA GACAAGTCAC AGATTAATGA TATTNTCCTG GTTGGTGGTT CTA CTCTGAT 180
CCCCAAGATT CAGANGCTTC TCCANGACTT CTTCAATGGA AAAGAACTGA ATANGAGCAT 240
CAACCCTGAT GAAGCTGTTG CTTATGGTGC AGCTGTCCAG GCAGCCATCT TNNNTGGAGA 300
CAAGTNTNNG AATGTTCAAG ATTNGCTGGC TCTTAGGNTG TCACTACTCT TTTCCCTTAN 360
```

配列番号：1537

配列の長さ：358

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01750

配列：

```
GATCCCAGTG AATCCTGGGT CCAGGAGTAC GTGTATGACC TGGAAGTGAN CTGAGCTGCT 60
CAGAGACAGG AAGTCTTCAG GGGAGGTCAC CTGAGCCCGG ATGCTTCTCC ATGAGACACA 120
```

TCTCCTCCAT ACTCAGGACT CCTCTCCGCA GTTCCTGTCC CTTCTCTTAA TTTAATCTTT 180  
 TTTATGTGCC GTGTTATTGT ATTAGGTGTC ATTTCCATTA TTTATATTAG TTTAGCCAAA 240  
 GGATAAGTGT CCCCTATGGG GATGGTCCAC TGTCAGTGT TCTCTGCTGT TGCAAATACA 300  
 TGGATAACAC ATTTGATTCT GTGTGTTTTT ATAATAAAAC TTTAAAATAA AATGCAAA 358

配列番号 : 1538

配列の長さ : 354

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01751

配列 :

GATCCCTCCT CTAGGGGCCT GGGGACTTTN ACTGATGCTC TTCCTGATTC TAGAGCAAAG 60  
 GTGTGGGAAG GGGAAATGGA GGAATGCCCT CCTGTCTGTN TCGTTCTCTG TGCCACAGCT 120  
 ACAGATGCAG AAGGTTTCTC TGGATAGCAC ACCTCTGANT GTAAATCATG ATAAAATGGA 180  
 TATTTGGAAA CTTACTCCTA AGCTGTGATT TAGGGTGTAT TTCTACTTCT GGAAGCCTC 240  
 AATATCAAGG GCTGAGACTT TTGAATTTTG AATATTCGTT GGGTTTCATG TTAAGANGCC 300  
 TGTGGTCTAG GAGTGCTATT CAGTGTCTTCT TTCTCTGATA AACACTTTGA ATAN 354

配列番号 : 1539

配列の長さ : 352

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01752

配列 :

GATCTCAGTA TGGACAGTGT AACAAACAAA CCAAAATGGC TGGACAGACT TCTTGTGTTT 60  
 TGTAAATATA AACTAGGACA GTTCTGTAGG TTTGTTTCAGT GTGCTAGTGG AGTATTTTCT 120  
 TAATGTAAAA CTTCACTTAA CAGAGAGATT CTTTGTTTAG CAAGCTTGGN GTGATGATAN 180  
 AGNGGTAAAG AATAATATA ATGTTGAAGA AAGCATCACA ACAGAACTAT AGGAGTCTAA 240  
 ATTTAATAAA TCTTTAAAAA AAACCAAGTGT CTAGAATATA TACCATGTTT TATTATTTAA 300  
 AATCATTGTC TTAATTTTTT GTTCAAAAAA TAAAAATTG AATACAATCA AA 352

配列番号 : 1540

配列の長さ : 351

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01753

配列 :

GATCAGACAA GCCCAAAGT AGAGACACTC TACAAAATAA CTGGCCAGTA CGTTTTNCAA 60  
 GTNCCAAGGC CGTGAACAAT AAGGAAAGAC TGAGGAACAG TCATGGACTG GAAGAGAGTA 120  
 AAGAAATATG ATAATACT GCATTGTGAG ATACCGATTT AGATGTTGGA TTAGAAAAAG 180  
 GACCAGAAAT AAGATTTTCAT CAATGTCAAT TATTTGTTT TGATAATTGT ACTGTGGTTA 240  
 TGTAAGATGT TAACATTAGT AAGAGCTGGG TGAAGGGTAC ATGGAACTA TTATTTTTCG 300  
 CACCCCTTGA AAGTCTAACT TTTTCAAAA TAAAAAGTTT TAAAAATAA A 351

配列番号 : 1541

配列の長さ : 357

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01754

配列 :

```
GATCCCAGAT GCAGTGACTG GTTACTACCT GAACCGTGCT GGCTTTGAGG CCTCAGACCC 60
ACGCATAATT GGGCTCATCT CCTTAGCTGC CCAGAAATTC ATCTCAGATA TTGCCAATGA 120
TGCCCTACAG CACTGCAAAA TGAAGGGCAC GGCCTCCGGC AGCTCCCGGA GCAAGAGCAA 180
GGACCGCAAG TACTCTCTAA CCATGGAGGA CTTGACCCCT GCCCTCAGCG AGTATGGCAT 240
CAATGTGAAG AAGCCGCACT ACTTNACCTG AGCCACCCAA CCTAAATGGT ACTTATCTGT 300
NCCCATGTNC NTACACCAGC CTGTTTNNAT AATAAACTTT ATTGGTGGTA GGGNAAA 357
```

配列番号 : 1542

配列の長さ : 412

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01755

配列 :

```
GATCAGGGCA GTAGGCATAA TTCAGCAACA AACAATCTTC CTTTGGGAGA AACCTNTTCA 60
TTCCAATCTT CTAATTACAG TGGTTCCTAT CTCAGGGATA CTGGACTTTN TGACGCAGAT 120
GAACAATTAA GGGGAAAAGC TTCCCTTTTC CCTCTGTGGC AGTTACGATT TTNACTTCAG 180
TCCTGAGAAA AACTTCAGGT TTTGAAAATC AGATGATGTC TTCTCCTTTT CCAANCACCA 240
CACGTTGAAA GCNTTATATA ATCCAAGTCT GAAACTCTGC GCTCTAGTAC TGCTGTAAAG 300
NTACACAACT TGTTCCTNN GTTCATATAA TCTNGGGGTA CNCACNCACA CACNCNTGTA 360
TGGGGGGGGG GGNNTGGCGN TTNCACCGC GCGTTCNTT TTTGNNGGGT CN 412
```

配列番号 : 1543

配列の長さ : 343

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01756

配列 :

```
GATCCCAAAA TGCTGCGGGG CAATGACAGC TCAGTTCCCA GAAATAAAAA TCCATTCCAA 60
GAGGCCATTG TTTTGTGGT GGGAGGAGGC AACTACATTG AATATCAGAA TCTTGTGAC 120
TACATAAAGG GGAAACAAGG CAAACACATT TTATATGGCT GCAGTGAGCT TTTTAATGCT 180
ACACAGTTCA TAAACAGTT GTCACAATT GGACAAAAGT AACACAGAAG AACCTTACTA 240
TGATAATCTA CTTGGAATGT GGATAAATGT AAAANGNAGA AAAGTTAGAA NGNCANTAT 300
GTTTCCTTCT CTGTAACAGT GTCCTAACAG TGAAAATTCA GGN 343
```

配列番号 : 1544

配列の長さ : 340

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01758

配列 :

GATCGANCTT NCTATGGACT CAAGCAGGTG NNGAAGGCCA ATNAAGCCAT GGCAATTGAC 60  
 ACATTGCTCA TCAGCGATGA GCTCTTCAGG CATCAGGATG TAGCCACACG GAGCCGGTAT 120  
 GTNAGGCTGG TGGACAGTGT GAAAGAGAAT NCAGGCACCG TTAGGATATN CTCTAGTCTT 180  
 CACGTTTCTG GGGAAACAGNT CAGCCAGTTG ACTGGGGTAG CTGCCATTCT CCGCTTCCCT 240  
 GTTCCCGAAC TTTCTGACCA AGAGGGTGAT TCCAGTTCTG AAGAGGATTA NTGATTGAAA 300  
 CTTAAAATTT GNGACAATCT TTGTGTTTTT CTAAACTGTN 340

配列番号 : 1545

配列の長さ : 339

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01759

配列 :

GATCTGCTTT CATTAACTGG AATTCTGTAG GAGATACTGG TGACCTAAGC TAAGTTGCAC 60  
 TCAGCATACT CAGTGTCAAG CTAATGAGGT TCTATTATAA AGGTTCTACT TTAATCTGA 120  
 GGGAAAACAT GTTCAGGGCT TCTAGAACAC TAAAAAATTN GGNTTAAACC AGTGTNCAGT 180  
 CTGGTGCCAA ACTTCGAATG GAATACAAAT NNACATAATC TGANCTTTGT NCACAGGTTA 240  
 TCCTAATAGA GTAATTCTCC ACTTTGCTCT ATTGAACTGT CTTAAGGGAT TTGTTTAAAC 300  
 AGCTAAGTTA CTTGATTAAA ATAATGATAA AATTGTAAA 339

配列番号 : 1546

配列の長さ : 362

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01760

配列 :

GATCTGGTAG AAGGTACCAG CTTCTTTTCC AGCTGGAGAG GCCCCAACAC TGGATGGTTC 60  
 TGTAGGGAGC CTAGGGAGCC TGGTCATCAA CTTGCAATAC CTCACAGAGC CAGTTCACAT 120  
 CCCACTCTGA GCTCCCACGA GAAACACTGC TTCTCCAGGC CCGGGGTTGT TGGGGAGAGA 180  
 GGCAGAGGCA GCTGGAGCGC CGTTCTCTCC TGCTGGGACA CCGCTTGGGC TTTGGTATTG 240  
 ACTGAGTGGC TGACAGTTAT CTTCCAACCC CAACTGGCTT GGGGGCAGGA CAAGGGCTTA 300  
 GGCTTGATGG TGGNCAGGCT TGNCTGCTCC CCACCTGNGA TGCCCCTGCT CTGGGACCTC 360  
 TN

配列番号 : 1547

配列の長さ : 335

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01761

配列 :

GATCCTTTCA GAAAAGAAAC ACTGGGTCCC ATAGCTAAAT TCTCAACCGC CANGCACCTT 60  
 CAGAAGAATC CAGCCTAATA CTGGAATTG TGCTATTATC TTCCTCTCCA GCCCCCAAC 120  
 TCCATCCCTC ACCACAGTTG TCTAGGAAAT GACATGAATT CAATATCTAA TGTAACCAA 180  
 TGGGGAGAGC CACAACCTCA GGAGAGGTTC CTGAGCTGAG TCCCTTAATT TCTGGATGAA 240  
 GAAGACCAAC AAGTTTTGTC CAATGTATTT GTTCTCAGA CCTTGCCTAG GCACTAAAAA 300

TAAAATACTA GGTCAATTGGA GGCTAATGTG GGAAA

335

配列番号 : 1548

配列の長さ : 330

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01763

配列 :

```
GATCATTAAG GAAGGCGATG TAGATGTTTC AGATTCTGAT GATGAAGATG ATAATCTTCC 60
TGCAAATNTT GACACATATC ACAGAGCCTT GCAAATAATA GCAAGATATG TACCATCATG 120
AGTATACTGN TCCTTATTTT GAATGTTTAA TTCTCAAGAA AATTGTAATC AATTAGTAAA 180
AATTATAAAA TGTTAATAGT ATTAAAGCTT GAGTCTTACA TTGCATTTT TTTTNGNA 240
NCCACTTGGG GAACCATTCC ATNCTCCAAA ANGGGGCATT CCCATTCCT NTTNATCCCC 300
TNNAATGGTT TTNCAAAGTN NGTNTGCNGN 330
```

配列番号 : 1549

配列の長さ : 330

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01764

配列 :

```
GATCATGGTG GATGAGGAAG CCTCAACGTA GATTCCTGAA CTCAAGGTAC CAGCAAGANT 60
GCNTTCTCCC AGTGTGCTCT CCCCAACATC CTAGGCACAG CTTTCATAAC CCAGTTTCTT 120
AGGTGTAAGA AACTGTTTTN ATCTCATTTA TTAAGTCTCA GAACTTAACA GAAAAGGAAG 180
CCTTTTAAAT ATTCTTTTTA ATNTTATTTT AGATTAACAG TTTTGNACTT TACATTTTTT 240
TATACAACCA NCCAGTTTCT TTNCTAGCCA ATCATCTCTG ANGAGTTGCT GTTCTTACT 300
GACAATAAAA NNTGTNCTCT TGGTTCGAAA 330
```

配列番号 : 1550

配列の長さ : 329

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01765

配列 :

```
GATCAACATC TTTCTTGCC TCTGTCCCCT TCTCTCATCT CTTAGCTCCC CTCCAACCTG 60
GGGGGCAGTG GTGTGGAGAA GCCACAGGCC TGAGATTTCA TCTGCTCTCC TTCCTGGAGC 120
CCAGAGGAGG GCAGCAGAAG GGGGTGGTGT CTCCAACCCC CCAGCACTGA GGAAGAACGG 180
GGCTCTTCTC ATTTACCCCC TCCCTTTCTC CCCTGCCCCC AGGACTGGGC CACTTNTGGG 240
TGGGGCAGTG GGTCCCAGAT TGGCTCACAC TGAGAATGTA AGAACTACAA ACAAATTTTC 300
TATTAAATTA AAATTTNTGT GTCTCCAAA 329
```

配列番号 : 1551

配列の長さ : 334

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名：HUMGS01766

配列：

```
GATCCCAACT GCTCCCTNCC CTCGCCGGTG ACTCCTGCAC CTGCGCCGGC TCCTGCAAAT 60
GCAAAGAGTG CAAATNCACC TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGCT 120
GTGCCAAGTG TGCCCAAGGC TGCATCTGCA AAGGGGCGTC GGACAAGTGC AGCTGCTGCG 180
CCTGATGCTG GGACAGCCCC GCTCCAGAT GTAAAGAACG CGACTTCCAC AAACCTGGAT 240
TTTTTATGTA CAACNTGAC CGTGACCGTT TGCTATATTC CTTTTCTAT GAAATAATGT 300
GAATGNTAAT AAAACAGCTT TNACTTGAAA CAAA 334
```

配列番号：1552

配列の長さ：328

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01767

配列：

```
GATCTGTTTG GACTATGTTT TCTTTCTTC TCCACTTGC TCAGCAGCTT GGGCTTCCAT 60
TCTAGTTCTT TTACCAAGAT TTTTGTGTGA CCATGTTGAC TTCATTTGGA TTGCCCTCTT 120
TCAATTTCTT TGTGAAAACA CCCTTAACTT TCTCTTACC CTTAGCTGAA ATGTTTACAT 180
AGCTTCTGGT GATATCTTTN CATGATTTA TATCTCTTAA AATGGTGATG GATGTGACAC 240
CTCATAAAAG TGAGCTTTGA ACTGTAGATA ACTCTTAAAG AAAATGTCAT TTTAGACAAT 300
TAAAATATTT GTGCTCAACT GCTTGAAA 328
```

配列番号：1553

配列の長さ：327

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01768

配列：

```
GATCGAAATG TTAACACCGG GAGCTCTNCA GGACACTCAC CCAGCGACGC TCGTGGGGGA 60
AACATACTAA ACGGACAGAC TCCAAGANCT GCCACCGCTG GGCCTGCACT GCGGCCCCC 120
ACGTGAACTC GGTGTGAACG GGCCNGGGAA GAAAAGCAGA GAGAGAATTG CAGAGAATCA 180
GACTCCTTTT CCAGGGCCTC AGCTCCCTCC AGTGGTGGCC GCCCTGTACT CCCTGACGAT 240
TCCACTGTAA CTACCAATCT TCTACTGGT TAAGACAGTT TTGTATCATT TTGCTAAAAA 300
TTATTGGCTT AAATCTGTGT AAAGAAA 327
```

配列番号：1554

配列の長さ：326

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01769

配列：

```
GATCAGCAGA CCACGTATTT AAAATTCTGA ATCTTCTGGG ACAGGGTTGT AACTCAGCCT 60
TCCAAAGGGA AGAGTGCAGG GGGACGGGGC CATGATATGG GGAAATGGTG TAAACTAATG 120
TATTTNTTTA TTGGCTGTTA TTCTGTATAA CACTCATATC TTTGCCAAAG TTCAATTTTA 180
TATTTAGGCA ACTGATGGTC CTTTGCATT TAGGATTTTN GTTGTGTGTA CCTTATACCT 240
```

CATGATATAA GGAATGGGCT CATGTGTCTT CCGTCTTTTG GAAGGAGGTT GACATATTTT 300  
AAATAAATGC TTTTAAATAC AGTAAA 326

配列番号 : 1555

配列の長さ : 387

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01770

配列 :

GATCAAAAAG AACAGAACCC TCTCCAGCCT GCTGACCCGA ACCCAACCAC ACAATGGTTT 60  
GTCTCAATCT GACCCAGCGG CTGGACCCTC CGTAAATTGT TGACGCTCTT CCCCTTCCC 120  
GAGGTCCCGC AGGAGCCTAG CGCCTGGCTG TGTGTGCGGC CGCTCCTCCA GGCCTGGCCG 180  
TGCCCGCTCA GGACCTGCTC CACTGTTTAA CACTAAACCA AGGTCATGAG CATTCGTGCT 240  
AAGATAACAG ACTCCAGCTC CTGGTCCACC CGGCATGTCA GTCAGCACTC TGGCCTTCAT 300  
CACGAGAGCT CCGCAGCCGT GGCTAGGATT CCACTTCCTG TGTCATGACC TCAGGAAATA 360  
AACGTCCTTG ACTTTATAAA AGCCAAA 387

配列番号 : 1556

配列の長さ : 325

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01771

配列 :

GATCACAGAT GGATNTTGTT ATAAGCATCA ATGTGACACT TGCAGGNCAC TACAACGTGG 60  
NACATTGTTT GTTCTTCCA TATTTGGAAG ATAAATTTAT GTGTAGACTT TTTTGAAGA 120  
TACGGTTAAT AACTAAAATT TATTGAAATG GTCTTGCAAT GACTCGTATT CAGATGCTTA 180  
AAGAAAGCAT TGCTGCTACA AATATTTCTA TTTTAAGAAA GGGTTTTTAT GGACCAATGC 240  
CCCAGTTGTC AGTCAGAGCC GTTGGTGTTC TTCATTGTTT AAAATGTCAC CTGTAAATG 300  
GGCATTATTT ATGTTTTTTT TTTTN 325

配列番号 : 1557

配列の長さ : 322

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01772

配列 :

GATCTGTAAT TCATAGTCAC ATCAAGGTCA TCAAGACCAG GAAAAACAAG AAAGACATAC 60  
TCAATCTGA TTCAAGTATG GAAACTTCAC CAGACTTTTC CTTCTAAAAT CTGGATGTCA 120  
TTGACGATAA TGTTTATGGN GATAAGGTCT AAGTGCCTAA NAAAATGTAC ATATACCTGG 180  
TTGAAATACA AACTATACA TACACACCAC CATATATNCT AGCTGTTAAT CCTATGGAAT 240  
GGGGTATTGG GAGTNCTTTT TTAATTTNCC ATAGTTTTTT TTAATAAAAT GGCATATTTN 300  
GCATCTACAA CTTCTATAAT TN 322

配列番号 : 1558

配列の長さ : 319

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01773

配列：

```
GATCTTTCTT TAATAGTGAA CCCCTGGGCC ACTGAAGAGT AACATGGCTC CACTGGACAC 60
AAAAGAGGGA TGGAATCAAC AGGCAGGGGG CCTTTTATAA GCCTTAGGAA AAGAAAATGA 120
AACTATTTCA TCTTTGGACT TTTCAATACT ATTGGAGTGA TTTTTTTTTT TCTAAACAGG 180
GAAAATAATG TTACAAAAGC ATCTTTTTTG TNATTTGTTT GCATCCCTCC CCCACACCTT 240
GGTGTTTTAA ANTGANGAAA AAAANCCATC ACCTTTTGTA CAAAANCTCT TAATGNTTAA 300
CAACAAAACA AANCAGAAA 319
```

配列番号：1559

配列の長さ：316

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01774

配列：

```
GATCTGGCTG CGCTATGACT CCGGGAGCGN CACCCACAAC ATGTACCGGG AATACCGGGA 60
CCTGACCACC GCAGCGCTGT CACCCAGTGC TACCGAGACA TGGGTGCCCG GCACGCGCCC 120
GAGCCCACTC CATTANATC TNACAGCAGT GTTCTTGCAA TATGAGGAGA CAGTTACAGC 180
CACATTATGG CTCTCATTGA ACAGTACGCA GCACCCCTGC CCCCAGCCGT NTTTTTGGGG 240
CTTGCGCGAA AATCTACAAG CGGGAANGTG ACCTNGGATT CAAGGGCGGG GAGAGANGCT 300
TNAATAAATA ATCGTN 316
```

配列番号：1560

配列の長さ：390

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01775

配列：

```
GATCTAGAGG GTCGGACCCA CATATTTAAG ATTCACGNTC GTTCAATGAG TGTTGAAAGA 60
GATATCAGAT TTGAAGTGT AGCACGACTG TGNCCAAATA GCACTGGTGC TGAGATTAGA 120
AGCGTCTGCA CAGAGGCTGG TATGTTTGCC ATCAGAGCAC GGCGAAAAAT TGCTACCGAG 180
AAGGATTTCT TGGAAGCTGT AAATAAGGTC ATTAAGTCTT ATGCCAAATT CAGTGCTACT 240
CCTCGTTACA TGACATACAA CTGAACCCTG ANGGCTTTCA AGTGAAAAC TTAATTGGA 300
ATCCTAACCN TATATAGACT TGTTAATAAC CAATTCATAA ACAAATAAAT GGCTTCAAAA 360
TTGAAAAAAA NNGANNNNN NNNNAGNNNN 390
```

配列番号：1561

配列の長さ：311

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01776

配列：

```
GATCTGCTTA GAGTGGATTT TCACTCAAGT CCTTAGTAAG TGGATTTTGG GGAAAAAAGC 60
```



ACCTGGGCTT CTGGTTCTTT TTGATAATAT ATAAAATTAT TCATTATGAG GTTGCAGTTG 120  
 TTTGCAAAGG AGAGGCACTC AAATTTGAAA GGTATTTTA ATGTGATAAT TTGGAAGACT 180  
 TACTCAGATG TTGGTCATTG ACCACTCTGT GCATATATTT CTGCAGAGCT CTGTGAAGGC 240  
 AATGAGTGTG ACTTCCCTCT GCTCTAATAA AGCAATAAAT AATAGCTAAA GGGCTGACTT 300  
 TCACTTCGAA A 311

配列番号 : 1562

配列の長さ : 310

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01777

配列 :

GATCTTTCTA CAACATTTAT CCTGGTTGTT AAGCCCTCCT TACAACATTC TTCTCTCTTT 60  
 GTTTTTATAG CTCCATCTCT CCTGCTTCTT TAACCTTGATA ATGCATACTT GATTTTCCTA 120  
 TTTGTNATTT CATAAACCAA TTAATACACA GATAAAATGA CTGTATATCA AACCATGTTT 180  
 GTATAGAAAA ANTGGATTN GGATGCCTCT CATATGTAAT TAGTTCTATT AAACATATTA 240  
 ATNGTATTGT TTAATTNGTC AGGTTTTTGA CAGANTTTTG TTTACAGGTA ATAAANNTNT 300  
 TATCTCCAAA 310

配列番号 : 1563

配列の長さ : 307

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01778

配列 :

GATCGAAAAA AAAATCCAGA ACCTTGGGAA ACTGTGGACC CTAAGTACC TCAAAAGCTT 60  
 ATAACAATCA ACCAACAATG GAAACCCATT GAAGAGTTGC AAAATGTCCA AAGGGTGACC 120  
 AAATGACGAG CCCTCGCCTC TTTCTTCTGA AGAGTACTCT ATAAATCTAG TGGAAACATT 180  
 TCTGCACAAA CTAGATTCTG GACACCAGTG TCGGGAATG CTTCTGCTAC ATTTTATAGG 240  
 TTTGTCTACA TTTTNGGGC TCTGGATAAG GAATTAAAGG AGTGCAGCAA TAACTGCACT 300  
 GTCTAAA 307

配列番号 : 1564

配列の長さ : 305

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01779

配列 :

GATCCTGTGG TTGGCCACTG GCCATAGCTG CTGCCAGCT CTACCCCTCC CAGGGACCTA 60  
 CCCCTCCAG GGACCGACCC CTGGCCCAAG CTCCCCTTGC TGGCGGGCGC TCGTGGGCC 120  
 CTGCACTTGC TGAGGTTCCC CATCATGGGC AAGGAAGGA ATTCCACAG CCCTCCAGTG 180  
 NACTGAGGGT ACTGGCCTAG CCATGTGGAA TTCCCTACNC TGACTCCTC CCCAAACCCA 240  
 GGGAAAANAG CTCTCAATTT TTNATTTTAA ATTTTGTGTT GAAATAAAGT CCTTAGTTAG 300  
 CNAAG 305

配列番号 : 1565

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01780

配列 :

```
GATCACAGCT AGAGAATTGA GAATTAAC TA TACTACTAGC CATTTTAGGG CACCAAACT 60
TGGGATTAAA CACTTCCTAC TCCCACTCC CAACTCCTGA AATGAAGTCT TGCTATCTGT 120
GACTAGTTTT ATTTTGTGC TTTAATAGT CCGAGCAGTC TTACCTTGTT TACACATGTA 180
TTGACACCAT TTGCTTCAGG CCATGGAGCA CTGTTTCTCC CN TTTTACTA TTTATAGGAT 240
TCCGTTTTTT CACAAGACTT TTAATAAAAA GAAATTGTAG AAATAAACAC ATTAAATTT 300
GAAA 304
```

配列番号 : 1566

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01781

配列 :

```
GATCTGCTTT CTCGTAATTA TAGATTGGTT TGCATTTTCT AGAAATTTT AAATAAATGG 60
AAACATATAG TGAGTACTCT TCTTGGGGTG GAAGGAAGTG TGTGTGGCTT TTTTCACTCA 120
AGCATAATTA ATTTGATACT CATCCAGATT ATGCATGTAT CAATAGTTTA TTCCTTTTTT 180
ATTGCAGAGT AGTAGTTANN NNCCTGGGTA TNCACAATTT GTTACCTGTT CATCTATTGA 240
TGGNCAATTG GGGTATTTC AGTTTTAGCT ATTACAAATA AACCTGCTGT GACATCATGN 300
CAAA 304
```

配列番号 : 1567

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01782

配列 :

```
GATCTGCTAT AGCTGTCCAT CAGAGAGAAT ACACGTGGCT ATAACATCTA TAACAAAACG 60
ACGATTCCTC TACAAGAGGC TGTTTCTNAC TGCTAACGTT GGTGTTTCTG GCGTGGGAAG 120
AAATGCACAG GCGTGCATGG CATGCACGTN CAGACAGCTG CATTGTAAGA NTNCTGTCAT 180
GCAGTCTGAA AAGGGAAGAA ACAGGATGGC TTTCTGTAGC CACACCTGTG AGGCGTGATG 240
ATTGTNGTAT TATTAGATTA CTGATTTTCC TTTTCTGAAA ATACATTGN NTTTTAATCA 300
CAAA 304
```

配列番号 : 1568

配列の長さ : 304

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01783

配列 :

GATCTGCTGT TGCTGAGAGT NTGAGCGTGG ACTTGATGCA GTNATGACAA ATCATTGCTT 60  
 AGAATTAATG TTTTCAAATG TGCAACTCTA GTTTTTAAAA CAAAATTTGG TTCTTTACAT 120  
 TCATTATTTT GTTTTTGTTC CCCTTTAGTA TTAAATGGTC TTTGGAGAAA AAATAATAAA 180  
 ACAGAGTGTT ATATATATAT TTTTGGTGC AAGATAAGAT TTTCTGTTTT TTGAAATAAG 240  
 TCTGTAGCAT AAAAGGTAA ACTATTTTAA GGACANANTA AAAATAGGAG TGTATTTAAA 300  
 CAAA 304

配列番号 : 1569

配列の長さ : 303

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01784

配列 :

GATCCAGGGA TGAGGATAGA GTGGCCTGAG AGCAGTGCTT GGATTCAGCC TCCTGCTGGG 60  
 TCCTTCTGCT GGATACAGGC ACCAAGAGGC GGGGGTGGAG CAGGGAGCTG CGCCTTCCTG 120  
 GGGTGCCNGG TGGTGTGTAG AGAAAAGCTG CTTGTTTACT CCTTAAGTCA ATGTATTGGT 180  
 GACTGTTGAT TTGTTGAACA ATTCAGGAAT CAAGGGCTGT GGAGAACTC CCTCATGTTG 240  
 TTGGCAACAG GTGAATGAAC CTAGAGCGGT GACATGAAAA TAAAGCTCAC TGTACTCGC 300  
 AAA 303

配列番号 : 1570

配列の長さ : 302

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01785

配列 :

GATCCCCCGA CGACGTGCTC GAGTTCCTGA AGGTGTATGA GANGCACTCT GCCCAGTGAG 60  
 CACCTGCCCT GCCTGCATCC GGAGAATTGC CTCTACCTGG ACCTTTTGTC TCACACAGCA 120  
 GTACCCCTGAC CTGCTGTGCA CCTTACATTC CTAGAGAGCA GAAATAAAAA GCATGACTAT 180  
 TTCCACCATC AAATGCTGTA GAATGCTTGG CACTCCCTAA CCAAATGCTG TCTCCATAAT 240  
 GCCACTGGTG TTAAGATATA TTTTGAGTGG ATGGAGGAGA AATAAACTTA TTCCTCCTTA 300  
 AA 302

配列番号 : 1571

配列の長さ : 307

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01786

配列 :

GATCCATTTT GCTTACACTG TTGCATCACA AGGGACTCAC CCAGGGACCA TGACCTGCTG 60  
 GTGTGTGTGT ATATTTACAA AAACAAAACA AACAAACCAC CCATTGGGAT ATAAGGTAGC 120  
 AATCACAAAC TAAAGACTGC GGCTTGTTGA GGTGCAATAC CCTGACTCCC AAAGTTAGTT 180  
 ACAGTGGGTT TTATTGTTTT TGTGACTGAA GGATTTATTC AGACTGCTGT ACTCTTCATT 240  
 TGATGTAACA AAATGCTATT AATCTAAATA TTTGTAAATA AAGTACCTGT ATCTAGATTA 300  
 AATTAAA 307

配列番号：1572

配列の長さ：301

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01787

配列：

```
GATCCATTAC CTAGGGTAAA ATTCTCCTGA ATGTCAAACA AAGAGATAAA CTACATTTGG 60
GTTTTGGGAA GTCCCTGTGA ATGATGAATC AAGAATCCTC AAGTCTGTCT TGCCACCCAT 120
TTAATACGTA TTTTGTAA GGCTGAAGTT TAGAGTTAGA ATCAGGACAT TTTGGCCTAT 180
TGAGAGGTTT TGAATTCCTA CAGAAGATGC CATGTAAATC AGTGAATTTN ATTCTTTTAA 240
AAGCAACTTA CAAAATTTAC AAGATGTATT CAATAAGCA GTTTAGCTTT GGTATATCAA 300
A 301
```

配列番号：1573

配列の長さ：303

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01788

配列：

```
GATCCTCAGT GTGCTCACGG GGCTGCTGTT CGGCAGCNAT GGCTACTACG TGGCGCTGGC 60
CTGGACCTCA TCGGCGCTCA TGTACTTNAT TGTGCGCTCT TTGCGGACAG CAGCCCTGGG 120
CCCCGACAGC ATGGGGGGCC CCGTCCCCCG GNAGCGTCTC CAGCTCTACC TGA CTCTGGG 180
AGCTGCAGCC TTTNCAGCCC CTCATNATAT ACTGGCTGAC TTTCCACCTG GTCCGGTGAC 240
GTCTNGCCCC AGATGGNAAT NAGTTTTTTA ATTCATTGN AAGGATTTTG AANTTCCTTG 300
AAA 303
```

配列番号：1574

配列の長さ：297

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01789

配列：

```
GATCTGTGTT CGAATCCTCC CCACCCCTTT CTTGTGGAG TTTCTAACC TGCTGCTGAA 60
GCACAATGTT TTGGTGCTTT CTTTCTCNN TTGTTAAAGG CAGTGTCCAA AAGCCATTCC 120
AGATGCCAAG ACCAGGGGCT TATTCTAGG GAAGGTAGGT CGGTTTCCAT GTTTCCTCC 180
CGTTATTTT ATTTTNACT TTTTGCCTGA GACAAGCCGA GTATGAGGTG GTTTGATTTA 240
AGAAAAATCA ATGAAATTGT TTA TACTGT TTTAAATAA AACCGTAAAC TCTGAAA 297
```

配列番号：1575

配列の長さ：299

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01790

配列：

GATCAGGCCG TTNCTGAGCT CAACGGGACC CAGGTGGAGT CTGTACAGCT CAAAGTCAAC 60  
 ATAGCCCGAA AACAGCCCAT GCTGGATGCC GCTACTGGCA AGTTTGTNTG GGGCTCCCTC 120  
 GCTGTCCAGA ACAGCCCTAA GGNTTGCCAC CGGGACAAGA GGACCCAGAT TGTTCACAGT 180  
 GATGACGTCT ACAAGGAAAA CCTTGTGGAT GGCTTCTAGG GAACAGNGCT GGATTCCTTG 240  
 TGCCTCATAT GCCCCAAATG CTGGTTTTCA GTAAANCACT TGAGGGTGGA AGCTTNAAA 299

配列番号 : 1576

配列の長さ : 300

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01791

配列 :

GATCCAAGAT AAAGAAGGCA TCCCCCCGA CCAGCAGAGG CTCATCTTTG CAGGCAAGCA 60  
 GCTGGAAGAT GGCCGCACTC TTTCTGACTA CAACATCCAG AAAGAGTCGA CCCTGCACCT 120  
 GGTCTGCGC CTGAGGNGGT GGCTGTAAAT TCTNCAGTCA TGGCATTTCG AGTGCCCACT 180  
 GATGGCATT CTCTGCACTA TAGCCATTTG NCCCACTTA AGTTTAGAAA TTACAGGTTT 240  
 CAGTAATAGC TNGAACCTGT TCAAAATGTT AATANAGGTT TCGTTGNATG GGAGCATAAA 300

配列番号 : 1577

配列の長さ : 295

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01792

配列 :

GATCTGGCTT CTTTCCCAAG GNGGGGGTGG GGTGTNCCTN GCGTCCCTGT CCTTGANGGA 60  
 CCTCTTCCC CCAGCCTCAT CACCGTGCTC TTCTCAGCGC CACCCTCAGC AGCCAGATTG 120  
 CAACACCAGG GAGAGGCGGA TGCAGAGCCC CACCGGTGGG AAAGTTGCCT GTGGAAGGGA 180  
 GCCTTTTGCT ACAATTTGTA ACTTATTTNC TAAAGTCTAT TTTGTAACAA TTTATTTAAG 240  
 TTTAAAAAAA GGAAACTGCT TGCCCNCCAA AAAAAGAAAT TTTCAAAACA AGAAA 295

配列番号 : 1578

配列の長さ : 297

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01793

配列 :

GATCTAAAGT TCTGGCTGTC CATTAACCTC CAACTATGGT CTTTATTTCT TGTGGTAATA 60  
 TGATGTGCCT TTCCTGCCT AAATCCCTTC CTGGTGTGTA TCAACATTAT TTAATGTCTT 120  
 CTAATTCAGT CATTTTTTTA TAAGTATGTC TATAAACATT GAACTTTAAA AAACCTATTT 180  
 ATTTATTCCA CTAATGTAGC AATTGACAGA TAAAAAAAT GTAACCTCAT AATTTCTTAC 240  
 CATAACCTCA ATGNCNTNNT TAAAAANATA AAAATTAAAA ATGAAAAGNG NTANAAA 297

配列番号 : 1579

配列の長さ : 289

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01794

配列：

```
GATCTCTCTT GTCNCTNCT GCTCTTNNCT TGGTGCTCTT TTNCTCGGT GGGGTGTGGG 60
TAATAGAACA GCCGTGGGCT TTTGGGGACC TTAACTTTT TTNCTCTCT TTTGTTTATA 120
AAAAACACTA AACATTCAAT TCCAGAGAAC CAAAAATCCC ACCTTCCCAC CGAACACTAC 180
TAAGGGGCTT GTGTCTGCN CCATACCTTT NCTCTTNNCT TTCTGTCTTG TTAATGCTTT 240
TAAAAACAAA TGAGTTTTTT ATATAAATAA AGTTTTTAAA GTGTGTAAA 289
```

配列番号：1580

配列の長さ：287

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01795

配列：

```
GATCCCATCC GCATGGAGTT TGAAAATAAG GAAGACTTGT CGGGAACACA GGCAGGGCTC 60
AACGTCATTA AAGAGGCAGA GCGGCACNCC NGGTGGGCAG CCAAGGAGCT GAGAAGANGC 120
AAGAAGCTTT CAGACTACGT GGGGAAGANT GAAAAANCCA AAATTATCGC CAAGNTTCAG 180
CAAAGGGGAC AGGGAGCTCC AGCCCGAGAG CCTATTATTA GCAGTNAGGA GCAGAAGCAG 240
CTGATGCTGT ACTATCACAG AAGNCANGAG GNGCTCANGA GATTGGN 287
```

配列番号：1581

配列の長さ：285

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01796

配列：

```
GATCTATTGG CATATTCGGG AGCTTCTTAG AGGGATGAGG TTCTTTGAAC ACAGTGAAAA 60
TTTAAATTAG TAACTTTTT GCAAGCAGTT TATTGACTGT TATTGCTAAG AAGAAGTAAG 120
AAAGAAAAAG CCTGTTGGCA ATCTTGTTA TTTCTTTAAG ATTTCTGGCA GTGTGGGATG 180
GATGAATGAA GTGGAATGTG AACTTTGGGC AAGTTAAATG GGACAGCCTT CCATGTTTAT 240
TTGTCTACCT CTAACTGAA TAAAAAAGCC TACAGTTTTT AGAAA 285
```

配列番号：1582

配列の長さ：280

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01797

配列：

```
GATCCTCCCC TTTTGAAATG GCCCTGCTGT GTCAGTTTCC CTGTGGCCTT TTGAAGTGA 60
CATCTCACAT GTTGGGAAAC GCTGGCCACT GGGAAATCAT TAGAAAGGAG GCTGTAGAAT 120
ATTTGCCGAG CCTCTACTGT ATACCAGGGG CTAAGTACC AAGCACATTC TAGGAATTGG 180
GCCCTGCTCA TGAGGAGCCT TAGTGAGAT TCCAGGTGAA TATTTATGAA AAAGTCAACA 240
TTAGAAGTGA AAATGGAAAT AAAGTCTTG AAAAGACAAA 280
```

配列番号 : 1583

配列の長さ : 273

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01798

配列 :

```
GATCAGAATG GACTTCTNCC ACTGAGCATG ACANGCACTC GAAAGGCTAA ATCAACCAGA 60
AACATCGAAA CAAAAGCTCA GGTGTGCCCC CCGGCACGCT CCACANCTGG TGACCCGACA 120
GTTCTGGGCT CCTTGTTTCTG ACAGCTTGTC AGTNAAGAAG ACANCACGTC TGCACCTNCA 180
TTATTCAAAC TTGGCTGGCT CTCTAGTATG ACTACGNACA TGAACACAT CTGTCTCTCC 240
CTAAATAANT ACTACCACAT TATTNCTTCT AAA 273
```

配列番号 : 1584

配列の長さ : 270

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01799

配列 :

```
GATCCATATT TGTTTTGTGT TCTGCTTAAA TCAGCAAGAA TGATAAATTT GATGGTGTGA 60
AATTGGAAGT ATCAAGGGCT TTCTTTGGTG ATTGAGGGAA ATAATGTCTC TACTTGTAAT 120
TTATTGTGAC CCTTTTTCAC TGTATATGCT TTGTATGTCT AATATTTATT TCAATGCAAA 180
TTCAATTNNC CCTTCATCTG TATTGTTATA TCTAAGATTT TATTGATGTT AAAATCTAAT 240
TGTGGAATAA AAATCTCTCT GGAATTTAAA 270
```

配列番号 : 1585

配列の長さ : 270

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01800

配列 :

```
GATCTGCTTG ACAGTGATTA AATCCTTAGC TCACATCCAT TCCCATCTTT NGGGCTCCTT 60
AGGCCCAAGG ATGGCATGTG ACTGGTCCCT GCAAGGTCCT TTCTTTGTCA CCAGCCAAGG 120
CATTGATAAC CAAGTAGCCA TTTTCCTCTT AAGGTTTCCT CTACAACCCC AAGGACTTTC 180
ATGATTATCC TCAGGGACAG GATTGGAGGC ATTGAGCGTG TTTATTAACA AATTGTTTTT 240
GGTAATAAAA TAAATGCTTG GACTCTTAAA 270
```

配列番号 : 1586

配列の長さ : 269

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01801

配列 :

```
GATCTNGTAA ACTCTCTGTA TATCTTCCTA CCTTTCAAAA TCGTTCTTAG GGTTAGTCAA 60
GTCTGGAATA TAATTGCTGA CTATAAAGTT AGCAATTATG CTTTAAAGGT GTTGTCACAT 120
CAACCTAAAG AGAACCATCT ATGGAAGGTA TGGTTGAAAC ATCTGTAGGA ACACAGAACT 180
```

GGGATTTTCAC TGAGTTTACC ANNTCAACTG TGTGAACTGT TTCTGCACTG CTTGCTAATG 240  
GCTTCATCTA ATAAATGTTT ACTTATAAA 269

配列番号 : 1587

配列の長さ : 267

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01802

配列 :

GATCTAGGGA AGTCAACACA TAGTGTAATA TAATTACATG CCTAATGAAA AGAAGATGTC 60  
ATTTCTAAT TTTNATATCT CATTTTCGGC ATTTTTTAAA ATGTAAAAGG AAAACCTCTT 120  
GTGTTACAC AGATTGCTGA ATTGATTCTT CCATATTTGT TAATAATTTA CTATTATTTA 180  
CAAAGATTCA AATGCTTTTA TGAATAATGT AAAATGAAAA GAGGCTTACA TTTTAAATGT 240  
TATTAATAAT ATGTACTTAA ATCTAAA 267

配列番号 : 1588

配列の長さ : 288

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01803

配列 :

GATCGCTTTG AGGTCAATAT TAGTGAGCTG CCTGATGAGA TAGACATCTC CTCCTACATT 60  
GAACAGACAC GGTAAGAAGAC TCGCCCATTT TGGGAATGTGA CCGTCTNTCC TTCAGGNGAG 120  
GACACCAGGN TGGGGGTGAA GGAGACACTA CTGCCCCCAC CCCTGACAGC CCCCACCCCA 180  
TGGCTTNCAT CTTTTCATN ACCANCACTC CTGAACCCCN ATTTCTNATT TGTCAGAATT 240  
TTTTTNNTTA ACAAACACTAG AAATGNANCA CATGGGGTCT GTGGTAAA 288

配列番号 : 1589

配列の長さ : 266

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01804

配列 :

GATCTTGCCT GTTTCACAAT GTAACAAGAC TCTACCTGGG TCCCCTGGTG ATGAGTTTCA 60  
GCATAGAATA ATGTTCAAGG AAAAGAAAAC GAAAACAGTT TAAATCTCTA CCACAGCCTC 120  
ACAAGCAAAT GCTAAGGGGA ACATACATGT AAAANGCCAG CAAACTATCT TCAAACCTTT 180  
CCGTCCTTAA TGTCTTCCAT GGCTATTGCC CCCACAATGG TCTCTTTNNT CCCTGCTCCC 240  
TTATTAANGA ACTCTTTCTG AAGAAA 266

配列番号 : 1590

配列の長さ : 266

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01805

配列 :



GATCTATGAC TCCAACCGTA TGATTTTNTT GCCTCCCCAG TTTTCATCCC AGTGGTAACG 60  
 CCTGATTTTT GGTAGCTATG CCATCTTCTG CTGAGGATTA CCATTACTGG GTGTATCACC 120  
 CCACTACTTC CAAATNCCTC TCCTCTATTG ATTCAGTTGT TATTGCAGTG TCTGCTTCAT 180  
 CCGTGGAAGT TGAGGCTCAG ATGCCCCCTG CTCTGTAACC CTGGGGAATG TCAGAGGCAG 240  
 GTAATAAAGG TTGTTTAAAC AATAAA 266

配列番号 : 1591

配列の長さ : 265

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01806

配列 :

GATCAGGAGA CTTTGAATTN ATATATTTTA ATCCTNATTA AGCTTAAATA GGAAAGTTTC 60  
 TTCAACAGGA TTACAGTGTA GCTACCTACA TGCTGAAAAA TATAGCCTTT AAATCATTTT 120  
 NATATTATAA CTCTGTATAA TAGAGATAAG TCCATTTTTT AAAAATGTTT TCCCCAAACC 180  
 AAAAAACCCT ATACAAGTTG TTCTAGTAAC AATACATGAG ANAGATGTCT ATGTAGCTGA 240  
 AAATAAAATG ACGTCACAGG GCAAA 265

配列番号 : 1592

配列の長さ : 254

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01807

配列 :

GATCTGAGAG AAGCCCTGTC CTCCACTCAC CTCACCCGCC GCTGCCACCA TCTCCTCTGT 60  
 GCCAACTCCT TGTGGACCGC AAGAAAGCAT GACTTTGAAA AAGGGAAGCC ATTCCGAGAT 120  
 TTTAAATGT TCATGGACTA TTCCATATTA AAAGCTGTTT TTGTTGTACA AAATTCAGTG 180  
 ATGTTCAAGT CTATTTTATT TTGCCTTCAG AAAAGAAGAA AGTCAAAAAT AAAACTTTTG 240  
 TGTATTACAG CAAA 254

配列番号 : 1593

配列の長さ : 255

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01808

配列 :

GATCCTGGAG GATTTCCTAC CCCCCTCCTC TTCGAGNCCC CAGTCGTGAT GTGGAGGAAG 60  
 AGCCACCTGC AAGATGGACA CGAGCCACAA GCTGCACTGT GAACCTGGGC ACTCCGCGCC 120  
 GATGCCACCG GCCTGTGGGT CTCTGAAGGG ACCCCCCCCC AATCGGACTG CCAAATTCTC 180  
 CGGTTTGCCC CGGGATATAA TAGAAAATTA TTTNTATGAA TAATGNAAAT AAAACACACC 240  
 TNGTGGCATG GCAAA 255

配列番号 : 1594

配列の長さ : 282

配列の型 : 核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01809

配列：

```
GATCCATGAA GGAGGGCTGT GTGGAGAAGA TTGGGGACTG GCTGAGGAAA AATGTGCTGG 60
TGGTAGCTGC AGCAGCCCTN GNGAATTNCT TTTGTCGAGG TTTTGGGAAT TGTCTTTNCC 120
TGCTGCCTCG TGAAGAGTAT CAGAAGTGGC TACGAGGTGA TGTAGGGGTC TNGGCTCCTC 180
AGCCTNCTCA TCTGGGGGAG TGGAATAGTA TCCTCCAGGT TTTTCAATTA AACGGATTAT 240
TTTTTCAGNC CGAAAAGNGA TGGTCTGAGT TTNTCTTAGA AA 282
```

配列番号：1595

配列の長さ：256

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01810

配列：

```
GATCAAATAA ACCAGTGTAG GATATTAAGA CTATCAATTG GTGGGATTAG GCTTGACATT 60
TTATTTTTAT AAATATATAT TTNTCCTGAA TGTGTCTGAG TCCAAGAGTG GGCAAAAAAT 120
AATTTNCTAC TTTGGACTAA TCTATAGAGG TTTTGAAAG TCTGCATTAC TAACTTGTTG 180
AATTCATGAT ATTCTGCCTA TGGCACAAAT TGTAACCTT TGTTTTNCTA AAATAANGTA 240
ATTGAAAACC TGNAAA 256
```

配列番号：1596

配列の長さ：204

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01811

配列：

```
GATCTGCGCT TCCAGAGCGC ACTAATNCGG TGCTTTGCAG GAGGCAAGTG AGGCCTATCT 60
GGTTGGCCTT TTTGAAGACA CCAACCTGTG TGCTATCCAT GCCAAACGTG TAACAATTAT 120
GCCAAAAGAC ATCCAGCTAG CACGCCGCAT ACGTGGAGAA CGTGCTTAAG AATCCACTAT 180
GATGGGAAAC ATTCATTCT CAAA 204
```

配列番号：1597

配列の長さ：246

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01812

配列：

```
GATCATTATT ATATATAGGT ATTGATTGCT ACCCTGACCA CAGTGCTTTG GACTATGAGA 60
AACTTCTTAG ATTTTNATAT GTAAATNCTG TGGACCACTG GGAGCACAAT GCCCATCA 120
TCTTAAGNNG AGTTTATGTG CAGCATTTAA ATCACTGTGT TTTCTTGTT AACTAAAACA 180
GACATGGGCT TTGATTTTTT TCATACTATT AGACCATATC TCATAAAACC TTTGAATTA 240
ATGAAA 246
```

配列番号：1598

配列の長さ：285

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01813

配列：

```
GATCACGCAC ACACAATAAG TCTTCTCTC CGAAACCGGA AGTAAATCTA TATCTGTTAG 60
AAATAATGTA GCCAAAAGAA TGTAATTTG AGGATTTTT TGCCAATAGT TTATAGAAAA 120
TATATGANCC AAAGTGATT GAGTTTGTA AAATGTAAAA TAGTATGANC AAAATTTGCA 180
CTCTACCAGA TTTGAACATC TAGTGAGGT CACATTCATA CTAAGTTTTC AACATTGTGT 240
TCTTTTGTGCA TTCATTTTTT ACTTTTATTA ANGGNTCAAA CCCGN 285
```

配列番号：1599

配列の長さ：241

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01814

配列：

```
GATCTAACTA TGTTTCCCC CTTTCAAGAA TAGAACTATT GGGGTGAGGA TAAGGGGTGG 60
GGGAGAAAA ATCACTGTTT GTTTTAAAA AGCAATCTT TCTGTAAACA GAATAAAAGT 120
NCCTCTCCCT TCCCTTCCCT CACCCCTGAC ATGTACCCCT TTNCCCTTC TGGCTGTTCC 180
CCTGCTCTGT TGCCTCTCTA AGGTAACATT TATAGAAGAN NTGGAATGAA TCTCCANGAA 240
A 241
```

配列番号：1600

配列の長さ：239

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01815

配列：

```
GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGATG TGGAAGCGTT TGCCAAAGCC 60
ATGCAGACA ACGCCAAGCC CGAGCAGAAA GAGGGCGACA CGAAGGACAA GAAGGACGAA 120
GAGGAGGACA TGAGCCTGGA CTGAGCCACG CGCCGTCCTC CGAGGAACTG GCGGCTTGCA 180
GTGCGTTGCA CACCCTCACC TCCCACCCAC TGATTATTAA TAAAGTCTTT TCTTTTAAA 239
```

配列番号：1601

配列の長さ：236

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01816

配列：

```
GATCCAAAGT AATATGTAGG TTCAATATTT TGTAGGTTTT ATAATCAAAT GTCTCCCTAA 60
AGAGATGACA TAGGGAAGAA AAGCCTAATG TATCATCTTA ATGGATTGAG TTTTATTAT 120
GCACAAATAA CTGGGCTTGT AACCTAGGAA TATGATTAGA GCGTGATGCT GGCTTAAAAA 180
ATAGGACTNG TGAATCACAG TTTGTNNNTA ATAACTACT GGTGGAAAT ATTAAA 236
```

配列番号：1602

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01817

配列：

```
GATCTCCCCG CCGCAGCCTC CTCAGAAGAC ATCGAGCGGT CCTGAGAGCC TCCTGGGCAC 60
GTTTGTCTGT GTGCTGTAAC CTGAAGTCAA ACCTTAAGAT AATGGATAAT CTTGGGCCAA 120
TTTATGCAGA GTCAGCCATT CCTGTTCTCT TTGCCTTGAT GTTGTGTTGT TATCATTTAA 180
GATTTTTTTT TTTTGGNAAT NATTTTGAGT GGCAAANTAA NGATTAGCAN TTAATA 235
```

配列番号：1603

配列の長さ：324

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01818

配列：

```
GATCTGCCCA GGTGCGCCAG ACTTCCTAGC ACACGTGCGC GGGAGCAGCT GCTTTGAGTG 60
CACACACTAC CAATCGTTCC TGAATACAG GGAGGTGGTG GACGGCCTGG AGAAGGCCAT 120
CTACAAGGGC CCAGGCAGCG AAGAGGGCCC TGAATGCCCC CCGGGCCCCC CCTCTCGGGC 180
TCTCTACCC AGCCTGGTAC TGAAGGTGCC AGACGTGNTC CTGCTGACCT TCTGCGGCTC 240
CGGGCTGTGT CCTAAATGCA AAGCACACCT CGGCCGAGGN CTGCGNCCTG ACANGGNNAC 300
CTCTCTGAAC TGCAACACTT GGAN 324
```

配列番号：1604

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01819

配列：

```
GATCAAAAAG CAAGCAGAAA TGAATCCACA TTCTAGTCCT TTATGCAGTA TACAAGGAGA 60
ACTGTCCTGT AGGATATTCT CTTCTGATG GTGCAGAACC CAGAATTAGA AGTTTGTGGT 120
TACAGCATAC TCTGTCTTTC AGAAAGGCGT GATTCTAGCT GTTGACCCCT TGCAGCTGTT 180
GGAATCTCTG CAAGAACCTC TGTATTCTTC TAATAAATTC CCTCTTTTAT TTAATA 235
```

配列番号：1605

配列の長さ：235

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01820

配列：

```
GATCCCAACA ATGAAGCCAT TCGAAATGCT ATGGGCTCCC TGGCCTCCNA GGCCACCAAG 60
GACGGCAAGA AGGACAAGAA GGAGGAAGAC AAGAAGTGAG ACTGGAGGGA AAGGGTAGCT 120
GAGTCTGCTT AGGGGACTGC ATGGNAAGCA CGGAATATAG GGTTAGATGT GTGTNATCTG 180
TAACCATTAC AGCCTAAATA AAGCTTGGCA ACTTTTTTCC CTTTTTTGCT TCAAAA 235
```

配列番号：1606

配列の長さ：234

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01821

配列：

```
GATCAAAAAG AGAGTGGTTG TGAACCTGT TGGCCCAGTT GGTTC AAGC CAGAGACATT 60
CAGAAAGTTT TTAGCTCTAT ATTTGCATGG TGCTGCGTGA NGGAGGACCC CTCTGAATCC 120
TGAAACCCCT CTTGCCTCTC TTCCACGGAA GAGGGCCTGG GCCCCGTGGA GCCTCAGTGC 180
CCGTTTGGCC TGCTGCTCTC GCTGACAATA AAGAGCCCTT GCGTTGCACT GAAA 234
```

配列番号：1607

配列の長さ：234

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01822

配列：

```
GATCTGGAAC CTCAGCCTGG CCAGACACAG GCCCTCCCTG TTCCCAGAG AAAGGGGAGC 60
CCACTGTCCT GGGCCTGCAG AATTTGGGTT CTGCCTGCCA GCTGCACTGA TGCTGCCCCCT 120
CATCTCTCTG CCCAACCCTT CCCTCACCTT GGCACCAGAC ACCCAGGACT TATTTAAACT 180
CTGTTGCAAG TGCAATAAAT CTGACCCAGT GCCCCCACTG ACCAGAACTA GAAA 234
```

配列番号：1608

配列の長さ：356

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01823

配列：

```
GATCACATAA AACAGATTTG CATAAAATTA CCATGATTGC TTTATGTTTA TATTTAACTT 60
GTATTTTTGT ACAAACAAGA TTGTGTAAGA TATATTTGAA GTTTCAGTGA TTAAACAGTC 120
TTTCCAACCT TTCATGATT TNATGAGCAC AGACTTTCAA GAAAATACTT GAAAATAAAT 180
TACATTGCCT TTTGTCCATT AATCAGCAAA TAAACATGG CCTTAACAAA GTTGTGTTGTG 240
TTATTGTACA ATTTGAAAAT TATGTCGGGA CATACCCTAT AGAATTACTA ACCTTACTGC 300
CCCTTGTAGA ATATGTATTA ATCATTCTAC ATTAAAGAAA ATAATGGGTT CTTAAA 356
```

配列番号：1609

配列の長さ：230

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01824

配列：

```
GATCACCTAT GCCAAGAAAT AACATTTGGG ATAGTCGTCT TTAAAAGACT TGGTGTTATT 60
TACAGTGTTT GTTTTGATAA CATTTGGCTG GGTCAATTTA ATAGTTAGAG ATGAGGAGGA 120
GTAAAAGTGA AATTTTTGTG AAGGACTTAA ATTATCCAGT GTTCTTTAG CCTTGGTGAA 180
```

CTATGAAATA CGAAGNCCTT AATTTTGTAC AATAAACTTT TATTTGTAAA

230

配列番号 : 1610

配列の長さ : 227

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01825

配列 :

GATCTGTTGA ATATTTGCTA AAGACCAGTT CTTAAGCTA AGACATGTAA AAAATCCCAA 60  
ATGGCAGTAC CTCATTGTTT ACTTAGCTTT TGTACTTATA TTTTCAGAG GAAAAACAC 120  
TACTGTAAAT TGTGAATAGC CAATACATAA CTGTATTGTA TGCAAATCTG TGATTGTTGG 180  
CAGTGTCA TC TGAGAAAC AGATAAATAA AGTTTATTTA CTATAAA 227

配列番号 : 1611

配列の長さ : 234

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01826

配列 :

GATCTAGCCA AGGCTGGTCT GCAGTATCAG ATGTCCAAAC TCATCTACTA TTAGCCATAT 60  
TTTGTGAGTC GTTGTCTAA ACTTTGTCAA AAATGCCTTT GCCATGATTT TGTGCTATC 120  
TGGATTTCAA ACATGGACAG TTAGGAAGAT GTGCATTGAA GTAGGAAAAT TTTGTTTCAA 180  
TTTGTCTGTTA TTTATTTTTT AAATTAAAAA TGGAAATGTA TTTTAAAGTT TAAA 234

配列番号 : 1612

配列の長さ : 226

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01827

配列 :

GATCTGTTGG GTTCTCTATT AATTTATTTT ATACATTATA GATTCTGGGT TGATAAATTC 60  
TGCTCAATTT GAAAAATTTT ATATTTTGTG TCAAACTCTGT TACAATTTAT ATTGGTGGGN 120  
GCAAAAGTAA TTGCGGTTTT TGCCGTAGAC AGTAATGGCA AAAACTGACA ATTGCTTTTG 180  
CACCACCCTA ATAATATTAA NTATAATCAT GACTTTAAAC ATCAAA 226

配列番号 : 1613

配列の長さ : 224

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01828

配列 :

GATCGGGAAC TGGCTCCGTT GTGCTGAGGT CATCTTTGGT CATCAGCCTC CAGCATNTGG 60  
AAACACCTCC AACGCAATGT GGCTTTTACA TTTCTTTCTT TCTTTCTTTT TTTTCTCTGG 120  
TACTGGGAAT ACACAACACC AGCTGTTTAA TTATTATTTG GGGAGGGGGT TGTGATTTTA 180  
TTATTNGTTT TTTTAAAAATG AAAAATAAAA NGTTATATAT TAAA 224

配列番号 : 1614

配列の長さ : 222

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01829

配列 :

```
GATCAGCAGA TACATGTCAG TGCAGAGGTT CTCTGCCCTC CAGAAGCCCT CGTCTGGGAA 60
TTCGAGAGAG GAGGAGGACC CAGGGCCAAA GGAATCCTCA AACTTCCCTC CAAGGGAGAT 120
ATTGTAAGGG GAAAACAAAG TGTATTATTC CCCAAAACAA CCCAGCTTCA CCCCATGTCC 180
CTTCTACACG CTTACTCACT GAGGGTGAGT GGGAACGNTA AA 222
```

配列番号 : 1615

配列の長さ : 222

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01830

配列 :

```
GATCAGAATA TGTATGCAGT TCTTTCTTTA ACCCTTTTTT CTCCTATGTA CTGTGAACAT 60
TTAAAAAGTA CTTTAAATA TTCTTTGGAA ACTTAGCTTT TAGTAACTAC TTGGTTGTAT 120
CATAATTNAT TAACTANTGN NTTATTGGTA AACATTGGCT TGCCTCCCAT GACTTGCCAT 180
TATAATTAAA ACTGTGACTA CTATCTGTCT CCATTNCATA AA 222
```

配列番号 : 1616

配列の長さ : 219

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01831

配列 :

```
GATCCCNTTC CCACCCTCTC TGTGGCCTC AGAGTCACTC CTGCCCCCTC TCCCTGACTT 60
GGTGCTCACA TGCACCTCAC TAGGGTTTGT GACCAGGGTC TGGATGAGCT TGAATTTGAA 120
TGAATTGAGT TTGTATTNT AGAACCTGG GTTTTACAT GTTTGGTCTT TTTTNGTTTT 180
GGTTTGTAC CNTCGATAAA GGAAGTATAT TCATCCAAA 219
```

配列番号 : 1617

配列の長さ : 220

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01832

配列 :

```
GATCGCGGCG GANTNGGCC CGCCGCCTGG TACTCAAGCC CGCGGGGACA TTGGGAAGGG 60
GACCCCGGCC CCCTGCCCTC CCCTCTCTGC ACCGTACTGT GGGAAAGAAA CACGCACCTA 120
GTCTCTAAAG AGTTTATTTT AAGACGTGTT TGTGTTTGTN TGTGTTTGTN CTTTNNATTG 180
AATCTATTTA AGTAAAAAAA AAAATTGGTT CTTTATTAAA 220
```

配列番号：1618

配列の長さ：216

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01833

配列：

```
GATCANGGCA CTTCAACTCA TTTGGAAAAT NTGAACACTG ATGACATGGT ATAGGAGTGG 60
GNNGGGTGTG GAGCCACCCA TCANACCCTC TTTAGCTGTG CAAGATAAAA GCAGCCTGGG 120
TCACCCAGGG CCACAAGGCC ATGGTTAATT NTTANCGGCA AGGCAAATCC ATNGTTGNGA 180
AGTGCANTGG GCATAGTAAA NGTGCATGAT TTTAAN 216
```

配列番号：1619

配列の長さ：214

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01834

配列：

```
GATCATAGAA AATAAATAGA AGAGACAGTG AAGCAAGTAA AAAGAAAAGC ATTGTTTTAA 60
TTTGTGTTGCA TTAATTTTTT TCATTTGTCA AAATGCTTCT TTTGTTGCCA CAGTAAAGAA 120
CAGTTTTTAT TGTTTTGTAA GTAAAATTAC GTAGCTGATT TTGTATGTAA AGATTAATTT 180
CCATAATAAA AATTATTGTA TGTTTACTGT GAAA 214
```

配列番号：1620

配列の長さ：214

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01835

配列：

```
GATCAGAGTG GCCACAGAC ATTGCTTTCT TATCACCTAT CATGTGAATT CTACCTGTAT 60
TCCTGGGCTG GACCACTTGA TAACTTCCAG TGTCCTGGCA GCTTTTGGAA TNACAGCAGT 120
GGTATGGGGT TTATNATGCT ATAAAACAAT GTCTGAAAAG TTGCCTAGAA TATATTTTGT 180
TACAAACTTG AAATAAACCA AATTTGATGT TAAA 214
```

配列番号：1621

配列の長さ：211

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01836

配列：

```
GATCTGTGTC ATAAGTGA CTGGATGCAT CAGTGTCCAC CAGTTGGAAG CAATGACAAG 60
GATGGCTGGC TGGTGTGTTT CAGCCTCCG GTTTATAGAC TGTATTTATC TAGTGGATTC 120
CTGCAGGCCC CATACTGAGC CTGGACTGAA AGTATCCACT CGGACCATCT GTTATCTCTC 180
TACACTGAAA ATAAAACCTC TTCCACCCAA A 211
```

配列番号：1622



配列の長さ：211

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01837

配列：

```
GATCTGAGAT GGAAGAGTTT CATCCCCAAA CCATCTCCCC CTGACCCCCA GTCCATGGAA 60
AAATTGTCTT CCACAAAACC GGTCCCTGGT GCCAAAAAGG TTGGGGAAGT GCTGGTCGGT 120
ACAAAAGTAA TTGTGGTTTT TGCACNGTTG GAATTTGTCA TNTGATATTG GAATACATTC 180
TTAAATAAAT GTGGTTATGT TATACATCAA A 211
```

配列番号：1623

配列の長さ：212

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01838

配列：

```
GATCAGCGAG GTTCTCCAGG ACCTTAGGTT TGATGCGGAA TCTGCCGAGT GATGGCGGCT 60
CCCCAGGGAT GCCGCCGAGG GAGATGGGAA ACGGGGCGGA TGGCGCCAG CCCAGCCCTA 120
ACTGCCAGCT GGCTGGGGTC GCGCCCCACT GCGCTGCTGA CCTCCTGCA GTTCCAGACA 180
CCTCCACAA TAAAGAGCTC CTCCTCTGTA AA 212
```

配列番号：1624

配列の長さ：208

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01839

配列：

```
GATCTATGAC AATGTATAGT CAATAAATGA TAGCAATTAT TTTAATTAT CAAAATAAAT 60
TGTTAGAGAT TCAAGTTAGC ATACAAAATG GAAATACATT GACAATCTAA AACTATACT 120
AAACATAAA CTCAAGACTT TATTCCTCTT CCTGTTCTAT CAAAATTGTG CCAAGTAAAA 180
AANTAAAANT TGTTCTTTT ATTTCAA 208
```

配列番号：1625

配列の長さ：210

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01840

配列：

```
GATCTAGATG GCAGATAGGA ACTTNTTGT CACAAAATA CTGGAGGAAA ATNTTGTA 60
AATAGACTTT TGGACACACA GCTGTTGGGG CTGCACTGAG CTGCAATTTT TAACATGGAT 120
TTATAACTTA ATGTTTCTGT TTATAAATA CTAATGATT GCAATGTATT TTAAGGCCA 180
ATTAACACAG ATGTTTATT CTTTCTGAAA 210
```

配列番号：1626

配列の長さ：208

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01841

配列：

```
GATCCAGGAT TCTGGGAGGC TTCAGTTACC GCTGGCCGAG CTGAAGAACT GGGTATGAGG 60
CTGGGNCGGG GCTGGAGGTG GCGCCCCCTG GTGGGACAAC AAAGAGGACA CCATTTTTC 120
AGAGCTGCAG AGAGCACCTG GTGGGGAGGA AGAAGTGTA CTCACCAGCC TCTGCTCTTA 180
TCTTTGTAAT AAATGTTAAA GCCAGAAA 208
```

配列番号：1627

配列の長さ：203

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01842

配列：

```
GATCTCACAG CCACGAATTT AGAACTTCCT CCTATAGCAT TTTCTATCTT TTTTATGGCA 60
TTTATTTTAT TCTATCTTGT TATGATTACA TAATCTGTTT AATCCCAAT TATATATTGT 120
AAATACCTTG AAGGAAAGGA GTCTTTATTA TCTTTGGTGC CTGGTGTITA GTTTTAATAT 180
TTTATTAAAT ACATCCAAGG AAA 203
```

配列番号：1628

配列の長さ：203

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01843

配列：

```
GATCCACTGT TCAATCTGCA CAAGATTNGG GNNCCAGACA TGGGAGACTT CAGCTGCCTC 60
AGAGGACCGT GGACAGGGAA GGCAGCCTCG CATCCCTCTG TCCATGCCTG GNNTGACTTT 120
AATAACCAAG AGTTTTATTT TTGAATTTGT AGCTGTCGTT CACTTTTTAC CCACCCATTC 180
AATAAACCTT ACAGAATTGC AAA 203
```

配列番号：1629

配列の長さ：201

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01844

配列：

```
GATCCAAGTA ACAGTGACTG CAGTTAGGGT CGAGAGCTTC TCCGAAGCAG CGGTCATGCA 60
GGCTTTTGTG TGGCTGACGC TTCCCTTTT CACAACAGTA AAAAGCTATC AATGGGAAAT 120
TGTGGACTTT TCCCACCAGG GACTCAATGG GGAATCAATG TGCAATATTC AGTCAACATA 180
AAACTCTTTA AGAACTCCAA A 201
```

配列番号：1630

配列の長さ：201

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01845

配列：

```
GATCACAGAC CACGAGTGCC TTTCCCGGAC CTGGACGTTG CCTCCAGAGC AGGCACCANC 60
TCTTTCCCTC TCTAGACAGA AATATTTTTG TAAGGTTCTG GGGCAGGGAG GGAGCATGAA 120
GTACGAGGAA AACTGAATT CCAGATTTN AATGCAAAGT ATTTATCATT TCTACCAGAA 180
ATAAACGTTT TAAGTTTAA A 201
```

配列番号：1631

配列の長さ：217

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01846

配列：

```
GATCTTGAGG TCACTTCGTT TAGGTCATTN TCTCAACCCA ACCTCCCCAA ACTCTGGTTT 60
GAGCCAATAT GTGTTCTATT GTTCTCAGAG CACCAGCCGA CTGTACAACA ATTGTTATAA 120
AAATGTTTAT TGTTTACAA AACCAGTGGA CCTCTTATCA AATGCTGCTT GGTAACAAAA 180
TCTATCACAG TTTTAATAAA AAGAAAAAAA AAGGAAA 217
```

配列番号：1632

配列の長さ：200

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01847

配列：

```
GATCTGTTTT NNTTAAACAC TAACAGAATA ATTCTTTATA AATAGGTAAG CCTTACACTT 60
GTAAAGAAA TTTACCTCTA ATTCAGTCT CACTAATGTA AAATACTGGG ACTTAAGTAT 120
ACAATTCAGT CACTAACTGT ACAGTTTAT GTGGGGAACA ATTCATGCAG GCTACTGGAA 180
AATTAAATCT TATTACCAAA 200
```

配列番号：1633

配列の長さ：200

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01848

配列：

```
GATCCNGGGC ATTNCTCTG GGGAGACAGG CCTGAGGCCA GCTCGGNAGC CAAGCAGATT 60
CCAAACCACT ACAACCCTTG CCAAACACAG CCCACTCCAT TTANACCGC CTCCTGAGG 120
AGAAAATGCA GACTCAGGGT TCCAGTAACC AGTGATGGAT TCACCCCATC TCCCAAATAA 180
TGGTTTACTT GTTTACAAA 200
```

配列番号：1634

配列の長さ：333

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01849

配列：

```
GATCTTCTAA GAATTTTGCA AAATTCTAAA CAAATATAGA GATGGTATAT AGAATTCATA 60
TCTAGAAAAC TTTGATTTTA ATGTGAGCTT ATCAAATTTG TNCTGGCTTT TTTGGCACTA 120
AGGCAAAAAC ATGTTAACCA GAAATAATTT ATTCTTCATG TATGTAAAAT ATTTGAGAAT 180
GTTTAGCCTT TTATTAGAAT TTTATTTGGA AAATATTTAT CTTTCTACAC ATTTTACACT 240
TATGTNCCTT TGCTTATAAC CCAATTTCTT AACTTTTTTG TTAAGTAAAGC AAATATCAAT 300
NATGTTTTAT TATCTAATAA AGTGTAAGAT TCN 333
```

配列番号：1635

配列の長さ：199

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01850

配列：

```
GATCGAATGG CTTTTGCGAG CTAAGTACTA TGTGTAGACA GGTTTTATAT TATAAAGTAT 60
GCATTCTTAT CACCTAGTAT ATAGTTAGTT TGTAGAGTGA TTTCCCCCA GTTCTTGAA 120
CATGGTATCT TCACATCTTG GACCTTGGTC AGTTGTGCTA TTCATTATTA AACACTAAAA 180
CTTTGGCGGT TCTTGCAAA 199
```

配列番号：1636

配列の長さ：196

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01851

配列：

```
GATCTGGATG TTGAAAAGAG TCTGGCACCT CCTCCNTCTC TCTTGCTCAC ACTCTCACCA 60
CGTGATATGC TGCCTCCTCC TGTGCCTTCC ACCATGAGTA NAAGCTTCCT TANNCTCTTN 120
TNAGAAGCAG ATGCTGGCAG CATGATTCTT GTACAGTCTG CAGAACAGTG AGCCAAATAA 180
ACCTCTTTTC TCTAAA 196
```

配列番号：1637

配列の長さ：196

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01852

配列：

```
GATCCAAGTA TTTCTNCATC AAGCAGTTTT TAAAAGGAAA ACGATAATAA TCAGTAGGCT 60
CCATGGAAGC CTTTNCCTTA ATAGCTATGT GCCAAATACT TTNATCTNGT GTGACAGTCA 120
TGTCAGAGTG AAATCTCTCA GGAAAAGTGT AACTAGTAGT TACAAAGTAA ATAAAGGATT 180
TCATTTTAAG GTGAAA 196
```

配列番号：1638

配列の長さ：195

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01853

配列：

```
GATCCTCCTG CAGGGCTAGG CGGATTGTTT TGGATTTCCT TTTGTTTTTC CTTTATAGTTT 60
TCCATCTTTT CCCTCCCTGG TGCTCATTGG AATCTGAGTA GAGTCTGGGG GAGGGTCCCC 120
ACCTTCCTGT ACCTCCTCCC CACAGCTTGC TTTTGTGTA CCGTCTTCA ATAAAAAGAA 180
GCTGTTTGGT CTAAA 195
```

配列番号：1639

配列の長さ：194

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01854

配列：

```
GATCTTAGCT TTGATAAATG ACTGANGCTG GAGAAGCCGT GGTGAAGTC AGCCTACACT 60
ACAGTGCACA GTTGAGGAGC CAGAGACTTC TTAAATCATC CTTAGAACCG TGACCATAGC 120
AGTATATATT TCCCTCTTGG AACAAAAAAC TATTTTCCT GTATTTTAC CATATAAAGT 180
ATTAAAAAAA CAAA 194
```

配列番号：1640

配列の長さ：268

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01855

配列：

```
GATCTGAGTA ATTAGCAGGT ATGATGCTGG GACTGGAAAA TAGAAAGTAA TAACTAAAGG 60
GTAAATGTGC AACGTTATTT TTTGGCCTTG TTCATAATTT TATGTTTTCA GTGGCNTGTG 120
TACATATAGA ATTGTTAAAG TTGTCATTTT CAATATTTAT ATTAGAAAAA TTATTTAGAT 180
ACTTTATAAT TTAAACCGGC ATTTTAAATA ATGACACTTG CATTTATTGT ATTGTAATAA 240
ATTTCACTTT TAACTTTAAA AGTTTAAA 268
```

配列番号：1641

配列の長さ：193

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01856

配列：

```
GATCTCTGCT CAGAGAAGTG CAGGGGGAGC CTTCCAGCTC ACTCTCCCTG AGGACTGGCT 60
TGACAGGGGC TATGGGTTTG CTTTGGTGTG GTTTTIAAAA AAAGAAAATA TATTTTTTTG 120
AAAAAACGAC TGCCCATCCC GGGTCCTTTC CCTGATGGGT TGGGGCAGTT ACCTGGTTGC 180
TGTTTTAATT AAA 193
```

配列番号：1642

配列の長さ：193

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01857

配列：

```
GATCACATCA CTCCACCCCT GCCAGGCCCC AGGTTAGGAA TAGTGGTGGG AGGAAGGGGA 60
AAGGGCTGGG CCTCACCGCT CCCAGCAACT GAAAGGACAA CACTATCTGG AGCCACCCAC 120
TGAAAGGGCT GCAGGCATGG GCTGTACCCA AGCTGATTTC TCATCTGGTC AATAAAGCTG 180
TTTAGACCAG AAA 193
```

配列番号：1643

配列の長さ：193

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01858

配列：

```
GATCCTTAGT ACAACATGTG AAAGAAGATA TGTGTCTTT ACTCACAGTG GAGGCATTTT 60
TCTAGCTGTG TTTGATTTGG CTTCCCTATA GATTCAGGAC CCATAACTCT TGTTCTCACT 120
CATCTGCTAT GCTGCTGATA AGGACTTTCA GGTCAACAGC TGTAAGTCT AAATGAAGTT 180
AATACTCTGG AAA 193
```

配列番号：1644

配列の長さ：192

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01859

配列：

```
GATCTAGGCA AACCTTTATA AAGTTGCAGT ACCTAATCTG TTATCCCAC TTCTCTGTTA 60
TTTTTGTGTG TCTTTTTTAA TATATAATAT ATATCAAGAT TTTCAAATTA TTTAGAAGCA 120
GATTTNCCTG TAGAAAAACT AATTTTNCCTG CCTTTTACCA AAAATAAACT CTTGGGGGAA 180
GAAAAAGTGGA AA 192
```

配列番号：1645

配列の長さ：188

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01860

配列：

```
GATCTGTCTG TTGCTTGTTT AATATATTTT TTTTATGACA TTACTTAAAG TTTAAAAGGG 60
TTTTNTATCC ACTGTCAATT TCAATTGGAT AACATTTTGT CAAGNTTTTT TTTTCTGAT 120
TATTTGATGC TAGCTGGAAT TCAAGAAATG GCATTGACCT TATTCAAATA AAGAAATATT 180
TTAGTAAA 188
```

配列番号：1646

配列の長さ：190

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01861

配列：

GATCAAAAAC TAATTTGGGA TATGTATGGG TAGGGTAAAT CAGTAAGAGG TGTTATTTGG 60  
AACCTTGTTT TGGACAGTTT ACCAGTTGCC TTTTATCCCA AAGTTGTTGT AACCTGCTGT 120  
GATACGATGC TTCAAGAGAA AATGCGGTTA TAAAAATGG TTCAGAATTA AACTTTTAAT 180  
TCATTGAAA 190

配列番号：1647

配列の長さ：183

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01862

配列：

GATCAGTTGG GTGCTATGTG CTCAGCTTTC CTAAGTGCAGC TTCATTTAAT GCAGAGTGGT 60  
GTTTGAATTT GGCTTAGATG GGCTGGCAGG CATGATTTTA AAAAATGTAA TCATCAGTAA 120  
GAAGTACTTC CATGTTAAAG ATGCAAAAAA AAAAGTCTTC ATTAAATTN CTATTTAANG 180  
AAA 183

配列番号：1648

配列の長さ：361

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01863

配列：

GATCCAAACA AATACACATT CTGTNTTTTA GCTCAGTGTT TTCTAAAAAA AGAAACTGCC 60  
ACACAGCAAA AAATTGTTTA CTTTGTGGGA CAAACCAAT CAGTTCTCAA AAAATNACCG 120  
GTGCTTATAA AAAGTTATAA ATATCGAGTA GCTCTAAAC AAACCACCTG ACCAAGAGGG 180  
AAGTGAGCTT GTGCTTAGTA TTTACATTGG ATGCCAGTTT TGTAATCACT GACTTATGTG 240  
CAAACTGGTG CAGAAATTCT ATAACTCTT TGCTGTTTTT GATACCTGCT TTTNGTTTCA 300  
TTTTGTTTTG TTTGTAAAA ATGGTAAANC TTCAGAAAAT AAAATGTCAG TGTGNNNTAA 360  
A 361

配列番号：1649

配列の長さ：183

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01864

配列：

GATCAGGACC TGGGGGCCTA CAGTTCTGCC AGGAAGTGCC TGGCCAAACA GAGGCAGAGG 60  
ATGCTGCAAG AGAGAAAAGC TGCAAAANAG GCCGCCGCTG CCACCTCCTG AGGCAGNTGT 120  
GGGTGCCCT GCTGTGTGGC TCTGTATGAC TGTGCTGAA ATATAAGCC CTGCAACCTG 180  
AAA 183

配列番号：1650

配列の長さ：178

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01865

配列：

```
GATCTCAGCA CAAGCAGGGG AGCAGCTGGG GGAACACAGC TTTATGTAAT TACCTCTGTT 60
CAATATTTAG CAAGTTGCAT TGTAACATTG TAACTGTTT TTTCTCCTTG GATGATGAGC 120
TACCCCAAG AAGGGGTCAT ATCAGATTGG GTCTCATTAA AATGTCTGAT GAATGAAA 178
```

配列番号：1651

配列の長さ：178

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01866

配列：

```
GATCTATGGC TTAAAAATT TGTTTCTGTG ACAATNTTTG TAAATCTAGC CAATAGAGTC 60
ATTTACAGAA GAAAAATNAG CATGTAATAA TACAAGAACT GTTCCCCCT CAAAACCTGA 120
ACCTGAATTA TTTGTAAAA CTGAAATTA ATGATTAAAG AGAAGCCAGA ATTGTAAA 178
```

配列番号：1652

配列の長さ：189

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01867

配列：

```
GATCTGGAGC TAATAATGAC TGAGATGGAG ATATCTCGAG CAGCAGCAGA ACGCAGTTTG 60
CGGGAACACA TGGGCAACGT GGTAGAGGCG CTTATTGCCC TAACCAACTG ATGCGTGCTT 120
TCTCAAATAT ACCTACTGGA TTAATTTATG GCAATAAAAT TTTTTTTGT CTTTTTCAGT 180
TTTATCAAA 189
```

配列番号：1653

配列の長さ：174

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01868

配列：

```
GATCTCTGCT CTGCCCTCTC CCAGATTGGT GGGGAGGGAG GCGGGGAGGT AGATATAGGC 60
CTGTCCTTTT TAGCAATGTG ATTCTTGTG TTGATTCTCT CTCTGGAGTT CATGTGCTGC 120
CTCANNNGAC TCTGATTTTA TATTTNAGAA AAATAAAGGC GTTCAATCTG CAAA 174
```

配列番号：1654

配列の長さ：173

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01869

配列：



GATCAGGCTC ATCTCATCTG CACCAACTGC TCTACCTGTT AGATGGAGAC CTTGCNTCAT 60  
 GAATTTCTCG AAATGCTCCT GGAACCTATT TATATGCCTC AAAATCCTCT AAACCTATTT 120  
 ATAGTAACCC ATAGTTTAA TTTTATAAAT AAACGTATTT ATTAAATCTT AAA 173

配列番号：1655

配列の長さ：172

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01870

配列：

GATCTCTAAT TTAAAGAAAC AGTTTTTATA TACCTAGAAT GAAGATTCTG TTAAAGCGG 60  
 TTTTGGTTAA CTTGGTTCTT GACATTGCG TAAATNTTN TTGGATTGGG ACTAAAATGT 120  
 NCTATTAGCC AATGAATAAC GTCCAAGTAA ATTTNTGTTT TATTTTGGGA AA 172

配列番号：1656

配列の長さ：171

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01871

配列：

GATCTCAAAG GAGTCTGAAA TATCATATTT CTGTGTGTGT CTCTCTCAGC CCCTGCCCAG 60  
 GCTAGAGGGA AACAGCTACT GATAATCGAA AACTGCTGTT TGTGGCAGGA ACCCCTGGCT 120  
 GTGCAAATAA ATGGGGCTGA GGGCCCTGTG TGATATTGAA AGGTAAGAA A 171

配列番号：1657

配列の長さ：171

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01872

配列：

GATCGNCATT ATCCCCAGNA AAAAGCTCCG CAACAAGATA GCAGNTAATG TCACGCATCT 60  
 GATGAAGCGA ATTCAGAGAG GCCCAGTAAG AGGTATCTCC ATCAAGCTGA NCGAGGAGGA 120  
 GAGAGAAAGG AGAGACAATT ATGTTCTGA GGTCTCAGCC TTGGNNCCNN N 171

配列番号：1658

配列の長さ：171

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01873

配列：

GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCNNCTGG TAGCTGACCC TCGTCGNTGC 60  
 GAGTCCAAAA AGTTNGGAGT CCTGTGCCCC AGTTCGTACC AGAATCCACC GTAAGCCATC 120  
 GGNCTAAAAC TTA CTTNATA ATAACAGTTT TGAGGGATT AAAAGTTCAA A 171

配列番号：1659

配列の長さ : 170

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01874

配列 :

```
GATCAAAAAT CCAAGGAGAA TGGTGCCAGT GTATGATAAA ATCCATGTAG TGATGAGGAA 60
TGGTGTTAAA TAATGTAATA TATAANANTC ATGATATANG ANTGTTTGAA GGTGATGCAT 120
GTTTGATTTT NGTAGTATAA NTGTATTTNA GTTCAAATGA TGTATAANGN 170
```

配列番号 : 1660

配列の長さ : 167

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01875

配列 :

```
GATCCTCGCT CCGTTGCACG GCGGCCNTAA GTTATTGGAC TATCTAATAT CTATGTATTT 60
ATNTCGCTGG TTCTTTGTAG TCACATATTT AATAGTCTTA ATATCTTGTT TTTGCATCAC 120
TGTGCCCAT T GCAAATAAAT CACTTGGCCA GTTTGCTTTT CTACAAA 167
```

配列番号 : 1661

配列の長さ : 167

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01876

配列 :

```
GATCTGGGCG ATTCTGAAGC CATGCCATTT TTAACCTTAT GTCTGCTAGA AAGTGTGTA 60
GTTGATTGAC CAAACCAGTT CATAAGGGGA ATTTTTTTTA AAAACAACA AAAAAAAAAAC 120
CATCCAAGGN NGGGTTTNTG ATTAAATTTT GTGGNGTTAC CAGTAAA 167
```

配列番号 : 1662

配列の長さ : 165

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01877

配列 :

```
GATCTTCCCC AAGAGGGACT GGGGTTTCTG GGGTCCATTC TCTGAGTCAG TGGTTATTTG 60
AAAATTTGAT TTTGATTTTA TTTTCTCT GTAACTTCC AAGCTGGCTT TTCCCATTTT 120
AATTCCTGTG ATTTATGCCA ATAAAGTTTG CCCATGATTT TCAAA 165
```

配列番号 : 1663

配列の長さ : 165

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01878

配列 :

GATCCCTNCC TTGGTGGGCA GTTCTGCCTT CCAAGGAAGA AGGGGAAGAA AAGGACCTGT 60  
 GGGTGGCTCA GGNCAAGCA GACCCCGGC TCCACCCAG CCCGNCCAG GNTGCTGCCA 120  
 GTNCACACTT TTACAAATTT AATATAAAGC AAGTCCAGTN TTAAA 165

配列番号：1664

配列の長さ：161

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01880

配列：

GATCAGGCTG CTGAGGGAAT AAATTTAATC AAGGTCTTTG CAAAAACAGA AGCACAGAAG 60  
 GGAGCCTATA TAGAACTAAC ACTGCAGACT TATCAAGAAG CACTCAGTCG CCATTCTGCA 120  
 GCTTCCTAAA AATATTTTAA AAATACATTT ATTTTACTAA A 161

配列番号：1665

配列の長さ：158

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01881

配列：

GATCAGTCCA TCCCAGAGGG ACCGGAGTTA TGACAAGCTT TCCAAATATT TTGCTTTATC 60  
 AGCCGATATC AACACTTGTA TCTGGCCTCT GTGCCCCAGC AGTGCCTTGT GCAATGTGAA 120  
 TGTGCGCGTC TCTGCTAAAC CACCATTTTA TTTGAAAA 158

配列番号：1666

配列の長さ：158

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01882

配列：

GATCGTGTAT TGAGATTTCT TAAATAATGC TTCAGATATT ATTGCTTTAT TGCTTTTTTG 60  
 TATTGGTTAA AACTGTACAT TTAAATTCG TATGTTACTA TTTTNTACAA TTAATAGTTT 120  
 GTCTATTTTA AAATAAATTA GTTGTAAAGA GTCTTAAA 158

配列番号：1667

配列の長さ：155

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01883

配列：

GATCTTTGTT AGTTGCATAT TATATTTTCTG TGTATCTT CTTGGTGAAT TGACCCTTTT 60  
 ATCATTATGT AATCCCTTA TATTTATATC TTTATATTTA ANATAGGTTT CCTTAACATT 120  
 TGAGAAGTAA AANTAAAATA AATGTAATA GCAAA 155

配列番号：1668

配列の長さ : 155

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01884

配列 :

```
GATCACTCTG GGCTCACTTG CCTGCCTAAT GGTCATCTCC CCAGTAGACT GTAAGCTCCT 60
TGAGGGCAAG GATTGTGTTG GAATTTTGT ATTAACAGTG CCTGGCTTGG TGCCTGGCAC 120
CTAGAAAGCA CTCAATAAAT GTTTGTTTAA TGAAG 155
```

配列番号 : 1669

配列の長さ : 161

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01885

配列 :

```
GATCAGATGC TTGAAATTTA ACACTTTTCA CTTGGTTCTT ATACTGAATG CCGACTCTGC 60
TCTGTGTTAG AGATATGAAA TGGTGTGTTGA TACTGTTTGA GACATTATGG AGAGATTTAA 120
TTATTTGTAA TAAANGNTTT GCTGCAGTCT GAAAACTGAA A 161
```

配列番号 : 1670

配列の長さ : 153

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01886

配列 :

```
GATCTATTGT AATGTGTTAT TTNGGCTGAN GTATGTNAAG AAAATACTAC CTTACAAAGN 60
TATGTATTNT CAAAAGGAAA TACATATCAG AAAGTTTAAAC AGGGCCAGTG GGTGATACTG 120
AAGTTGTCGG GATGGATGGT GTCTATCTGG NNN 153
```

配列番号 : 1671

配列の長さ : 444

配列の型 : 核酸

トポロジー : 直鎖状

クローン名 : HUMGS01887

配列 :

```
GATCTAGAAG TTTTACTTTT ATAAAGATGG TGTCCGGAAG ATGTTGCTAA TGTATTTTAC 60
TTCAACATAG GGAACAACT TTTTAAGTAT ATTAATAAAC CTGTATGGTT AGTTTTTAAAC 120
AGTTTTTTTAA AATAAACTAT GGATATGACA AATATTCTGT GTTTTACTAA GTGCTTGGAT 180
AGGCTTTCTA ATTTNGTATA CGTGCTAGAG TTAATTATTG ANCATTTTAA TCCAAATTTA 240
GTTGTAATC TGTTTATACT ACTGATTGCT CATTCGTTA AATGATATTN TNNNGTAAAA 300
GTCATAACCA ACATATGANC AGACAGATTT ATGTCTTTAA ACACAGATTG TNAGCTATAG 360
GTTTAATCTG ATACCAGTTG CTGGAAGGTT GCCATTGGT TTTTCTNAAA ACCTATACCN 420
CTAAAACTTT CTTTNAAGGT TAAA 444
```

配列番号 : 1672